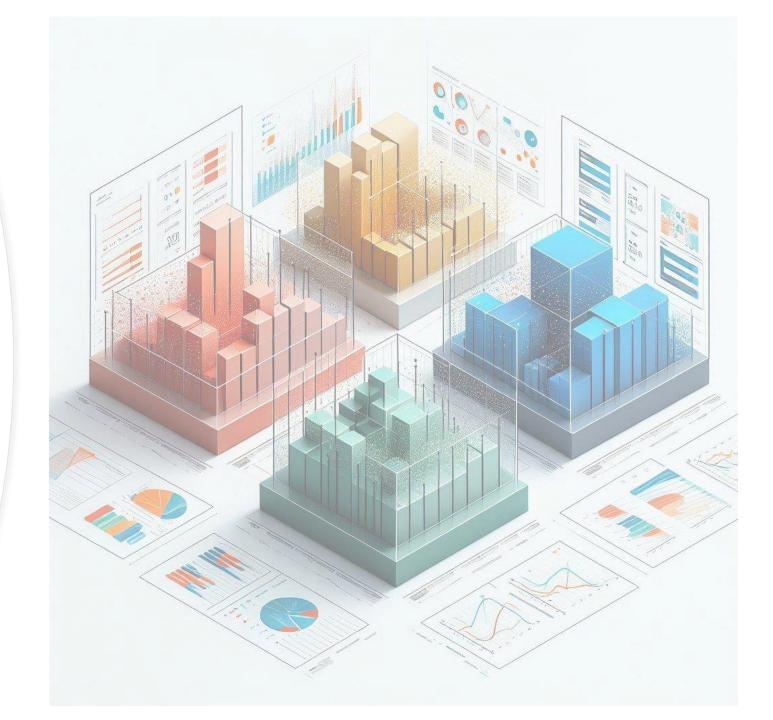
# ANOVA de dos vías

Ignacio Díaz Oreiro Cl0131 Diseño de Experimentos





- Muchos experimentos involucran estudiar los efectos de dos o más factores, para lo que se utilizan los diseños factoriales.
- Los tipos más simples de diseños factoriales incluyen únicamente dos factores o conjuntos de tratamientos.
- Hay a niveles del factor A y b niveles del factor B, los cuales se disponen en un diseño factorial;
- Es decir, cada réplica del experimento contiene todas las *a* · *b* combinaciones de los tratamientos. En general, hay *n* réplicas.

- Por ejemplo, un ingeniero de software está optimizando el tiempo de ejecución de un algoritmo de ordenamiento que se ejecutará en sistemas con tamaños de datos de entrada variables.
- Selecciona como factor el diseño la estructura de datos auxiliar para el algoritmo, y tiene tres opciones posibles: Hash Table, Árbol Binario de Búsqueda o Array Dinámico.
- El ingeniero también quiere verificar si el nivel de concurrencia afectará su tiempo de ejecución, que será otro factor de diseño

- El ingeniero decide probar las tres estructuras de datos con niveles de concurrencia: 1 hilo, 4 hilos, 16 hilos, ya que estos rangos son representativos de los escenarios reales donde se usará el algoritmo.
- Se ejecutan cuatro pruebas con cada combinación de estructura de datos y concurrencia, y las 36 ejecuciones se realizan de manera aleatoria para evitar sesgos.

- En la tabla se presentan los datos del experimento y de los tiempos de ejecución de los algoritmos, expresados en milisegundos:
- Los tiempos de ejecución obtenidos están en el rango de 40 a 188 milisegundos.

## Tiempo de ejecución (en milisegundos)

## Nivel de concurrencia (hilos)

Estructura	1		4		16	
Tabla hash	130	155	34	40	20	70
Tabla Hash	74	180	80	75	82	58
Árbol binario	150	188	136	122	25	70
	159	126	106	115	58	45
Array dinámico	138	110	174	120	96	104
	168	160	150	139	82	60

- El ingeniero quiere responder :
- ¿Qué efectos tienen el tipo de estructura de datos y la cantidad de hilos sobre el tiempo de ejecución del algoritmo?
- ¿Existe alguna estructura de datos que ofrezca un rendimiento consistente (tiempo bajo) independientemente del nivel de concurrencia?

## Tiempo de ejecución (en milisegundos)

#### Nivel de concurrencia (hilos)

Estructura	1		4		16	
Tabla hash	130	155	34	40	20	70
	74	180	80	75	82	58
Árbol binario	150	188	136	122	25	70
	159	126	106	115	58	45
Arroy dinámico	138	110	174	120	96	104
Array dinámico	168	160	150	139	82	60

- Quizá se pueda identificar una estructura que no se degrade significativamente sin importar la cantidad de hilos.
- Así, se podría garantizar que el algoritmo será robusto ante variaciones en el nivel de concurrencia.

# Tiempo de ejecución (en milisegundos) Nivel de concurrencia (hilos)

Estructura	1		4		16	
Tabla hash	130	155	34	40	20	70
	74	180	80	75	82	58
Árbol binario	150	188	136	122	25	70
	159	126	106	115	58	45
Arroy dinámico	138	110	174	120	96	104
Array dinámico	168	160	150	139	82	60

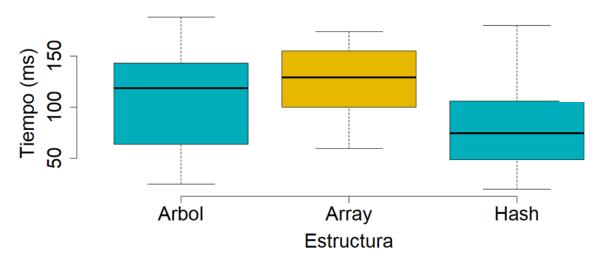
• Se trata de la aplicación del diseño experimental estadístico (factorial de dos factores) en la optimización de algoritmos, un problema clave en computación.

# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

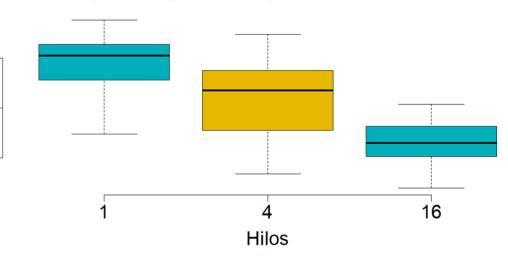
Tiempo (ms)

 Se realiza un análisis exploratorio de datos:

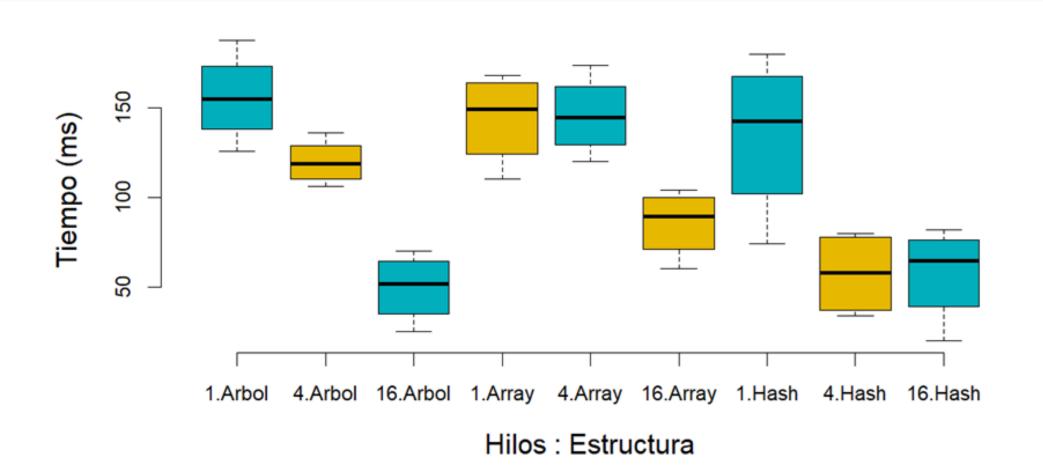
## Tiempo de ejecución por Estructura



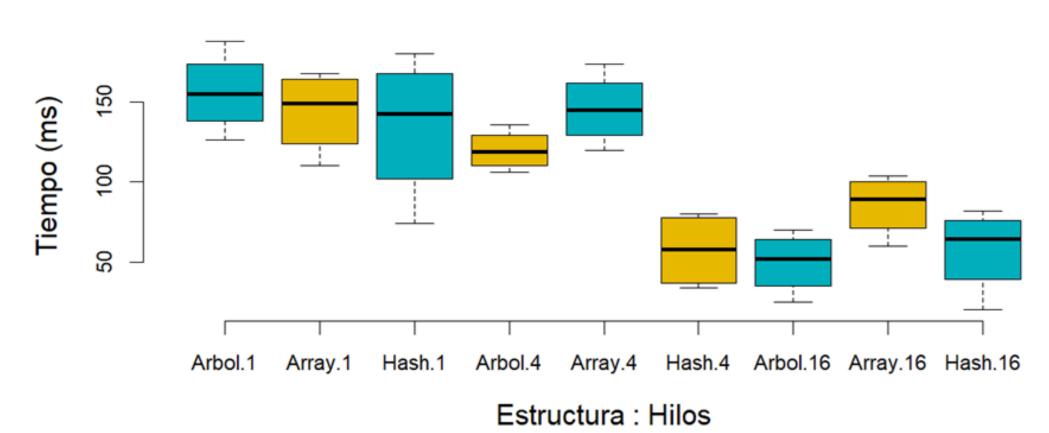
#### Tiempo de ejecución por cantidad de Hilos



# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

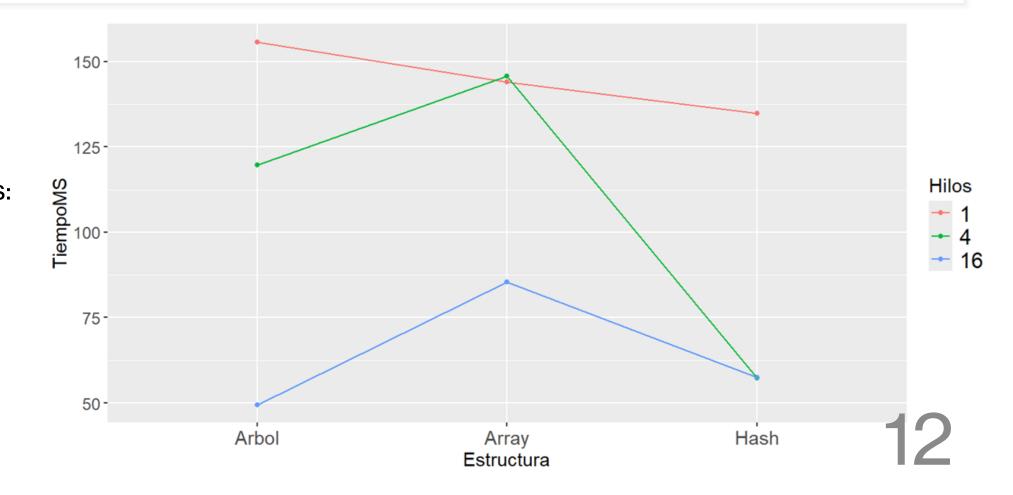


# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

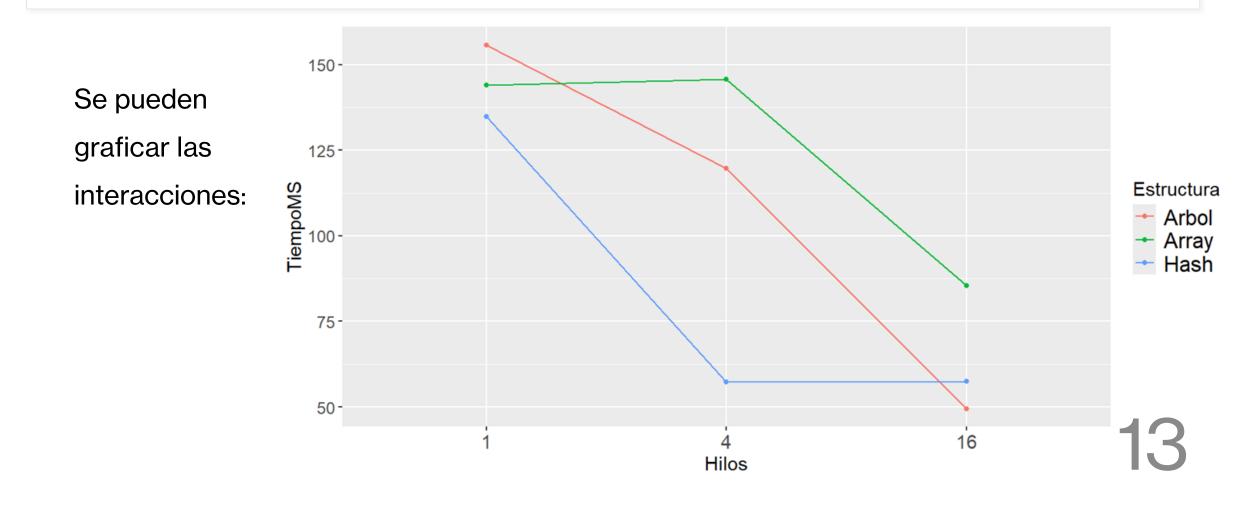


# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

Se pueden graficar las interacciones:

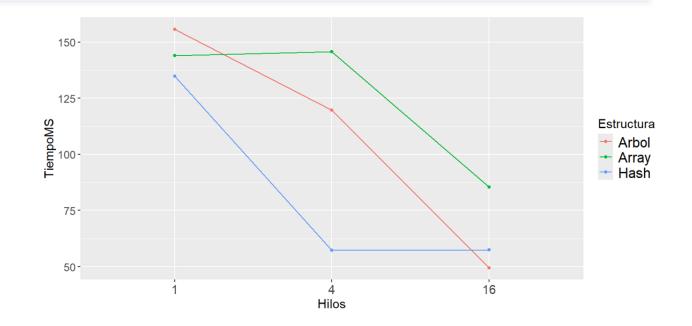


# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías



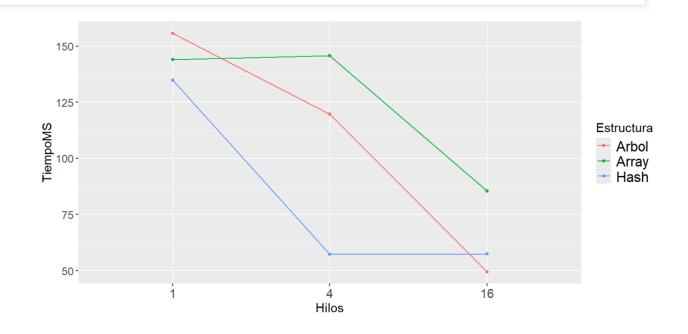
# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

- La interacción significativa está indicada por la falta de paralelismo de las líneas.
- En general, se obtienen tiempos mayores sin concurrencia, independientemente del tipo de estructura.



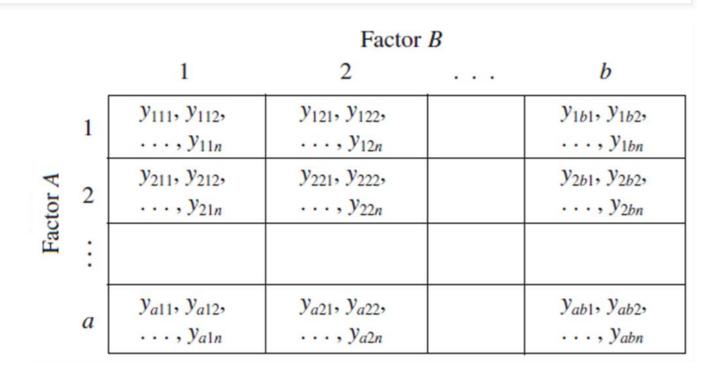
# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

- Al cambiar de 1 a 4 hilos, el tiempo para la estructura Árbol puede aumentar, mientras que disminuye para el Array y Hash.
- De 4 a 16 hilos, el tiempo disminuye para Árbol y Hash, y prácticamente no cambia Array.



 La estructura Árbol parece dar los tiempos más altos mejores a medida que aumenta la concurrencia.

 Para pasar al caso general, sea  $y_{iik}$  la respuesta observada cuando el factor A tiene el nivel *i*-ésimo (i = 1, 2,..., a) y el factor B tiene el nivel *j*-ésimo (j = 1, 2, ..., b) en la réplica k-ésima (k = 1, 2, ...,n).



 El orden en que se hacen las abn observaciones se selecciona al azar, por lo que este diseño es un diseño completamente aleatorizado.

		Factor B					
		1	2		b		
	1	$y_{111}, y_{112}, \dots, y_{11n}$	$y_{121}, y_{122}, \dots, y_{12n}$		$y_{1b1}, y_{1b2}, \ldots, y_{1bn}$		
Factor A	2	$y_{211}, y_{212}, \dots, y_{21n}$	$y_{221}, y_{222}, \dots, y_{22n}$		$y_{2b1}, y_{2b2}, \ldots, y_{2bn}$		
	:						
	a	$y_{a11}, y_{a12}, \ldots, y_{a1n}$	$y_{a21}, y_{a22}, \ldots, y_{a2n}$		$y_{ab1}, y_{ab2}, \dots, y_{abn}$		

# Modelo de datos

- Las observaciones de un experimento factorial pueden describirse con un modelo.
- El modelo de los efectos para dos factores es:

$$y_{ijk} = \mu + \tau_i + \beta_j + (\tau \beta)_{ij} + \epsilon_{ijk}$$
 
$$\begin{cases} i = 1, 2, \dots, a \\ j = 1, 2, \dots, b \\ k = 1, 2, \dots, n \end{cases}$$

• donde  $y_{ijk}$  representa la observación ijk-ésima,  $\mu$  es el efecto promedio global,  $\tau_i$  es el efecto del nivel i-ésimo del factor A,  $\beta_j$  es el efecto del nivel j-ésimo del factor B,  $(\tau\beta)_{ij}$  es el efecto de la interacción entre  $\tau_i$  y  $\beta_i$  y  $\epsilon_{ijk}$  es un componente del error aleatorio.

# Modelo de datos

$$y_{ijk} = \mu + \tau_i + \beta_j + (\tau \beta)_{ij} + \epsilon_{ijk}$$

$$\begin{cases} i = 1, 2, \dots, a \\ j = 1, 2, \dots, b \\ k = 1, 2, \dots, n \end{cases}$$

• Se supone que ambos factores A y B son fijos, y los efectos de los tratamientos se definen como las desviaciones de la media global, por lo que:

$$\sum_{i=1}^a \tau_i = 0 \quad \sum_{j=1}^b \beta_j = 0$$

• Se manera similar, los efectos de las interacciones son fijos y se definen de tal modo que:

que: 
$$\sum_{i=1}^{a} (\tau \beta)_{ij} = \sum_{j=1}^{b} (\tau \beta)_{ij} = 0$$

Puesto que hay n réplicas del experimento, hay abn observaciones en total.

## Modelo de datos

• Otro modelo posible de un experimento factorial es el modelo de las medias:

$$y_{ijk} = \mu_{ij} + \epsilon_{ijk}$$
 
$$\begin{cases} i = 1, 2, \dots, a \\ j = 1, 2, \dots, b \\ k = 1, 2, \dots, n \end{cases}$$

donde la media de la celda ij-ésima es:

$$\mu_{ij} = \mu + \tau_i + \beta_j + (\tau \beta)_{ij}$$

## Diseño factorial de dos factores Modelo de datos

- En el diseño factorial de dos factores, los factores (o tratamientos) de los renglones y las columnas, A y B, son de igual interés.
- El interés se encuentra en probar hipótesis acerca de la igualdad de los efectos de los tratamientos de los renglones:  $H_0: \tau_1 = \tau_2 = \cdots = \tau_a = 0$  $H_1: \text{at least one } \tau_i \neq 0$
- y de la igualdad de los efectos de  $H_0: \beta_1 = \beta_2 = \cdots = \beta_b = 0$  los tratamientos de las columnas:  $H_1:$  at least one  $\beta_i \neq 0$

## Diseño factorial de dos factores Modelo de datos

 También interesa determinar si los tratamientos de los renglones y las columnas interactúan.

Por lo tanto, también querría probarse:

$$H_0: (\tau \beta)_{ij} = 0$$
 for all  $i, j$   
 $H_1:$  at least one  $(\tau \beta)_{ij} \neq 0$ 

# Análisis estadístico del modelo con efectos fijos

• El procedimiento de prueba puede resumirse en una tabla del análisis de varianza:

Source of Variation	Sum of Squares	Degrees of Freedom	Mean Square	$\boldsymbol{F_0}$
A treatments	$SS_A$	a-1	$MS_A = \frac{SS_A}{a-1}$	$F_0 = \frac{MS_A}{MS_E}$
B treatments	$SS_B$	b - 1	$MS_B = \frac{SS_B}{b-1}$	$F_0 = \frac{MS_B}{MS_E}$
Interaction	$SS_{AB}$	(a-1)(b-1)	$MS_{AB} = \frac{SS_{AB}}{(a-1)(b-1)}$	$F_0 = \frac{MS_{AB}}{MS_E}$
Error	$SS_E$	ab(n-1)	$MS_E = \frac{SS_E}{ab(n-1)}$	
Total	$SS_T$	abn - 1		

# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

- Vamos a construir el modelo en R para el análisis de varianza de dos vías, considerando la interacción entre los dos factores.
- El archivo con los datos ya fue cargado y se llama ord.
- La sintaxis del modelo ANOVA es la siguiente:

•	Observ <sup>‡</sup>	Estructura 🗘	Hilos 🗦	TiempoMS +
1	1	Arbol	4	122
2	2	Hash	4	40
3	3	Array	4	139
4	4	Array	4	174
5	5	Hash	4	34
6	6	Array	1	110
7	7	Arbol	1	126
8	8	Hash	16	70
9	9	Hash	1	130

aov\_orden <- aov(TiempoMS ~ Estructura \* Hilos, data = ord)

# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

• En el caso del tiempo de ejecución, el análisis de varianza reporta:

# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

```
Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
Estructura 2 10684 5342 7.911 0.00198 **
Hilos 2 39119 19559 28.968 1.91e-07 ***
Estructura:Hilos 4 9614 2403 3.560 0.01861 *
Residuals 27 18231 675
---
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

- Puesto que  $F_{0.05, 2, 27}$  = 3.35, el efecto de la Estructura sí es significativo ( $F_0 > F_{0.05, 2, 27}$ ).
- También el efecto de la cantidad de Hilos es significativo
- Y puesto que  $F_{0.05, 4, 27}$  = 2.73, se concluye que hay una interacción significativa entre la Estructura y la cantidad de Hilos.

# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

```
Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
Estructura 2 10684 5342 7.911 0.00198 **
Hilos 2 39119 19559 28.968 1.91e-07 ***
Estructura:Hilos 4 9614 2403 3.560 0.01861 *
Residuals 27 18231 675
---
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

 Los valores-p también muestran que los efectos de la estructura y la cantidad de hilos son significativos, así como la interacción entre estos.

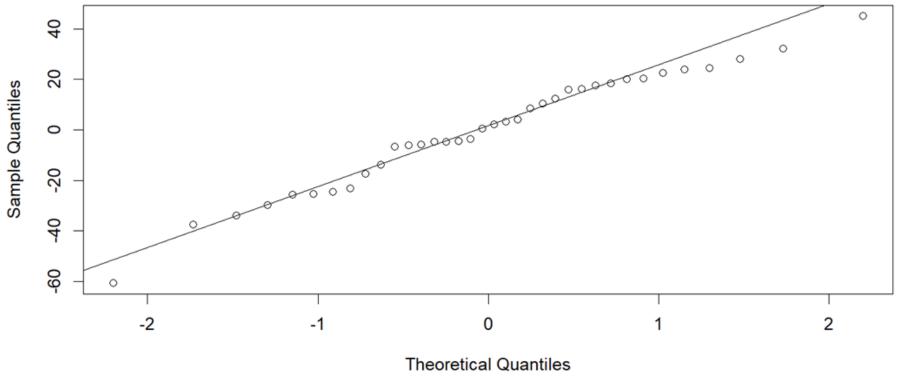
# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

- Debemos verificar los supuestos del ANOVA:
  - Normalidad
  - Homocedasticidad
  - Independencia
- Esto se debe realizar sobre los residuales.

# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

#### Normal Q-Q Plot

Para normalidad podemos inicialmente ver el gráfico qq-plot:



# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

Ahora ejecutaremos el estadístico Shapiro-Wilks sobre los residuales:

```
> anova_orden <- aov(TiempoMS ~ Estructura * Hilos, data = ord)
> shapiro.test(anova_orden$residuals)

Shapiro-Wilk normality test

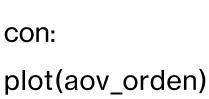
data: anova_orden$residuals
W = 0.97606, p-value = 0.6117
```

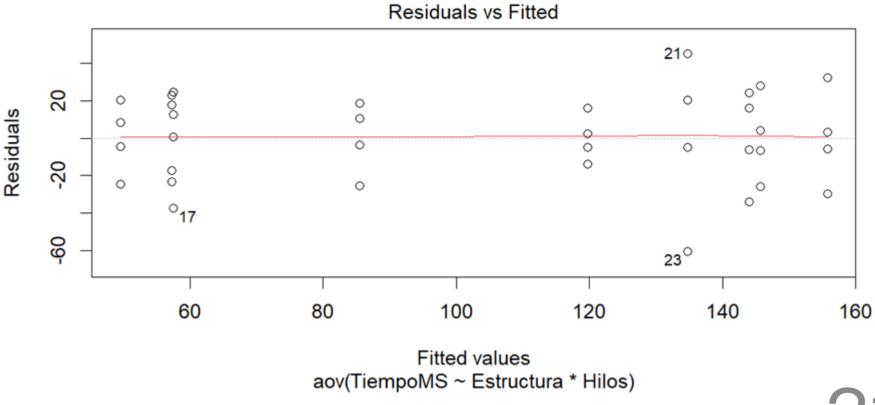
 Como el valor p es mayor que 0.05, no hay razones para rechazar la hipótesis nula de normalidad de los residuales.

30

# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

Para la igualdad de varianzas podemos ver uno de los gráficos de residuales vrs valores ajustados, que se obtiene





# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

• Ahora ejecutaremos un estadístico sobre los residuales, la prueba Levene:

 Podemos suponer que las varianzas son homogéneas dado que el valor p = 0.6081, mayor que 0.05.

# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

• Otra forma de ejecutar la prueba de Levene:

• El resultado es el mismo: podemos suponer que las varianzas son homogéneas.

# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

 Para usar la prueba de Bartlett, más robusta cuando hay normalidad, debemos crear una columna con la combinación de los factores, usando la función *interaction*:
 ord\$Group <- interaction(ord\$Estructura, ord\$Hilos, sep = " - ")</li>

•	Observ <sup>‡</sup>	Estructura 🗘	Hilos 🗦	TiempoMS •	Group <sup>‡</sup>
1	1	Arbol	4	122	Arbol - 4
2	2	Hash	4	40	Hash - 4
3	3	Array	4	139	Array - 4
4	4	Array	4	174	Array - 4
5	5	Hash	4	34	Hash - 4
6	6	Array	1	110	Array - 1

# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

• Ejecutamos la prueba de Bartlett, creando primero un vector con los residuales:

```
> residuals_aov_orden <- resid(aov_orden)
> bartlett.test(residuals_ord ~ Group, data = ord)

Bartlett test of homogeneity of variances

data: residuals_ord by Group
Bartlett's K-squared = 5.2354, df = 8, p-value = 0.7321
```

• El resultado es el mismo: podemos suponer que las varianzas son homogéneas.

# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

También podemos ejecutar la prueba Fligner-Killeen:

Podemos suponer que las varianzas son homogéneas.

- Bartlett si se cuenta con datos normales y se quiere mayor potencia.
- Levene si no es segura la normalidad o hay ligero incumplimiento a la normalidad.
- Fligner-Killeen si los datos son claramente no normales o incluso ordinales.

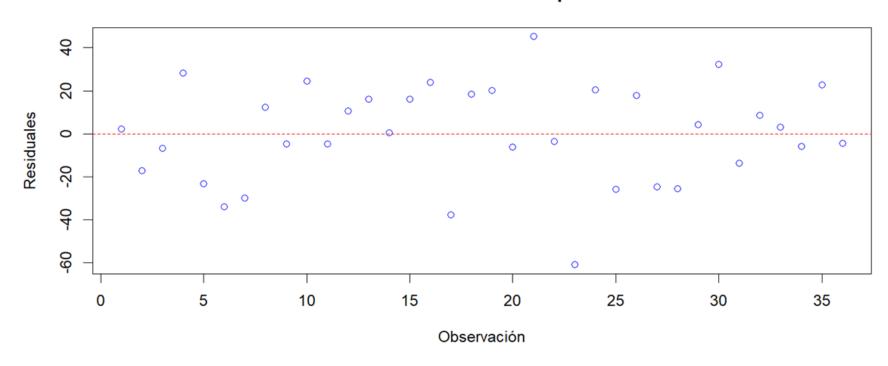
### Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

Para la independencia podemos ver el gráfico de los residuales en el tiempo, es decir, en el orden que fueron tomados los resultados de acuerdo a la aleatorización del muestreo:

```
plot(ord$Observ, anova_orden$residuals,
    main = "Residuales vs Tiempo",
    xlab = "Observación",
    ylab = "Residuales",
    pch = 1,  # Tipo de punto
    col = "blue") # Color de los puntos
abline(h = 0, col = "red", lty = 2)
```

## Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

#### Residuales vs Tiempo



No se aprecian patrones, por lo que podemos suponer independencia de las observaciones.

- Este gráfico de residuales vrs tiempo solo tiene sentido si la muestra fue tomada de forma aleatoria y el orden en que se tomaron las muestras se ve reflejado en el conjunto de datos (data frame).
- Dado el gráfico y el hecho de que la muestra fue completamente aleatorizada, podemos suponer independencia de residuales.

### Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

• Dado que los supuestos se cumplen, podemos utilizar los resultados del ANOVA:

```
Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
Estructura 2 10684 5342 7.911 0.00198 **
Hilos 2 39119 19559 28.968 1.91e-07 ***
Estructura:Hilos 4 9614 2403 3.560 0.01861 *
Residuals 27 18231 675
---
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

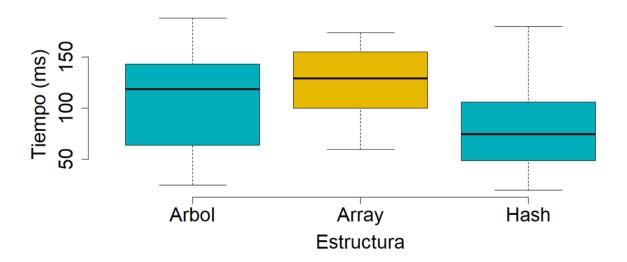
Sí hay diferencias significativas tanto en la Estructura como en la cantidad de Hilos.

## Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

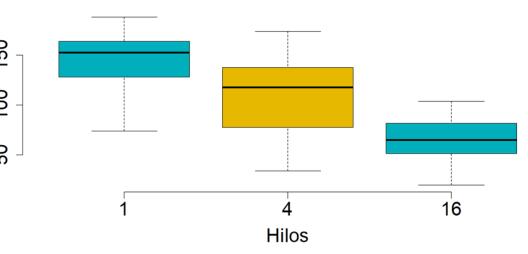
Tiempo (ms)

 Sí hay diferencias significativas en los factores.

### Tiempo de ejecución por Estructura



#### Tiempo de ejecución por cantidad de Hilos



- El **tamaño del efecto** de un ANOVA ( $\eta^2$  ó eta al cuadrado) es el valor que permite medir cuanta varianza en la variable dependiente cuantitativa es resultado de la influencia de la variable cualitativa independiente, o lo que es lo mismo, cuanto afecta la variable independiente (factor) a la variable dependiente.
- Cuando solo tenemos un factor, se calcula dividiendo la suma de cuadrados del factor (SSFactor) entre la suma de cuadrados total (SSTotal):

$$\eta^2 = \frac{SSFactor}{SSTotal}$$

### Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

 Cuando tenemos varios factores, se calcula dividiendo la suma de cuadrados del factor (SSFactor) entre la suma de cuadrados del factor más la suma de cuadrados del error (SSFactor + SSError):

$$\eta_p^2 = rac{SSFactor}{SSFactor + SSError}$$

• Se le llama **eta al cuadrado parcial**, y mide la proporción de la varianza explicada por un factor considerando **solo** su impacto, **sin incluir** la variabilidad debida a otros factores o interacciones.

### Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

• En R podemos usar la función etaSquared de la biblioteca lsr:

```
> library(lsr)
> etaSquared(aov_orden, anova = TRUE)
                                              ss df
                    eta.sq eta.sq.part
                 0.1375935
                             0.3694939 10683.722 2
                                                              7.911372 1.976083e-03
                                                    5341.861
Estructura
Hilos
                 0.5038023
                             0.6821113 39118.722 2 19559.361 28.967692 1.908596e-07
Estructura:Hilos 0.1238139
                             0.3452663
                                        9613.778 4
                                                     2403.444
                                                               3.559535 1.861117e-02
Residuals
                 0.2347902
                                    NA 18230.750 27
                                                      675.213
                                                                     NΑ
                                                                                  NΑ
```

- Se considera al eta.sq.part alrededor de 0.01 como un efecto pequeño, alrededor de 0.06 como mediano, y mayor a 0.14 como un efecto grande.
- En este caso los tres valores de eta al cuadrado parcial son grandes.

### Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

```
Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
Estructura 2 10684 5342 7.911 0.00198 **
Hilos 2 39119 19559 28.968 1.91e-07 ***
Estructura:Hilos 4 9614 2403 3.560 0.01861 *
Residuals 27 18231 675
---
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

- También hay interacción significativa entre los dos factores.
- Es necesario ver entre qué grupos se da la diferencia.
- Los métodos de comparaciones múltiples, como la prueba Tukey, son útiles a este respecto.

46

```
> TukeyHSD(aov_orden)
  Tukey multiple comparisons of means
   95% family-wise confidence level
Fit: aov(formula = TiempoMS ~ Estructura * Hilos, data = ord)
$Estructura
                diff
                            lwr
                                               p adj
                                       upr
Array-Arbol 16.75000 -9.552344 43.052344 0.2717815
Hash-Arbol -25.16667 -51.469011 1.135677 0.0627571
Hash-Array -41.91667 -68.219011 -15.614323 0.0014162
$Hilos
          diff
                      lwr
                                       p adi
                               upr
4-1 -37.25000 -63.55234 -10.94766 0.0043788
16-1 -80.66667 -106.96901 -54.36432 0.0000001
16-4 -43.41667 -69.71901 -17.11432 0.0009787
```

### Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

```
$`Estructura:Hilos`
                    diff
                               lwr
                                          upr
                                                 p adj
Array:1-Arbol:1
                  -11.75 -73.57318 50.073184 0.9991463
Hash:1-Arbol:1
                  -21.00 -82.82318 40.823184 0.9616404
Arbol:4-Arbol:1
                  -36.00 -97.82318 25.823184 0.5819453
Array:4-Arbol:1 -10.00 -71.82318 51.823184 0.9997369
Hash:4-Arbol:1 -98.50 -160.32318 -36.676816 0.0003449
Arbol:16-Arbol:1
                 -106.25 -168.07318 -44.426816 0.0001152
Array:16-Arbol:1
                  -70.25 -132.07318 -8.426816 0.0172076
Hash:16-Arbol:1
                  -98.25 -160.07318 -36.426816 0.0003574
Hash:1-Array:1
                 -9.25 -71.07318 52.573184 0.9998527
Arbol:4-Array:1
                  -24.25 -86.07318 37.573184 0.9165175
Array:4-Array:1
                    1.75 -60.07318 63.573184 1.0000000
Hash:4-Array:1
                  -86.75 -148.57318 -24.926816 0.0018119
```

... un total de 36 filas

### Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

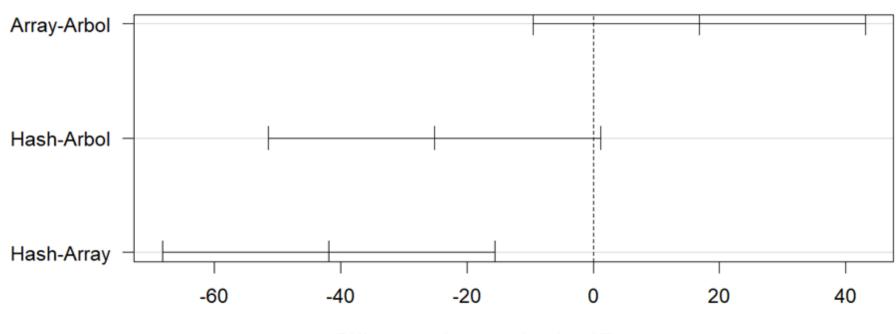
También se puede analizar estas comparaciones visualmente:

```
tukey_result <- TukeyHSD(aov_orden)
plot(tukey_result, las = 1)</pre>
```

Se generan tres gráficos:

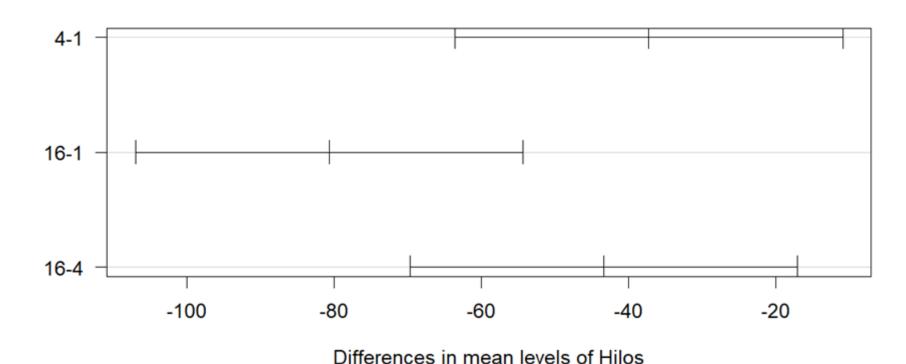
# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

### 95% family-wise confidence level



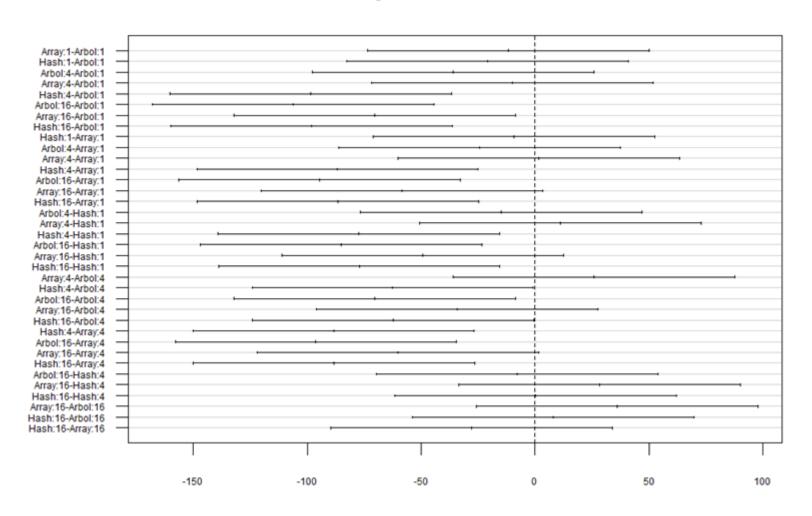
# Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

### 95% family-wise confidence level



## Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

95% family-wise confidence level



### Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

• También se puede revisar solo las comparaciones con valor p < 0.05:

```
tukey_result <- TukeyHSD(aov_orden)

# Convertir el resultado a un data frame
tukey_df <- as.data.frame(tukey_result$`Estructura:Hilos`)

# Filtrar para obtener solo las comparaciones con valores p < 0.05
filtered_tukey_df <- tukey_df[tukey_df$`p adj` < 0.05, ]

# Mostrar el resultado filtrando solo los p < 0.05
print(filtered_tukey_df)</pre>
```

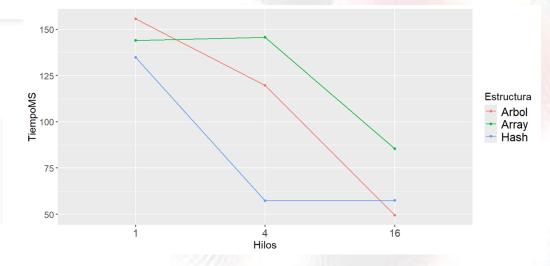
```
diff
                              lwr
                                                   p adj
                                        upr
Hash:4-Arbol:1 -98.50 -160.3232 -36.676816 0.0003449173
Arbol:16-Arbol:1 -106.25 -168.0732 -44.426816 0.0001151507
Array:16-Arbol:1 -70.25 -132.0732 -8.426816 0.0172076171
Hash:16-Arbol:1
                -98.25 -160.0732 -36.426816 0.0003573540
Hash:4-Array:1
                -86.75 -148.5732 -24.926816 0.0018118976
Arbol:16-Array:1 -94.50 -156.3232 -32.676816 0.0006077696
Hash:16-Array:1
                -86.50 -148.3232 -24.676816 0.0018764896
Hash:4-Hash:1
                 -77.50 -139.3232 -15.676816 0.0065212148
Arbol:16-Hash:1
                -85.25 -147.0732 -23.426816 0.0022350689
Hash:16-Hash:1
                 -77.25 -139.0732 -15.426816 0.0067471137
Hash:4-Arbol:4
                -62.50 -124.3232 -0.676816 0.0460387808
Arbol:16-Arbol:4 -70.25 -132.0732 -8.426816 0.0172076171
Hash:16-Arbol:4
                -62.25 -124.0732 -0.426816 0.0474674659
Hash:4-Array:4
                -88.50 -150.3232 -26.676816 0.0014172574
Arbol:16-Array:4 -96.25 -158.0732 -34.426816 0.0004743996
Hash:16-Array:4
                -88.25 -150.0732 -26.426816 0.0014679433
```

- Cuando la interacción es significativa, las comparaciones entre las medias de uno de los factores (por ejemplo A) pueden ser nubladas por la interacción AB.
- Una forma de abordar esta cuestión consiste en fijar el factor B en un nivel específico y revisar la prueba de Tukey del factor A con ese nivel B.
- En el ejemplo, supongamos que el interés es detectar las diferencias entre las medias de los tres tipos de Estructura.
- Puesto que la interacción es significativa, esta comparación se hace con un solo nivel de la cantidad de hilos, por ejemplo el segundo nivel (4 hilos).

## Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

• De la prueba Tukey obtenemos:

```
diff lwr upr p adj
Array:4-Arbol:4 26.00 -35.82318 87.823184 0.8822881
Hash:4-Arbol:4 -62.50 -124.32318 -0.676816 0.0460388
Hash:4-Array:4 -88.50 -150.32318 -26.676816 0.0014173
```

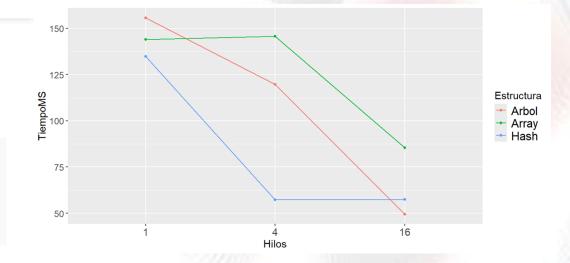


• Este análisis indica que, con el nivel de 4 hilos, el tiempo de respuesta es el mismo para las estructuras Array y Árbol, y que el tiempo de Hash es significativamente menor (comparado con Array y Árbol).

## Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

• Si vemos los resultados de la prueba Tukey para 16 hilos:

	diff	lwr	upr	p adj
Array:16-Arbol:16	36.00	-25.82318	97.823184	0.5819453
Hash:16-Arbol:16	8.00	-53.82318	69.823184	0.9999508
Hash:16-Array:16	-28.00	-89.82318	33.823184	0.8347331

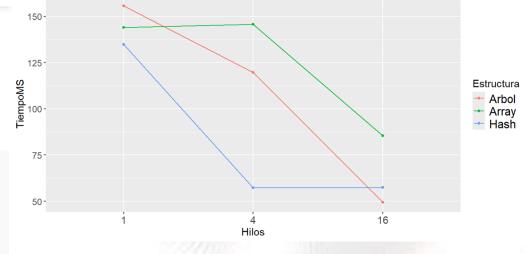


 Se puede observar que los tiempos promedio no presentan diferencias significativas para ninguna de las tres estructuras.

## Ejemplo de análisis de varianza de dos vías

 De forma equivalente se puede fijar el nivel de la estructura y ver las variaciones en la cantidad de hilos:

```
diff lwr upr p adj
Arbol:4-Arbol:1 -36.00 -97.82318 25.823184 0.5819453
Arbol:16-Arbol:1 -106.25 -168.07318 -44.426816 0.0001152
Arbol:16-Arbol:4 -70.25 -132.07318 -8.426816 0.0172076
```



Se puede observar que con la estructura Árbol, el tiempo promedio es el mismo para 1 y 4 hilos, y que el tiempo promedio para 16 hilos es significativamente menor (comparado con 1 y 4 hilos).

58

# Referencias

Montgomery, D.C. (2013).

Design of Experiments.

John Wiley & sons.

