## FUNCIONES R

## ME!

## 2022-04-20

```
#Lo que pude rescatar de Coursera
Lo primero y superimportante es la pregunta de investigation
Para ayuda en R: ?command
Los foros de ciencia son Stack Overflow y Cross Validated
Hay como 5 idiomas en R -> https://r4stats.com/
Paquetes [^1] son descargables desde
[1] https://www.rdocumentation.org/
```

- ullet RCRAN Red integral de archivos R
- Bioconductor Paquetes de enfoque bioinformatico
- Github

```
install.packages("")
- library ()
- remove.packages("")
- detach() | detach("package:", unload=T)
- version | sessionInfo()
- help
```

```
##Comandos a patir de pack readr
```

readr solo funciona en versiones de 4.2.0 de RDescargar esa version aqui

Luego se instala, y si hay problemas, probar con re-instalar "tzdb", eso sugieren las soluciones en foros Para mostrar columnas en un solo Data, se escribe algo asi equipos <- read\_csv("C:/Users/luis\_/AppData/Local/R/winlibrary/4.2/readr/extdata/mtcars.csv.bz2", col\_types = cols\_only(mpg = col\_number()),

```
n_{max} = 32
```

```
\#\# Almacenar\ datos
###Formato de texto
\#\#\# Sacar con 'dput' un archivo
dput(y, file = "y.R")
#### Meter con 'dput' desde un archivo
new.y <- dget("y.R")
Este no se que pex
\operatorname{dump}(\operatorname{c}("x",\,"y"),\,\operatorname{file}="\operatorname{data.R"})
\#\#\#Formato binario
```

Es clave save(), save.image(), and serialize().

Para varios objetos la extension debe ser .RData y .rda con save() para otros softwares

```
Pa serializar x < -lista(1, 2, 3)
serialize(x, NULL)
##Conectarse a:
\#\#\#Archivos
str(file, gzfile, url)
function (description = "", open = "", blocking = TRUE, encoding = getOption("encoding"), raw = FALSE,
method = getOption("url.method", "default"))
description es el nombre del dcto
open, es según necesitemos solo leer (r), editarlo (w), adjuntarlo (a), o modo binario ("rb", "wb", "ab")
Create a connection se simpifica con variable <- read_csv("Nombre del .txt")
Warning message:
In for (stage in c("install", "render")) if (stage %in% stages) Rd <- processRdSexprs(Rd, :
closing unused connection 5 (http://www.jhsph.edu)
##MATRICES
matrix()
Luego cuando se extrae con [] y deseamos conservar el formato de matriz y no un vector de longitud, entoces
debe ser: drop=False
##PARA LISTAS
x < -list(foo = 1:4, bar = 0.6)
Se extrae como los otros, pero ahora ya funciona $ y [[]], en esta ultima si se abrevian nombres, el elemento
primero va entre comillas y luego debe poner exact = False]]
Si faltan valores y quiero eliminar entonces uso is.na(objeto) primero a un objeto y luego objeto[!objeto con
funcion Elementos ausentes se imprimen como verdaderos con la primera funcion, pero se vuelven falsos
con complete.cases() Aplica igual en data frame, objeto(description[objeto con funcion, ])
##dplyr
Funcion buena porque se puede tener una idea de que se ejecuta por su significado directo en la palabra
select(description, object)
filter(description, object) n arrange(description, object)
arrange(description, desc(object))
rename(description, nuevo = antiguo)
mutate(description, nueva = calculo remplazo medida (variable, na.rm = TRUE)) #Si quieren eliminar las
cols no implicadas es con transmutate
summarize()
group by (description, objeto)
quantil(description\$objeto, seq(0, 1, 0.2), na.rm = TRUE)
Para no crear conjunto de variables temporales se debe usar al final de cada conjunto %>%
— ##Controles
####if() {#do something} #Continuar con el Code, else if() {# do something different} else {# do
something different si no se cumple}
\#\#\#for(i in seq_along(x)) {print(x[i])} sin seq_along, se pondria el intervalo.
####objeto <- matrix(Contenido, n.row, n.col) for(i in seq_len(nrow(x))) {
for(j \text{ in seq} len(ncol(x)))  {
print(x[i, j])
####while(condition){ se hace y tambien por lo que se hace se hace algo mas } funciona bien porque se
repite hasta que se vuelva falso la condicion primaria
x0 < 1 \text{ tol } < 1 \text{ te-8} \#\#\#\#\text{repeat } \{x1 < -\text{computeEstimate}() \text{ if}(abs(x1 - x0) < \text{tol}) \} \#\#\text{ Close enough}?
break} else \{x0 <-x1\}} puede ser infinito
####Para descontinuar una iteración se usa next para saltar a algo si se cumple alguna condición, y se
usa break para salir inmediatamente
##FUNCIONES
Agrupar serie de expresiones en un objeto y listo
Ejemplooo
```

```
 \begin{array}{l} \operatorname{args(lm)} \\ \operatorname{function} \ (\operatorname{formula}, \ \operatorname{data}, \ \operatorname{subset}, \ \operatorname{weights}, \ \operatorname{na.action}, \ \operatorname{method} = \operatorname{``qr"}, \ \operatorname{model} = \operatorname{TRUE}, \ x = \operatorname{FALSE}, \ y = \operatorname{FALSE}, \ \operatorname{qr} = \operatorname{TRUE}, \ \operatorname{singular.ok} = \operatorname{TRUE}, \ \operatorname{contrasts} = \operatorname{NULL}, \ \operatorname{offset}, \ldots) \\ \operatorname{NULL} \\ \operatorname{\#\#make.power} \ \operatorname{para} \ \operatorname{construir} \ \operatorname{otras} \ \operatorname{functiones}. \quad \operatorname{make.power} <- \ \operatorname{function}(n) \ \{ \ +\operatorname{pow} <- \ \operatorname{function}(x) \ \{ \ +x^n\} \ +\operatorname{pow} \ + \ \} \\ \end{array}
```