

Cluster stability analysis
gap: 0.90, Tp: 1.00, ward link

Cluster Number	J_median	D_median	A_median	J_avg	D_avg	A_avg	J_std	D_std	A_std
1 (8)	0.1	0.091	0.5	0.268	0.175	0.547	0.309	0.152	0.211
2 (8)	0.75	0.429	0.75	0.72	0.407	0.734	0.212	0.091	0.181
3 (13)	0.444	0.308	0.615	0.45	0.299	0.65	0.192	0.091	0.159
4 (16)	0.595	0.373	0.688	0.587	0.362	0.689	0.172	0.073	0.127
5 (17)	0.706	0.414	0.706	0.717	0.415	0.731	0.121	0.043	0.118
6 (21)	0.524	0.344	0.571	0.529	0.341	0.568	0.128	0.056	0.129
7 (22)	0.682	0.405	0.682	0.672	0.399	0.688	0.122	0.049	0.111
8 (23)	0.522	0.343	0.522	0.534	0.344	0.545	0.118	0.051	0.119
9 (26)	0.607	0.378	0.712	0.596	0.369	0.697	0.131	0.053	0.114
10 (30)	0.7	0.412	0.7	0.696	0.408	0.698	0.114	0.042	0.112
11 (41)	0.756	0.431	0.756	0.752	0.428	0.753	0.065	0.021	0.065
12 (42)	0.714	0.417	0.714	0.712	0.415	0.73	0.069	0.024	0.066
13 (51)	0.655	0.396	0.686	0.653	0.394	0.687	0.071	0.026	0.068
14 (106)	0.726	0.421	0.745	0.708	0.413	0.724	0.09	0.036	0.091