

# Cluster stability analysis

gap: 0.90, 1p: 0.25, complete link

Cluster Number	J_median	D_median	A_median	J_avg	D_avg	A_avg	J_std	D_std	A_std
1 (2)	1.0	0.5	1.0	0.698	0.38	0.764	0.352	0.153	0.294
2 (3)	0.2	0.167	0.333	0.401	0.246	0.604	0.356	0.158	0.306
3 (4)	0.437	0.304	0.5	0.43	0.272	0.56	0.286	0.146	0.215
4 (5)	0.667	0.4	0.8	0.676	0.393	0.722	0.208	0.083	0.204
5 (6)	0.5	0.333	0.5	0.533	0.335	0.59	0.215	0.092	0.202
6 (7)	0.667	0.4	0.714	0.589	0.349	0.714	0.286	0.125	0.191
7 (8)	0.5	0.333	0.625	0.49	0.303	0.594	0.282	0.14	0.189
8 (10)	0.538	0.35	0.7	0.551	0.34	0.683	0.238	0.105	0.188
9 (13)	0.692	0.409	0.692	0.676	0.397	0.706	0.162	0.066	0.137
10 (13)	0.567	0.362	0.615	0.553	0.344	0.618	0.206	0.091	0.171
11 (18)	0.667	0.4	0.667	0.665	0.397	0.678	0.108	0.041	0.098
12 (19)	0.477	0.323	0.632	0.487	0.315	0.605	0.199	0.094	0.164
13 (21)	0.682	0.405	0.714	0.682	0.403	0.735	0.111	0.04	0.094
14 (29)	0.403	0.287	0.569	0.44	0.293	0.602	0.197	0.093	0.126
15 (40)	0.725	0.42	0.725	0.724	0.419	0.73	0.076	0.026	0.074
16 (55)	0.619	0.382	0.673	0.606	0.374	0.676	0.108	0.043	0.07
17 (60)	0.683	0.406	0.683	0.661	0.396	0.667	0.098	0.037	0.097
18 (111)	0.721	0.419	0.721	0.717	0.417	0.72	0.041	0.014	0.039