

Cluster stability analysis

gap: 0.20, Tp: 0.25, ward link

Cluster Number	J_median	D_median	A_median	J_avg	D_avg	A_avg	J_std	D_std	A_std
1 (5)	0.625	0.385	0.8	0.632	0.376	0.76	0.211	0.09	0.198
2 (9)	0.326	0.246	0.556	0.378	0.263	0.589	0.184	0.086	0.166
3 (13)	0.308	0.235	0.385	0.314	0.226	0.399	0.169	0.098	0.117
4 (13)	0.3	0.231	0.385	0.377	0.259	0.475	0.208	0.1	0.163
5 (14)	0.688	0.407	0.786	0.697	0.407	0.746	0.127	0.046	0.118
6 (14)	0.643	0.391	0.714	0.64	0.385	0.707	0.154	0.058	0.145
7 (16)	0.559	0.359	0.688	0.57	0.358	0.671	0.14	0.057	0.132
8 (18)	0.545	0.353	0.667	0.548	0.35	0.637	0.125	0.054	0.127
9 (18)	0.611	0.379	0.667	0.614	0.373	0.675	0.167	0.071	0.136
10 (20)	0.704	0.413	0.75	0.683	0.402	0.749	0.138	0.052	0.09
11 (20)	0.347	0.258	0.4	0.366	0.261	0.428	0.141	0.072	0.139
12 (33)	0.576	0.365	0.576	0.578	0.364	0.579	0.094	0.038	0.094
13 (39)	0.718	0.418	0.744	0.716	0.416	0.746	0.07	0.024	0.07
14 (41)	0.732	0.423	0.732	0.733	0.422	0.733	0.062	0.021	0.062
15 (46)	0.72	0.419	0.761	0.721	0.418	0.751	0.065	0.022	0.064
16 (105)	0.743	0.426	0.743	0.726	0.419	0.729	0.083	0.033	0.083