

Cluster stability analysis

gap: 0.60, 1p: 0.25, ward link

Cluster Number	J_median	D_median	A_median	J_avg	D_avg	A_avg	J_std	D_std	A_std
1 (7)	0.375	0.273	0.571	0.446	0.27	0.597	0.337	0.167	0.241
2 (8)	0.625	0.385	0.625	0.59	0.364	0.592	0.161	0.068	0.157
3 (9)	0.449	0.31	0.556	0.493	0.314	0.55	0.234	0.108	0.2
4 (11)	0.308	0.235	0.364	0.329	0.234	0.382	0.187	0.102	0.164
5 (12)	0.467	0.318	0.583	0.486	0.314	0.572	0.205	0.095	0.188
6 (13)	0.529	0.346	0.692	0.522	0.335	0.641	0.164	0.075	0.168
7 (14)	0.714	0.417	0.786	0.721	0.416	0.758	0.124	0.044	0.113
8 (14)	0.667	0.4	0.714	0.663	0.393	0.686	0.153	0.058	0.148
9 (14)	0.483	0.326	0.5	0.429	0.292	0.477	0.151	0.077	0.101
10 (14)	0.5	0.333	0.571	0.51	0.33	0.588	0.163	0.074	0.165
11 (15)	0.529	0.346	0.6	0.537	0.342	0.624	0.164	0.07	0.156
12 (17)	0.579	0.367	0.647	0.565	0.352	0.632	0.178	0.077	0.164
13 (20)	0.682	0.405	0.75	0.681	0.401	0.754	0.137	0.049	0.098
14 (24)	0.625	0.385	0.667	0.624	0.381	0.669	0.117	0.044	0.096
15 (40)	0.725	0.42	0.725	0.71	0.414	0.721	0.072	0.025	0.071
16 (41)	0.707	0.414	0.707	0.705	0.412	0.706	0.074	0.026	0.074
17 (46)	0.739	0.425	0.761	0.734	0.423	0.754	0.059	0.02	0.056
18 (105)	0.752	0.429	0.752	0.748	0.428	0.749	0.037	0.012	0.037