

Cluster stability analysis

gap: 0.70, Tp: 0.25, ward link

Cluster Number	J_median	D_median	A_median	J_avg	D_avg	A_avg	J_std	D_std	A_std
1 (6)	0.667	0.4	0.667	0.708	0.405	0.724	0.202	0.085	0.176
2 (7)	0.455	0.312	0.571	0.473	0.286	0.596	0.325	0.159	0.244
3 (8)	0.667	0.4	0.75	0.609	0.362	0.75	0.249	0.11	0.141
4 (9)	0.455	0.312	0.556	0.501	0.318	0.544	0.229	0.104	0.204
5 (10)	0.286	0.222	0.4	0.334	0.237	0.401	0.189	0.098	0.181
6 (10)	0.333	0.25	0.5	0.385	0.268	0.531	0.17	0.081	0.17
7 (12)	0.417	0.294	0.5	0.443	0.298	0.541	0.166	0.079	0.148
8 (13)	0.562	0.36	0.692	0.566	0.353	0.653	0.174	0.074	0.175
9 (14)	0.429	0.3	0.5	0.432	0.296	0.513	0.134	0.065	0.136
10 (14)	0.714	0.417	0.714	0.69	0.404	0.708	0.142	0.052	0.141
11 (16)	0.688	0.407	0.688	0.694	0.406	0.715	0.121	0.044	0.117
12 (17)	0.575	0.365	0.647	0.569	0.354	0.624	0.183	0.077	0.164
13 (18)	0.556	0.357	0.611	0.558	0.353	0.597	0.141	0.058	0.123
14 (20)	0.694	0.41	0.75	0.673	0.398	0.742	0.141	0.052	0.108
15 (23)	0.609	0.378	0.652	0.614	0.377	0.659	0.119	0.046	0.099
16 (37)	0.73	0.422	0.757	0.726	0.42	0.747	0.073	0.025	0.07
17 (39)	0.687	0.407	0.692	0.683	0.405	0.694	0.076	0.027	0.076
18 (46)	0.739	0.425	0.739	0.733	0.422	0.746	0.064	0.022	0.062
19 (105)	0.743	0.426	0.743	0.745	0.426	0.745	0.039	0.013	0.039