Cluster stability analysis gap: 0.90, Tp: 1.00, complete link

				<u> </u>					
Cluster Number	J_median	D_median	A_median	J_avg	D_avg	A_avg	J_std	D_std	A_std
1 (2)	0.5	0.333	0.5	0.633	0.358	0.71	0.333	0.15	0.312
2 (4)	0.154	0.133	0.5	0.244	0.172	0.514	0.236	0.128	0.214
3 (6)	0.5	0.333	0.5	0.491	0.31	0.538	0.254	0.114	0.228
4 (8)	0.342	0.255	0.5	0.406	0.257	0.574	0.304	0.151	0.211
5 (8)	0.625	0.385	0.625	0.637	0.38	0.646	0.197	0.08	0.181
6 (10)	0.6	0.375	0.7	0.576	0.348	0.692	0.254	0.114	0.186
7 (13)	0.692	0.409	0.692	0.635	0.378	0.683	0.195	0.086	0.16
8 (17)	0.26	0.206	0.706	0.431	0.278	0.694	0.266	0.123	0.127
9 (17)	0.667	0.4	0.706	0.66	0.394	0.681	0.124	0.047	0.115
10 (18)	0.5	0.333	0.5	0.515	0.332	0.552	0.17	0.075	0.157
11 (29)	0.724	0.42	0.724	0.676	0.397	0.703	0.151	0.066	0.104
12 (36)	0.467	0.318	0.583	0.488	0.315	0.595	0.207	0.095	0.151
13 (40)	0.732	0.423	0.75	0.736	0.423	0.74	0.071	0.024	0.07
14 (46)	0.634	0.388	0.739	0.649	0.392	0.735	0.094	0.034	0.065
15 (65)	0.59	0.371	0.662	0.592	0.369	0.653	0.114	0.046	0.089
16 (105)	0.729	0.422	0.752	0.727	0.421	0.752	0.047	0.016	0.04