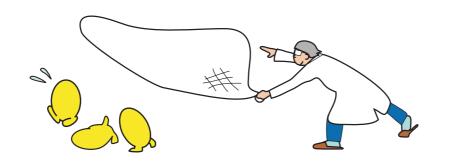
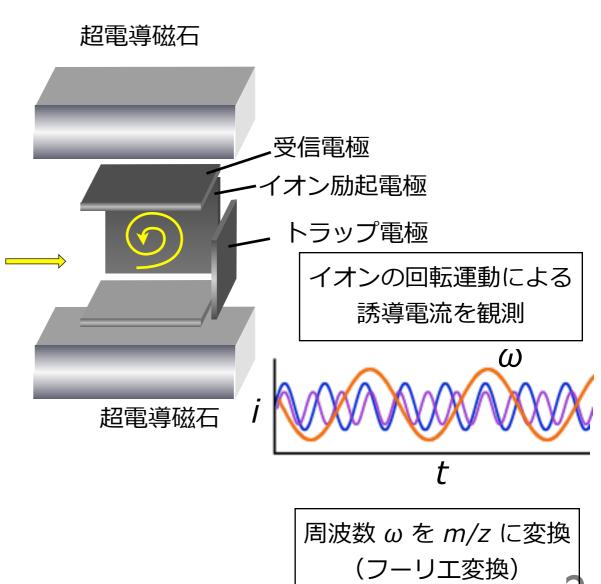
LC/QTOF hybrid MS で環境試料 ノンターゲット一括分析



2018年5月25日山本 敦史公立鳥取環境大学

質量分析計の質量分離に用いる原理は多様



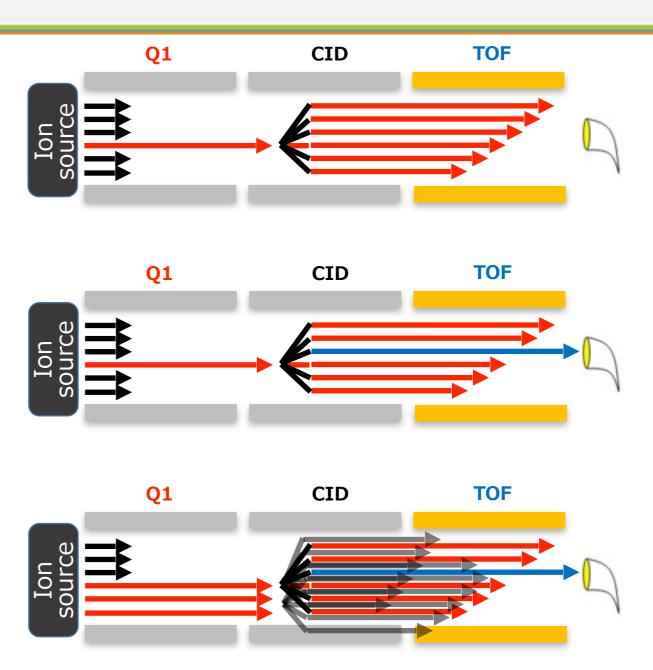


四重極型飛行時間型タンデム質量分析の測定モード

Data Dependent Acquisition (DDA or IDA)

Parallel Reaction Monitoring (PRM, MRM-HR)

Data Independent Acquisition (DIA or SWATH)



QTOF SWATH による環境ノンターゲット分析

メリット

夾雑物との分離

簡便な前処理でも高い質量分解能を用いて質の 高いデータを得られる

分子式の推定

精密質量から分子式の推定が可能

同位体組成

安定同位体自然存在比から含まれる元素組成の 予測が MS, MS/MS ともに可能

とりこぼし

SWATH はすべての MS/MS 測定を行っている のでとりこぼしが少ない



X500R (SCIEX)

試料採取と抽出

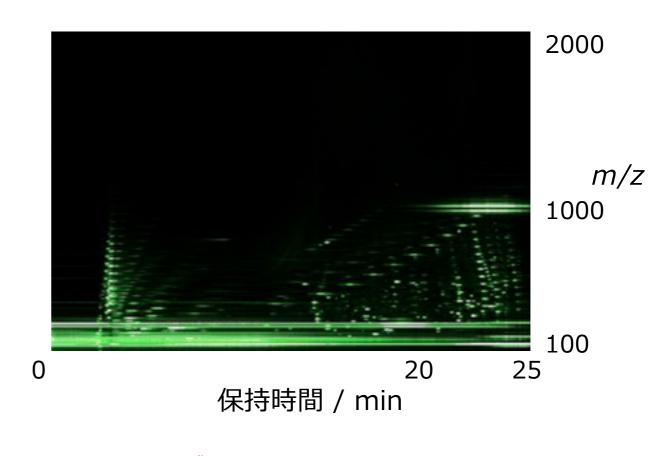




河川水 500 mL

LCMS (QTOF SWATH)

理想はすべて捕まえて, すべて分析する!



ESI でイオン化しない成分 イオン化阻害でみえない成分

ノンターゲット LCMS データ解析のすすめ方



知見の フィードバック



MS1 のイオン

MS/MS のイオン

関連物質の探索

一般的な化学物質の知識

分子式の推定

共溶出するイオン

イオンのアノテーション

 $?[M+H]^+, [M+Na]^+,$

 $[2M+H]^{+}$

反対の極性でのイオン化

分子式の推定

フラグメントと中性ロス クロマトグラフィー溶出順

MS1 イオンとの関連付け

クロマトグラム形状

矛盾しない分子式

フラグメンテーション解析

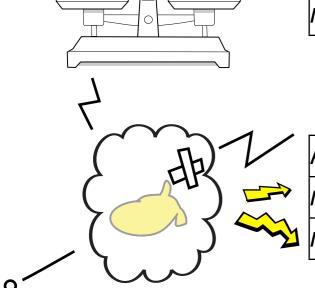
特徴的なフラグメント

既知のフラグメンテーション

RDB と書ける構造式

環境中に存在する商業的に生産されている化学物質は明確な発生源があるものが 多いため,質の高いデータが取れれば大抵のものは解析できそう

フラグメンテーションの解析例 1 (ESI +)



Accurate m/z	Formula	Exact mass
<i>m/z</i> 248.2376	C ₁₇ H ₃₀ N ⁺	161.0489

Accurate m/z For	mula	
m/z 91.0546 C_7H	7 ⁺	91.0542
m/z 156.1749 C_{10} I	$H_{22}N^{+}$	156.1747

同一保持時間に共溶出する イオンなし

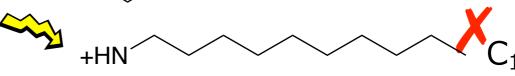


ベンジル基 トリル基

ステロイド骨格 アダマンタン骨格

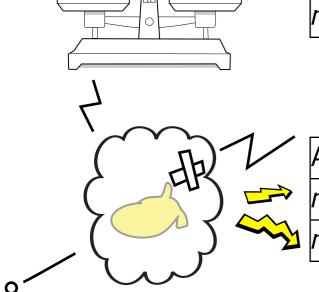
正電荷をもつ 2 価の 窒素原子は不可

$$CH_2+$$
 $C_7H_7^+$



トロピリウム

フラグメンテーションの解析例 1 (ESI +)



Accurate <i>m/z</i>	Formula	Exact mass
<i>m/z</i> 248.2376	C ₁₇ H ₃₀ N ⁺	161.0489

	$\langle \langle \top \rangle \rangle$
Accurate m/z Formula	
m/z 91.0546 $C_7H_7^+$	91.0542
m/z 156.1749 $C_{10}H_{22}N^+$	156.1747

同一保持時間に共溶出する イオンなし



ベンジル基 トリル基

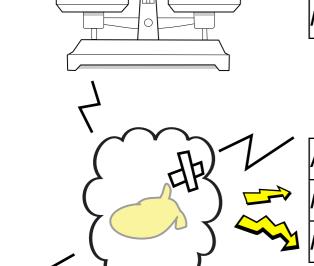
ステロイド骨格 アダマンタン骨格

正電荷をもつ 2 価の 窒素原子は不可

$$CH_2+$$
 C_7H_7+
 C_7H_3N

トロピリウム

フラグメンテーションの解析例 1 (ESI +)



Accurate <i>m/z</i>	Formula	Exact mass
<i>m/z</i> 248.2376	C ₁₇ H ₃₀ N ⁺	161.0489

Accurate m/z	Formula	
<i>m/z</i> 91.0546	C ₇ H ₇ +	91.0542
<i>m/z</i> 156.1749	C ₁₀ H ₂₂ N ⁺	156.1747

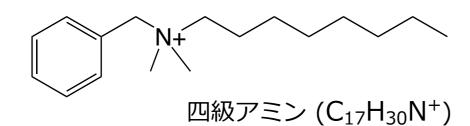
同一保持時間に共溶出する イオンなし



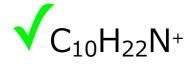
ベンジル基 トリル基

ステロイド骨格 アダマンタン骨格

正電荷をもつ 2 価の 窒素原子は不可

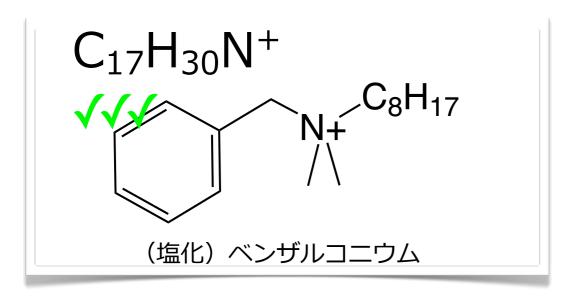


トロピリウム



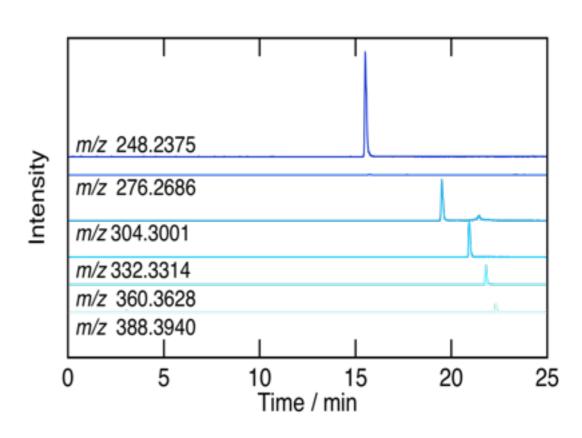
四級アミンのフラグ メンテーションに伴う H₂ の脱離は既知

解析した物質の検証



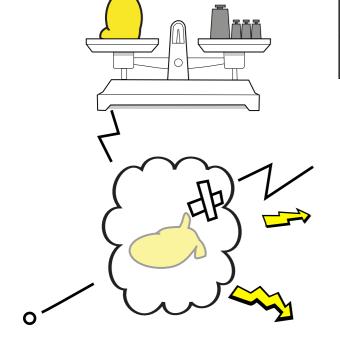
殺菌剤 (ハミガキ, ハンドソープなど)

矛盾しない同族体の検出



アルキル鎖長が 18 のものまで同一 試料に含まれていた.

フラグメンテーションの解析例 2 (ESI +)



Accurate m/z	Formula	Exact mass
m/z 535.2889	C ₂₇ H ₄₄ O ₉ Na ⁺	535.2878

同一保持時間に共溶出する イオンなし

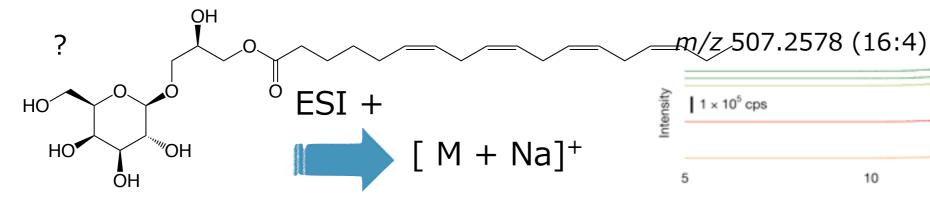
糖構造?

Accurate m/z	Formula	Neutral loss	Formula
m/z 352.2575	Na?	161.0489	
m/z 351.2537	C ₂₁ H ₃₅ O ₄ ⁺	162.0527	C ₆ H ₁₀ O ₅
<i>m/z</i> 260.2095	Na?	253.0969	
m/z 259.2059	C ₁₈ H ₂₇ O ⁺	254.1005	C ₉ H ₁₈ O ₈
m/z 242.1992	Na?	不飽和アシル基	

10

Time / min

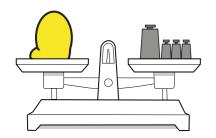
モノグリコシルアシルグリセロール



m/z 509.2733 (16:3) m/z 511.2887 (16:2) m/z 535.2889 (18:4) *m/z* 537.3046 (18:3)

15

フラグメンテーションの解析例 3 (ESI -)



 $C_{12}H_{19}CI_3O_8$

Accurate m/z	Formula	Exact mass
m/z 430.9845	C ₁₂ H ₁₉ Cl ₄ O ₈ ⁻	430.9840
<i>m/z</i> 455.0291	$C_{14}H_{22}CI_3O_{10}^-$	455.0284
m/z 458.0036	$C_{12}H_{19}CI_3NO_{11}^{-}$	458.0029

複数のイオンが共溶出

糖構造? ment

Accurate m/z	Formula	Neutral loss	Formula
<i>m/z</i> 395.0074	$C_{12}H_{18}CI_3O_8^-$	35.9771	HCI
<i>m/z</i> 359.0301	$C_{12}H_{17}CI_2O_8^-$	71.9531	2(HCI)
m/z 143.0354	C ₆ H ₇ O ₄ ⁻		

矛盾しないアダクト

データ連携基盤に何をいれるの?



オープンサイエンスへの 社会的要請

論文やそのエビデンスとしての研究 データなどの研究成果を広く一般社 会へ公開することで,分野を超えた 新たな知見の創出や研究成果の幅広 い活用,イノベーションの創出が図 る

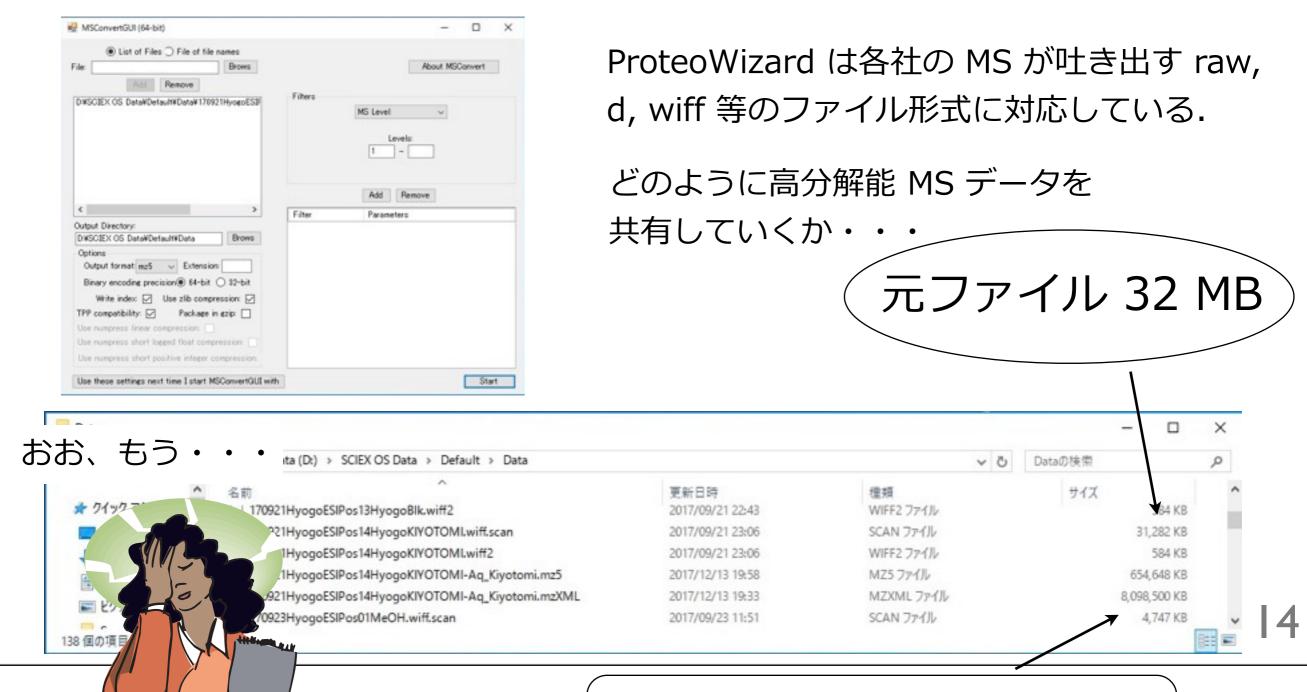
機器分析生データ

ファイルサイズ大きい! ファイル形式も多様! ピークデータ (ex MassBank)

m/z とその強度 保持時間 地点・物質濃度データ

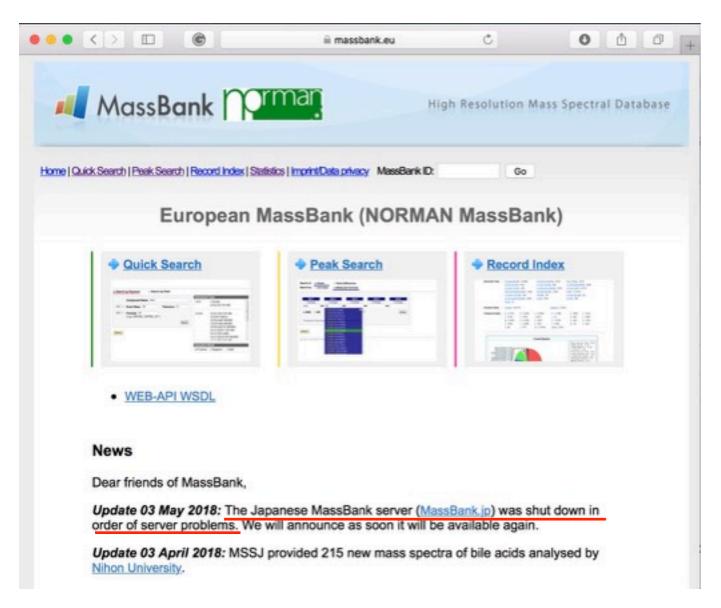
時間変化 地点間差

ノンターゲット高分解能 MS データ



mz5 650 MB, mzxml 8 GB

MassBank の現状



高機能化・普及を優先した高コスト化 (維持が困難に!)

分散サーバー, Java Applet からクラウドサーバ, Java Script への移行

Wiki による運用(機能はそのまま移 行されない)

MassBank.jp の検索機能の一部は現 状すでに使えない

MassBank.jp は閉鎖中… MassBank.eu ヘリダイレクト

環境試料一括ノンターゲット分析のこの先

天然物から人工物までいろいろ なものが見えて楽しい

現状どの程 度物質をと りこぼして いるか?

守備範囲の広いイオン化

多次元 LC, nanoLC

データ解析の自動化

イオンのアノテーション

フラグメンテーション解析

同族体・関連物質の探索

突発的な事故に対応する 環境モニタリング

ケミカルバイオロジーの 環境版のようなもの