Devoir 2 pour IFT6390 - Fondements de l'apprentissage machine

Par Olivier Malenfant-Thuot

Matricule: 1012818

Question 1: Linear and non-linear regularized regression

1.1 Linear Regression

1.1.1 L'ensemble des paramètres heta du modèle de régression linéaire sont $ec{ ext{w}} \in {\rm I\!R}^{
m d}$ et $b \in {\rm I\!R}$.

1.1.2 Le risque empirique pour un training set D, évalué à partir de la fonction de perte L((x,t),f) prend la forme

$$\hat{R}(f,D) = \sum_{(x,t) \in D} (f(x) - t)^2 = \sum_{(x,t) \in D} (ec{ ext{w}}^T ec{x} + b - t)^2$$

1.1.3 Nous pouvons utiliser le ERM pour minimiser le risque, avec:

$$rac{\partial}{\partial ec{ ext{w}}}rac{\partial}{\partial b}\sum_{(x,t)\in D}(ec{ ext{w}}^Tec{x}+b-t)^2=0.$$

1.1.4 Le gradient du risque empirique peu être exprimé par

$$\nabla \hat{R} = \frac{1}{n} \sum_{(x,t) \in D} \begin{bmatrix} \frac{\partial}{\partial w_1} (\vec{\operatorname{w}}^T \vec{x} + b - t)^2 \\ \frac{\partial}{\partial w_2} (\vec{\operatorname{w}}^T \vec{x} + b - t)^2 \\ \vdots \\ \frac{\partial}{\partial w_d} (\vec{\operatorname{w}}^T \vec{x} + b - t)^2 \\ \frac{\partial}{\partial b} (\vec{\operatorname{w}}^T \vec{x} + b - t)^2 \end{bmatrix} = \frac{1}{n} \sum_{(x,t) \in D} \begin{bmatrix} 2x_1 (\vec{\operatorname{w}}^T \vec{x} + b - t) \\ 2x_2 (\vec{\operatorname{w}}^T \vec{x} + b - t) \\ \vdots \\ 2x_d (\vec{\operatorname{w}}^T \vec{x} + b - t) \\ 2 (\vec{\operatorname{w}}^T \vec{x} + b - t) \end{bmatrix}$$

1.1.5 Le gradient du risque empirique indique dans quelle direction de l'espace des paramètres θ il faut se déplacer afin de diminuer la somme des erreurs de tous les points du training set.

1.2 Ridge Regression

1.2.1 Le gradient du risque empirique régularisé devient

$$abla ilde{R} = rac{1}{n} \sum_{(x,t) \in D} egin{bmatrix} 2x_1 (ec{ ext{w}}^T ec{x} + b - t) + 2\lambda w_1 \ 2x_2 (ec{ ext{w}}^T ec{x} + b - t) + 2\lambda w_2 \ dots \ 2x_d (ec{ ext{w}}^T ec{x} + b - t) + 2\lambda w_d \ 2(ec{ ext{w}}^T ec{x} + b - t) \end{bmatrix}$$

.

Ce nouveau gradient diffère du précédent par un terme $2\lambda w_i$ pour chaque dimension i, mais est le même pour le bias.

1.2.2 Pseudocode pour le training:

Déterminer aléatoirement des valeurs de départ pour w et b.

Définir les valeurs des hyperparamètres λ et η .

Définir un nombre d'itérations maximal pour l'arrêt du calcul

Définir une valeur d'arrêt pour le gradient

iteration = 0

Début d'une boucle sur itermax:

Calcul du gradient par la formule du 1.2.1 pour chaque point du dataset Calcul de la moyenne des gradients

Update des valeurs de w et b par:

Ajout du produit entre les d premières dimensions du gradient et -eta à w

Ajout du produit entre la dernière dimension du gradient et -eta à b

Calcul de la norme du gradient

si la norme du gradient est plus petite que la valeur d'arrêt, break la boucle

Les dernières valeurs de w et b sont les valeurs minimisant le risque empirique régularisé.

1.2.3 Le risque empirique et son gradient peuvent être exprimé de façon matricielle de la façon suivante.

Le risque empirique est
$$\hat{R} = \|w^T X^T - t^T\|^2$$
, avec $w = egin{bmatrix} w_1 \\ w_2 \\ \vdots \\ w_d \end{bmatrix}$.

Le gradient du risque empirique est $2X^T((w^TX^T)^T-t)+2\lambda w$.

1.2.4 Le gradient est le même qu'au 1.2.3 plus le terme pour de ridge. La solution au problème de minimisation est

$$abla \hat{R} = ec{
abla} \cdot (w^T X + \lambda \|w\|^2) = 0$$

Quand $\lambda=0$, nous retrouvons l'expression pour le gradient sans le ridge term. Quand N< d,

1.3 Regression with a fixed non-linear pre-processing

1.3.1 L'expression complète de $ilde{f}\left(x
ight)$ est

$$ilde{f}\left(x
ight) = egin{bmatrix} f(x) \ f(x^2) \ dots \ f(x^k) \end{bmatrix}$$

1.3.2 Les paramètres de l'entraînement entrainer sont:

w, de dimension k qui représente le poids à donner à chaque valeur x^i dans la régression,

b, le bias de dimension 1, qui joue le même rôle que précédemment,

k, de dimension 1, un scalaire qui détermine le nombre de dimensions de la transformation pôlynomiale. C'est un hyperparamètre, car le résultat de l'entraînement dépend de sa valeur.

1.3.3 Avec d=2 et $x=(x_1,x_2)$, les transformation prennent la forme:

$$\phi_{poly^1}(x) = egin{bmatrix} x_1 \ x_2 \ x_1^2 \ x_2^2 \ x_1x_2 \end{bmatrix}, \phi_{poly^3}(x) = egin{bmatrix} x_1 \ x_2 \ x_1^2 \ x_2^2 \ x_1x_2 \end{bmatrix}$$

1.3.4 En analyse combinatoire, le nombre de façon de répartir k objets identique dans d contenant discernables est donné par $\binom{k+d-1}{d-1}$. Par conséquent, la dimensionalité de la transformation $\phi_{poly^k}(x)$, pour un x de dimension d, est donnée par:

$$\sum_{i=1}^k inom{i+d-1}{d-1}$$

avec
$$\binom{m}{n} = \frac{m!}{n!(m-n)!}$$
.

Question 2: Practical Part

```
In [76]: import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt

In [2]: def h(x):
    return np.sin(x) + 0.3*x - 1

In [45]: data_x = 10 * (np.random.rand(15) - 0.5).reshape(15,1)
    data_h = h(data_x)

In [4]: # Hyperparameters
Lambda = 0.0
    step = 0.1
    maxiter = 50
```

```
In [130]: class Regression gradient:
              def init (self, Lambda = 0.1, step = 0.1, maxiter = 50):
                  self.Lambda = Lambda
                   self.step = step
                   self.maxiter = maxiter
                   self.maxgrad = 0.001
              def train(self, data, targets):
                   self.bias = 0
                   self.ndims = data.shape[1]
                   self.weights = np.random.rand(self.ndims).reshape(1,self.ndim
          s)/100
                   iteration = 0
                  delta w = self.maxgrad * 3
                  while (iteration < self.maxiter) and (np.linalg.norm(delta w)</pre>
           > self.maxgrad):
                       #objectives = self.objective function(data, targets)
                       #print(objectives)
                       delta w = self.dJdW(data,targets)
                       delta b = self.dJdb(data,targets)
                       self.weights = self.weights - self.step * delta w
                       self.bias = self.bias - self.step * delta b
                       iteration += 1
              def objective function(self, data, targets):
                  #Seulement utile pour débugger
                  return np.sum(np.sum(self.weights*data, axis = 1) + self.bias
           - targets)**2 + self.Lambda * np.sum(self.weights**2)
              def dJdW(self, data, targets):
                  derivative = np.zeros(self.ndims).reshape(self.ndims,1)
                   intermediate = np.sum(self.weights * data, axis = 1).reshape(
          data.shape[0],1) + self.bias - targets
                  derivative = np.mean(2 * data * intermediate + 2 * self.Lambd
          a * self.weights, axis = 0)
                  return derivative
              def dJdb(self, data, targets):
                   intermediate = np.sum(self.weights * data, axis = 1).reshape(
          data.shape[0],1) + self.bias - targets
                  return np.mean(2 * intermediate)
              def predict(self, data):
                  predictions = np.sum(self.weights * data, axis = 1) + self.bi
          as
                   return predictions.reshape((data.shape[0],1))
```

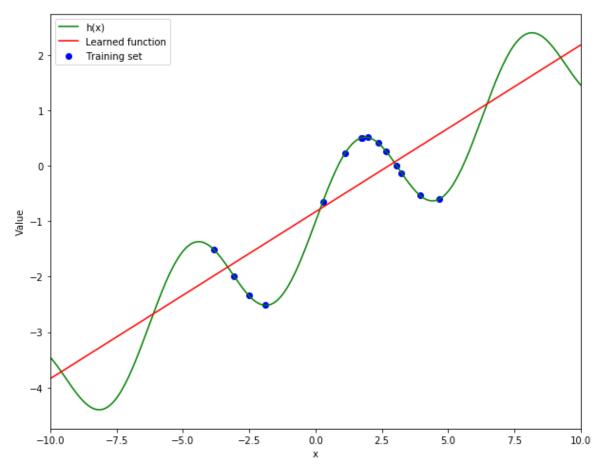
2.3 Résultats pour $\lambda=0$

```
In [46]: Reg = Regression_gradient(Lambda = 0, maxiter=100)
    Reg.train(data_x,data_h)
```

```
In [47]: fig, ax = plt.subplots(figsize = (10, 8))

x_points = np.linspace(-10, 10, 300).reshape(300,1)

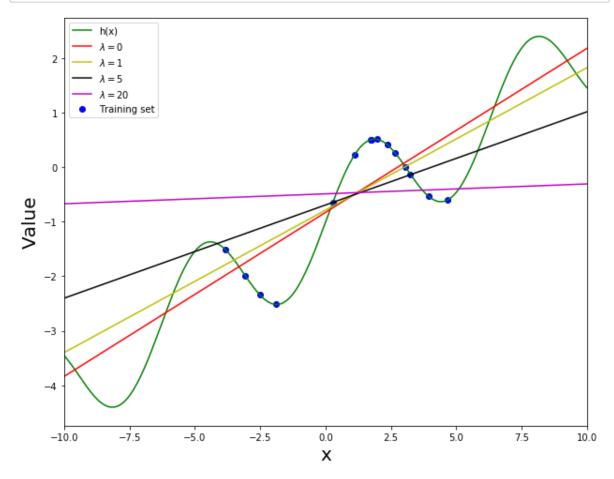
ax.scatter(data_x, data_h, c = 'b', label = 'Training set')
ax.plot(x_points, h(x_points), c = 'g', label = 'h(x)')
ax.plot(x_points, Reg.predict(x_points), c = 'r', label = 'Learned fu nction')
ax.set_xlim(-10, 10)
ax.set_xlabel('x')
ax.set_ylabel('Value')
ax.legend()
plt.show()
plt.close()
```



2.4 Comparaison de l'effet de λ

```
In [77]: Reg_null_lambda = Regression_gradient(Lambda = 0, step = 0.01, maxite
    r=5000)
    Reg_null_lambda.train(data_x,data_h)
    Reg_small_lambda = Regression_gradient(Lambda = 1, step = 0.01, maxit
    er=5000)
    Reg_small_lambda.train(data_x,data_h)
    Reg_medium_lambda = Regression_gradient(Lambda = 5, step = 0.01, maxiter=5000)
    Reg_medium_lambda.train(data_x,data_h)
    Reg_large_lambda = Regression_gradient(Lambda = 100, step = 0.001, maxiter=5000)
    Reg_large_lambda.train(data_x,data_h)
```

```
In [78]: fig, ax = plt.subplots(figsize = (10, 8))
          x \text{ points} = \text{np.linspace}(-10, 10, 300).reshape}(300,1)
          ax.scatter(data_x, data_h, c = 'b', label = 'Training set')
          ax.plot(x_points, h(x_points), c = 'g', label = 'h(x)')
          ax.plot(x points, Reg null lambda.predict(x points), c = 'r', label =
           '\$\label{lambda} = 0\$')
          ax.plot(x points, Reg small lambda.predict(x points), c = 'y', label
          = '1')
          ax.plot(x points, Reg medium lambda.predict(x points), c = 'k', label
           = '$\label{lambda} = 5$')
          ax.plot(x_points, Reg_large_lambda.predict(x_points), c = 'm', label
          = '$\label{lambda} = 20$')
          ax.set xlim(-10, 10)
          ax.set xlabel('x')
          ax.set ylabel('Value')
          ax.xaxis.label.set fontsize(20)
          ax.yaxis.label.set fontsize(20)
          ax.legend()
          plt.show()
          plt.close()
```

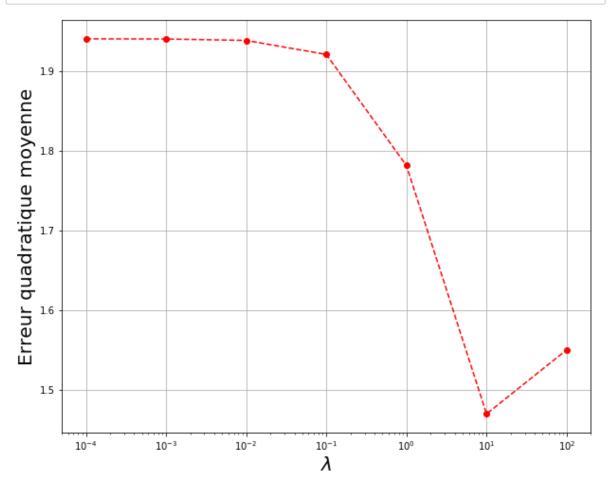


2.5 Évolution logarithmique de λ

```
In [79]: data_test = 10 * (np.random.rand(100) - 0.5).reshape(100,1)
    targets = h(data_test)
    lambda_values = [0.0001, 0.001, 0.01, 0.1, 1., 10., 100.]
    step_values = [0.01 , 0.01, 0.01, 0.01, 0.01, 0.005, 0.001]
```

```
In [105]: fig, ax = plt.subplots(figsize = (10, 8))

ax.semilogx(lambda_values, quad_loss, 'o--', c = 'r')
ax.set_xlabel('$\lambda$')
ax.set_ylabel('Erreur quadratique moyenne')
ax.xaxis.label.set_fontsize(20)
ax.yaxis.label.set_fontsize(20)
ax.grid(True)
plt.show()
plt.close()
```

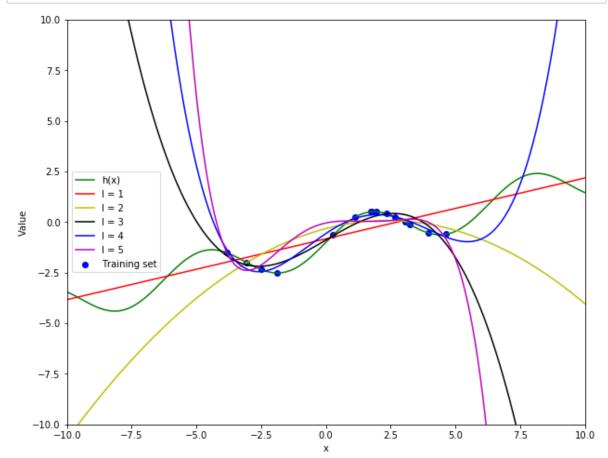


L'erreur est au plus haut avec un λ très petit et diminue si on augmente lambda. Elle est au minimum lorsque λ est égal à 10 et remonte lorsque lambda est plus grand.

2.6

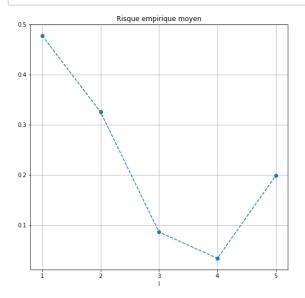
```
In [82]:
         Lambda = 0.01
         x \text{ points} = np.linspace(-10, 10, 300).reshape(300,1)
In [90]:
In [83]:
         def phi transform(x,l):
             transformed points = np.zeros((x.shape[0],l)).reshape(x.shape[0],
         l)
             for j in range(x.shape[0]):
                  for i in range(l):
                      transformed points[j,i] = x[j]**(i+1)
              return transformed points
In [84]:
         Reg1 = Regression gradient(Lambda=Lambda, maxiter = 100)
         Regl.train(phi transform(data x, l = 1), data h)
         Reg2 = Regression gradient(Lambda=Lambda, maxiter = 100000, step=0.01
         Req2.train(phi transform(data_x,l = 2), data_h)
         Reg3 = Regression gradient(Lambda=Lambda, maxiter =100000, step=0.000
         Reg3.train(phi transform(data x,l = 3), data h)
In [95]:
         Reg4 = Regression gradient(Lambda=Lambda, maxiter =600000, step=0.000
         02)
         Reg4.train(phi transform(data x, l = 4), data h)
In [98]:
         Reg5 = Regression gradient(Lambda=Lambda, maxiter =1000000, step=0.00
         00005)
         Reg5.train(phi transform(data x, l = 5), data h)
In [99]:
         print(Reg1.weights)
         print(Reg2.weights)
         print(Reg3.weights)
         print(Reg4.weights)
         print(Reg5.weights)
         [[0.30068641]]
         [[ 0.33536403 -0.07066595]]
         [[ 0.75418596  0.00111588 -0.03728825]]
         [[ 0.85550511 -0.12845443 -0.04886678  0.00754218]]
         [[ 0.27837169 -0.23816802  0.04871561  0.01310047 -0.00367793]]
```

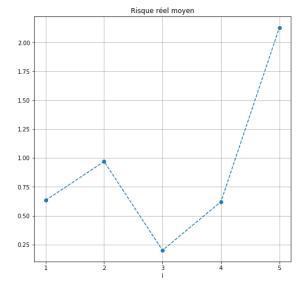
```
In [150]: fig,ax = plt.subplots(figsize = (10,8))
          ax.scatter(data_x, data_h, c = 'b', label = 'Training set')
          ax.plot(x points, h(x points), c = 'g', label = 'h(x)')
          ax.plot(x_points, Reg1.predict(x_points), c = 'r', label = 'l = 1')
          ax.plot(x points, Reg2.predict(phi transform(x points, l=2)), c = 'y'
          , label = 'l = 2')
          ax.plot(x points, Reg3.predict(phi transform(x points, l=3)), c = 'k'
          , label = 'l = 3')
          ax.plot(x_points, Reg4.predict(phi_transform(x_points, l=4)), c = 'b'
          , label = 'l = 4')
          ax.plot(x_points, Reg5.predict(phi_transform(x_points, l=5)), c = 'm'
          , label = 'l = 5')
          ax.set xlim(-10, 10)
          ax.set ylim(-10, 10)
          ax.set xlabel('x')
          ax.set ylabel('Value')
          ax.legend()
          plt.show()
          plt.close()
```



2.7 Lorsque nous augmentons l et la dimensionalité de l'entraînement, le nombre d'itérations nécessaire pour atteindre un faible gradient augmente énormément, et le step size doit être réduite énormément, sinon nous passons par dessus le petit espace des paramètres où se situe le minimum recherché. En effet, en raison de la transformation polynomiale, les hautes dimensions du vecteur varient très vites avec une petite variation des paramètres. Dans le cas présent, le nombre de dimensions détermine le degré du polynôme qui est utilisé pour fitter les données. La courbe obtenue aura donc d-1 inflexions. Il y a beaucoup de courbes sur le graphique précédent, mais nous pouvons étudier les risques empiriques et réels séparément.

```
In [149]:
          fig.ax = plt.subplots(ncols = 2, figsize = (18,8))
          ax1,ax2 = ax.flatten()
          quad loss emp = []
          quad loss test = []
          l list = [1,2,3,4,5]
          reg_list = [Reg1, Reg2, Reg3, Reg4, Reg5]
          for reg, l in zip(reg_list, l_list):
              predictions = reg.predict(phi transform(data x, l = l))
              quad loss emp.append(np.mean((predictions - data h.T)**2))
          for reg, l in zip(reg_list, l list):
              predictions = reg.predict(phi transform(data test, l = l))
              quad loss test.append(np.mean((predictions - h(data test).T)**2))
          ax1.plot(l list, quad loss emp, 'o--')
          ax2.plot(l_list,quad_loss_test,'o--')
          ax1.set title('Risque empirique moyen')
          ax2.set title('Risque réel moyen')
          ax1.set xlabel('l')
          ax2.set xlabel('l')
          ax1.xaxis.set_ticks(l_list)
          ax2.xaxis.set ticks(l list)
          ax1.grid(True)
          ax2.grid(True)
```





Le risque empirique diminue avec l'introduction de nouvelles dimensions jusqu'à l=4, puis à l=5 il augmente légèrement. Ce comportement s'explique par le fait que un polynôme de haut degré peut plus facilement fitter une distribution de points. L'augmentation entre 4 et 5 dimensions est dû à la nature de la distribution qui est très semblable localement à un polynôme de degré 4. Le comportement du risque réel est différent. Le minimum est situé à l=3, car en allant plus loin, nous faisons un overfit de notre dataset limité et nous éloignons de la fonction h(x).