

Рубежный контроль №1

Выполнил:
студент группы ИУ5-63М
Елизаров О. О.

1. Задание

Для заданного набора данных проведите корреляционный анализ. В случае наличия пропусков в данных удалите строки или колонки, содержащие пропуски. Сделайте выводы о возможности построения моделей машинного обучения и о возможном вкладе признаков в модель

2. Дополнительное задание

Для произвольной колонки данных построить график “Ящик с усами (boxplot)”

3. Решение

Подключим необходимые библиотеки и загрузим набор данных

```
[1]: import numpy as np
import pandas as pd
import seaborn as sns
import string
import matplotlib.pyplot as plt
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.neighbors import KNeighborsRegressor, KNeighborsClassifier
from sklearn.metrics import accuracy_score, balanced_accuracy_score
from sklearn import preprocessing
from sklearn.linear_model import LinearRegression
import math
from sklearn import utils
from typing import Dict, Tuple
%matplotlib inline
sns.set(style="ticks")
```

Загрузка данных

```
[ ]: #
data = pd.read_csv('./Admission_Predict.csv', sep=",")
```

Параметры данных.Количество строк и столбцов

```
[3]: #
data.shape
```

```
[3]: (400, 9)
```

```
[4]: for col in data.columns:
    #
    temp_null_count = data[data[col].isnull()].shape[0]
    print('{} - {}'.format(col, temp_null_count))
print(' ', '')
```

```

Serial No. - 0
GRE Score - 0
TOEFL Score - 0
University Rating - 0
SOP - 0
LOR - 0
CGPA - 0
Research - 0
Chance of Admit - 0
,

```

Треугольный вариант матрицы корреляции

```

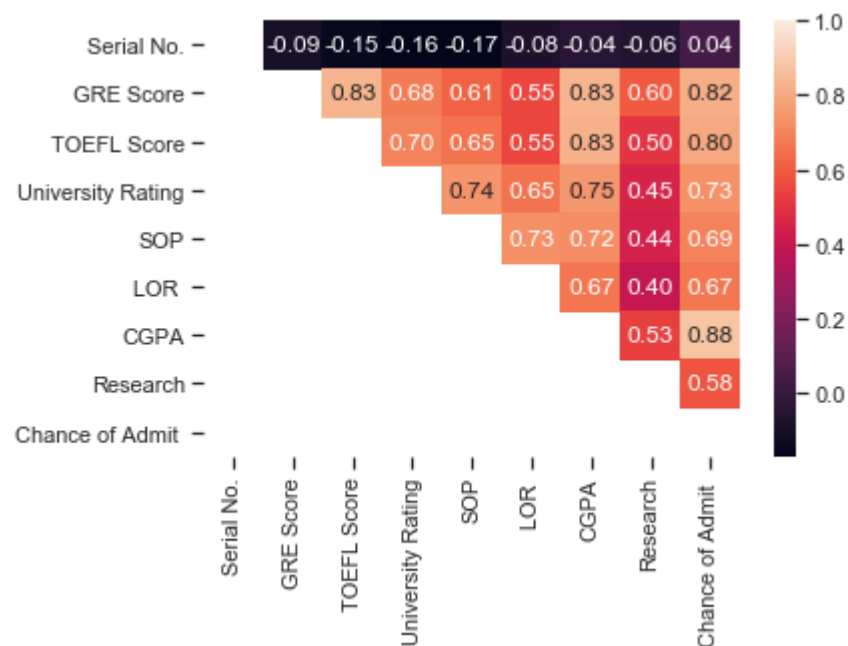
[5]: #
mask = np.zeros_like(data.corr(), dtype=np.bool)
mask[np.tril_indices_from(mask)] = True
sns.heatmap(data.corr(method='spearman'), mask=mask, annot=True, fmt='.2f')

```

```

[5]: <matplotlib.axes._subplots.AxesSubplot at 0x1efc2ce9c08>

```



Закрадываются подозрения на связь CGPA-Chance of Admit

```

[6]: data.columns
data.head()

```

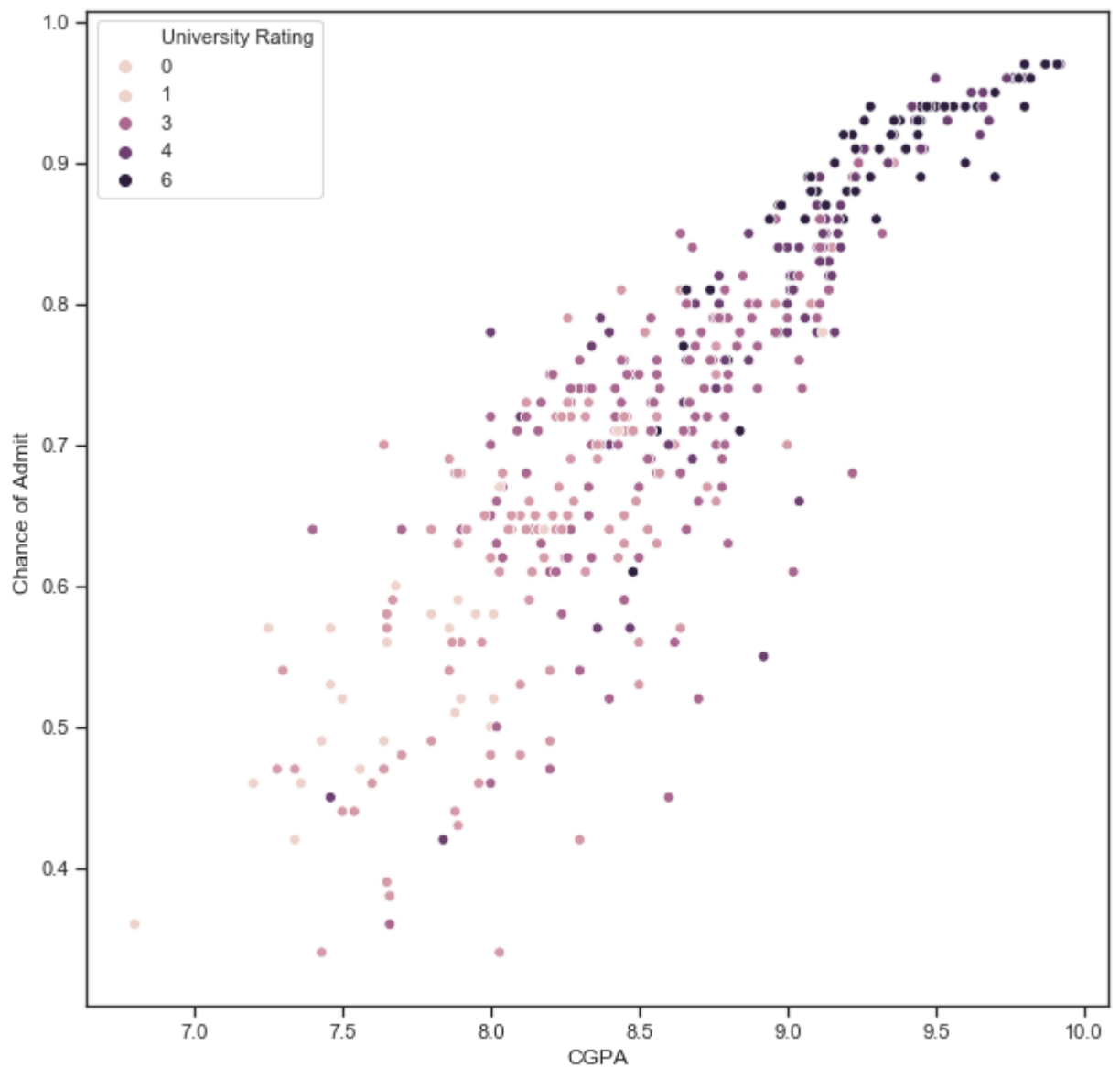
```

[6]:   Serial No.  GRE Score  TOEFL Score  University Rating  SOP  LOR  CGPA  \
0          1         337          118                   4  4.5  4.5  9.65
1          2         324          107                   4  4.0  4.5  8.87
2          3         316          104                   3  3.0  3.5  8.00
3          4         322          110                   3  3.5  2.5  8.67
4          5         314          103                   2  2.0  3.0  8.21

```

	Research	Chance of Admit
0	1	0.92
1	1	0.76
2	1	0.72
3	1	0.80
4	0	0.65

```
[7]: fig, ax = plt.subplots(figsize=(10,10))
sns.scatterplot(ax=ax, x='CGPA', y='Chance of Admit ', data=data,
hue='University Rating')
```



Чем-то похоже на функцию вида $y=x$

```
[8]: #
def analytic_regr_coef(x_array : np.ndarray,
```

```

        y_array : np.ndarray) -> Tuple[float, float]:
    x_mean = np.mean(x_array)
    y_mean = np.mean(y_array)
    var1 = np.sum([(x-x_mean)**2 for x in x_array])
    cov1 = np.sum([(x-x_mean)*(y-x_mean) for x, y in zip(x_array, y_array)])
    b1 = cov1 / var1
    b0 = y_mean - b1*x_mean
    return b0, b1

```

```

[9]: x_array = data['CGPA'].values
     y_array = data['Chance of Admit '].values

```

Наши коэффициенты

```

[10]: b0, b1 = analytic_regr_coef(x_array, y_array)
      b0, b1
      #

```

```

[10]: (-1.0715116629341392, 0.20884722950068055)

```

```

[11]: #           y       x
      def y_regr(x_array : np.ndarray, b0: float, b1: float) -> np.ndarray:
          res = [b1*x+b0 for x in x_array]
          return res

```

```

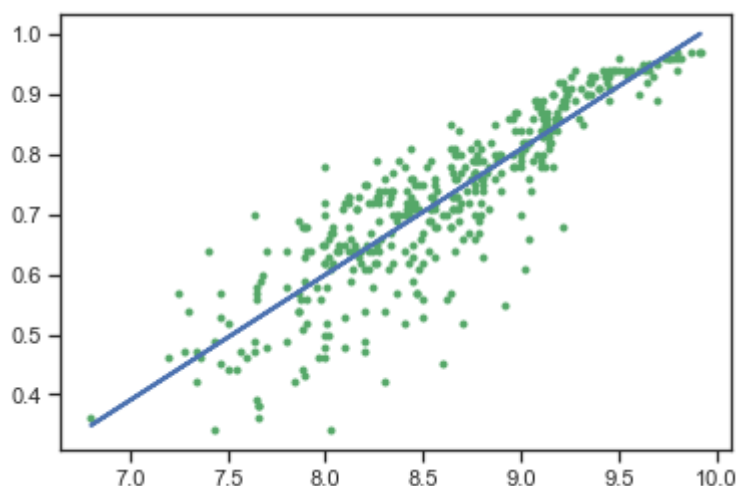
[12]: y_array_regr = y_regr(x_array, b0, b1)

```

```

[13]: plt.plot(x_array, y_array, 'g.')
      plt.plot(x_array, y_array_regr, 'b', linewidth=2.0)
      plt.show()
      print('          ')

```



Линейная зависимость действительно заметна

```
[14]: reg1 = LinearRegression().fit(x_array.reshape(-1, 1), y_array.reshape(-1, 1))
      (b1, reg1.coef_), (b0, reg1.intercept_)
```

```
[14]: ((0.20884722950068055, array([[0.20884723]])),
      (-1.0715116629341392, array([-1.07151166])))
```

```
[15]: from sklearn.pipeline import Pipeline
      from sklearn.preprocessing import PolynomialFeatures
```

```
[16]: poly_model = Pipeline([('poly', PolynomialFeatures(degree=2)),
                             ('linear', LinearRegression(fit_intercept=False))])
```

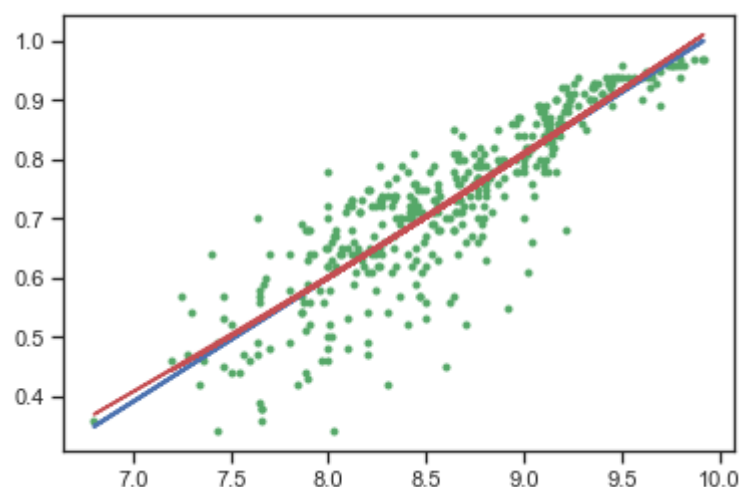
```
[17]: poly_model.fit(x_array.reshape(-1, 1), y_array)
```

```
[17]: Pipeline(memory=None,
              steps=[('poly',
                     PolynomialFeatures(degree=2, include_bias=True,
                                         interaction_only=False, order='C')),
                     ('linear',
                      LinearRegression(copy_X=True, fit_intercept=False,
                                         n_jobs=None,
                                         normalize=False))],
              verbose=False)
```

```
[18]: poly_y_pred = poly_model.predict(x_array.reshape(-1, 1))
```

Посмотрим как будет выглядеть квадратичный аппроксимирующий полином

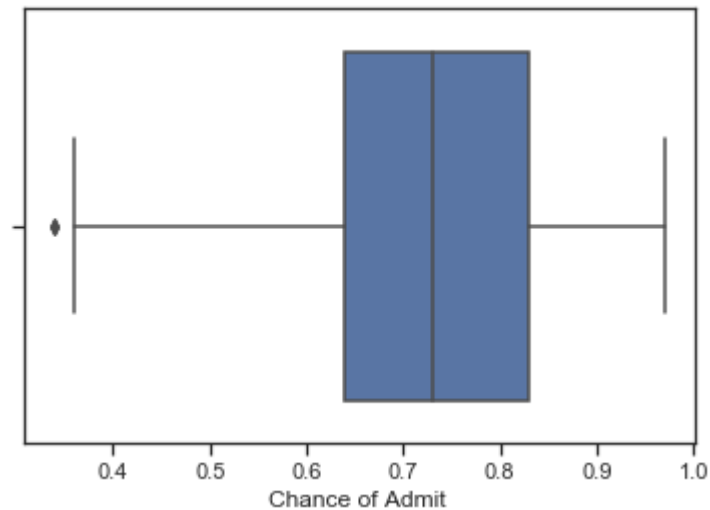
```
[19]: plt.plot(x_array, y_array, 'g.')
      plt.plot(x_array, y_array_regr, 'b', linewidth=2.0)
      plt.plot(x_array, poly_y_pred, 'r', linewidth=1.5)
      plt.show()
      print('')
```



Дополнительное задание по boxplot'y

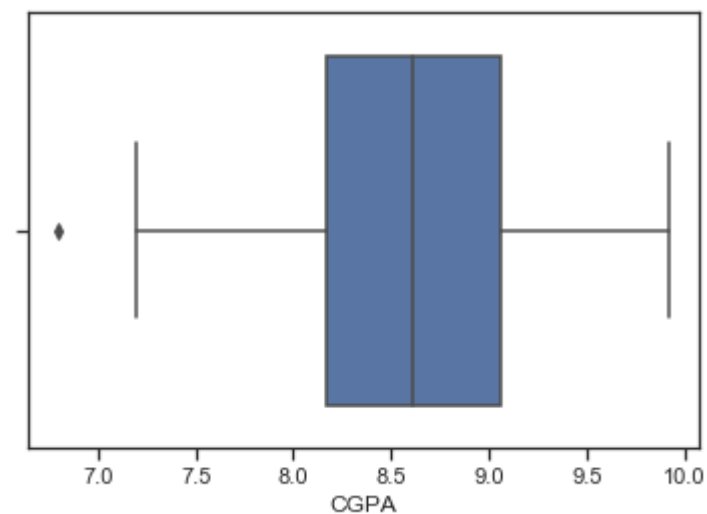
```
[20]: sns.boxplot(x=data['Chance of Admit '])  
print('boxplot')
```

boxplot



```
[21]: sns.boxplot(x=data['CGPA'])  
print('boxplot')
```

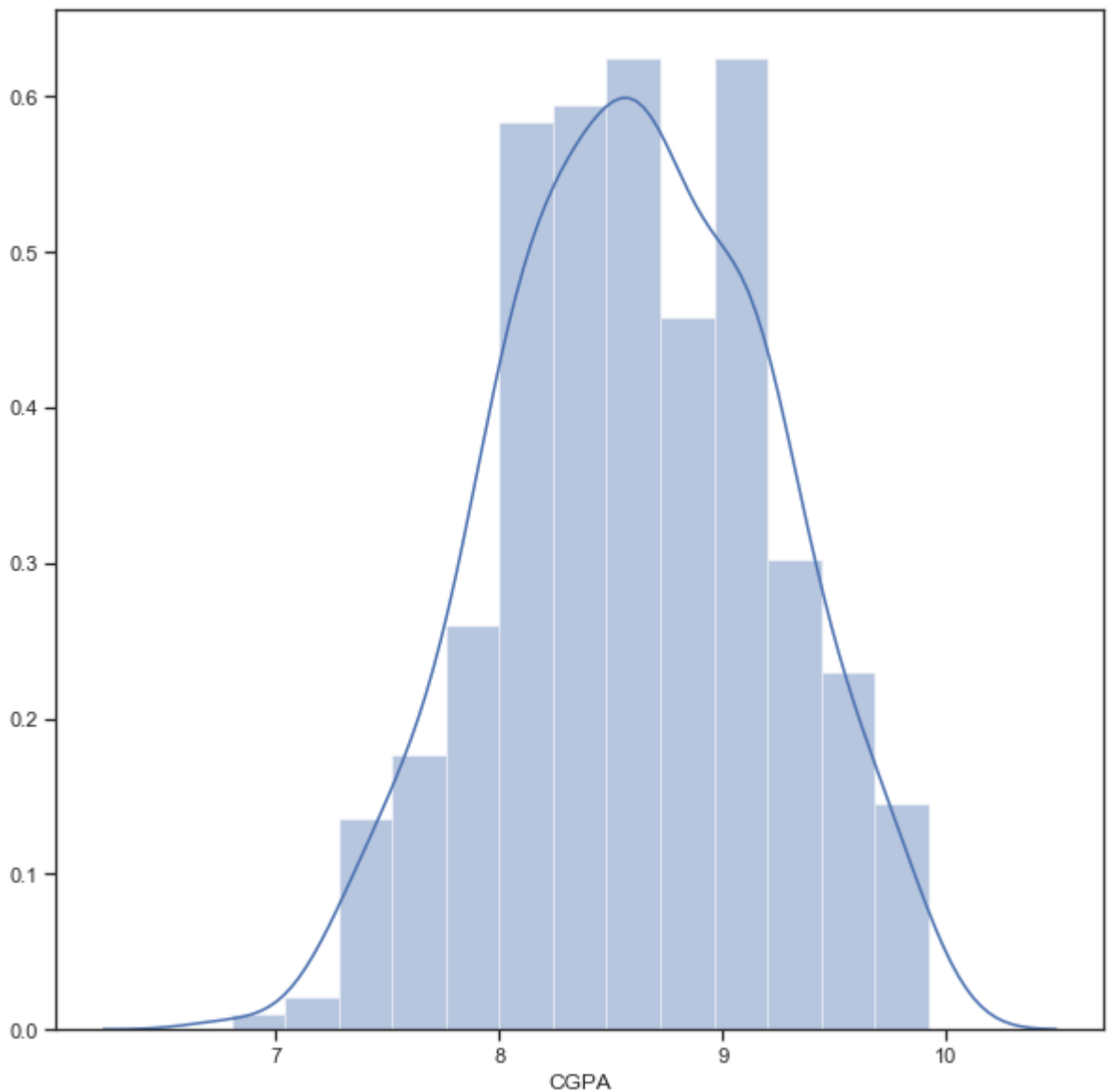
boxplot



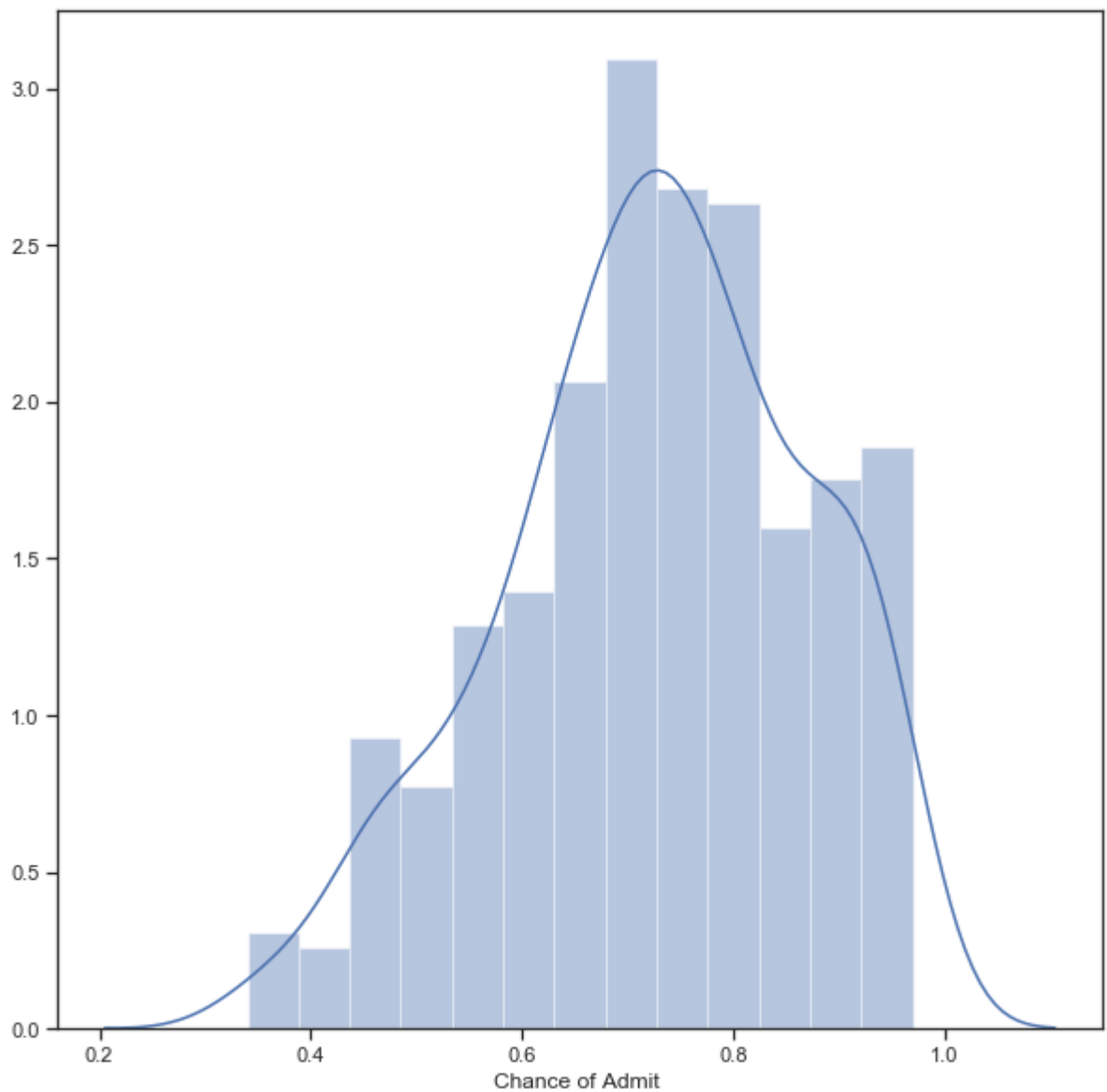
```
[ ]:
```

Плотность вероятности распределения данных

```
[22]: fig, ax = plt.subplots(figsize=(10,10))
sns.distplot(data['CGPA'])
print('')
```



```
[23]: fig, ax = plt.subplots(figsize=(10,10))
sns.distplot(data['Chance of Admit '])
print('')
```

```
[24]: data.groupby("University Rating").mean()#.plot.pie(y='Chance of Admit',
↪',figsize = (10,10))
```

```
[24]:
```

	Serial No.	GRE Score	TOEFL Score	SOP	LOR	\
University Rating						
1	233.807692	303.153846	99.076923	1.884615	2.211538	
2	214.813084	309.177570	103.523364	2.705607	2.925234	
3	204.165414	315.954887	106.887218	3.364662	3.402256	
4	199.594595	324.824324	111.824324	4.108108	4.006757	
5	153.533333	328.333333	113.666667	4.500000	4.358333	

	CGPA	Research	Chance of Admit
University Rating			
1	7.745769	0.192308	0.548077
2	8.183738	0.299065	0.625981
3	8.552256	0.533835	0.711880
4	9.021622	0.797297	0.818108

5 9.291167 0.866667 0.888167

```
[25]: admit_df = pd.DataFrame(data= np.c_[data['CGPA'], data['GRE_
↳Score'],data['Chance of Admit ']],columns=['Avg score by sem']+['Recom_
↳exam score']+['Chance'])
```

```
[26]: admit_df.describe()
```

```
[26]:
```

	Avg score by sem	Recom exam score	Chance
count	400.000000	400.000000	400.000000
mean	8.598925	316.807500	0.724350
std	0.596317	11.473646	0.142609
min	6.800000	290.000000	0.340000
25%	8.170000	308.000000	0.640000
50%	8.610000	317.000000	0.730000
75%	9.062500	325.000000	0.830000
max	9.920000	340.000000	0.970000

```
[27]: admit_df.head()
```

```
[27]:
```

	Avg score by sem	Recom exam score	Chance
0	9.65	337.0	0.92
1	8.87	324.0	0.76
2	8.00	316.0	0.72
3	8.67	322.0	0.80
4	8.21	314.0	0.65

Среднеквадратичное отклонение между нашими параметрами

```
[32]: sqr=0
for elem in admit_df.iterrows():
    sqr+=(elem[1][0]-elem[1][2]*10)**2
print(math.sqrt(sqr/admit_df.shape[0]))
print('')
```

1.6549792294769134

На основании всех полученных данных можно сделать следующие выводы 1) Самую большую связь друг с другом имеют колонки: CGPA,TOEFL Score и Chance of Admit 2) Колонки Research(в меньшей степени) и Serial No(в большей степени) слабо связаны с остальными данными и могут быть удалены 3) Колонки CGPA и Chance of Admit имеют почти линейную зависимость , а следовательно методы линейной регрессии будут максимально эффективны для исследования.