









CREATIS











Méthodes d'IA les plus appliquées & prometteuses en imagerie cardiaque

Olivier Bernard

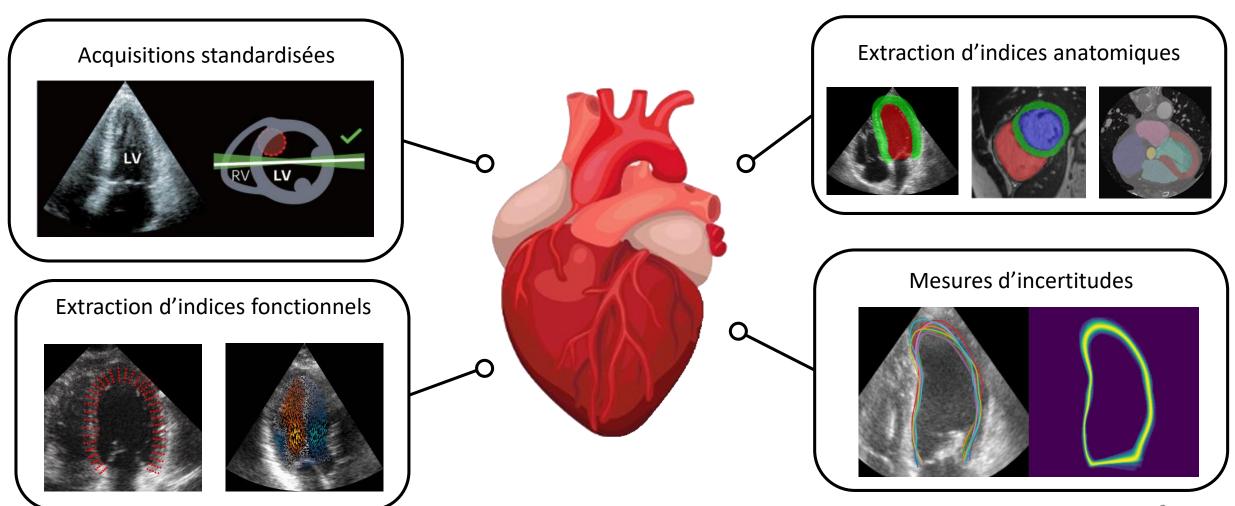
Professeur d'université, INSA, Lyon

13 Juin, 2024

Imagerie cardiaque



Quantification automatique d'indices cliniques



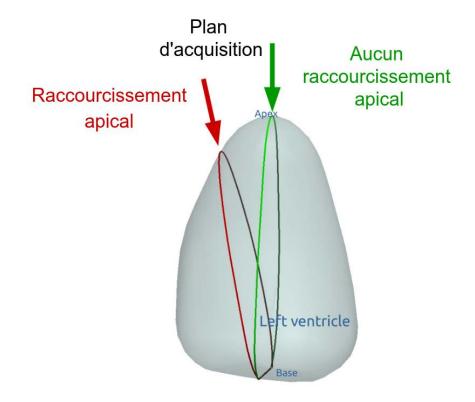
Acquisitions

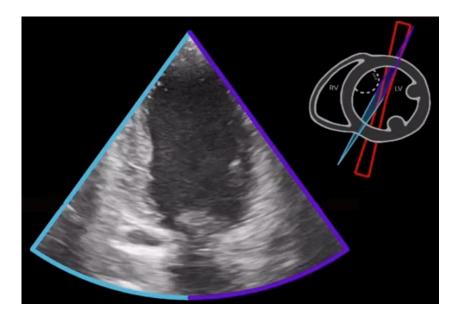
standardisées



Enjeux

- ✓ Mauvaise position de la sonde induit des erreurs de mesures
- ✓ Le plan d'acquisition doit être aligné avec les axes du cœur

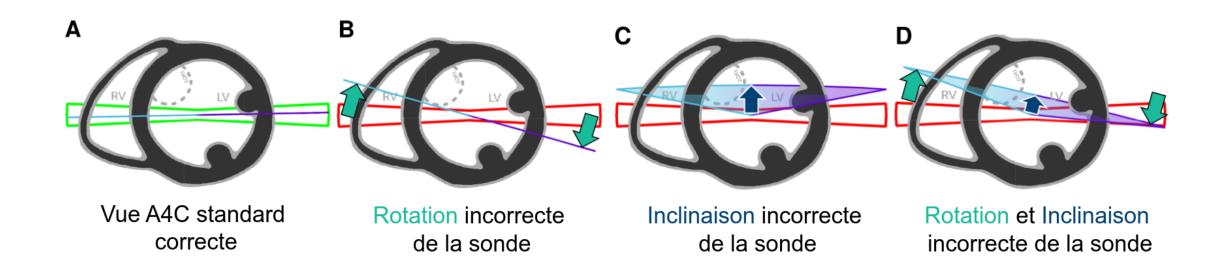






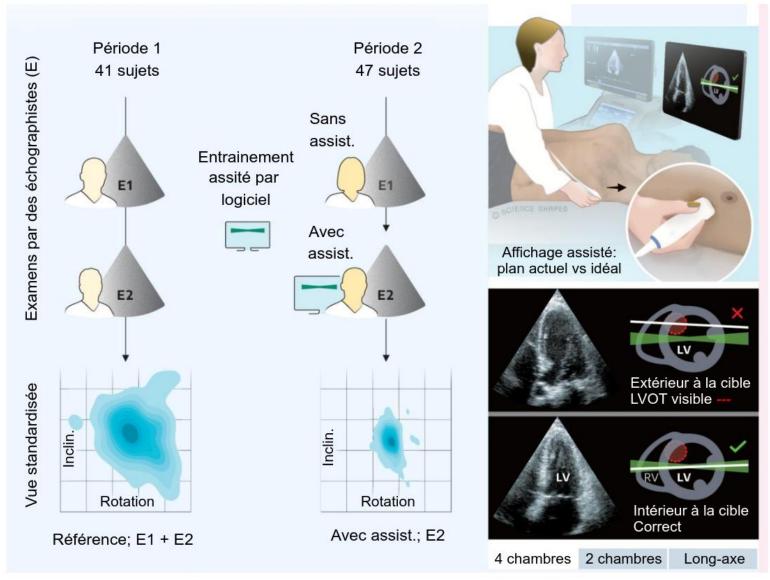
Etude pilote

- √ 88 participants avec un rythme sinusal
- √ 3 examens par patients: 2 avec des échographistes, 1 avec des cardiologistes
- ✓ Qualité de la vue acquise mesurée vis-à-vis de l'erreur de rotation et d'inclinaison



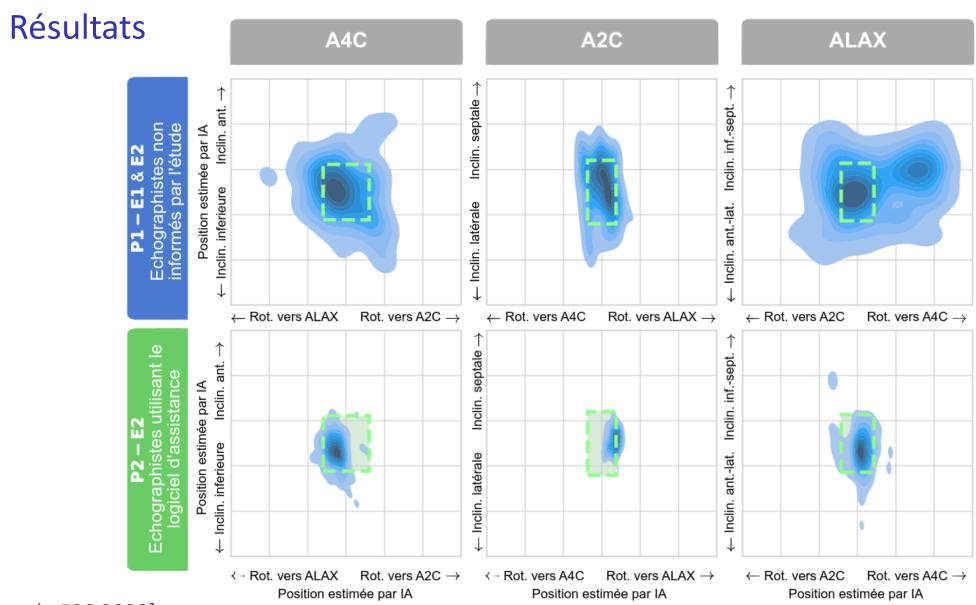


Protocole



[Sabo et al., ESC 2023]





[Sabo et al., ESC 2023]

Extraction automatique

d'indices anatomiques

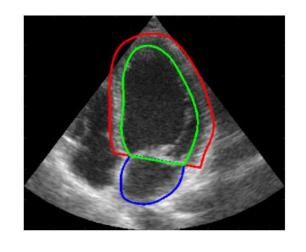


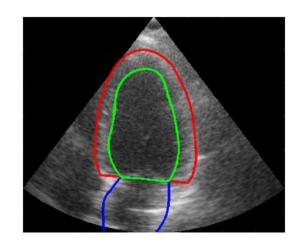
Segmentation d'images cardiaques

- ✓ Extraction automatique des contours endocardique / épicardique
- ✓ Extraction d'indices cliniques tels que le volume ou la fraction d'éjection du ventricule gauche

Enjeux

- ✓ Segmentation précise et robuste
- ✓ Cohérence temporelle
- √ Généralisation à tout type de base de données

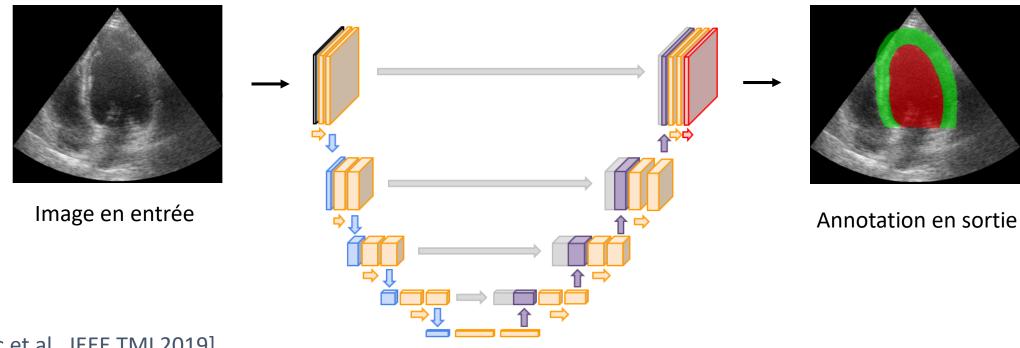






nnU-Net: architecture phare

- ✓ Remporte la plupart des challenges en segmentation d'images médicales
- ✓ Fonctionne quelque soit la modalité d'imagerie



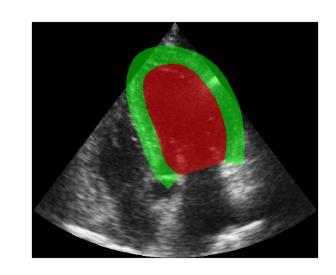


CAMUS: étude pilote

Base de données 2D publique										
Nom A		Nb. patients	Vérités terrain				Vues		Caractéristiques	
	Année		VG _{endo}	VG _{epi}	AG	Cycle cardiaque entier	A2C	A4C	Multi- Centre	Multi- Vendeur
CAMUS	2019	500	✓	✓	✓	×	✓	✓	*	*

✓ Précisions cliniques

	EF		Volume ED		Volume ES		
Methods	Corr.	MAE (%)	Corr.	MAE (ml)	Corr.	MAE (ml)	
Intra-obs.	.896	4.7	.978	6.5	.981	4.5	
2D nnU-Net	.857	4.7	.977	5.9	.987	4.0	



Mesures

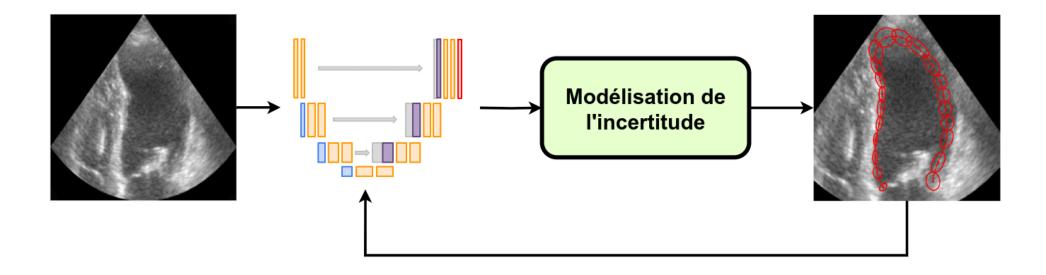
d'incertitudes

Mesures d'incertitudes



Modélisation de l'incertitude des mesures

- ✓ Incertitudes dues aux données / modèles
- ✓ Incertitudes introduites par la variabilité inter/intra experts

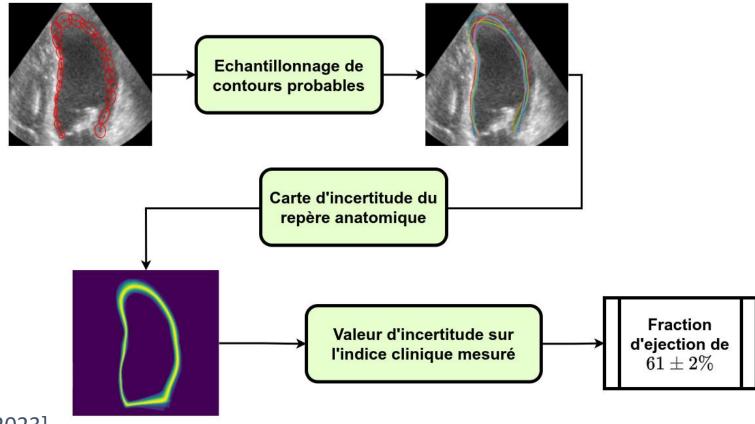


Mesures d'incertitudes



Modélisation de l'incertitude des mesures

✓ Propagation de l'incertitude anatomique à l'incertitude de la mesure clinique



[Judge et al., MICCAI 2023]

Extraction automatique

de la déformation du myocarde

Estimation de la déformation globale / locale du myocarde

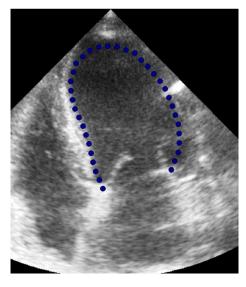


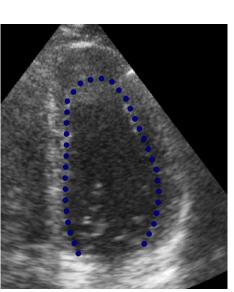
Déformation du muscle cardiaque

- ✓ Estimation automatique du champ de mouvement des tissus
- ✓ Extraction d'indices cliniques que la déformation globale longitudinale (GLS)

Enjeux

- ✓ Estimation de mouvement précise et robuste
- ✓ Estimation possible des déformations régionales
- √ Généralisation à tout type de base de données



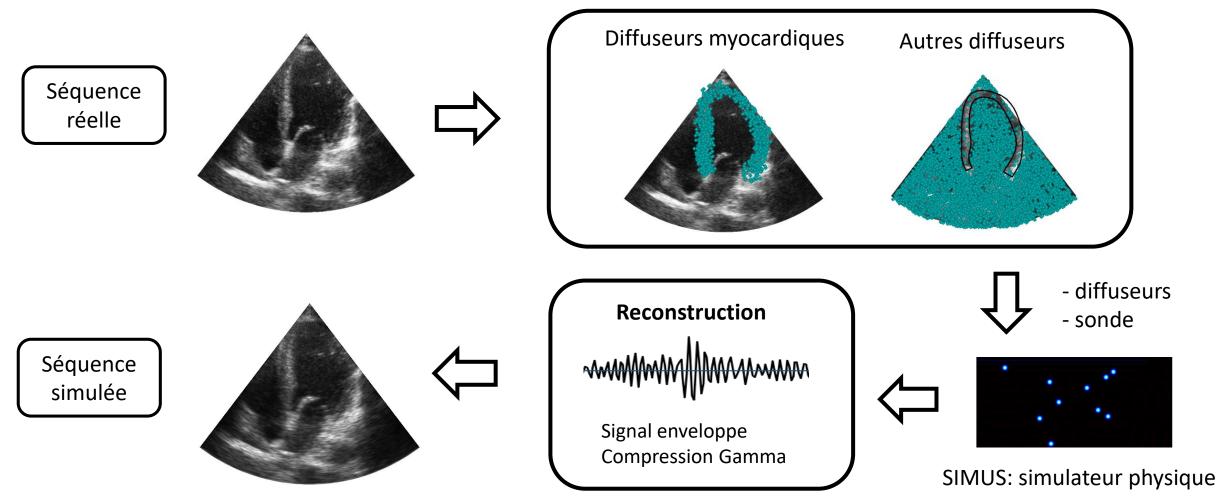


Distance Erreur

Estimation de la déformation globale / locale du myocarde



Etape clé: création d'une base de données synthétiques réalistes



[EVAIN et al., IEEE TMI 2022]



Etape clé: création d'une base de données synthétiques réalistes

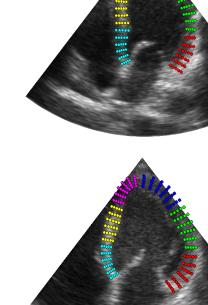
100 séquences A4C simulées

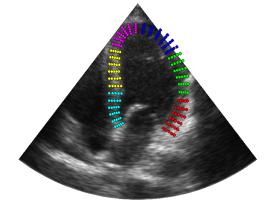
✓ Avec vérité terrain

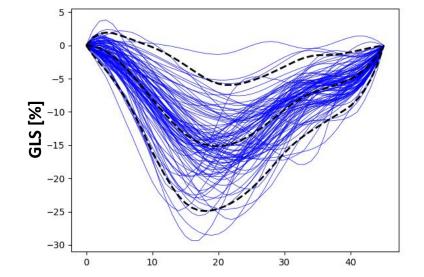
Grande variabilité / richesse pour les méthodes d'IA

Déformation longitudinale (GLS)









Temps



Estimation de la déformation globale / locale du myocarde

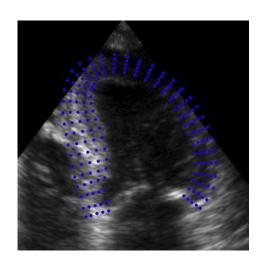


Résultats préliminaires

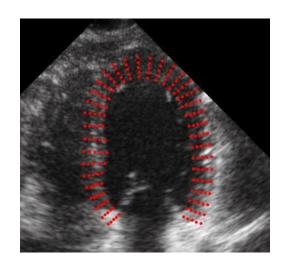
✓ Précisions cliniques

Résultats préliminaires	GLS	
resultats premimaires	%.	
Base de données entière (#30)	2.89 ± 2.08	
Sténose aortique (#6)	${2.85 \pm 2.14}$	
Cardiomyopathie hypertrophique (#6)	3.33 ± 2.26	
Ischémie (#6)	2.50 ± 1.56	
Non ischémie (#6)	2.01 ± 1.67	
Normal (#6)	3.75 ± 2.84	

Séquence simulée



Séquence réelle



Extraction automatique

du flux vectoriel du sang

Estimation du flux vectoriel du sang



Imagerie par Doppler couleur

- ✓ Visualisation 1D du flux sanguin
- ✓ Présence de bruit de type aliasing

Enjeux

- ✓ Amélioration de la qualité visuel pour une meilleure interprétation par le clinicien
- ✓ Extraction de nouveaux biomarqueurs ?



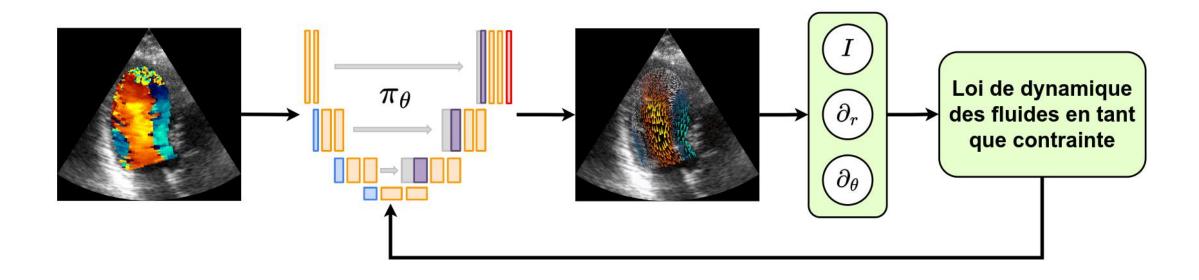
Image Doppler couleur

Estimation du flux vectoriel du sang



Etape clé: contraindre les modèles d'IA par des lois physiques

✓ Reconstruction d'un flux vectoriel à partir d'une simple écho Doppler

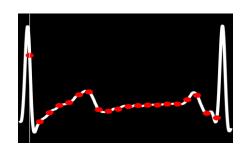


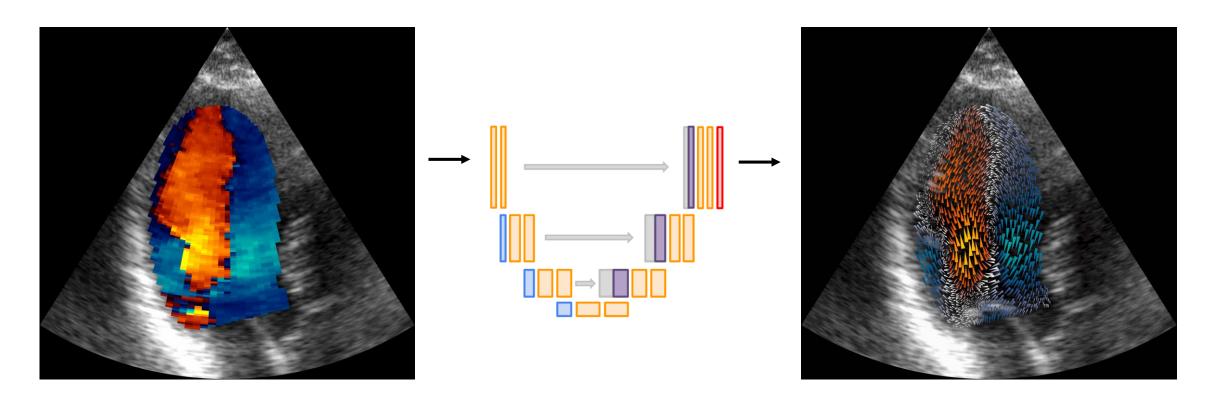
Estimation du flux vectoriel du sang



Résultats préliminaires

- ✓ Qualité visuelle pour les praticiens
- ✓ Validation en cours sur l'extraction de nouveaux indices cliniques vortex ?





Merci!



Arnaud Judge



Thierry Judge



Hang Jung Ling



Nathan Painchaud



Nicolas Duchateau



Pierre-Marc Jodoin













Annexes

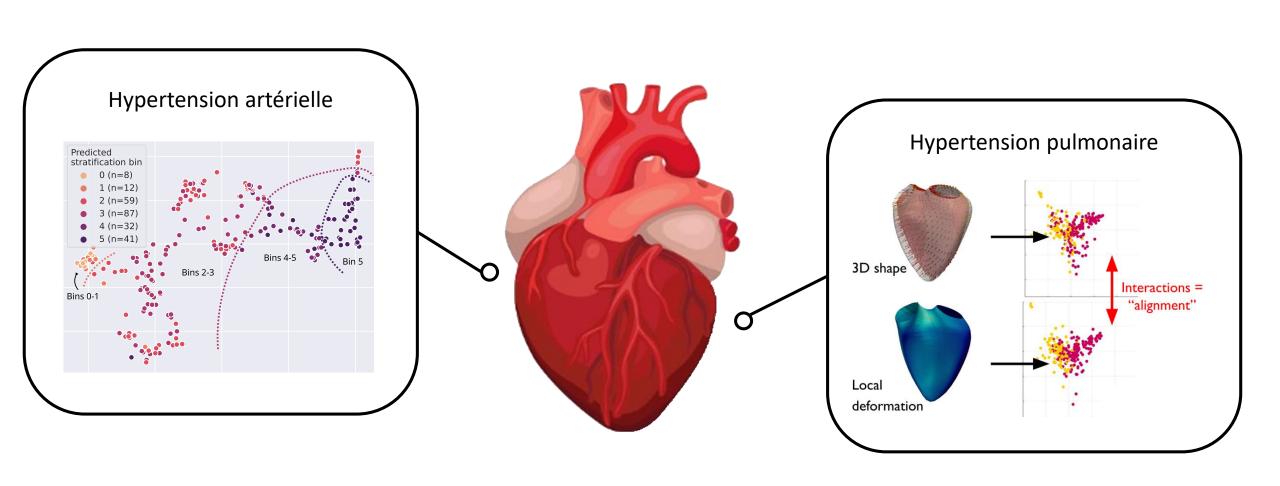
Extraction d'indices cliniques

Comment généraliser à d'autres bases ?

Imagerie cardiaque



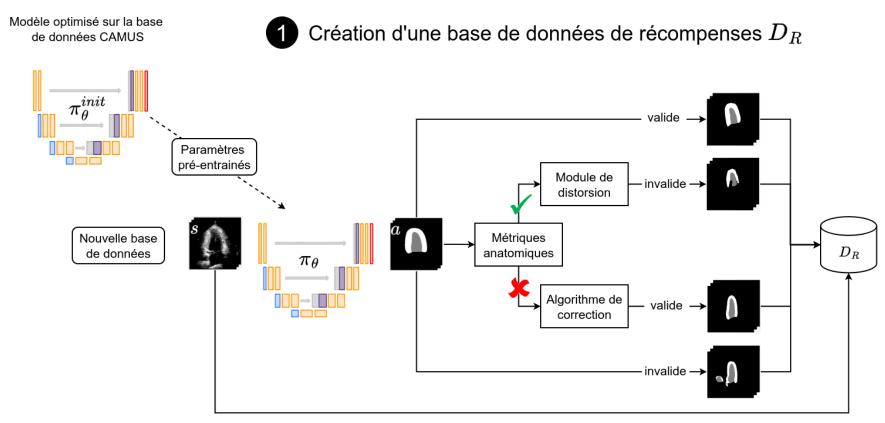
Représentation de populations





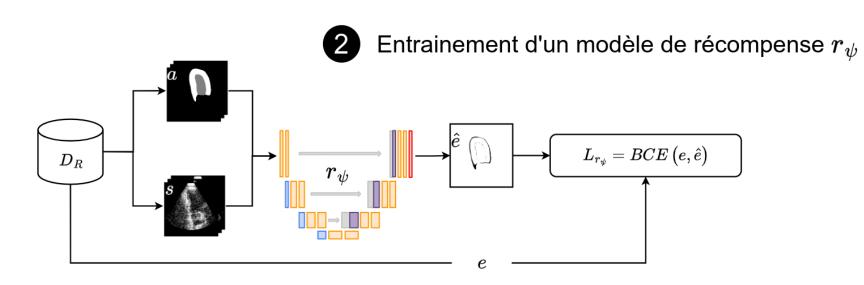
Peut-on obtenir les mêmes résultats sur n'importe quelle base de données ?

✓ Mise à jour du modèle nnU-Net pour s'adapter à une nouvelle base de données

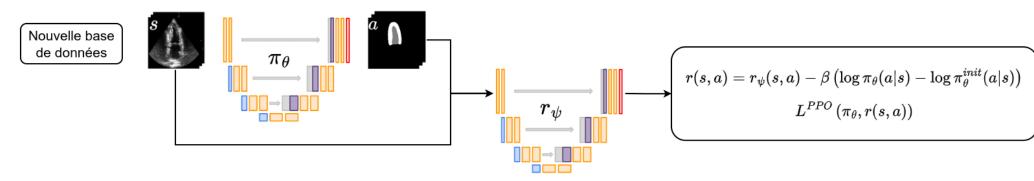


[Judge et al., MICCAI 2024]





 $oldsymbol{3}$ Mise à jour du modèle nnU-Net $\pi_{ heta}$

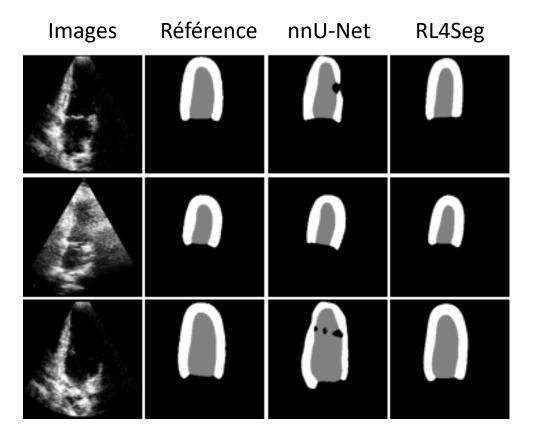


[Judge et al., MICCAI 2024]



Résultats préliminaires

- ✓ Scores obtenus sur une nouvelle base de données de 220 patients
- ✓ Aucune annotation sur la nouvelle base de données



Représentation de populations

Hypertension artérielle



Objectif

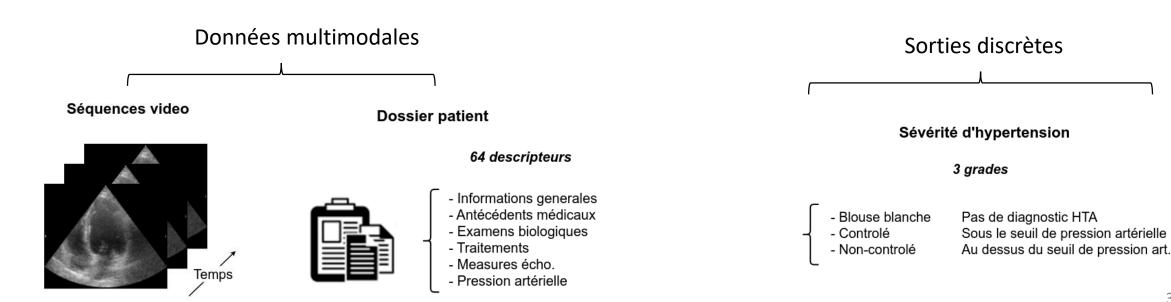
✓ Représentation continue d'une population atteinte d'HTA

Base de données

- √ 239 patients issus d'un même centre hospitalier
- √ 64 descripteurs issus du dossier patient
- ✓ Vue apicale 2 & 4 chambres par patient

Méthode

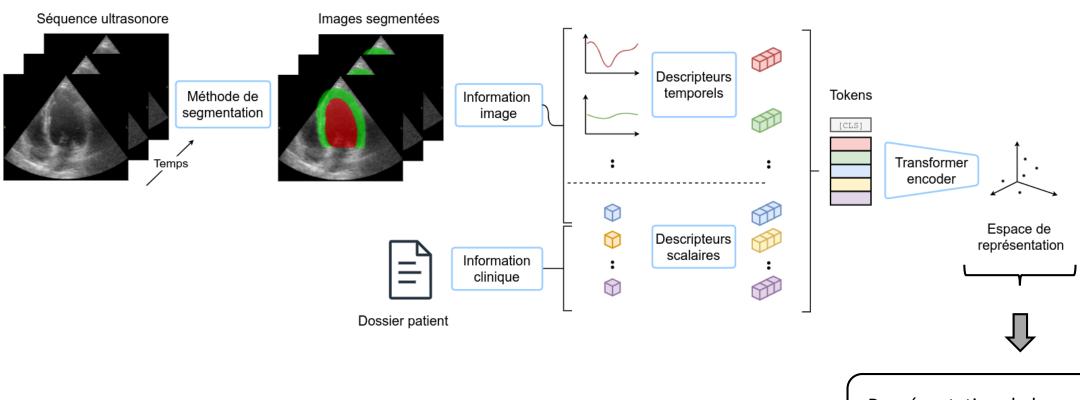
✓ Fusion de données hétérogènes





Méthode

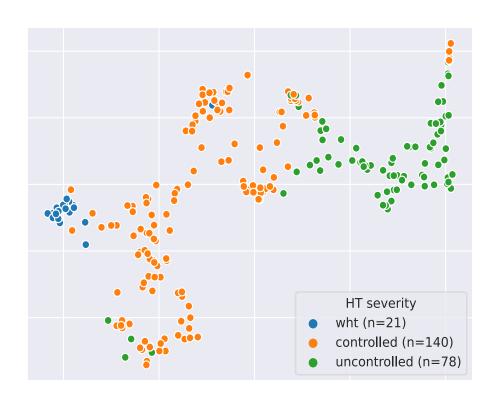
- ✓ Approche par transformer
- ✓ Fusion d'informations multimodales



Représentation de la population dans un espace dédié



Clustering versus representation continue



0.8 0.2

Représentation de la population: coloration selon la sévérité de l'HT

Représentation de la population: coloration selon le score de stratification prédit

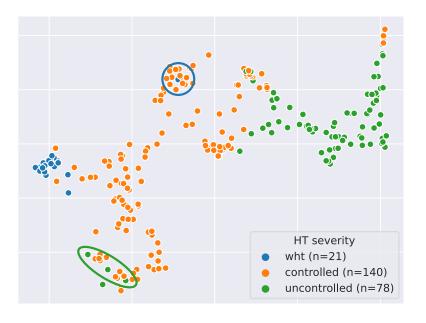


Résultats

- ✓ Classification automatique de la sévérité (problème à 3 classes)
- ✓ Entrainement sur 191 patients, test sur 48 patients
- ✓ Résultats calculés sur 10 entrainements

Transformer	tabular+time-series		
Accuracy (%)	86.3 ± 3.0		

Précision de la classification à partir des 64 descripteurs tabulaires + 14 descripteurs de séries temporelles



Représentation de la population: coloration selon la sévérité de l'HT





Résultats

✓ Intégration efficace de différentes sources d'information

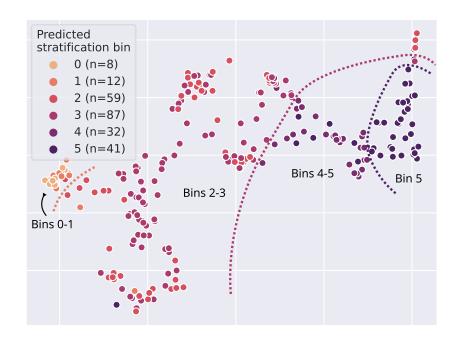
Descripteurs cliniques	Descripteurs	#	Précision	
	temporels	descripteurs	eurs	
Les plus	X	13	71.3 ± 3.8	
discriminants	_/	27	74.4 ± 3.8	
Tous	Х	64	83.5 ± 4.8	
	✓	78	83.3 ± 2.8	
Sans les	X	30	80.6 ± 4.2	
mesures écho.	✓	44	86.3 \pm 3.0	

Entraînement sur 191 patients, test sur 48 patients, valeurs moyennées à partir de 10 expériences différentes



Résultats

✓ La représentation continue permet une étude plus détaillée des phénogroupes

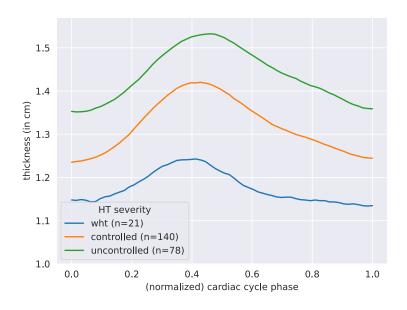


Discrétisation de la représentation continue en fonction de six intervalles

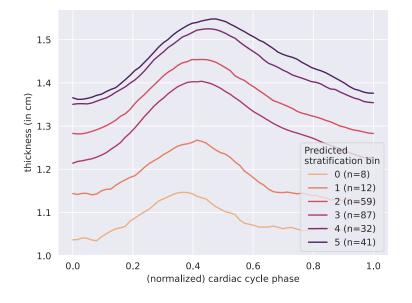


Résultats

- ✓ Etude des motifs pour les séries temporelles
- ✓ Epaisseur de la paroi basale / septale
 - → Myocarde plus épais chez les patients HT
 - → Déplacement du pic d'épaisseur



Groupes de patients en fonction du score de gravité fourni par un cardiologue

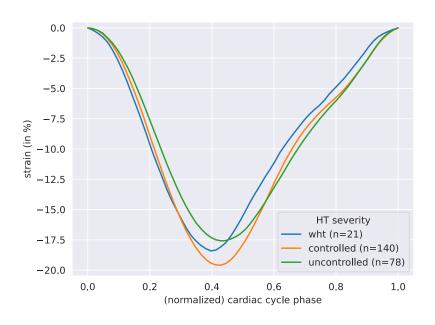


Groupes de patients selon les catégories de stratification

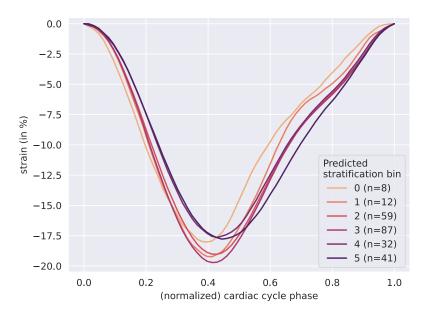


Résultats

- ✓ Etude des motifs pour les séries temporelles
- ✓ Déformation longitudinale globale (GLS)
 - → Diminution du pic GLS
 - → Relaxation post-systolique altérée







Groupes de patients selon les catégories de stratification

En résumé





Méthodes d'IA dans l'analyse d'images cardiaques

Acquisition

Quantification des images

Représentation de la population

Imagerie cardiaque ultrarapide

Réseaux de neurones (RN) Simulations réalistes Segmentation
Mouvement sang / tissus
Modélisation d'incertitude
Adaptation de domaine

RN convolutionnels
Auto-encoder variationel
PINNs
Réseaux de diffusion

Fusion multimodale Intégration de données hétérogènes

Transformers

Classification de l'étiologie Caractérisation de l'hypertension

Estimation robuste de biomarqueurs existants / nouveaux