



# מעבדה בבינה מלאכותית 1.ב. 203.3630 <u>סמסטר ב' – שנה"ל תשפ"ה</u>

<u>מרצה</u>: שי בושינסקי

:2 ניסוי מספר

## **Evolution Control**

:מועד הגשה אחרון

יום ו', 9 במאי 2025 - ההגשה באי-מייל ל- shay@cs.haifa.ac.il

מרכיב הציון:

התרגיל הינו חובה

תנאי ההגשה:

העבודה וההגשה בזוגות (ניתן כמובן להגיש ביחידים)

:המשימה

חלק א': שיכלול המנוע הגנטי

המשימה שלכם במעבדה היא להרחיב ולשכלל את המנוע ולחקור את ביצועי האלגוריתם מבחינת:

- א. שלמות מציאת פתרון כלשהו
- ב. אופטימליות מציאת הפתרון האופטימלי
  - ג. מהירות התכנסות
  - ד. מהירות זמן הריצה (תלוי חומרה ותוכנה)

על-בסיס החומר שנלמד במעבדה 2 (הרצאות 3 ו4)





- 1. ממשו באמצעות המנוע הגנטי שפתחתם פתרון לבעיה הבאה (TSP) המבוססת על וריאציה של בעיית הסוכן הנוסע (DTSP) אך מוסיפה מגבלות והופכת את האתגר למורכב ועשיר יותר גנטית. בחרו את הקונפיגורציה המיטבית שהשגתם לצורך זאת.
- עם CSV עם באמצעות קבצי .I אורדינטות מיקום Y-X
- וו. המטרה: למצוא שני מסלולים זרים Hamiltonian (כל מסלול עובר בכל הערים בדיוק פעם אחת וחוזר לנקודת ההתחלה), כך שיתקיימו התנאים הבאים:

אין חפיפה בין המסלולים ברמת הקשתות קרי: אין חפיפה בין המסלולים ברמת אם מסלול א' מכיל את הקשת  $A{
ightarrow}B$  וגם לא את  $A{
ightarrow}B$  ב' לא יכול להכיל קשת

.III. ניקוד המשימה: הוא אורך המסלול הארוך מבין השניים.
יש למזער ערך זה!

מומלץ להשתמש בגנום ובאופרטורים של תמורות.

### וו. תיאור הקלט: IV

- ים אוסף של בעיות TSP נתון אוסף של בעיות.i פתרונות לטובת פתוח מיטבי.
- ii. מתוך האוסף עליכם לפתור עבור ארבעת הבעיות הבאות:

Eli51

St70

**pr76** 

kroa100





- לצורך שיפור איכות הפתרון והתכנסות מהירה ממשו והשוו את האלגוריתמים הבאים שנלמדו ושליטה בפיטנס ובמוטציות. השוו
   Bin Packing בין הביצועים של האלגוריתמים הללו על בעיות ה
   :DTSP:
  - a. בין מדיניות לא-לינארית לשליטה בקצב המוטציות a triggered hypermutation לבין מדיניות
  - b. בין מוטציות אינדיבידואליות אדפטיביות מבוססות b (relative) פיטנס יחסי
- c בין פיטנס אינדבידואלי כש g(x,t) מבוססת חדשנות (age) מול פונקצית פיטנס המבוססת גיל (novelty) סכמו את ממצאיכם מההרחבות הנ"ל ציינו על אילו מדדים באלגוריתם התבססתם לצורך מסקנותיכם
- 3. לכל אחת משתי הבעיות: Bin Packing וTSP פתחו פונקציה מודדת את מידת הדימיון או המרחק בין שני גנים.
- השוו ביצועי אלגוריתמים הבאים על הבעיות הנ"ל:
  אלגוריתם מחיצות (niching) עם פרמטר רדיוס-פיטנס אל
  מול אלגוריתם פיצול זנים (Threshold Speciation) במספר
  זנים משתנה. הקפידו לבדוק רגישות הביצועים לפרמטרי
  האלגוריתמים.
- 5. השוו את הביצועים של הקונפיגורציה הטובה ביותר של הגרסה המקורית של המנוע ממעבדה 1 אל מול הקונפיגורציה המיטבית במעבדה זו, על שתי הבעיות הנ"ל.





#### למידה אבולוציונית

### סקרנו בהרצאה את "אפקט בולדווין"

6. שחזרו את הניסוי של הינטון ונולאן להוכחה מלאכותית של אפקט בולדווין באבולוציה: הסימביוטיקה בין למידה ואבולוציה.

הגרילו יצור מטרה בן 20 מקומות מעל אלפאבית {0,1,?}. הגרילו אוכלוסיה התחלתית של 1000 יצורים עם תבניות אקראיות כך ש-50% ממנו אקראי "?" 25% לא נכון ו25% נכון. הפעילו אלגוריתם "ממטי" בו לכל יצור חיפוש לוקאלי אקראי בן 1000 ניסיונות ניחוש כמתואר בנסוי ואח"כ מתנהלת אבולוציה.

- א. יש להדפיס גרף של ממוצע אחוז אי ההתאמות correct אחוז ההתאמות, incorrect positions positions
- ב. קבעו האם ועל סמך מה נצפה האפקט בסימולציה שלכם?

#### :ההגשה

#### יש להגיש דו"ח מסודר הכולל:

- א. תוכנת מקור SOURCE מימוש הנ"ל בשפת תכנות לבחירתכם (מתועדת ברמת פירוט נמוכה)
  - ב. תוכנות ריצה מתאימות EXE
- ג. מסמך המסכם את תוצאות הניסוי וניתוח רגישות לתוצאות יש להתייחס לאילו מהאלגוריתמים והפרמטרים הביאו לתוצאות הטובות ביותר בסיכומו של דבר האלג' הגנטיים, האלג' הממטיים ו/או שיטות היברידיות (שילובים), ולכל אספקט מעניין שתמצאו לנכון.