



Méthodes et outils pour le développement d'ontologies biomédicales

Atelier développement ontologique

École d'été Interdisciplinaire en

Numérique de la Santé

11 juillet 2023 – Paul Fabry

Objectifs

- Utiliser les principaux outils
 - Protégé, ROBOT

- Prendre connaissances des ressources et des outils disponibles
 - Ontobee, OLS, Bioportal
 - OBO academy





Situation

- À l'aide de l'ontologie jointe, vous allez intégrer des données concernant des patients diabétiques
- Ces données incluent:
 - Un identifiant
 - Un résultat de test de laboratoire : hémoglobine glyquée (HbA1c)
- Les résultats anormaux (HbA1c > 7 %) devront être associés à la classe appropriée





1 - Visualiser l'ontologie

Ouvrir Protégé

Ouvrir l'ontologie: EINS2023_Base.owl

Interface





2 – Vérifier l'ontologie

• La classe diabète existe déjà, mais peut-on l'utiliser ?

• Si non, pourquoi?

• Nous n'avons rien pour l'hémoglobine glyquée





3 – Trouver/importer des classes

• Une classe pertinente existe surement déjà quelque part

- Il faut en trouver une:
 - Lien: https://bioportal.bioontology.org/
 - Lien: http://obofoundry.org/
 - Lien: https://www.ebi.ac.uk/ols4
 - Lien: https://ontobee.org/
- Et l'extraire





3 – Trouver/importer des classes

- Utilisation de ROBOT
 - Lien: http://robot.obolibrary.org/
 - Extract
 - MIREOT
 - SMLE





3 – Trouver/importer des classes

- Retour à Protégé
 - Importer le module extrait précédemment

- Il nous faut 2 classes:
 - Une relative à la concentration sanguine de HbA1c
 - Doit avoir une relation avec un Homo sapiens
 - Une relative à une concentration sanguine élevée de HbA1c





4 – Ajouter données et instances

- Créer une nouvelle data property
 - Label: « has value in % »
 - Range: xsd:decimal
 - Domain: ?
- Rajouter l'axiome de donnée
 - Has value in % some xsd:decimal
- Ajouter des instances de valeur HbA1c





5 – Classement automatique et importation d'instances

- Rajouter axiome d'équivalence pour la classe relative à une HbA1c élevée
 - « Concentration HbA1c » AND ('has value in %' some xsd:decimal[> 7])

Importer le fichier





Commandes ROBOT

- robot extract -i source.owl --method BOT --term HP:0040217
 -o hba1ctest_smle.owl
- robot extract -i source.owl --method mireot --lower-term HP:0040217 --upper-term BFO:0000019 -o hba1ctest_mireot.owl
- robot template --merge-before --prefix "eins: http://purl.obolibrary.org/obo/EINS_900" -i EINS2023_Final.owl --template HbA1c-results.csv -o EINS2023_Final.owl



