

## Principe de l'application App\_Verification\_Germplasm

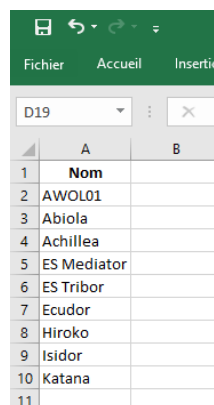
### Notice d'utilisation

#### Annexe : Notice de création de l'application (.exe) à partir du fichier .py

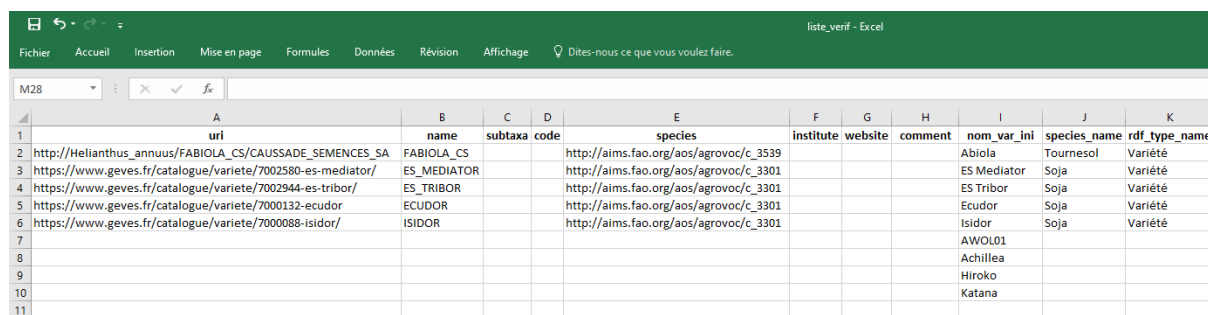
### Principe de l'application App\_Verification\_Germplasm

À partir d'une liste de variétés contenue dans la première colonne d'un fichier Excel (Figure 1), l'outil génère en sortie un fichier CSV respectant le format pour importer des variétés dans PHIS (Figure 2).

Figure 1 : Exemple d'une liste de variétés utilisable en entrée de l'outil



	A	B
1	Nom	
2	AWOL01	
3	Abiola	
4	Achillea	
5	ES Mediator	
6	ES Tribor	
7	Ecudor	
8	Hiroko	
9	Isidor	
10	Katana	
11		



	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K
	uri	name	subtaxa	code	species	institute	website	comment	nom_var_ini	species_name	rdf_type_name
1	http://Helianthus_annuus/FABIOLA_CS/CAUSSADE_SEMENCES_SA	FABIOLA_CS			http://aims.fao.org/aos/agrovoc/c_3539				Abiola	Tournesol	Variété
2	https://www.geves.fr/catalogue/variete/7002580-es-mediator/	ES_MEDIATOR			http://aims.fao.org/aos/agrovoc/c_3301				ES Mediator	Soja	Variété
3	https://www.geves.fr/catalogue/variete/7002944-es-tribor/	ES_TRIBOR			http://aims.fao.org/aos/agrovoc/c_3301				ES Tribor	Soja	Variété
4	https://www.geves.fr/catalogue/variete/7000132-ecudor	ECUDOR			http://aims.fao.org/aos/agrovoc/c_3301				Ecudor	Soja	Variété
5	https://www.geves.fr/catalogue/variete/7000088-isidor/	ISIDOR			http://aims.fao.org/aos/agrovoc/c_3301				Isidor	Soja	Variété
6									AWOL01		
7									Achillea		
8									Hiroko		
9									Katana		
10											
11											

Figure 2 : Exemple de fichier CSV obtenu en sortie de l'outil ouvert dans Excel

Ce fichier (Figure 2) est prérempli avec les informations des variétés déjà déclarées dans PHIS. Cela permet à l'utilisateur de vérifier si la correspondance est exacte pour les variétés trouvées et de remplir directement le fichier pour les variétés non déjà déclarées. Une fois ce fichier complété avec les informations manquantes, il peut être utilisé tel quel pour l'import des nouvelles variétés dans PHIS.

Une autre utilité de ce fichier est qu'il va pouvoir servir de fichier de correspondance entre le nom des variétés tel qu'il est dans la liste variétale fournie en entrée (champ *nom\_var\_ini* sur la Figure 2), le nom tel qu'il est déclaré dans PHIS (champ *name*) et leur URI dans PHIS (champ *uri*).

Cet outil utilise la fonction de recherche de germplasm par le nom (*name*) de PHIS qui est actuellement peu performante (correspondance exacte seulement). C'est pourquoi des fonctionnalités supplémentaires ont été ajoutées dans l'application pour améliorer la recherche :

- > détection des germplasms avec des « \_ » dans leur nom PHIS à partir d'un nom avec espace dans la liste fournie en entrée.
- > détection des germplasms avec des espaces dans leur nom PHIS à partir d'un nom avec des « \_ » à la place des espaces dans la liste fournie en entrée.

> détection des germplasms sans accent dans leur nom PHIS à partir d'un nom avec des accents dans la liste fournie en entrée.

## Notice d'utilisation

### Étape 1 : Construire le fichier Excel avec la liste variétale mise en forme

Construire un fichier Excel avec :

- > Des en-têtes pour chaque colonne
- > la liste des variétés dans la première colonne

The main spreadsheet shows a list of plant varieties with columns for variety name, status, and treatment. The data is organized into a table with the following structure:

N° Variété	Nom	Statut	N° Traitement
1036913	SY Rialto	T	1
1038643	LG50525	T	2
1038684	MAS 86OL	T	3
1040701	SY Mariner	T	4
1042609	ES Veronika	T	5
1042617	MAS 98K	T	6
1015258	NK Kondi	C	7
1036936	MAS 89M	C	8
1044444	SY Octavio	C	9
1044448	SY Genio	C	10
1046438	ES Panama	C	11
1051081	RA 1033536	2	12
1051101	XF 20481	2	13
1051135	NX 12301	2	14
1052515	RA8125657	1	15
1052524	NX12200	1	16
1052546	MGT108212	1	17
1052554	70428005-01	1	18

The inset shows a detailed view of the data, with columns for variety name and variety number. The data is organized into a table with the following structure:

Nom	N° Variété
SY Rialto	1036913
LG50525	1038643
MAS 86OL	1038684
SY Mariner	1040701
ES Veronika	1042609
MAS 98K	1042617
NK Kondi	1015258
MAS 89M	1036936
SY Octavio	1044444
SY Genio	1044448
ES Panama	1046438
RA 1033536	1051081
XF 20481	1051101
NX 12301	1051135
RA8125657	1052515
NX12200	1052524
MGT108212	1052546
70428005-01	1052554

### Étape 2 : Utilisation de l'application App\_Verification\_Germplasm

Après avoir exécuter l'application :

1> Configurer le client PHIS (lors de la première utilisation) :  
Cliquer sur *Configurer Client PHIS*

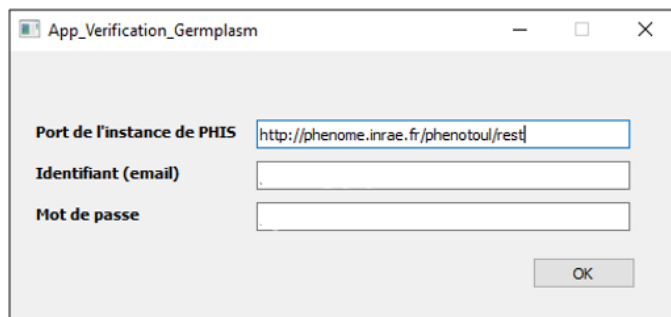
> Remplir :

Port de l'instance : le port de votre instance

Identifiant : votre email de connexion à PHIS

Mot de passe : votre mot de passe de connexion à PHIS

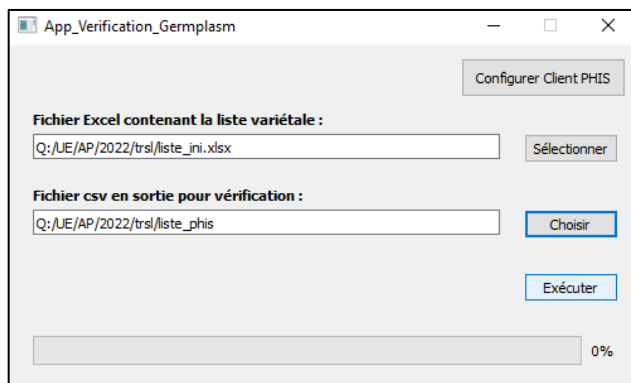
> OK



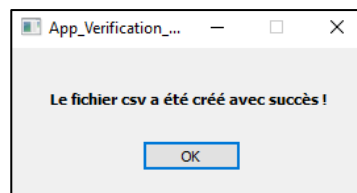
2> Sur l'interface principale de l'application :

> Sélectionner le fichier contenant la liste variétale

> Sélectionner l'emplacement et le nom du fichier CSV en sortie  
(pas besoin de préciser .csv)

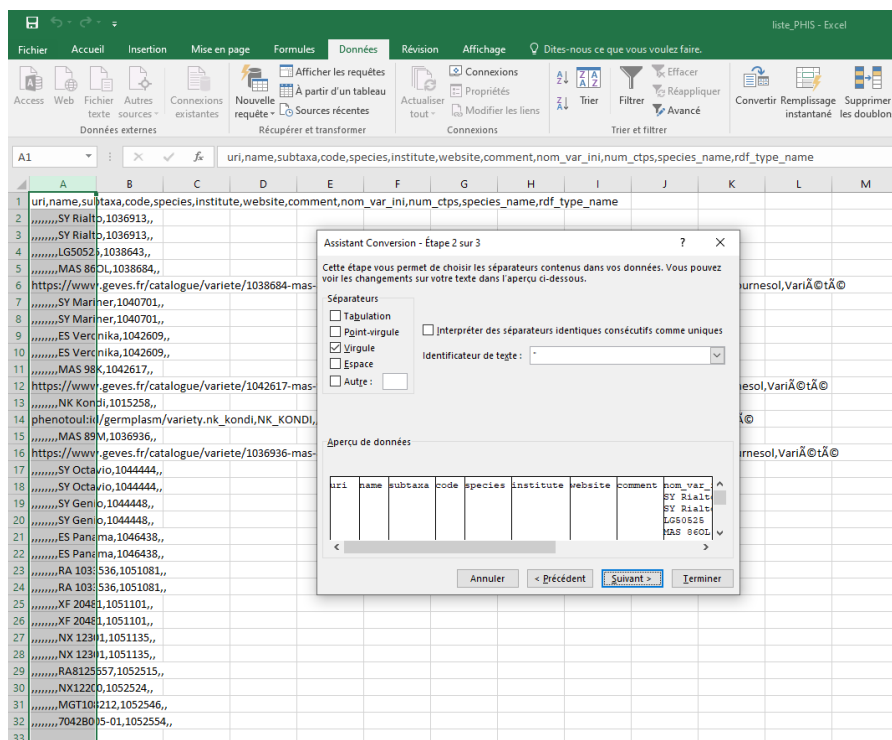


> Exécuter (Attendre l'affichage du message confirmant la création du fichier)



### Étape 3 : Vérifier et compléter le contenu du fichier CSV généré

Ouvrir avec Excel le fichier obtenu précédemment avec l'outil App\_Verification\_Germplasm > Sélectionner la première colonne > onglet Données > Convertir > Assistant Conversion : cocher 'Délimité' > Suivant > cocher 'Virgule' (voir ci-dessous)



On obtient le CSV ouvert dans une feuille Excel avec les colonnes délimitées (voir ci-dessous).

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M
	uri	name	subtaxa	code	species	institute	website	comment	nom_var_ini	num_ctps	species_name	rdf_type_name	
1									SY Rialto	1036913			
2									LG50525	1038643			
3	https://www.geves.fr/catalogue/variete/1038684-mas-86ol/	MAS_86OL			http://aims.fao.org/aos/agrovoc/c_3539				MAS 86OL	1038684	Tournesol	VariÃ©tÃ©	
4									SY Mariner	1040701			
5									ES Veronika	1042609			
6	https://www.geves.fr/catalogue/variete/1042617-mas-98k/	MAS_98K			http://aims.fao.org/aos/agrovoc/c_3539				MAS 98K	1042617	Tournesol	VariÃ©tÃ©	
7	phenotoul.id/germplasm/variety.nk_kondi	NK_KONDI			http://aims.fao.org/aos/agrovoc/c_3539				NK Kondi	1015258	Tournesol	VariÃ©tÃ©	
8	https://www.geves.fr/catalogue/variete/1036936-mas-89m/	MAS_89M			http://aims.fao.org/aos/agrovoc/c_3539				MAS 89M	1036936	Tournesol	VariÃ©tÃ©	
9									SY Octavio	1044444			
10									SY Genio	1044448			
11									ES Panama	1046438			
12									RA 1033536	1051081			
13									XF 20481	1051101			
14									NK 12301	1051135			
15									RAB125657	1052515			
16									NX12200	1052524			
17									MGT108212	1052546			
18									70428005-01	1052554			
19													
20													

Si le nom d'une variété est trouvé dans PHIS les champs uri, name, species, species\_name et rdt\_type\_name sont déjà remplis.

Pour chaque variété trouvée (ligne remplie) :

> Vérifier si elle correspond bien à celle qu'on souhaite déclarer.

> Si elle ne correspond pas : Supprimer les informations de tous les champs sauf de nom\_var\_ini (et de(s) colonne(s) supplémentaire(s) si renseignée(s)).

Si on obtient plusieurs lignes pour une même variété :

> Ne garder que celle qui correspond à celle qu'on souhaite déclarer.

> Si aucune ne correspond : En garder seulement une et y supprimer les informations de tous les champs sauf de nom\_var\_ini (et de(s) colonne(s) supplémentaire(s) si renseignée(s)).

> Si plusieurs peuvent correspondre : En garder seulement une et signaler à un administrateur de votre instance le doublon à supprimer.

Après cette étape, vérifier que le nombre de lignes correspond à celui de la liste initiale.  
Il faut une seule ligne par variété.

Pour les variétés non trouvées :

> Remplir les champs uri, name et species

Le fichier CSV peut finalement servir à déclarer les nouvelles variétés.

### **Annexe : Notice de création de l'application (.exe) à partir du fichier .py**

#### **# Création de l'environnement virtuel :**

##### **# Aller dans le dossier contenant le ".py"**

```
C:\Users\pfaucher>cd Desktop\App_Verif_Germplasm_2
```

##### **# Créer l'environnement virtuel dans le dossier**

```
C:\Users\pfaucher\Desktop\App_Verif_Germplasm_2>virtualenv venv
```

##### **# Activer l'environnement**

```
C:\Users\pfaucher\Desktop\App_Verif_Germplasm_2>venv\Scripts\activate.bat
```

##### **# Installer les packages nécessaires pour faire fonctionner le script ".py" avec la commande pip install**

```
(venv) C:\Users\pfaucher\Desktop\App_Verif_Germplasm_2>pip install PyQt5
```

```
(venv) C:\Users\pfaucher\Desktop\App_Verif_Germplasm_2>pip install pandas
```

```
(venv) C:\Users\pfaucher\Desktop\App_Verif_Germplasm_2>pip install  
git+https://github.com/OpenSILEX/opensilexClientToolsPython.git@1.0.0-rc+1
```

```
(venv) C:\Users\pfaucher\Desktop\App_Verif_Germplasm_2>pip install openpyxl
```

#### **# Création de l'exécutable :**

##### **# installation package pyinstaller**

```
(venv) C:\Users\pfaucher\Desktop\App_Verif_Germplasm_2>pip install pyinstaller
```

##### **# création de l'exécutable avec une commande pour utiliser pyinstaller (cette commande permet d'afficher que l'interface graphique de l'application lorsqu'on lance le ".exe")**

```
(venv) C:\Users\pfaucher\Desktop\App_Verif_Germplasm_2>pyinstaller -w App_Verification_Germplasm.py
```

##### **# Le '.exe' se trouve dans le dossier contenu dans le nouveau dossier 'dist'**

##### **# On peut supprimer le '.spec' et le dossier 'build'**

##### **# Il faut mettre les fichiers '.ui' dans le même dossier que le '.exe'**

##### **# Pour accéder plus facilement au '.exe' on peut créer un raccourci**