Outils d'Analyse d'une Base de Règles

Remerciements

Nous tenons à remercier Marie-Laure Mugnier ainsi que Michel Leclere et Michaël Thomazo pour leur encadrement tout au long de ce projet. De plus, merci par avance aux examinateurs de la soutenance pour leur attention. Enfin, merci également à Mountaz Hascoët pour l'organisation de l'ensemble des TER.

Table des matières

1	Contexte				
	1.1	Introduction	2		
	1.2	Problématique	3		
2	2 Notions de base				
	2.1	Prédicat	4		
	2.2	Atome	4		
	2.3	Conjonction d'atomes	4		
	2.4	Représentation graphique d'une conjonction d'atomes	5		
	2.5	Règle	5		
	2.6	Représentation graphique d'une règle	5		
	2.7	Règle à conclusion atomique	6		
	2.8	Base de connaissance	7		
	2.9	Chaînage avant	8		
	2.10	Chaînage arrière	8		
3	Gra	phe de dépendances des règles	9		
	3.1	Définition	9		
	3.2	Unification de règles	9		

4	Cla	sses de règles	15
	4.1	Classes abstraites	15
	4.2	Classes concrètes	16
	4.3	Schéma d'inclusion des classes de règles	18
	4.4	Combinaisons	19
5 Implémentation			21
	5.1	Outils utilisés	21
	5.2	Structures de donnée	21
	5.3	Analyseur	22
	5.4	Détermination d'une classe concrète	22
	5.5	Combinaison des classes abstraites	22
	5.6	Formats de fichiers	23
6	Per	spectives	24

Chapitre 1

Contexte

1.1 Introduction

A l'heure actuelle, les bases de connaissance sont de plus en plus répandues, et ce dans un grand nombre de domaines. En effet pouvoir représenter les informations et obtenir des réponses à des requêtes sur celles-ci est primordial. Si nous considérons une base de données classique, les seules réponses envisageables sont celle contenues directement dans ces données. Ainsi une requête consiste à vérifier la présence de certaines propriétés sur celles-ci.

Mais pouvoir déduire des informations supplémentaires à partir des initiales est très important, et donc pour cela les bases de connaissance définissent une *ontologie* autour des données. Cette dernière met en place un ensemble de règles qui peuvent être plus ou moins complexes.

Pendant longtemps, seules des règles simples étaient prises en compte. Mais le développement du Web-sémantique et le besoin d'effectuer des requêtes toujours plus complexes ont amené à ajouter aux règles la possibilité de créer de nouveaux individus. Ainsi, bien qu'il est soit possible d'obtenir une réponse d'une base de connaissance simple (par exemple au format Datalog) à coup sûr, si nous ajoutons ces règles particulières (par exemple au format Datalog+/-) alors il peut arriver qu'aucune réponse ne soit donnée en temps fini. Nous disons donc que le problème de réponse à une requête dans une base de connaissance est de manière général indécidable.

Prenons l'exemple d'une règle disant que "si un individu est un homme, alors il existe un autre individu qui est un homme et le père du premier", et une donnée "Tom est un homme". Il est évident que si nous souhaitons déduire toutes les informations possibles à partir de cette base, il se posera vite un problème. En effet, Tom est un homme, donc il existe un autre homme x1 qui est le père de Tom. Et donc il existe encore un autre homme x2 qui a également un père x3, etc...

Il est donc nécessaire de pouvoir déterminer des classes de règles (les plus générales possibles), permettant de s'assurer que les réponses aux requêtes soient données en temps fini.

1.2 Problématique

Malgré le fait que de manière général, il n'existe aucun algorithme permettant de répondre à ce problème, certaines règles peuvent entrer dans des catégories (qui seront nommées classes de règles) qui en ajoutant des contraintes sur la forme des règles s'assurent que le problème soit décidable. Selon quelles contraintes sont satisfaites, il est nécessaire d'appliquer différentes méthodes de réponse sur différents sous-ensembles des règles.

L'objectif de ce TER est donc d'implémenter un outil permettant d'analyser une base de règles afin de construire son graphe de dépendances associés, de déterminer quelles contraintes sont satisfaites, sur quel sous-ensemble, et si la base est décidable d'en déduire quels algorithmes utiliser sur chacun d'eux. De plus, cet outil doit pouvoir charger des bases de règles à partir de fichiers, ainsi que les y écrire, et être suffisamment modulable pour permettre l'ajout de nouvelles vérifications de contrainte.

Chapitre 2

Notions de base

Avant toute chose il est nécessaire de définir un certain nombre de notions et de termes.

2.1 Prédicat

Un prédicat noté $p \setminus n$ est un symbole relationnel d'arité n. Dans la suite, on supposera que tout nom de prédicat est unique et on notera p_i la i^{eme} position de p.

2.2 Atome

Un atome $a = p(a_1, a_2, ..., a_n)$ associe un terme à chaque position d'un prédicat $p \setminus n$. On note :

- $-a_i$ le terme en position i dans a. Un terme peut être une constante ou une variable. Une variable peut être libre ou quantifiée universellement (notée $\forall -var$) ou existentiellement (notée $\exists -var$).
- $-dom(a) = \{a_i : \forall i \in [1, n]\},$ l'ensemble des termes de a
- -var(a) l'ensemble des variables de a
- -cst(a) l'ensemble des constantes de a

2.3 Conjonction d'atomes

Une conjonction de n atomes A est définie telle que : $A = \bigwedge_{i=1}^{n} k_i$ avec $\forall i \in [1, n]$ $a_i = p_i(a_{i1}, a_{i2}, ..., a_{in_i})$ un atome de prédicat $p_i \backslash n_i$.

2.4 Représentation graphique d'une conjonction d'atomes

Une conjonction d'atomes peut être représentée par le graphe non orienté $G_A = (V_A, E_A, \omega)$ avec V_A son ensemble de sommets, E_A , son ensemble d'arêtes et ω une fonction de poids sur les arêtes construits de la manière suivante :

- $-V_A = P_A \cup T_A \text{ avec } P_A = \{i : a_i \in A\} \text{ et } T_A = \{t_j \in dom(A)\}$
- $E_A = \{(i, t_j) : \forall a_i \in A, \forall t_j \in dom(a_i)\}\$
- $-\omega: E_A \to \mathbb{N}$ telle que $\omega(i, t_j) = j: \forall (i, t_j) \in E_A$

Cette représentation a de nombreux avantages, elle permet notamment de parcourir rapidement les atomes liés à un terme (et réciproquement), ainsi que de pouvoir être visualisée agréablement (voir figure 2.1).

FIGURE 2.1 – Représentation de $\forall x, \forall y (salle(x) \land date(y) \land reservee(x, y))$

On remarque que G_A admet une bipartition de ses sommets, en effet toutes les arêtes ont une extrémité dans P_A et l'autre dans T_A , or par construction $P_A \cap T_A = \emptyset$.

2.5 Règle

Une règle R = (H, C) est constituée de deux conjonctions d'atomes H et C représentant respectivement l'hypothèse (le corps) et la conclusion (la tête) de R. Toutes les variables apparaissant dans H sont quantifiées universellement tandis que celles apparaissant uniquement dans C le sont existentiellement. Ainsi une règle est toujours sous la forme $R: \forall x_i(H \to \exists z_i(C))$.

On note:

- $-dom(R) = dom(H) \cup dom(C)$, le domaine de R
- $-var(R) = var(H) \cup var(C)$, les variables de R
- $-cst(R) = cst(H) \cup cst(C)$, les constantes de R
- $-fr(R) = var(H) \cap var(C)$, l'ensemble des variables frontières de R
- $-cutp(R) = fr(R) \cup cst(R)$, l'ensemble des points de coupure de R

2.6 Représentation graphique d'une règle

Tout comme une simple conjonction d'atomes, une règle R=(H,C) peut être représentée par un graphe similaire, en ajoutant une coloration à deux couleurs : une pour les atomes de l'hypothèse, l'autre pour ceux de la conclusion.

Ainsi le graphe associé
$$G_R = (V_R, E_R, \omega, \chi)$$
 est défini comme : $-V_R = P_R \cup T_R$ avec $P_R = \{i : r_i \in R\}$ et $T_R = \{t_j \in dom(R)\}$

```
-E_R = \{(i, t_j) : \forall r_i \in R, \forall t_j \in dom(R_i)\} 
-\omega : E_R \to [1, p] \text{ telle que } \omega(i, t_j) = j : \forall (i, t_j) \in E_R 
-\chi : P_R \to \{1, 2\} \text{ telle que } \chi(r_i) = 1 \text{ si } r_i \in H \text{ et } \chi(r_i) = 2 \text{ si } r_i \in C.
```

Par exemple la règle $R: \forall x \forall y \ (salle(x) \land date(y) \land reservee(x,y) \rightarrow \exists z \ (cours(z) \land aLieu(z,x,y)))$ peut être visualisée de la façon suivante :

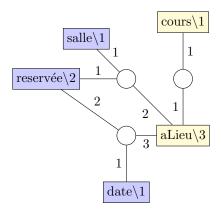


Figure 2.2 – Exemple de représentation d'une règle

Sur la figure suivante (2.3) représentant la même règle, on peut voir les différentes parties de celle-ci, de plus les variables ont été étiquetées pour mieux visualiser les différents termes.

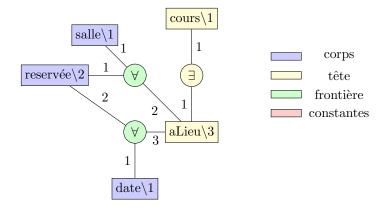


FIGURE 2.3 – Les différents éléments d'une règle

2.7 Règle à conclusion atomique

Une règle à conclusion atomique ajoute une contrainte sur la forme de sa conclusion qui ne doit contenir qu'un seul atome. Ces règles ont l'avantage d'être plus simples à unifier (voir section 3.2), et la plupart des algorithme présentés dans ce rapport sont plus efficaces sur ce type de règle, tandis que d'autres ne fonctionnent uniquement sur celles-ci.

Mais ceci n'est pas un problème puisqu'il est possible de réécrire une règle à conclusion non atomique en un ensemble de règles à conclusions atomiques équivalent.

En effet, quelle que soit une règle R = (H, C), nous pouvons définir un nouveau prédicat p_R d'arité |var(R)| ainsi qu'un nouvel ensemble de règles à conclusions atomiques R^A dont le premier élément aura la même hypothèse que R et une conclusion de prédicat p_R contenant toutes ses variables, et dont les suivants auront pour hypothèse cette nouvelle conclusion, et comme conclusion atomique les atomes de C.

Cet ensemble est donc défini de la manière suivante : $R^A = \{R_i^A = (H_i^A, C_i^A) : \forall i \in [0, |C|]\}$, tels que :

$$R_0^A = \begin{cases} H_0^A = H, \\ C_0^A = p_R(\{x_j \in var(R)\}) \end{cases} \quad \forall \ i \in [1, |C|] \ R_i^A = \begin{cases} H_i^A = C_0^A, \\ C_i^A = c_i \in C \end{cases}$$

Ainsi nous pouvons utiliser l'algorithme 1 afin d'effectuer cette conversion.

```
Algorithm 1 Conversion d'une règle à conclusion non atomique
```

```
Require: R = (H, C): une règle quelconque
```

Ensure: R^A : un ensemble de règles à confusions atomiques équivalent à R

Reprenons l'exemple de la section précédente

```
\begin{array}{l} R: \forall x \forall y \; (salle(x) \land date(y) \land reservee(x,y) \rightarrow \exists z \; (cours(z) \land aLieu(z,x,y))). \\ \text{Si on applique l'algorithme sus-mentionn\'e nous obtenons l'ensemble de règles}: R^A = \{R_0^A: \forall x \forall y \; (salle(x) \land date(y) \land reservee(x,y) \rightarrow \exists z (p_R(x,y,z))); \\ R_1^A: \forall x \forall y \forall z (p_R(x,y,z) \rightarrow cours(z)); \\ R_2^A: \forall x \forall y \forall z (p_R(x,y,z) \rightarrow aLieu(z,x,y))\} \end{array}
```

Toute règle pouvant donc se réécrire de manière équivalente en un ensemble de règles à conclusion atomique, dans la suite nous ne considèrerons que des règles sous cette forme.

2.8 Base de connaissance

Une base de connaissance K = (F, R) est constituée d'un ensemble de faits représenté par une conjonction d'atomes F, ainsi que d'une ontologie représentée par un ensemble de règles R.

Les faits sont souvent considérés comme complètement instanciés, c'est à dire ne contenant que des constantes, mais ici, les règles contenant des variables existentielles peuvent générer de nouveaux individus. Donc nous définissons F comme une conjonction d'atomes existentiellement fermée.

2.9 Chaînage avant

Afin de déterminer si une requête bouléenne Q peut être déduite d'une base de connaissance B=(R,F), le chaînage avant dérive de manière itérative la base de faits F (qui peut être vue comme un fait unique) par l'ensemble de règles R de manière à générer (en cherchant de nouveaux homomorphismes) de nouveaux faits qui devront à leur tour être étudiés. Avant chaque dérivation, l'algorithme vérifie si F^i contient Q auquel cas la réponse est positive, et si $F^i=F^{i-1}$ afin de savoir si la chaîne de dérivation est finie et dans ce cas donner une réponse négative.

2.10 Chaînage arrière

Le chaînage arrière quant à lui consiste à réécrire la requête Q en plusieurs nouvelles requêtes juqu'à ce qu'une de celles-ci soit dans F. Pour cela les conclusions des règles de la base sont unifiées avec des sous-ensembles de Q (voir section 3.2 pour plus de détails).

Chapitre 3

Graphe de dépendances des règles

Le graphe de dépendances de règles est une représentation d'une base de règles très intéressante. En effet il permet de vérifier rapidement quelles règles pourront éventuellement être déclenchées après l'application d'une règle donnée.

De plus il permet de déterminer l'appartenance à certaines classes de règles, et le calcul de ses composantes fortement connexes permet de "découper" la base de manière à effectuer les requêtes de manières différentes selon celles-ci.

3.1 Définition

Le graphe de dépendances des règles associé à une base de règles B_R est défini comme le graphe orienté $GRD = (V_{GRD}, E_{GRD})$ avec :

```
-V_{GRD} = \{R_i \in B_R\},

-E_{GRD} = \{(R_i, R_j) : \exists \text{ un bon unificateur } \mu : \mu(C_i) = \mu(H_j)\}.
```

Intuitivement, on crée un sommet par règle et on relie R_i à R_j si R_i "peut amener à déclencher" R_j (R_j dépend de R_i). La notion d'unificateur est abordée dans la section suivante.

3.2 Unification de règles

Afin de pouvoir construire ce graphe, il faut donc pouvoir déterminer si une règle peut en déclencher une autre, c'est à dire s'il existe un unificateur entre la conclusion de la première et l'hypothèse de la seconde. Tout d'abord, l'unification est définie, s'en suit un algorithme permettant de vérifier si un tel unificateur existe, puis la correction de celui-ci ainsi que ses complexités.

3.2.1 **Définitions**

Substitution

Une substitution de taille n d'un ensemble de symboles X dans un ensemble de symboles Y est une fonction de X vers Y représentée par l'ensemble de couples suivants (avec

 $n \leq |X| : \atop -s = \{(x_i, y_i) : \forall i \in [1, n] \ x_i \in X, \ y_i \in Y, \forall j \neq i \ x_i \neq x_j \}$

 $-s(x_i) = y_i \ \forall i \in [1, n]$

 $-s(x_i) = x_i \ \forall i \in [n+1, |X|] \ x_i \in X$

Unificateur logique

Un unificateur logique entre deux atomes a_1 et a_2 est une substitution μ telle que : $-\mu: var(a_1) \cup var(a_2) \rightarrow dom(a_1) \cup dom(a_2)$

 $-\mu(a_1) = \mu(a_2)$

Cette définition s'étend aux conjonctions d'atomes.

Unificateur de conclusion atomique

Un unificateur de conclusion atomique est un unificateur logique $\mu = \{(x_i, t_i) : \forall i \in$ [1,n] entre l'hypothèse d'une règle $R_1 = (H_1, C_1)$ et la conclusion atomique d'une règle $R_2 = (H_2, C_2)$ et est défini de la manière suivante : $-\mu: fr(R_2) \cup var(H_1) \rightarrow dom(C_2) \cup cst(H_1)$

 $- \forall (x_i, t_i) \in \mu \ si \ x_i \in fr(R_2) \ alors \ t_i \in cutp(R_2) \cup cst(H_1)$

Bonne unification atomique

Un bon unificateur de conclusion atomique est un unificateur de conclusion atomique $\mu = \{x_i, t_i\}$: $\forall i \in [1, n]$ entre un sous ensemble Q de l'hypothèse d'une règle $R_1 =$ (H_1, C_1) et la conclusion d'une règle atomique $R_2 = (H_2, C_2)$ tel que : $\forall (x_i, t_i) \in \mu : si \ x_i \in H_1 \setminus Q \ alors \ t_i \ n'est \ pas \ une \ \exists -var$

Un tel ensemble Q est appelé un bon ensemble d'unification atomique de l'hypothèse de R_1 par la conclusion de R_2 . On note que Q est donc défini comme suit : $-Q \subseteq H_1$

 $- \forall position \ i \ de \ \exists -var \ dans \ C_2, \forall \ atome \ a \in Q, si \ a_i \in var(H_1) \ alors \ \forall \ atome \ b \in Q_i \ a_i \in var(H_2) \ alors \ \forall \ atome \ b \in Q_i \ a_i \in Var(H_2) \ alors \ \forall \ atome \ b \in Q_i \ a_i \in Var(H_2) \ alors \ \forall \ atome \ b \in Q_i \ a_i \in Var(H_2) \ alors \ \forall \ atome \ b \in Q_i \ a_i \in Var(H_2) \ alors \ \forall \ atome \ b \in Q_i \ a_i \in Var(H_2) \ alors \ \forall \ atome \ b \in Q_i \ a_i \in Var(H_2) \ alors \ \forall \ atome \ b \in Q_i \ a_i \in Var(H_2) \ alors \ \forall \ atome \ b \in Q_i \ a_i \in Var(H_2) \ alors \ \forall \ atome \ b \in Q_i \ a_i \cap Q_i \ a_i \in Q_i \ a_i \cap Q_i \ a_i \cap$ $H_1: si \exists b_i \in b: a_i = b_i, alors b \in Q$

Bon ensemble d'unification atomique minimal

Un bon ensemble d'unification atomique minimal Q de H_1 par C_2 enraciné en a est

 $-|Q| = min(|Q_i| : Q_i \text{ est un bon ensemble } d'unification \text{ atomique } de H_1 \text{ par } C_2 \text{ et } a \in C_2 \text{ et } a \in$ Q_i

3.2.2 Algorithmes

Vérifier qu'une règle atomique R_i peut déclencher R_j consiste donc à trouver un bon unificateur atomique entre R_i et R_j . Dans cette section, un algorithme permettant de répondre à ce problème est détaillé.

Dans la suite, les règles sont supposées représentées par des graphes (tels que définis en 2.6) et à conclusion atomique.

Le premier algorithme fait appel aux deux suivants de manière à déterminer si il existe au moins un unificateur entre les deux conjonctions d'atomes. En première phase, il vérifie l'exitence d'unificateurs avec chaque atome de manière indépendante. S'ensuit une extension à partir des atomes préselectionnés, et dès qu'un bon ensemble d'unification est entièrement unifié, l'algorithme s'arrête en répondant avec succès.

Algorithm 2 Unification

```
Require: H_1: conjonction d'atomes, R = (H_2, C_2): règle à conclusion atomique
Ensure: succès si C_2 peut s'unifier avec H_1, i.e. si \exists H \subseteq H_1, \mu \text{ une substitution} : \mu(H_1) = \mu(C_2), échec
    sinon
  1 ⊳ Précoloration
  2 for all sommet atome a \in H_1 do
         if UnificationLocale(a, R) \neq \text{échec then}
               couleurLogique[a] \leftarrow noir
 4
 5
         else
               couleurLogique[a] \leftarrow blanc
 6
  7
         end if
  8 end for
 9 \triangleright Initialisation du tableau contenant les positions des variables existentielles de C_2
 10 E \leftarrow \{i : c_i \ est \ une \ \exists -var \ de \ C_2\}
 11 ⊳ Extension des ensembles
    for all sommet atome a \in H_1: couleurLogique[a] = noir do
13
         if Q \leftarrow Extension(H_1, a, couleurLogique, E) \neq \text{échec then}
               if UnificationLocale(Q,R) \neq \text{\'echec then}
14
                    return succès
15
16
               end if
         end if
         couleurLogique[a] \leftarrow blanc
19 end for
20 return échec
```

Le deuxième algorithme est utilisé pour le calcul des bons ensembles d'unification à partir d'un atome racine. Tant qu'aucune erreur n'est détectée il *avale* les atomes voisins aux termes en positions existentielles. Les positions existentielles sont les indices des variables existentielles dans l'atome de conclusion.

Algorithm 3 Extension

Require: H_1 : conjonction d'atomes, $a \in H_1$: sommet atome racine, couleurLogique: tableau de taille égal au nombre d'atomes dans H_1 tel que couleurLogique[a] = noir ssi UnificationLocale(a, R) =succès, E: ensemble des positions des variables existentielles

Ensure: Q: bon ensemble d'unification minimal des atomes de H_1 construit à partir de a s'il existe, échec sinon.

```
_{1}\,\triangleright Initialisation du parcours
 2 for all sommet atome a \in H_1 do
         if couleurLogique[a] = noir then
              for all sommet\ terme\ t\ \in voisins(a) do
 4
                    couleur[t] = blanc
 5
 6
              end for
 7
              couleur[a] = blanc
 8
         end if
 9 end for
10 couleur[a] \leftarrow noir
11 Q \leftarrow \{a\} \triangleright conjonction d'atomes à traiter
12 attente \leftarrow \{a\} \triangleright file d'attente du parcours
   while attente \neq \emptyset do
         u \leftarrow haut(attente)
         if u est un atome then
15
              for all i \in E do
16
                    v \leftarrow voisin(u, i)
17
                    if v est une constante then
18
                         return échec
19
20
                    else if couleur[v] = blanc then
                         \triangleright v est une \forall – var non marquée par le parcours
21
22
                         couleur[v] \leftarrow noir
                         attente \leftarrow attente \cup \{v\}
23
24
                    end if
              end for
25
26
         else
27
              ▷ u est un terme
              for all v \in voisins(u) do
28
                    if couleurLogique[v] = blanc then
29
                         return échec
30
                    else
31
                         if couleur[v] = blanc then
32
                               couleur[v] \leftarrow noir
33
                               attente \leftarrow attente \cup \{v\}
34
                               Q \leftarrow Q \cup \{v\}
35
36
                         end if
                    end if
37
              end for
38
         end if
40 end while
                   ▶ Fin du parcours
41 return Q
```

Remarque:

La phase d'initialisation du parcours pourrait simplement parcourir tous les sommets de H_1 et mettre leur couleur à blanc. En pratique, cette solution serait sans doute plus efficace, mais dépendrait donc du nombre de sommets total dans H_1 . Ce qui en théorie amènerait la complexité de cette boucle en $\bigcirc(nombre\ d'atomes\ \times\ arite\ max\ de\ H_1)$. Or ici, la complexité ne dépend pas de cette arité max, mais uniquement de larité du prédicat de la conclusion C_2 .

Le dernier algorithme est celui qui teste réellement si il existe un unificateur entre une conclusion atomique, et un bon ensemble d'unification atomique minimal. Il est appelé une première fois pour tester les atomes de la conjonction séparement, et permettre une préselection des atomes (qui vont servir de racine). Durant la dernière phase (lorsqu'il est appelé sur les ensembles étendus), s'il trouve un unificateur, celui-ci assure que la règle peut amener à déclencher la conjonction.

${\bf Algorithm~4~Unification Locale}$

```
Require: H_1: conjonction d'atomes, R = (H_2, C_2): règle à conclusion atomique
Ensure: succès si C_2 peut s'unifier avec H_1
  1 ⊳ Vérification des prédicats
  2 for all atome \ a \in H_1 do
           if prédicat(a) \neq prédicat(C_2) then
  3
  4
                 return échec
           end if
  5
  6 end for
  7 \ u \leftarrow \emptyset \quad \triangleright \text{ substitution}
  8 for all terme \ t_i \in C_2 do
           \triangleright def : a_i = terme de a en position i
           E \leftarrow \{a_i : \forall \ atome \ a \in H_1\}
10
           if t_i est une constante then
11
                 if \exists v \in E : v \text{ est une constante et } v \neq t_i, \text{ ou } v \text{ est une } \exists -variable \text{ then}
12
                        return échec
13
                 else
14
                        u \leftarrow \{(v, t_i) : v \in E \text{ et } v \neq t_i\}
15
                 end if
16
           else if t_i est une \exists -variable then
17
                 if \exists v \in E : v \text{ est une } \exists -variable \text{ et } v \neq t_i, \text{ ou } v \text{ est une constante then}
18
                        return échec
19
                 else
20
                        u \leftarrow \{(v, t_i) : v \in E \text{ et } v \neq t_i\}
21
                 end if
22
           else
23
                 if \exists v_1, v_2 \in E : v_1 \neq v_2 \text{ et } v_1, v_2 \text{ ne sont pas des } \forall -variables \text{ then}
24
25
                        return échec
26
                 else if \exists c \in E : c \text{ est une constante then}
                        u \leftarrow \{(v,c) : v \in E \cup \{t_i\} \ et \ v \neq c\}
27
                 else
28
                        u \leftarrow \{(v, t_i) : v \in E \ et \ v \neq t_i\}
29
                 end if
30
           end if
31
           H_1 \leftarrow u(H_1)
32
           C_2 \leftarrow u(C_2)
34 end for
35 return succès
```

3.2.3 Correction

3.2.4 Complexites

```
Soit R une règle, et G_R son graphe associé. On note : -k : nombre d'atomes dans R -p : arité maximum des prédicats de R
```

```
et :  -n = k + t : \text{nombre de sommets dans } G_R \\ -m \leq n \times p : \text{nombre d'arêtes dans } G_R \\ -m \leq n \times p : \text{nombre d'arêtes dans } G_R \\ \text{Avec notre représentation nous avons donc les complexités suivantes :} \\ -\text{Parcourir les sommets prédicats : } \bigcirc (k). \\ -\text{Parcourir tous les sommets : } \bigcirc (n). \\ -\text{Accéder au } i^{eme} \text{ voisin d'un sommet : } \bigcirc (1). \\ -n = \text{nombre d'atomes dans } H_1 \\ -p = \text{arité de } C_2 \\ -t = \text{nombre de termes "colorables" dans } H_1 \\ -m = \text{nombre d'arêtes "suivables" dans } H_1 \\ \text{On remarque que dans le pire des cas on a :} \\ -t = n \times p \\ -m = n \times p \\ -m = n \times p
```

Temps

- UnificationLocale (pire des cas) = $\bigcirc(np)$ - Extension (pire des cas) = $\bigcirc(np)$
- Unification (pire des cas) = $\bigcirc(n^2p)$

Extension

On effectue simplement un parcours en largeur à partir d'un sommet donné qui peut éventuellement s'arrêter plus tôt qu'un parcours classique. La complexité en temps dans le pire des cas est donc au plus la même, c'est à dire linéaire au nombre de sommets plus le nombre d'arcs (voir [3] page 517-525). Le graphe représentant la conjonction d'atomes H_1 possèdent $n \times ariteMax(H_1)$ arêtes et $n \times (ariteMax(H_1) + 1)$ sommets. On sait donc que $C_{Extension}^{temps} = \bigcirc (n \times ariteMax(H_1))$.

Deux cas:

i) Découverte d'un sommet atome :

parcours classique =; on récupère tous les voisins blancs parcours extension =; on récupére tous les voisins blancs de couleur logique noire (en effet arrêt immédiat si un voisin de couleur logique noire est découvert.

ii) Découverte d'un sommet variable :

pas de différence

On a donc que l'algo ne suit que les sommets atomes pouvant être unifies localement. C'est à dire (entre autres) que leur prédicat est égal à prédicat (C_2) .

...

Espace

Chapitre 4

Classes de règles

4.1 Classes abstraites

Trois classes abstraites ont été définies, chacune permettant l'usage de certains algorithmes sur l'ensemble de règles considéré. Elles sont dites *abstraites* puisque déterminer si un ensemble de règles appartient à l'une de ces classes est un problème non décidable. En effet ces classes n'imposent aucune contrainte vérifiable. De plus elles sont incomparables entre elles, et non exclusives.

4.1.1 Finite Expansion Set

La première classe est définie comme assurant la finition des algorithmes de chaînage avant. Ainsi tout ensemble de règles appartenant à cette classe peut être utilisé pour les dérivations de ces algorithmes.

4.1.2 Bounded Treewidth Set

La deuxième définit quant à elle les ensembles de règles où la production de nouveaux faits suit la forme d'un arbre de largeur bornée. Cette classe ne permet pas l'utilisation direct d'algorithmes, mais par contre la classe abstraite Greedy Bounded Treewidth qui est une spécialisation de celle-ci, s'assure que le chaînage avant s'exécute en temps fini, et ce via un algorithme glouton permettant de construire la décomposition de l'arbre et en utilisant une condition d'arrêt spécifique (l'algorithme est détaillé en [1]).

4.1.3 Finite Unification Set

Enfin la dernière classe abstraite assure la finition des algorithmes de chaînage arrière utilisant les méthodes en *largeur* qui ne garderait que les faits *le plus généraux* lors de leur génération (voir [4]).

4.2 Classes concrètes

Comme expliqué dans la section précédente, il est impossible de déterminer à coup sûr si un ensemble de règles appartient à l'une de ces classes, par contre de nombreuses classes dites *concrètes* ont été définies. Chacune d'entre elle, en ajoutant des contraintes sur la forme des règles voir sur l'ensemble des règles, permet de s'assurer que celui-ci appartient à certaines des classes abstraites.

4.2.1 Acyclicité du graphe de dépendance des règles

Le seul fait que le graphe de dépendance soit sans circuit suffit à certifier que le chaînage avant et arrière s'exécutent en temps fini, impliquant que si cette contrainte est satisfaite, l'ensemble des règles appartient à FES et à FUS.

4.2.2 Faiblement acyclique

Cette classe est quant à elle un peu particulière puisqu'elle demande la génération d'une autre structure de graphes et qu'elle s'applique directement sur un ensemble de règles et pas uniquement sur chacune des règles indépendamment des autres.

On crée donc un graphe de dépendances des positions dont les sommets sont les positions des prédicats et dont la construction des arcs est la suivante : pour chaque variable x d'une règle R apparaissant dans l'hypothèse en position p_i , si x appartient à la frontière de R alors il existe un arc de p_i vers chacune des positions r_j de la conclusion de R dans laquelle apparaît x, de plus pour chacune des variables existentielles apparaîssant en position q_k il existe un arc spécial de p_i vers q_k .

Si le graphe de dépendances des positions associés à un ensemble de règle ne contient aucun circuit passant par un arc spécial alors il est dit faiblement acyclique et appartient à FES.

Voir [2] pour les détails et les preuves.

4.2.3 Sticky

Un ensemble de règles satisfait cette contrainte si certaines de ses variables (marquées) n'apparaissent pas plusieurs fois dans l'hypothèse d'une de ses règles.

Plus précisemment, on marque tout d'abord les variables en deux étapes :

- premièrement, pour chaque règle R, et pour chacune des variables x de l'hypothèse H de R, si x n'apparait pas dans la conclusion de R alors on marque chaque occurence de x dans H.

– Deuxièmement, pour chaque règle R si une variable marquée apparaît en position p_i alors pour chaque règle R' (incluant R = R'), et pour chaque des variables x apparaîssant en position p_i dans la conclusion de R', on marque chaque occurence de x dans l'hypothèse de R'.

Ensuite si aucune règle ne contient plusieurs occurence d'une variable marquée dans son hypothèse, l'ensemble est dit sticky, et assure la finition des algorithmes basés sur le chaînage arrière, cette classe appartient donc à la classe abstraite FUS (voir [2]).

4.2.4 Faiblement sticky

Cette classe est une généralisation des deux précédentes qui malheureusement n'appartient à aucune des classes abstraites citées dans la section précédente (cf [2]).

Tout comme la vérification de l'appartenance à la classe faiblement acyclique (4.2.2), il est nécessaire de construire le graphe de dépendances des positions. De plus, on dit qu'une position (un sommet de ce graphe) est $s\hat{u}re$ si elle n'apparait dans aucun circuit contenant un arc $sp\acute{e}cial$, et on marque chacune des variables en suivant le même algorithme que pour la classe sticky (4.2.3).

On peut maintenant définir un ensemble de règles faiblement sticky comme ne contenant que des variables sûres ou non marquées.

4.2.5 Guardée

Une règle gardée est définie comme étant une règle dont un atome de son hypothèse (nommé garde) contient toutes les variables de celle-ci. Si toutes les règles de l'ensemble contiennent un garde, alors l'ensemble appartient à GBTS.

4.2.6 Frontière gardée

On dit qu'une règle a une $frontière\ gard\'ee$ si un atome de son hypothèse possède toutes les variables de la frontière. On peut remarquer que cette classe est une généralisation de la précédente. Et dans le cas où toutes les règles de l'ensemble possède cette propriété, celui-ci appartient également à GBTS.

4.2.7 Frontière-1

Cette classe contient les règles dont la frontière est de taille 1, elle est donc une spécialisation des règles à frontière gardée, Ainsi un ensemble de règles satisfaisant cette propriété appartient à GBTS.

4.2.8 Hypothèse atomique

Les règles ne contenant que des hypothèses atomiques s'assurent que la règle est gard'ee (4.2.5), et de plus assurent que les algorithmes basés sur le chaînage arrière se terminent en temps fini. Donc si toutes les règles d'un ensemble sont à hypothèse atomique alors celui-ci est GBTS et FUS.

4.2.9 Domaine restreint

Une règle satisfait cette contrainte si tous les atomes de sa conclusion contiennent soit toutes les variables de l'hypothèse, soit aucune. Dans le cas des règles à conclusion atomique, cela revient à s'assurer que la frontière de chaque règle est soit égale à 0 soit au nombre de variables universelles. Cette contrainte est suffisante pour que l'ensemble de règles appartienne à FUS.

4.2.10 Règle déconnectée

Une règle est dite déconnectée si sa frontière est vide, cette classe est donc une spécialisation des règles à domaine restreint (4.2.9), à frontière gardée (4.2.6) et faiblement acyclique (4.2.2). Ce type de règle n'est pas très utilisé étant donné que seules des constantes sont partagées entre l'hypothèse et la conclusion ce qui limite leur usage, mais elles ont l'avantage d'être à la fois FES, GBTS et FUS puisque qu'une règle déconnectée n'a besoin de s'appliquer qu'une seule fois.

4.2.11 Règles universelles

Les règles ne contenant aucune variable existentielle $(vars(C) \subseteq vars(H))$ forment bien entendu un ensemble décidable. Celles-ci sont à la fois FES et GBTS. On peut également remarquer que toute ensemble de règles universelles est également faiblement acyclique (4.2.2).

4.3 Schéma d'inclusion des classes de règles

Sur la figure 4.1, les flèches représentent la spécialisation tandis que les couleurs l'appartenance aux classes abstraites. De plus, seules les classes cités ci-dessus apparaissent sur celle-ci.

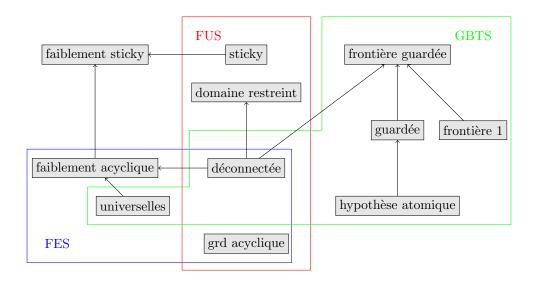


FIGURE 4.1 – Schéma récapitulatif des classes de règles

4.4 Combinaisons

Si l'ensemble des règles appartient à une des classes concrètes, alors il suffit d'appliquer les algorithmes correspondant pour répondre aux requêtes. Toutefois, il est possible que ce ne soit pas le cas, et il faut donc pouvoir *découper* l'ensemble des règles de manière à appliquer des méthodes de réponse différentes en fonction du sous-ensemble.

Dans cette optique nous utilisons les composantes fortement connexes du graphe de dépendances de façon à attribuer des étiquettes différentes à celles-ci en fonction des classes concrètes auxquelles leurs ensembles de règles appartiennent.

Puis une fois chaque sous ensemble étiqueté, il faut encore vérifier que celles-ci sont compatibles entre elles. Pour cela, nous définissons le graphe orienté des composantes fortement connexes associé $G_C = (V_C, E_C)$ tel que son ensemble de sommets est l'ensemble des composantes du graphe, et qu'il existe un arc entre deux composantes C_i et C_j si et seulement s'il existe un arc d'un sommet de C_i vers un sommet de C_j . Par définition des composantes fortement connexes, ce graphe est évidemment sans circuit.

On dit que C_i précède C_j s'il n'existe aucun arc de C_j vers C_i , et on note cette relation $C_i \triangleright C_j$.

De plus, on définit une fonction $etiquette: V_C \to \{FES, GBTS, FUS\}$ qui associe à chaque C_i une étiquette qui déterminera la classe abstraite considérée pour cette composante.

La propriété suivante s'assure que l'ensemble des règles est décidable (voir ??): $\{C_i : etiquette(C_i) = FES\} \triangleright \{C_i : etiquette(C_i) = GBTS\} \triangleright \{C_i : etiquette(C_i) = FUS\}$ C'est à dire qu'aucune règle FES ne doit dépendre d'une règle FUS ou GBTS, et qu'aucune règle GBTS ne doit dépendre d'une règle FUS.

En effet les algorithmes de chaînage arrière par exemple réécrivent la requête jusqu'à ce qu'elle corresponde à la base, tandis que ceux avant ajoutent des faits jusqu'à obtenir

la requête. Il est donc évident que si une composante n'accepte que le chaînage arrière, il ne doit exister aucune règle de celle-ci de laquelle dépende une règle de la composante acceptant uniquement le chaînage avant (si tel était le cas, cette règle ne serait jamais déclenchée).

Chapitre 5

Implémentation

5.1 Outils utilisés

Nous avons mis en place un dépôt git () comme gestionnaire de versions afin de pouvoir modifier et partager le code source sans problème, le langage Java a été choisi pour des raisons de compatibilité avec les futurs utilisateurs de l'analyseur.

5.2 Structures de donnée

Nous utilisons de nombreux graphes différents que ce soit pour stocker des informations ou même pour vérifier les contraintes de certaines classes de règles. Ainsi nous avons mis en place une structure générique, permettant de choisir le type de sommets et d'arcs, ainsi que de coder différemment les ensembles d'arêtes (ou d'arcs) et de sommets de manière différentes selon la situation, tout en fournissant les algorithmes de graphes classiques.

5.2.1 Règle

Nous avons donc choisi d'utiliser la représentation graphique des règles telle que définie dans la section 2.6. Ainsi une structure de graphe biparti non orienté a été mise en place, l'ensemble des arêtes est codé par une liste de voisinage pour chaque sommet. En effet l'opération de parcours des voisins doit être la plus efficace possible, étant donné qu'elle nécessaire pour grand nombre d'algorithmes ainsi pour la création des atomes. Le graphe étant biparti, l'ensemble de sommets est divisé en deux parties permettant des accès rapides à l'une comme à l'autre, mais perdant de l'efficacité sur certaines opérations peu fréquentes telles que la suppression d'un sommet. Les arêtes sont quant à elle typées par un entier, permettant de connaître la position d'un terme dans un atome, les termes devraient être de préférence ajoutés dans l'ordre (et après les prédicats) de manière à faciliter leur parcours (et à optimiser le temps nécessaire à la création de la règle).

Notons tout de même qu'une règle est une spécialisation d'une conjonction d'atomes, et que c'est cette-dernière qui est en charge de la gestion du graphe hormis la séparation entre l'hypothèse et la conclusion.

5.2.2 Graphe de dépendances des règles

Ensuite, le graphe de dépendances des règles est quant à lui un graphe orienté dont les arcs sont également codés par listes de voisinage et ne possèdent pas de poids. Il est évident que les arcs d'un graphe de dépendances ont plus intérêt à être implémentés de cette manière puisque l'objectif de construire un tel graphe est de connaître rapidement de quel sommet dépend quel autre.

5.2.3 Graphe de dépendances des positions

Enfin le graphe de dépendances des positions utilisés pour vérifier l'appartenance à certaines classes de règles (faiblement acyclique (4.2.2) et faiblement sticky (4.2.4)) est aussi un graphe orienté, mais ici la fonction de poids sur les arcs permet de savoir si un arc est spécial ou non. Les sommets représentent les positions des prédicats et sont stockées à la suite. De plus, une table de hachage gère l'accès à la première position d'un prédicat en fonction de son nom, ainsi les opérations d'accès sont aussi légères que possible, et ce type de graphe n'étant conservé en mémoire que le temps de la vérification des contraintes, l'espace supplémentaire utilisé par la table est négligeable.

5.3 Analyseur

Les règles (les données) sont donc stockées directement dans le graphe de dépendances des règles dont une instance est encapsulée dans la classe GRDAnalyser qui représente notre analyseur. De plus celui-ci est en fait constitué de deux parties distinctes supplémentaires : la première est en charge de la détermination des classes concrètes, tandis que la seconde vérifie si la base est décidable et combine les classes abstraites de manière à savoir quels algorithmes utiliser.

5.4 Détermination d'une classe concrète

En section 4.2 nous avons défini de nombreuses classes de règles qu'il faut donc pouvoir déterminer. Pour cela, nous avons déclaré une interface de fonction *DecidableClassCheck* fournissant une méthode renvoyant une étiquette à partir d'un ensemble de règles. L'analyseur de classes concrètes contient une liste des contraintes à tester, et lors de son exécution, il vérifie tout d'abord l'ensemble complet des règles sur chacune de celles-ci, puis ensuite sur chaque composante fortement connexe du graphe de dépendances.

5.5 Combinaison des classes abstraites

Comme expliqué plus en détails dans la section 4.4 il est ensuite nécessaire de vérifier si l'ensemble est bel et bien décidable. L'analyseur de classes abstraites regarde donc tout

d'abord si l'ensemble des règles est étiqueté par une classe concrète, si tel est le cas, une des approches pour répondre à une requête est donc d'exécuter l'algorithme correspondant. Si ce n'est pas le cas, il associe la valeur 1 à l'étiquette FES, 2 à GBTS et 3 à FUS de manière à avoir un ordre sur celles-ci, puis il effectue un parcours en largeur du graphe des composantes fortement connexes à partir de l'ensemble des sources de celui-ci, attribuant à chaque sommet découvert (qu'il soit déjà traité ou non) la plus petite étiquette fournie par ses classes concrètes et supérieure à celle de son prédécesseur ou 0 si ce n'est pas possible. Une fois cette opération effectuée, si tous les sommets sont étiquetés par des valeurs strictement positives, l'ensemble de règles est décidable.

5.6 Formats de fichiers

Le graphe de dépendances des règles est capable de charger une base à partir d'un fichier, celui-ci devant être écrit dans un format spécifique : chaque ligne doit être une règle de la forme suivante :

```
atome_1; atome_2; ...; atome_n --> atome_c
```

avec n le nombre d'atomes dans l'hypothèse et $atome_c$ l'unique atome de la conclusion et où chaque atome i est écrit : $p_i(t_{i1}, t_{i2}, ..., t_{ik})$

Les termes sont interprêtés comme des constantes s'ils sont encadrés par des simple guillemets.

```
Par exempe la règle \forall x \forall y (p(x,a) \land q(y) \rightarrow \exists z (r(x,y,z))) doit être écrite : p(x,'a'); q(y) --> r(x,y,z)
```

En plus du format interne ci-dessus, il est également possible de fournir un fichier Datalog (.dtg) qui ne contient que des règles à hypothèse atomique. Chaque ligne est soit une règle, soit un commentaire auquel cas elle doit débuter par //. Ici les règles sont sous le format suivant :

```
[!]atome_c := atome_h.
```

Le point d'explamation est utilisé pour signaler la négation d'une conclusion, celle-ci sera convertie en une règle contenant ses deux atomes actuels dans son hypothèse et ayant une conclusion au prédicat spécial *ABSURD*. De plus, les termes sont maintenant considérés comme des variables s'ils commencent par un point d'interrogation et comme des constantes sinon.

```
Ainsi la ligne du fichier correspondant à la règle \forall x (p(x, a) \to \exists z (r(x, a, z))) doit être : r(?x, a, ?z) := p(?x, a).
```

Chapitre 6

Perspectives

En conclusion, nous pouvons dire qu'une grande partie des classes concrètes exhibées à ce jour sont reconnues par notre analyseur, et ainsi celui-ci est la plupart du temps capable de déterminer si le problème d'effectuer une requête sur un ensemble de règles est décidable ou non.

Mais à l'heure actuelle, d'autres classes sont définies régulièrement et il serait intéressant de les implémenter afin de fournir un outil complet, voir d'en rechercher de nouvelles.

Quant à elle, la recherche sur la combinaison des classes abstraites en est à ses débuts. Ainsi il est éventuellement possible de mettre en évidence d'autres situations où le problème reste décidable sans pour autant satisfaire la propriété de précédance utilisée.

De plus, pour le moment notre outil ne possède pas d'interface graphique, or il pourrait être agréable de visualiser le graphe de dépendances des règles et ses composantes fortement connexes directement. En effet, on pourrait ainsi ajouter, ou retirer des règles pour étudier les changements de décidabilité lors de ces modifications.

Enfin il existe de nombreux formats différents utilisés pour représenter des ontologies, et il serait intéressant de pouvoir transformer un maximum de bases afin de les analyser, et dans cette optique il faudrait donc mettre en place d'autres convertisseurs de fichiers.

Bibliographie

- [1] J.F. Baget, M.L. Mugnier, S. Rudolph, M. Thomazo, et al. Walking the complexity lines for generalized guarded existential rules. In *Proc. 22nd Int. Conf. on Artificial Intelligence (IJCAI'11). IJCAI*, 2011.
- [2] A. Calì, G. Gottlob, and A. Pieris. Query answering under non-guarded rules in datalog+/-. Web Reasoning and Rule Systems, pages 1–17, 2010.
- [3] T.H. Cormen, C.E. Leiserson, R.L. Rivest, T.H. Cormen, and T.H. Cormen. *Introduction à l'algorithmique*. Dunod, 1994.
- [4] M.L. Mugnier. Ontological query answering with existential rules. Web Reasoning and Rule Systems, pages 2–23, 2011.

```
import moca.graphs.*;
     import moca.graphs.vertices.*;
     import moca.graphs.edges.*
4
     import java.lang.Exception;
     import java.util.Iterator;
import java.util.ArrayList;
import obr.*;
5
 6
9
     public class Main {
10
          public static void main(String args[]) {
11
                     System.out.println("Reading file : "+args[0]);
12
                     GraphRuleDependencies grd = null;
String[] filePathSubs = args[0].split("\\.");
13
14
15
                      if (filePathSubs.length == 1)
                          {\tt grd} \; = \; \underset{}{\tt new} \; \; {\tt GraphRuleDependencies} \left( \; {\tt args} \left[ \; 0 \; \right] \; \right) \; ;
16
                     else if (filePathSubs[filePathSubs.length-1].equals("dtg")) {
    System.out.println("Invoking DTG parser...");
    grd = DTGParser.parseRules(args[0]);
17
18
19
20
                     22
23
                     System.out.println (grd.stronglyConnectedComponentsToString());\\
24
25
                     GRDAnalyser analyser = new GRDAnalyser(grd);
26
27
                     {\tt analyser.addDecidableClassCheck} \, \big( \, \underline{{\tt new}} \, \, \, \, \, \underline{{\tt DisconnectedCheck}} \, \big( \, \big) \, \big)
                     {\tt analyser.addDecidableClassCheck(new\ RangeRestrictedCheck())}
28
                     29
30
31
                     analyser.addDecidableClassCheck(new GuardedCheck());
32
                     analyser.addDecidableClassCheck(new FrontierGuardedCheck());
33
34
                     analyser.addDecidableClassCheck(new DomainRestrictedCheck());
                     \verb"analyser.addDecidableClassCheck" ( \verb"new" StickyCheck" ( ) );
35
                     \verb"analyser.addDecidableClassCheck" ( \verb"new" WeaklyStickyCheck" ( ) );
36
37
                     System.out.println("\n \n \3] DIAGNOSTIC\n");
38
39
                     analyser.process();
                     {\tt System.out.println} \, (\, {\tt analyser.diagnostic} \, (\, ) \, ) \, ;
40
41
42
                     if (args.length >= 2)
                     \begin{array}{ll} & \texttt{grd.toPostScript}\left(\texttt{args}\left[1\right]\right);\\ & \texttt{if} & \left(\texttt{args.length} >= 3\right) \end{array}
43
44
                          grd.sccToPostScript(args[2]);
45
46
47
                catch (Exception e) {
                     System.out.println(e);
e.printStackTrace();
48
49
50
          }
51
     };
```

```
package obr;
     import java.lang.String;
     import java.lang.Iterable;
4
     import java.util.NoSuchElementException;
5
     import java.util.ArrayList;
6
      * Represents an atom.<br/>
* Rote that instances of this class can be returned by the atom conjunction class, but this \leftrightarrow
9
10
           will imply
      * the atom creation. I.e., this class is not used to store atom information, but to get a \leftrightarrow
11
            convenient
12
        instance.
13
     public class Atom implements Iterable < Term > {
14
15
           /** Represents the begin of a term list when the atom is under a String format. */
16
           public static final String BEGIN_TERM_LIST = "\( " \)"
17
18
          /** Represents the end of a term list when the atom is under a String format. */
public static final String END_TERM_LIST = "\\)";
public static final String END_TERM_LIST_W = ")";
/** Represents the term separator when the atom is under a String format. */
public static final String TERM_SEPARATOR = ",";
20
21
22
23
25
            * Constructor. <br />
26
           * Note that there is no default constructor since this class should not be used directly ← but be get by an * atom conjunction method.
27
28
29
            * @param predicate The predicate of the atom to be instantiated.
           public Atom(Predicate predicate) {
31
               _predicate = predicate;
_predicate = predicate;
_terms = new ArrayList<Term>(_predicate.getArity());
for (int i = 0 ; i < getArity() ; i++)
    _terms.add(null);</pre>
32
33
34
35
36
          }
37
           /**
* Predicate getter.
38
39
           * @return The atom predicate.
40
41
           public Predicate getPredicate() {
43
               return _predicate;
44
          }
45
46
            * Predicate setter.
47
           * @param value The new predicate to set.
48
50
           public void setPredicate(Predicate value) {
               _{\mathtt{predicate}} = value;
51
                _terms.clear();
for (int i = 0; i < getArity(); i++)
52
53
                      _terms.add(null);
54
          }
56
          /**
* Convenient method to get the predicate arity.
57
58
           * @return The atom arity.
59
60
          public int getArity() {
   return _predicate.getArity();
62
63
64
65
            * Term getter.
66
            * @param i The term index inside the atom.
67
            * @return The term corresponding to this index.
* @throws NoSuchElementException If i is out of range.
69
70
           public Term get(int i) throws NoSuchElementException {
   if ((i >= getArity()) || (i < 0))
        throw new NoSuchElementException();</pre>
71
72
73
74
                return _terms.get(i);
          }
75
76
           public boolean contains(Term term) {
77
                for (Term thisterm : this) {
78
                      if (term.getLabel().compareTo(thisterm.getLabel()) == 0)
79
81
                return false;
82
83
```

```
public int getNbConstants() {
                 \begin{array}{ll} \textbf{int} & \texttt{result} = 0; \\ \textbf{for} & (\texttt{Term term} : \textbf{this}) \end{array}
 86
 87
                       if (term.isConstant())
 88
                             result++;
 89
 90
                 return result;
 92
            public ArrayList<Term> constants() {
   ArrayList<Term> result = new ArrayList<Term>();
   for (Term term : this)
 93
 94
 95
                       if (term.isConstant())
 96
                             result.add(term);
 98
                 return result;
 99
            public int getNbVariables() {
100
                 int result = 0;
for (Term term : this)
101
102
                       if (term.isVariable())
103
                             result++;
105
                 return result;
            }
106
107
            public ArrayList<Term> variables() {
108
                 ArrayList<Term > result = new ArrayList<Term >();
for (Term term : this)
   if (term.isVariable())
109
110
111
112
                             result.add(term);
113
                 return result:
            }
114
115
117
             * Term setter.

* @param i The term index inside the atom.
* @param t The new term to be set instead of the old one.
* @throws NoSuchElementException If i is out of range.

118
119
120
121
            public void set(int i, Term t) throws NoSuchElementException {
   if ((i >= getArity()) || (i < 0))
        throw new NoSuchElementException();</pre>
123
124
                  _terms.set(i,t);
125
            }
126
127
128
             * Converts the atom into a String.
129
130
131
            @Override
            public String toString() {
132
                 StringBuilder string = new StringBuilder(getPredicate().getLabel());
string.append(BEGIN_TERM_LIST_W);
133
134
                 for (int i = 0 ; i < getArity()-1 ; i++) {
    string append(get(i));</pre>
136
137
                       {\tt string.append} \, (\, {\tt TERM\_SEPARATOR} \, ) \; ;
138
                  if (getArity() >= 1)
139
                       string.append(get(getArity()-1));
140
                  string.append(END_TERM_LIST_W);
                 return string.toString();
142
            }
143
144
            /**
    * Access to the nested Iterator over terms instance.
145
146
             * @return The iterator over terms corresponding to this atom instance.
147
148
            public java.util.Iterator<Term> iterator() {
149
                 return new Iterator();
150
151
152
            /** Predicate of the atom.
153
            private Predicate _predicate;
/** List of terms. */
155
            private ArrayList<Term> _terms;
156
157
158
             * Nested class used to iterate over the terms.<br />
             * Note that the remove() operation is not supported, and will always throw an ← UnsupportedOperationException.
161
            public class Iterator implements java.util.Iterator<Term> {
162
                 /**
 * Allows to know if there is still element to be iterated.
163
164
                   * @return True if the next call to next() method will not throw a \leftarrow NoSuchElementException, false otherwise.
165
166
                 @Override
167
                 public boolean hasNext() {
168
```

```
return (_current < getArity());</pre>
169

}
/**

* Access to the next element.

* @return The next term of the atom.

* @throws NoSuchElementException If there is no more term to be iterated.

*/
@Override
// throws NoSuchElementException {
170
171
172
173
174
175
                       public Term next() throws NoSuchElementException {
   if (!hasNext())
        throw new NoSuchElementException();
   Term t = get(_current);
   _current++;
   return t;
}
177
178
179
180
181
182
183
                        /**

* Unsupported operation.

* @throws UnsupportedOperationException Whenever this method is called.

*/
184
185
186
187
                        public void remove() throws UnsupportedOperationException {
    throw new UnsupportedOperationException();
188
190
                        /** Current term index. */
private int _current = 0;
191
192
                };
193
194
        };
```

```
package obr;
         import moca.graphs.BipartedGraph;
         {\color{red} \underline{import}} \hspace{0.2cm} \texttt{moca.graphs.vertices.VertexCollection} \; ;
 4
          import moca.graphs.vertices.Vertex;
 5
          import moca.graphs.vertices.VertexArrayList;
 6
          import moca.graphs.edges.Edge;
          import moca.graphs.edges.NeighbourEdge;
          {\color{red} \textbf{import}} \hspace{0.2cm} \texttt{moca.graphs.edges.UndirectedNeighboursLists};
10
          {\color{red} \textbf{import}} \hspace{0.2cm} \texttt{moca.graphs.edges.IllegalEdgeException} \; ; \\
11
         import java.lang.Iterable;
12
         import java.lang.String;
import java.lang.Integer;
13
14
         import java.util.Iterator;
16
          import java.util.NoSuchElementException;
17
18
19
20
            * Represents a conjunction of atoms. < br />
22
23
           * <b>Internal structure :</b><br/>
* The internal structure is a biparted graph where edges are implemented by neighbours lists↔
24
25
                      .<br />
           * The first partition of vertices represents the atoms. Only their predicates are stored \leftarrow into this partition.
26
           * But the vertex class provides a global ID which will can be used to identify an atom.<br \leftarrow
27
           * The second partition represents the terms. A term may be either a variable or a constant.

* Since terms are also stored into vertices, they have a global ID.<br/>

* The edges are used to connect atoms with terms. And their value is the position of the ←
28
29
30
                       term
                                  inside the atom.
            st A well-built atom conjunction will ensure that there is one edge for each position of each\leftrightarrow
31
           atom predicate and that

* they are added in their position ordering.<br/>
* 
32
33
34
35
           * Each vertex (thus, each atom and each term) has a different ID, which can be get by Vertex constraints (1) method.
36
37
           * But since the internal structure provides a bipartition, atoms can be enumerated from 0 to↔
38
                       getNbAtoms()-1, and terms
           * from 0 to getNbTerms()-1.<br/>
* To convert a global ID to a local one apply the following computation :<br/>
* ij atom : local ID = global ID
* ij f term : local ID = global ID - getNbAtoms()
39
40
41
42
           * 
43
44
          public class AtomConjunction implements Iterable < Atom > {
46
47
48
                      * Represents the separator between atoms when the conjunction is under a String format.
49
50
                    public static final String ATOM_SEPARATOR = new String(";");
52
53
                    /** \, * Represents the separator between terms when an atom is under a String format.
54
                    * @see Atom#TERM_SEPARATOR
55
56
                    public static final String TERM_SEPARATOR = Atom.TERM_SEPARATOR;
58
59
                      * Represents the begin of a term list when an atom is under a String format.
60
                     * @see Atom#BEGIN_TERM_LIST
61
62
                    public static final String BEGIN_TERM_LIST = Atom.BEGIN_TERM_LIST;
63
65
                      \ast Represents the end of a term list when an atom is under a String format.
66
                     * @see Atom#END_TERM_LIST
67
68
                    public static final char END_TERM_LIST
                                                                                                                                = Atom.END_TERM_LIST.charAt(Atom.←
69
                              \mathtt{END\_TERM\_LIST.length}()-1);
70
                   /**
    * Default constructor.<br />
    * The atom conjunction will be empty.
71
72
73
74
75
                    public AtomConjunction() {
76
                           \operatorname{try} {
                                       \verb|_graph| = | new| | BipartedGraph < 0bject |, Integer > (
77
                                                 \frac{1}{1} \frac{1}
78
```

```
new VertexArrayList<Object>() ,
 79
                          new UndirectedNeighboursLists <Integer >());
 80
 81
 82
                catch (Exception e) { }
          }
 83
 84
 85
            st Constructor from a string representation of an atom conjunction.
            st @param stringRepresentation The atom conjunction under a String format.
 87
 88
            * @see #fromString(String)
 89
           public AtomConjunction(String stringRepresentation) {
 90
                try {
 91
                     _graph = new BipartedGraph < Object , Integer > (
 93
                          new VertexArrayList < Object > () ,
                          \begin{array}{ll} \textbf{new} & \texttt{VertexArrayList} < \texttt{Object} > () \;, \\ \end{array}
 94
                          {\color{red} \textbf{new}} \ \ \texttt{UndirectedNeighboursLists} \! < \! \texttt{Integer} > \! ()) \; ;
 95
                     fromString(stringRepresentation);
 96
 97
                catch (Exception e) { }
 98
          }
100
101
            * Copy constructor.
102
            * @param toCopy The atom conjunction to be copied.
103
104
           public AtomConjunction(AtomConjunction toCopy) {
105
106
                try {
107
                    _graph = new BipartedGraph < Object , Integer > (toCopy._graph);
108
                catch (Exception e) { }
109
110
          }
112
113
            * Number of atoms getter.
114
            * @return The current number of atoms.
115
116
117
          public int getNbAtoms() {
              return _graph.getNbVerticesInFirstSet();
119
120
          /**

* Number of terms getter.

* @return The current number of terms.
121
122
123
124
          public int getNbTerms() {
    return _graph.getNbVerticesInSecondSet();
125
126
          }
127
128
129
           * Allows to know if a vertex is an atom.

* @param v The vertex to be checked.

* @return True if v is an atom, false otherwise.
131
132
133
          public boolean isAtom(Vertex<Object> v) {
134
               if (v == null)
135
                     return false;
136
                \begin{array}{ll} \textbf{if} & (\, \mathtt{v} \, . \, \mathtt{getID} \, (\,) \, < \, \, \mathtt{getNbAtoms} \, (\,) \,) \end{array}
137
138
                     return true;
                return false;
139
          }
140
141
142
           * Allows to know if a vertex is a term.

* @param v The vertex to be checked.

* @return True if v is a term, false otherwise.
143
144
145
146
           public boolean isTerm(Vertex<Object> v) {
147
               if (v == null)
148
                     return false;
150
                if (v.getID() < getNbAtoms())
151
                     return false;
152
                return true;
          }
153
154
155
           156
157
                 generated.
            st Furthermore, any modifications on this atom instance will <b>NOT</b> be applied on the\leftrightarrow
158
                  atom representation in the
              conjunction.
160
            * @param i The id of the atom.
            * @return A new instance of atom class.
161
             @throws NoSuchElementException If the id does not match in the atom conjunction.
162
163
```

```
public Atom getAtom(int i) throws NoSuchElementException {
164
                  if ((i >= getNbAtoms()) || (i < 0))
throw new NoSuchElementException();
165
166
                   \texttt{Atom\_atom} \ = \ \underset{}{\texttt{new}} \ \texttt{Atom} \left( \left( \, \texttt{Predicate} \, \right) \left( \, \, \underset{}{\texttt{getVertex}} \left( \, i \, \right) . \, \, \text{getValue} \left( \, \right) \, \right) \right); 
167
168
                   \begin{array}{lll} \textbf{for} & (\texttt{Iterator} < \texttt{NeighbourEdge} < \texttt{Integer} > \texttt{iterator} & = \texttt{\_graph.neighbourIterator}(\texttt{i}) & ; & \hookleftarrow \end{array} 
                        iterator.hasNext() ; ) {
NeighbourEdge<Integer> edge = iterator.next();
169
                        \verb|atom.set(edge.getValue(),(Term)(\_graph.getVertex(edge.getIDV()).getValue()))|;\\
170
171
172
                  return atom;
            }
173
174
175
             * Fullfills the atom conjunction from its string representation.<br/>br /> * The string must be under the following format (otherwise an exception will be thrown) \leftrightarrow
177
              * <code>&lt; atom 0&gt; ATOM.SEPARATOR&lt; atom 1&gt; ATOM.SEPARATOR...ATOM.SEPARATOR&lt; \leftarrow
178
              atom n></code>
* Where atoms must be under the following format :
179
              * <code>&lt; predicate label&gt; BEGIN_TERM_LIST&lt; term 0&gt; TERM_SEPARATOR&lt; term 1&gt; ↔
180
              TERM.SEPARATOR...TERM.SEPARATOR

* < term m&gt; END_TERM_LIST</code><br/>>>
181
              st The predicate labels and arity are used to check their equality, and only labels for \hookleftarrow
182
                   terms equality.
              * @param str The atom conjunction under a string format.

* @throws UnrecognizedStringFormatException Whenever the string passed as parameter does↔
183
184
                     not follow a good format
185
            protected void fromString(String str) throws UnrecognizedStringFormatException {
186
187
                  String[] sub1 = null;
                  String[] sub2 = null
String[] sub3 = null
                               sub2 = null;
188
189
                  sub1 = str.split(ATOM_SEPARATOR);
                   \label{eq:predicate}  \mbox{Predicate predicate} \ = \ \frac{null}{r}; 
191
                  \begin{array}{ll} \mbox{int} & \mbox{arity} = 0;\\ \mbox{int} & \mbox{atomID} = -1;\\ \mbox{int} & \mbox{termID} = -1; \end{array}
192
193
194
                  for (int i = 0; i < sub1.length; i++) {
    sub2 = sub1[i].split(BEGIN_TERM_LIST);
195
196
                        switch (sub2.length) {
    case 1: // if there is no begin term list char we suppose the predicate ←
    arity to be null
198
                                    arity = 0;
199
                                    break;
200
                              case 2 :
201
202
                                    if (sub2[1].charAt(sub2[1].length()-1) != END_TERM_LIST)
                                          throw new UnrecognizedStringFormatException();
203
                                    \verb|sub2[1]| = \verb|sub2[1]| . \verb|substring(0, \verb|sub2[1]|. length()-1); // the last char is \leftarrow
204
                                          to be removed
                                    sub3 = sub2[1].split(TERM_SEPARATOR);
205
                                    arity = sub3.length;
206
208
                              default :
200
                                    throw new UnrecognizedStringFormatException();
210
                        atomID = addAtom(new Predicate(sub2[0], arity));
211
                        for (int j = 0 ; j < arity ; j++) {
    termID = addTerm(sub3[j]);</pre>
212
213
214
                              try {
215
                                    \verb|_graph.addEdge(atomID, termID, new Integer(j));|\\
216
                              catch (Exception e) {
217
                                    throw new UnrecognizedStringFormatException();
218
219
                        }
220
221
                 }
222
            }
223
224
              * Converts the atom conjunction into a String format.<br/>
225
              * Note that this is just a convenient method for toString(getNbAtoms()).
* @return A well-formatted string representation.
226
227
              * @see #toString(int)
228
229
            public String toString() {
230
                 return toString(getNbAtoms());
231
232
233
            /**  
    * Converts a subset of the atom conjunction into a String format.<br />
234
235
             * Only atoms whose id is between 0 and the parameter will be converted.

* This method is usefull for inheritance which specializes some of atoms.
236
237
               @param nbAtoms The number of atoms to be converted.
239
            public String toString(int nbAtoms) {
240
                  StringBuilder string = new StringBuilder(); if (nbAtoms > getNbAtoms())
241
242
```

```
nbAtoms = getNbAtoms();
243
                             244
245
                                      string.append(ATOM_SEPARATOR);
246
247
                             string.append(getAtom(nbAtoms-1));
248
249
                             return string.toString();
250
                   public String toStringExcluding(int exclude)
251
                            fine total agreement that the string are the string and the string are the string and the string are the string and the string are the s
252
253
254
255
                                               string.append(getAtom(i));
257
                                               string.append(ATOM_SEPARATOR);
258
259
                             string.deleteCharAt(string.length()-1);
260
                             return string.toString();
261
                   }
262
264
265
                   266
267
                      * The internal representation of an atom is a graph vertex with predicate value, that is ←
268
                                 why only a predicate is
                      * needed.
269
                     * @param predicate The predicate of the new atom. 
 * @return The global index of the new atom in the conjunction.
270
271
272
                   public int addAtom(Predicate predicate) {
273
                            _graph.addInFirstSet(predicate);
274
275
                              \begin{array}{lll} \textbf{return} & \texttt{\_graph}.\, \texttt{getNbVerticesInFirstSet}\,(\,) & - & 1; \end{array} 
276
277
                    278
                             final Vertex<Object> atom = getVertexAtom(atomID);
279
280
                             int neighbourAtomID;
                             int currentTerm;
281
282
                             \begin{array}{ll} \textbf{final} & \textbf{int} & \texttt{nbTerms} \ = \ \_\texttt{graph} \, . \, \texttt{getNbNeighbours} \, (\, \texttt{atomID} \, ) \, ; \end{array}
                             for (currentTerm = 0; currentTerm < nbTerms; currentTerm++) {
    neighbourAtomID = getVertexTermFromAtom(atomID, currentTerm).getID();
283
284
                                      if (_graph.getNbNeighbours(neighbourAtomID) == 1) {
285
                                               _graph.removeVertex(neighbourAtomID);
286
287
                                               currentTerm --;
288
289
                             removeAtom(atomID):
290
291
292
                   293
294
                            _graph.removeVertex(atomID);
295
296
                   public int getNbConstants() {
297
                             int result = 0;
298
                             final int nbTerms = getNbTerms();
299
                             for (int i = 0 ; i < nbTerms ; i++)
    if (getTerm(i).isConstant())</pre>
300
301
302
                                               result++:
                             return result;
303
                   }
304
305
                    public int getNbVariables() {
306
307
                             int result = 0;
                             final int nbTerms = getNbTerms();
for (int i = 0 ; i < nbTerms ; i++)
    if (getTerm(i).isVariable())</pre>
308
309
310
311
                                               result++;
                             return result;
313
314
                    public VertexCollection < Object > constants() {
315
                             VertexArrayList<0bject> constants() {
VertexArrayList<0bject> result = new VertexArrayList<0bject>();
final int nbTerms = getNbTerms();
for (int i = 0 ; i < nbTerms ; i++)
    if (getTerm(i).isConstant())</pre>
316
317
318
319
320
                                               result.add(getVertexTerm(i));
321
                             return result;
322
323
                    public VertexCollection < Object > variables() {
                            VertexAcriayList<0bject> valiables() {
VertexArrayList<0bject>();
final int nbTerms = getNbTerms();
for (int i = 0 ; i < nbTerms ; i++)
    if (getTerm(i).isVariable())</pre>
325
326
327
328
```

```
result.add(getVertexTerm(i));
329
                return result;
330
331
           }
332
           public VertexCollection < Object > domain() {
333
                return _graph.getSecondSet();
334
335
336
           \textcolor{red}{\textbf{public}} \hspace{0.2cm} \texttt{VertexCollection} \textcolor{blue}{<} \texttt{Object} \textcolor{blue}{>} \hspace{0.1cm} \texttt{constants} \hspace{0.1cm} (\textcolor{red}{\textbf{int}} \hspace{0.1cm} \texttt{atomID}) \hspace{0.1cm} \{
337
                if ((atomID > getNbAtoms()) || (atomID < 0))
    return null;</pre>
338
339
                VertexArravList<Object> result = new VertexArravList<Object>():
340
                Vertex<Object> term;
341
                342
                     hasNext() ; ) {
                     term = iterator.next();
if ((((Term)(term.getValue())).isConstant())
343
344
                     && (!result.contains(term)))
345
                          result.add(term);
346
347
                return result;
349
350
           351
352
353
                VertexArrayList<Object> result = new VertexArrayList<Object>();
354
                Vertex<Object> term;
355
356
                for (NeighbourIterator iterator = vertexTermIteratorFromAtom(atomID); iterator. ←
                     \mathtt{hasNext}\,(\,)\quad;\quad)\quad\{
                     term = iterator.next()
357
                         ((((Term)(term.getValue())).isVariable())
358
                     && (!result.contains(term)))
360
                          result.add(term);
361
                return result;
362
          }
363
364
365
366
367
            * Adds a term into the atom conjunction.<br />
            * Note that the term will not be connected to any atom. Use addEdge method to make these \leftarrow
368
            connections. <br/>
* Furthermore, if the term is already in the conjunction, no new term will be added.<br/>
* @param term The new term to add.
369
370
371
            * @return The term index.
372
           373
374
375
                          return i;
377
                     }
378
                }
                _graph.addInSecondSet(term);
379
                return _graph.getNbVertices() - 1;
380
          }
381
383
           * Adds a term into the atom conjunction from its label. 
 * @param termLabel The new term label to add. 
 * @return The term index.
384
385
386
            * @see #addTerm(Term)
387
388
389
           public int addTerm(String termLabel) {
                for (int i = getNbAtoms() ; i < _graph.getNbVertices() ; i++) {
   if (((Term)(getVertex(i).getValue())).getLabel().compareTo(termLabel) == 0) {</pre>
390
391
392
                          return i:
                     }
393
394
                }
                _graph.addInSecondSet(new Term(termLabel));
395
396
                return _graph.getNbVertices() - 1;
397
          }
398
399
            * Adds an edge between an atom and a term.<br />
400
            * If the arity of the atom id is n, then the position must be in [0;n-1]. * @param atomID The id of the atom to connect. * @param termID The id of the term to connect.
401
402
403
            * @param position The position of the term in the atom.
* @return True if success, false otherwise.
404
405
406

\frac{\text{public boolean}}{\text{public boolean}}
 addEdge(\frac{\text{int}}{\text{int}} atomID, \frac{\text{int}}{\text{int}} termID, Integer position) {
                try {
408
409
                     _graph.addEdge(atomID, termID, position);
410
                     return true;
411
                }
```

```
catch (Exception e) {
412
413
                     return false:
414
           }
415
416
417
            * Add an atom from another atom conjunction.<br/>
418
            * If the first parameter is not really an atom vertex, this method will silently fail.
             * @param atom The atom vertex to add.
420
421
            * @param source The atom conjunction where to find atom vertex connections.
422
           public void addAtom(Vertex<Object> atom, AtomConjunction source) {
423
                if (source.isAtom(atom)) {
424
                      Iterator < \texttt{NeighbourEdge} < Integer > > termIterator = source.neighbourIterator(atom. \hookleftarrow)
425
                           getID());
                      {\tt NeighbourEdge} {<} {\tt Integer} {>} \ {\tt edge} \ = \ {\tt null} \ ;
426
427
                           t.ermID = -1:
                      \verb"addAtom" ((Predicate) (atom.getValue()));
428
                      while (termIterator.hasNext()) {
429
                           edge = termIterator.next();
430
                           \texttt{termID} = \texttt{addTerm} (\texttt{source.getTerm} (\texttt{edge.getIDV} () - \texttt{source.getNbAtoms} ()));
432
                           \verb"addEdge(getNbAtoms()-1, termID, new Integer(edge.getValue()));
                      }
433
                }
434
           }
435
436
437
            * Access to the value of a vertex from its global ID. 
 * @param i The vertex global id. 
 * @return The value of the vertex.
438
439
440
            * @throws NoSuchElementException If i does not match in the atom conjunction.
441
442
           public Object get(int i) throws NoSuchElementException {
                return _graph.get(i);
444
445
446
447
            * Access to the predicate at the specified index.<br />
448
449
            * Convenient method for getVertexAtom(int).
            * @param i The predicate vertex local id.

* @return The predicate.

* @throws NoSuchElementException If i does not match in the atom conjunction.
450
451
452
            * @see #getVertexAtom(int)
453
454
           public Predicate getPredicate(int i) throws NoSuchElementException {
455
456
                return (Predicate)(getVertexAtom(i).getValue());
457
458
459
            * Access to a vertex from its global ID.

* @param i The vertex global id.

* @return The vertex whose id matches i.
460
461
463
              @throws NoSuchElementException If i does not match in the atom conjunction.
464
           public Vertex<Object> getVertex(int i) throws NoSuchElementException {
465
                return _graph.getVertex(i);
466
467
468
469
            * Access to a vertex term from its local ID.

* @param i The vertex term local id.

* @return The vertex term whose local id matches i.

* @throws NoSuchElementException If i does not match any vertex term local id.
470
471
472
473
474
475
           public Vertex<Object> getVertexTerm(int i) throws NoSuchElementException {
476
                return _graph.getInSecondSet(i);
           }
477
478
479
480
            * Access to a vertex atom from its local ID.
            * @param i The vertex atom local id.

* @return The vertex atom whose local id matches i.
482
483
            * @throws NoSuchElementException If i does not match any vertex atom local id.
484
           public Vertex<Object> getVertexAtom(int i) throws NoSuchElementException {
485
               return _graph.getInFirstSet(i);
486
487
488
489
            * Access to a term from its local ID. <br/>
* Convenient method for getVertexTerm(int).
* @param i The vertex term local id.
490
491
492
             * @return The term whose vertex local id matches i.

* @throws NoSuchElementException If i does not match any vertex term local id.
493
494
495
           public Term getTerm(int i) throws NoSuchElementException {
    return (Term)getVertexTerm(i).getValue();
496
497
```

```
498
500
                    501
                    * @param atomID The id of the atom where to get the term.
* @param termIndex The position of the term inside the atom.
502
503
                        @return The term corresponding.
504
                     st @throws NoSuchElementException If atomID does not match, or if termIndex is greater \leftrightarrow
505
                            than or equals to the
                     * corresponding predicate arity.
506
507
          public Term getTermFromAtom(int atomID, int termIndex) throws NoSuchElementException {
508
                           return (Term)_graph.getNeighbourValue(atomID, termIndex);
509
511
512
                    * Access to a vertex term from an atom and its position into this atom.<br/>
* @param atomID The id of the atom where to get the term.<br/>
* @param termIndex The position of the term inside the atom.
513
514
515
                     * @return The vertex term corresponding.
516
                     st @throws NoSuchElementException If atomID does not match, or if termIndex is greater \leftrightarrow
                    than or equals to the * corresponding predicate arity.
518
519
                   public Vertex<0bject> getVertexTermFromAtom(int atomID, int termIndex) throws \leftrightarrow
520
                           NoSuchElementException {
                           return _graph.getNeighbour(atomID, termIndex);
                  }
522
523
524
                    * Returns a new atom conjunction which is a clone of a subset of the current atom \leftrightarrow
525
                    * Returns a new atom conjunction which is a clone of a subset of the current atom ← conjunction.<br/>
* The two parameters will be used as the range of atoms to be used.<br/>
* All terms connected to one of these atoms will also be added into the clone.<br/>
* Thus, all edges which were connected to the atoms in the current atom conjunction will ← also be present in the
527
528
                    * clone.<br/>br />
* Note that the first atom will be included but not the last. I.e., if this method is \leftarrow
529
530
                    * Note that the Tirst atom will be included but not the Tast. I.e., it this method is used on 0,getNbAtom(), all

* the atom conjunction will be cloned.

* @param beginAtomID The ID of the first atom (included).

* @param endAtomID The ID of the last atom (not included).

* @return The new atom conjunction if the parameters are not absurds, false otherwise.
531
532
533
534
535
                   {f public} AtomConjunction subAtomConjunction({f int} beginAtomID, {f int} endAtomID) {
536
537
                                 ((beginAtomID > endAtomID) || (endAtomID > getNbAtoms()) || (beginAtomID < 0))
                                    return null;
538
                           {\tt AtomConjunction\ result\ =\ new\ AtomConjunction\ ()\ ;}
539
                           NeighbourEdge<Integer> edge = null;
540
                           int termID = -1:
541
                           for (int i = beginAtomID ; i < endAtomID ; i++) {</pre>
542
                                     result._graph.addInFirstSet(getPredicate(i).clone());
544
                           for (int i = beginAtomID ; i < endAtomID ; i++) {
    for (Iterator<NeighbourEdge<Integer>> iterator = _graph.neighbourIterator(i) ; ←
5/15
546
                                             iterator.hasNext(); ) {
edge = iterator.next();
547
                                             termID = result.addTerm(getTerm(edge.getIDV()-getNbAtoms()).clone());
548
                                              try \ \{ \ result.\_graph.addEdge(i-beginAtomID\ , termID\ , new \ Integer(edge.getValue()) \leftrightarrow \\ result.\_graph.addEdge(i-beginAtomID\ , termID\ , new \ Integer(edge.getValue()) \leftrightarrow \\ result.\_graph.addEdge(i-beginAtomID\ , termID\ , new \ Integer(edge.getValue())) \leftrightarrow \\ result.\_graph.addEdge(i-beginAtomID\ , termID\ , new \ Integer(edge.getValue())) \leftrightarrow \\ result.\_graph.addEdge(i-beginAtomID\ , termID\ , new \ Integer(edge.getValue())) \leftrightarrow \\ result.\_graph.addEdge(i-beginAtomID\ , termID\ , new \ Integer(edge.getValue())) \leftrightarrow \\ result.\_graph.addEdge(i-beginAtomID\ , new \ , ne
                                             catch (IllegalEdgeException e) { }
550
                                   }
551
552
553
                           return result;
                  }
554
555
556
                    * Clones the atom conjunction into a copy instance.
557
                       @param copy The instance where to clone.
@return The clone.
558
559
560
561
                   public AtomConjunction cloneIn(AtomConjunction copy) {
                           for (Iterator < Object > iterator = _graph.firstIterator(); iterator.hasNext(); ) {
    copy.addAtom(((Predicate)(iterator.next())).clone());
562
563
564
                            \stackrel{	extstyle for}{	extstyle for} (Iterator<0bject> iterator = _graph.secondIterator(); iterator.hasNext(); ) {
565
                                    copy.addTerm(((Term)(iterator.next())).clone());
567
                           568
569
                                       ) {
                                    edge = iterator.next();
570
                                    copy.addEdge(edge.getIDU(),edge.getIDV(),new Integer(edge.getValue()));
571
572
573
                           return copy;
                  }
574
575
```

```
576
            * Clones the atom conjunction. <br/>
* Convenient method for cloneIn (new AtomConjunction()).
* @return A clone of the atom conjunction.
577
578
579
580
           @Override
581
582
           public AtomConjunction clone() {
               return cloneIn(new AtomConjunction());
584
585
586
            * Access to the iterator over the atoms.
587
            * @return An itertor over the atoms.
588
            * @see .AtomIterator
590
           public AtomIterator iterator() {
591
               return new AtomIterator();
592
           }
593
594
595
            * Access to the iterator over the vertex atoms.
597
           * @return An iterator over the vertices representing atoms.
598
           public Iterator<Vertex<Object>> vertexAtomIterator() {
   return _graph.firstVertexIterator();
599
600
601
602
603
            * Access to the iterator over the vertex terms.
604
605
            st @return An iterator over the vertices representing terms.
606
           public Iterator<Vertex<Object> > vertexTermIterator() {
607
               return _graph.secondVertexIterator();
           }
609
610
611
            * Access to an iterator over the vertex terms which are connected to the specified atom\hookleftarrow
612
                 .<br />
            * If the atom conjunction is well built, the terms will be iterated in their positions \leftarrow
613
                 ordering
614
            * @param atomID The global id of the atom.
            *   
@return An iterator over the vertex terms connected to the atom.  
*   
@see   
. Neighbour
Iterator
615
616
617
           public NeighbourIterator vertexTermIteratorFromAtom(int atomID)
618
619
                return new NeighbourIterator(_graph.neighbourIterator(atomID));
620
621
622
            * Access to an iterator over the vertex atoms which are connected to the specified term.
623
            * @param termID The global id of the term.

* @return An iterator over the vertex atoms connected to the term.
624
626
            * @see . NeighbourIterator
627
           public NeighbourIterator vertexAtomIteratorFromTerm(int termID)
628
               return new NeighbourIterator(_graph.neighbourIterator(termID));
629
630
631
632
           * Access to an iterator over the edges from a specific vertex.

* @param vertexID The global id of the vertex which is the source of edges.

* @return An iterator over the edges connected to the vertex.
633
634
635
636
           \begin{array}{ll} \textbf{public} & \textbf{Iterator} < \texttt{NeighbourEdge} < \texttt{Integer} > \texttt{neighbourIterator} \left( \begin{array}{ll} \textbf{int} & \texttt{vertexID} \right) \end{array} \right. \\ \end{array}
637
               return _graph.neighbourIterator(vertexID);
638
639
640
641
            * The structure of the atom conjunction.<br />
642
            * The first vertices partition is used to store atoms (the vertices contain only \leftrightarrow
643
                  predicates).
            * And the second one to store terms.
644
            * An edge represents a connection between an atom and a term, and its value the position \leftarrow of the term in the atom.
645
646
647
           protected BipartedGraph < Object , Integer > _graph = null;
649
           /**  
* Iterator over the atoms of the conjunction.<br/>
* Since atoms are not stored into the internal structure, the remove operation is not \leftarrow
650
651
652
                 supported.
654
           public class AtomIterator implements Iterator < Atom > {
655
656
                 * Allows to know if the next call to next() will fail.
657
```

```
* @return True if the next call to next() will not fail, false otherwise.
658
659
              public boolean hasNext() {
660
                   return _current < getNbAtoms();</pre>
661
662
663
              /**
    * Access to the next atom.
664
665
               * @return The next atom
666
               * @throws NoSuchElementException If there is no more atom to be iterated over.
667
668
              public Atom next() throws NoSuchElementException {
669
                   if (!hasNext())
670
                        throw new NoSuchElementException();
672
                   Atom result = getAtom(_current);
                   \_current++;
673
674
                   return result;
              }
675
676
677
                * This operation is not supported.
679
               * @throws UnsupportedOperationException Always.
680
              public void remove() throws UnsupportedOperationException { throw new ← UnsupportedOperationException(); }
681
682
               /** Current atom index. */
683
              protected int _current = 0;
684
685
686
         }
687
688
           * Iterator over the vertices connected to a specific one.
690
691
          protected class NeighbourIterator implements Iterator < Vertex < Object >> {
692
693
694
               * Constructor.

* @param iterator The iterator over the neighbour edges.
695
696
697
              public NeighbourIterator(Iterator<NeighbourEdge<Integer>> iterator) {
698
                   _iterator = iterator;
699
700
701
702
               * Allows to know if the next call to next() method will not fail.

* @return True if the next call to next() will not fail, false otherwise.
703
704
705
              @Override
706
707
              public boolean hasNext() {
                  return _iterator.hasNext();
709
710
              /**
    * Iterates and returns the next vertex.
    * @return The next vertex.
711
712
713
                 @throws NoSuchElementException If there is no more vertex to be iterated.
714
715
716
              @Override
              public Vertex<Object> next() throws NoSuchElementException {
   return getVertex(_iterator.next().getIDV());
717
718
719
720
              /**

* This operation is not supported.
721
722
723
               * @throws UnsupportedOperationException Always.
724
725
              @Override
              726
                  UnsupportedOperationException(); }
727
              /** An iterator over the neighbour edges. */
private Iterator<NeighbourEdge<Integer>> _iterator;
728
729
730
731
          };
734
     };
```

```
package obr;
    {\bf import} \ \ {\tt moca.graphs.IllegalConstructionException} \ ;
    import moca.graphs.vertices.Vertex;
import moca.graphs.edges.NeighbourEdge;
4
5
    import moca.graphs.edges.IllegalEdgeException;
6
    import java.util.ArrayList;
    import java.util.Iterator;
import java.util.NoSuchElementException;
10
11
12
     * Checks if all rules in the GRD or in one of its strongly connected components satisfy the \leftrightarrow
13
         atomic-hypothesis property.
     * I.e., if all rules contain only one atom in their body.
14
15
    16
17
18
         * Atomic-hypothesis property label.
*/
19
         ^{21}
22
23
         ^{\prime} Checks a graph of rule dependencies.

* @return the decidable class label if the grd belongs to this decidable class, null \leftrightarrow
24
25
              otherwise.
26
         public DecidableClassLabel grdCheck(GraphRuleDependencies grd) {
   if (check(grd.getVertexCollection()))
27
28
                  return LABEL;
29
              return null;
30
31
         }
32
         /**

* Checks only a strongly connected component of the graph of rule dependencies.

* @param grd The graph of rule dependencies.

* Draw id of the strongly connected component to be checked.
33
34
35
          * @param sccID The id of the strongly connected component to be checked.

* @return The decidable class label if the strongly connected component belongs to this ←
36
               decidable class, null otherwise.
38
         39
             if (check(grd.getComponent(sccID)))
    return LABEL;
40
41
42
              return null;
43
         }
44
45
46
          * @return True if the set of rules satisfies the atomic-hypothesis property, false \leftrightarrow
47
              otherwise.
48
         protected boolean check(Iterable < Vertex < AtomicRule > > rules) {
49
             for (Vertex<AtomicRule> vrule : rules) {
   if (vrule.getValue().getNbAtoms() > 2) // one for the head, the other for the ←
50
51
                       return false;
53
              return true;
54
         }
55
56
    };
57
```

```
package obr;
     {\color{red} \textbf{import}} \hspace{0.2cm} \texttt{moca.graphs.BipartedGraph} \; ;
     {\color{red} \underline{import}} \hspace{0.2cm} \texttt{moca.graphs.vertices.VertexCollection} \; ;
4
     import moca.graphs.vertices.Vertex;
5
     import moca.graphs.vertices.VertexArrayList;
6
     import moca.graphs.edges.NeighbourEdge;
     import moca.graphs.edges.UndirectedNeighboursLists;
    import moca.graphs.edges.IllegalEdgeException;
import moca.lists.Fifo;
10
11
     import java.lang.String;
12
     import java.lang.Integer;
13
14
     import java.util.Iterator;
16
     \begin{array}{ll} \textbf{import} & \texttt{java.util.NoSuchElementException}; \end{array}
    import java.util.ArrayList;
import java.util.ConcurrentModificationException;
17
18
19
20
      * Represents an atomic rule. <br />
     * A rule is an atom conjunction which adds the notions of "body" and "head".<br/>
* An atomic rule contains only one atom in its head.<br/>
* The structure of this class is the same as a classical atom conjunction but its head \Leftarrow
22
23
24
           pointer
      * @see AtomConjunction
26
     public class AtomicRule extends AtomConjunction {
27
28
          /** Represents the separator between the body and the head when the rule is under a \leftrightarrow
29
          String format. */
public static final String HEAD_SEPARATOR = new String("—>");
30
31
          ^{/**}_{*~Default~constructor}.
32
33
           * It creates an empty rule.
34
35
          public AtomicRule() {
36
37
               super();
39
40
           * Constructor from a string representation.

* @param stringRepresentation The rule under a string format.
41
42
             @see #fromString(String)
43
44
          public AtomicRule(String stringRepresentation) {
45
46
               super();
47
                try {
                     fromString(stringRepresentation);
48
49
                catch (UnrecognizedStringFormatException e) { }
51
          }
52
          /**

* Head vertex getter.

* @return The head vertex.
53
54
55
56
          public Vertex<Object> getHead() {
57
58
               return _head;
59
60
          public void setHead(int atomID) {
61
              _head = getVertex(atomID);
          }
63
64
          65
66
           * @see AtomConjunction#getAtom(int)
67
68
          public Atom getHeadAtom() {
             return getAtom(_head.getID());
70
71
72
          /**
73
           ** Allows to know if a vertex is in the body.

* @param v The vertex to be checked.

* @return True if v belongs to the body, false otherwise.

* @throws NoSuchElementException If v is null or if its id does not match in the rule.
74
75
76
77
78
          public boolean isBody(Vertex<Object> v) throws NoSuchElementException {
79
               if (v == null)
80
                     throw new NoSuchElementException();
                if (v == \_head)
82
               return false;
if (v.getID() < getNbAtoms())
83
84
```

```
return true;
 85
                        86
                                ; iterator.hasNext();)
if (_graph.getVertex(iterator.next().getIDV()) != _head)
 87
 88
                                        return true:
                        return false;
 89
                }
 90
                 ** Convenient method for isBody(Vertex<Object&gt;).

* @param vertexID The id of the vertex to be checked.

* @return True if the vertex belongs to the body, false otherwise.

* @throws NoSuchElementException If the id does not match in the rule.
 93
 94
 95
 96
                  * @see #isBody(Vertex)
 98
                public boolean isBody(int vertexID) throws NoSuchElementException {
    return isBody(getVertex(vertexID));
 99
100
                }
101
102
103
                /**
                 ** * Allows to know if a vertex is in the head.

* @param v The vertex to be checked.

* @return True if v belongs to the head, false otherwise.
105
106
                  * @throws NoSuchElementException If v is null or if its id does not match in the rule.
107
108
                public boolean isHead(Vertex<Object> v) throws NoSuchElementException {
109
110
                        if (v == null)
                                throw new NoSuchElementException();
111
112
                        if (v == \_head)
113
                                return true:
                        114
                                getID()); iterator.hasNext(); )
                                if (_graph.getVertex(iterator.next().getIDV()) == v)
116
                                          eturn true;
                        return false;
117
                }
118
119
120
121
                  * Convenient method for isHead(Vertex<Object&gt;)
                  * @param vertexID the id of the vertex to be checked.

* @return True if the vertex belongs to the head, false otherwise.

* @throws NoSuchElementException If the id does not match in the rule.
122
123
124
                  * @see #isHead(Vertex)
125
126
                public boolean isHead(int vertexID) throws NoSuchElementException {
127
128
                        return isHead(getVertex(vertexID));
129
130
131
                  * Creates a new array list containing all vertices which belong to the frontier of the
132
133
                    A variable is said to be in the frontier iff it belongs to the body <br/> <br/>b>and</br>
135
                  * head of the rule
                  * @return An array list of Vertex< Object&gt; which contains all variables in the
136
137
                    frontier.
138
                public ArrayList<Vertex<Object> > frontier() {
139
140
                        NeighbourEdge<Integer> edge = null;
                        142
                        iterator.hasNext() ;
                               edge = iterator.next();
143
                                      ((\,\mathtt{getTerm}\,(\,\mathtt{edge}\,.\,\mathtt{getIDV}\,(\,)-\mathtt{getNbAtoms}\,(\,)\,)\,.\,\mathtt{isVariable}\,(\,)\,)
144
                               && (isBody(edge.getIDV()))
145
                               && (!result.contains(getVertex(edge.getIDV())))
146
147
148
                                       result.add(getVertex(edge.getIDV()));
149
                        return result;
150
                }
151
153
                  * Creates a new array list containing all vertices which belong to the frontier of the \hookleftarrow
154
                  rule. 
* A term is said to be in the frontier iff it belongs to the body \begin{subarray}{l} \begin{suba
155
                           of the rule.
                  * @return An array list of Vertex< Object&gt; which contains all terms in the frontier←
156
157
                public ArrayList < Vertex < Object > > frontierTerms() {
158
                        NeighbourEdge<Integer> edge = null;
ArrayList<Vertex<Object> > result = new ArrayList<Vertex<Object> >();
159
160
                        \begin{array}{ll} \textbf{for} & \texttt{(Iterator < NeighbourEdge < Integer > )} & \texttt{iterator = neighbourIterator(\_head.getID())} & \texttt{;} & \hookleftarrow \\ \end{array}
161
                                iterator.hasNext() ;
162
                                edge = iterator.next()
                                if ((isBody(edge.getIDV())) && (!result.contains(getVertex(edge.getIDV()))))
    result.add(getVertex(edge.getIDV()));
163
164
```

```
165
                return result;
167
168
169
           public int getNbUniversalVariables() {
                int result = 0:
170
                final int nbTerms = getNbTerms();
for (int i = 0 ; i < nbTerms ; i++)</pre>
171
172
                     if (isUniversal(i))
173
174
                          result++;
                return result:
175
          }
176
177
           public int getNbExistentialVariables() {
179
                int result = 0;
                final int nbTerms = getNbTerms();
for (int i = 0; i < nbTerms; i++)
    if (isExistential(i))</pre>
180
181
182
                          result++;
183
                return result;
184
186
           public VertexCollection<Object> universalVariables() {
187
                {\tt VertexArrayList}{<} {\tt Object}{>} \ {\tt result} \ = \ \underset{\tt new}{\tt new} \ {\tt VertexArrayList}{<} {\tt Object}{>}() \, ;
188
                final int nbTerms = getNbTerms();
for (int i = 0; i < nbTerms; i++)
189
190
                     if (isUniversal(i))
191
                          {\tt result.add(getVertexTerm(i))};\\
192
193
                return result;
194
          }
195
           public VertexCollection<Object> existentialVariables() {
196
                VertexArrayList<Object> result = new VertexArrayList<Object>();
198
                final int nbTerms = getNbTerms();
                for (int i = 0 ; i < nbTerms ; i++)
    if (isExistential(i))</pre>
199
200
                          result.add(getVertexTerm(i));
201
202
                return result;
203
          }
204
205
206
            * Allows to know if a vertex belongs to the frontier of a rule.

* A term is said to be in the frontier iff it belongs to the body <b>and</b> to the head↔
207
208
                  of the rule.
            * @return True if the vertex is in the frontier, false otherwise. 
* @throws NoSuchElementException If the vertex is null, or its id does not match to the \hookleftarrow
209
210
                 rule, or it is an atom vertex.
211
           public boolean isFrontier(Vertex<Object> v) throws NoSuchElementException {
212
                if ((v = null) \mid | /*(*/(v.getID)) < getNbAtoms()))/* \mid | (v.getID) > getNbVertices() \leftarrow
213
                     )) */
214
                     throw new NoSuchElementException();
215
                return isBody(v) && isHead(v);
          }
216
217
218
           ** Checks if a vertex is an existential variable.

* An existential variable is a variable which appears only in the head of the rule.

* @param v The vertex to be checked.

* @return True if the vertex is an existential variable, false otherwise.
219
220
221
222
223
224
           public boolean isExistential(Vertex<Object> v) {
               225
226
                     return false
                227
228
          }
229
230
            * Checks if a vertex is a universal variable.
231
            * A universal variable is a variable which appears at least in the body of the rule.

* @param v The vertex to be checked.

* @return True if the vertex is a universal variable, false otherwise.
232
233
234
235
           public boolean isUniversal(Vertex<Object> v) {
236
               238
239
                240
          }
241
           public boolean isExistential(int i) {
242
243
                     return isExistential(getVertexTerm(i));
245
246
                catch (NoSuchElementException e) {
247
                    return false;
248
```

```
249
251
            public boolean isUniversal(int i) {
252
                 try {
                       return isUniversal(getVertexTerm(i));
253
254
255
                 catch (NoSuchElementException e) {
256
                       return false;
257
258
            }
259
260
             * Creates an array containing all positions of existential variables. <br/>
* The length of the array matches the number of existential variables.
261
263
              * This method is used by the unification process.
             st @return An array of int containing the positions of all existential variables in the \leftrightarrow
264
                   rule.
265
            public int[] existentialIndex() {
266
                 int cpt = 0;
267
                 int arity = ((Predicate)(_head.getValue())).getArity();
for (int i = 0 ; i < arity ; i++) {
    if (isExistential(getVertexTermFromAtom(_head.getID(),i)))</pre>
269
270
271
                             cpt++;
272
                 int result[] = new int[cpt];
273
                 cpt = 0;
for (int i = 0 ; i < arity ; i++) {
    if (isExistential(getVertexTermFromAtom(_head.getID(),i))) {
        remlt[cpt] = i;
}</pre>
274
275
276
277
278
                       }
279
281
                  return result;
282
            }
283
            /**
    * Fullfills the rule from its string representation.
284
285
             * @param str The string representation of the rule.

* @throws UnrecognizedStringFormatException If the string cannot be converted.
286
287
288
289
            @Override
            protected void fromString(String str) throws UnrecognizedStringFormatException {
   String[] sub1 = str.split(HEAD_SEPARATOR);
   if (sub1.length != 2)
        throw new UnrecognizedStringFormatException();
}
290
291
292
293
294
                 \verb"sub1[0]+=\verb"ATOM_SEPARATOR";
                 sub1[0] += sub1[1];
295
                 296
                 _{\mathtt{head}} = \mathtt{getVertex}(\mathtt{getNbAtoms}()-1);
297
            }
298
300
            * Converts the rule into a String.

* @return The string representation of the rule.
301
302
303
            @Override
304
305
            public String toString() {
                return super.toStringExcluding(_head.getID())+HEAD_SEPARATOR+getHeadAtom();
306
307
308
            /**
* Creates a new atom conjunction corresponding to the body of the rule.
309
310
             * @return The atom conjunction of the body.
311
312
            public AtomConjunction getBody() {
313
314
                 {\tt AtomConjunction\ body\ =\ new\ AtomConjunction\ (\,)\ ;}
                 super.cloneIn(body);
315
                 body.removeCleanlyAtom(_head.getID());
316
317
                 return body;
            }
319
320
             * Clone the rule into a copy.

* @param copy The instance where to copied the rule.

* @return The copy of the rule.
321
322
323
324
            public AtomicRule cloneIn(AtomicRule copy) {
    super.cloneIn(copy);
325
326
                 \verb"copy._head" = "copy".getVertex" ( \_head.getID ( ) );
327
328
                 return copy;
            }
329
331
             * Clone the rule.
332
             * @return A clone of the rule.
333
334
```

```
@Override
335
         public AtomicRule clone() {
336
337
              AtomicRule copy = new AtomicRule();
338
              return cloneIn(copy);
339
340
341
           * Allows to know if the rule may imply the other one passed as parameter
342
           * I.e., if there exist a unificator between this rule head a subset of the other rule \hookleftarrow
343
               body.
           * @param R The rule to be checked against.
344
           * @return True if this rule may imply R, false otherwise.
345
           * @see #existUnification(AtomConjunction, AtomicRule)
346
348
          public boolean mayImply(AtomicRule R)
349
             return existUnification(R.getBody(), this);
350
351
         /** Pointer to the head of the rule. */
352
         private Vertex<Object> _head = null;
353
354
355
         /* ALGORITHMS */
356
357
358
             Unification
359
360
361
362
           * Static method used to know if there exists a unification between the atom conjunction \leftrightarrow
363
               and the rule
           * passed as parameters.

* @param H1 The atom conjonction to be unified.
364
365
           * @param R The rule whose head will be unified.
366
           * @return True if success, false otherwise.
367
368
         public static boolean existUnification(AtomConjunction H1, AtomicRule R) {
369
370
                   /** init */
              boolean isLocallyUnifiable[] = new boolean[H1.getNbAtoms()];
    atom is supposed locally unifiable
371
                                                                                        // valuing true while↔
372
              \begin{array}{ll} \textbf{int} & \textbf{E} \, [ \, ] \end{array} = \, \textbf{R.existentialIndex} \, ( \, ) \; ; \\ \\ \end{array}
                                                                                    // positions of ↔
                   existential variables in the rule
              Vertex<Object> head = null;
Vertex<Object> current = null;
373
374
              AtomConjunction Q = null;
375
376
              377
378
379
380
                        isLocallyUnifiable[i] = true;
381
383
                       isLocallyUnifiable[i] = false;
384
              }
385
              /** extension */
for (int i = 0; i < H1.getNbAtoms(); i++) {
386
387
                   current = H1.getVertex(i);
388
                   if (isLocallyUnifiable[i] == true) {
389
                        390
391
                            if (localUnification(Q,R,E) = true)
392
393
                                 return true;
394
                        \frac{1}{1} catch (ExtensionFailureException e) {
395
                            // the extended set cannot be unified with R
396
397
                        isLocallyUnifiable[current.getID()] = false;
398
                   }
399
400
401
402
              // no set have been found => failure
403
              return false;
         }
404
405
406
           * Extends an atom conjunction for the unification algorithm. <br/> />
407
           * This methods returns the atom conjunction corresponding to a minimal good unification \leftarrow set rooted in the atom ID from
408
           * the complete atom conjunction H1.
409
           * @param H1 The complete atom conjunction.

* @param atomRootID The id of the atom which will be the root of the returned atom ↔
410
411
           * @param isLocallyUnifiable An array of booleans such as isLocallyUnifiable[i] = true ←
412
           iff atom i is still known as a * locally unifiable one.
413
           * @param E An array containing all existential positions of the rule whose head will be \leftrightarrow
414
```

```
checked against
              * the returned atom conjunction.
              * @return A minimal good unification set rooted in a specific atom. 
 * @throws ExtensionFailureException If there exists no good unification set rooted in \hookleftarrow
416
417
                    atomID from H1.
418
             	ext{protected} static AtomConjunction extension(AtomConjunction H1, int atomRootID, 	ext{boolean} \leftrightarrow
419
                  is Locally Unifiable [] \;, \; int \; E \; [] ) \; throws \; Extension Failure Exception \; \{ \; Atom Conjunction \; result = \frac{new}{new} \; Atom Conjunction \; () \; ; \; \label{eq:locally Unifiable Exception}
420
                  boolean isColored[] = new boolean[H1.getNbAtoms()+H1.getNbTerms()];
Fifo<Vertex<Object> > waiting = new Fifo<Vertex<Object> >();
Vertex<Object> current = H1.getVertex(atomRootID);
421
422
423
                  vertex <0bject > neighbour = null;
for (int i = 0 ; i < H1.getNbAtoms() ; i++) {</pre>
424
426
                         if (isLocallyUnifiable[i]) {
                              isColored[i] = false;
427
428
                              neighbourIterator.hasNext() ; )
isColored[neighbourIterator.next().getID()] = false;
429
                        }
430
432
                   isColored[atomRootID] = true;
433
                  result.addAtom(current, H1);
434
                  waiting.put(current);
435
436
                   while (!waiting.isEmpty()) {
437
                        current = waiting.pop();
438
                              H1.isAtom(current)) {
for (int i = 0 ; i < E.length ; i++) {
    neighbour = H1.getVertexTermFromAtom(current.getID(),E[i]);</pre>
439
                         if (H1.isAtom(current))
440
441
                                     if (((Term)(neighbour.getValue())).isConstant())
442
                                           throw new ExtensionFailureException();
                                     if (!isColored[neighbour.getID()]) {
444
                                           {\tt isColored\,[\,neighbour\,.\,getID\,(\,)\,]} \; = \; \frac{true}{};
445
446
                                          waiting.put(neighbour);
                                    }
447
                              }
448
449
                                          // current is a term
                              for (NeighbourIterator neighbourIterator = H1.vertexAtomIteratorFromTerm(← current.getID()); neighbourIterator.hasNext();) {
451
                                    neighbour = neighbourIterator.next();
if (!isLocallyUnifiable[neighbour.getID()])
452
453
                                           throw new ExtensionFailureException();
454
455
                                     if (!isColored[neighbour.getID()]) {
                                           {\tt isColored[neighbour.getID()] = true;}\\
456
457
                                           {\tt waiting.put(neighbour)};\\
                                           result.addAtom(neighbour, H1);
458
                                    }
459
                              }
460
                        }
462
                   return result;
463
            }
464
465
466
              * Checks if there is a unification between the head of the rule and the full atom \leftarrow
467
                    conjunction passed as parameters.
              * @param H1 The atom conjunction to be unified.

* @param R The rule whose head is to be unified.

* @param existentialIndex The position of all existential variables of R. This parameter 
is here for optimization only.

* @return True if there exists a unification, false otherwise.
468
469
470
472
             473
                   existentialIndex) {
474
                         /** predicate check */
475
                   \begin{array}{ll} \textbf{for} & \texttt{(Iterator < Vertex < 0bject > )} & \texttt{iterator} & \texttt{H1.\_graph.firstVertexIterator}(\texttt{)} & \texttt{;} & \texttt{iterator.} \\ \end{array} 
476
                         hasNext();)
                          \textbf{if} \quad ((((\texttt{Predicate})(\texttt{iterator.next}().\texttt{getValue}())).\texttt{compareTo}((\texttt{Predicate})(\texttt{R.getHead}(). \hookleftarrow)) ) \\
477
                              getValue()))) != 0)
478
                              return false;
479
480
481
                         /** graph generation */
482
                  AtomConjunction unification = H1;
                  \verb"unification._graph.addInFirstSet" (((Predicate)(R.getHead().getValue())).clone()); \\
483
                   \frac{1}{1} termID = -1;
484
                   int firstHeadTermID = -1;
485
                   \textcolor{red}{\textbf{for}} \hspace{0.2cm} (\texttt{Iterator} < \texttt{NeighbourEdge} < \texttt{Integer} > \texttt{iterator} = \texttt{R.\_graph.neighbourIterator} (\texttt{R.} \leftarrow
486
                         getHead().getID()) ; iterator.hasNext() ;) {
487
                        NeighbourEdge < Integer > edge = iterator.next();
488
                        \mathtt{Term} \ \mathtt{t} \ = \ (\,\mathtt{Term}\,) \, (\,\mathtt{R}\,.\,\mathtt{get}\,(\,\mathtt{edge}\,.\,\mathtt{getIDV}\,(\,)\,\,)\,\,)\,\,;
                        if (t.isConstant())
489
                              termID = unification.addTerm(t):
490
```

```
491
                       else {
                             termID = -1;
492
493
                             if (firstHeadTermID > 0) {
                                    \begin{array}{lll} \textbf{for (int i = first Head Term ID ; i < unification.\_graph.get NbVertices() ; i} \leftarrow \\ \end{array} 
494
                                        ++) {
                                             (unification.getTerm(i-unification.getNbAtoms()).getLabel(). \leftarrow
495
                                              \texttt{compareTo(t.getLabel())} == 0)
                                              termID = i;
496
497
                                  }
498
                              \begin{array}{c} \\ \textbf{if} \\ \end{array} \text{(termID} \ < \ 0 \text{)} \ \ \{ \end{array} 
499
                                  unification._graph.addInSecondSet(t);
termID = unification._graph.getNbVertices()-1;
500
501
503
                             if (firstHeadTermID < 0)
504
                                   {\tt firstHeadTermID} \ = \ {\tt termID} \ ;
505
                       }
try {
506
507
                             unification._graph.addEdge(unification.getNbAtoms()-1,termID, new Integer(edge <math>\leftarrow
                                   .getValue()));
509
                       catch (IllegalEdgeException e) { }
                 }
510
511
512
                        /** index */
513
                 int headIndex = 0;
514
515
                  \begin{array}{lll} \mbox{Vertex} < \mbox{Object} > \mbox{ headVertex} &= & null \; ; \\ \mbox{Vertex} < \mbox{Object} > & \mbox{bodyVertex} &= & null \; ; \\ \mbox{Term} & \mbox{headTerm} &= & null \; ; \\ \end{array} 
516
517
518
                  Term bodyTerm = null;
519
                  \begin{array}{ll} \textbf{int} & \texttt{arity} = ((\texttt{Predicate})(\texttt{R.getHead}().\texttt{getValue}())).\texttt{getArity}(); \end{array}
520
521
                 522
523
524
                  for (int i = 0; i < existentialIndex.length; <math>i++)
525
526
                       is existential [unification.getVertexTermFromAtom(unification.getNbAtoms()-1,\leftarrow
                             existentialIndex[i]).getID()-unification.getNbAtoms()] = true;
527
528
                 /** algorithm */
while (headIndex < arity) {
529
530
                       \texttt{headVertex} = \texttt{unification}. \texttt{getVertexTermFromAtom} (\texttt{unification}. \texttt{getNbAtoms} () - 1, \hookleftarrow)
531
                            headIndex);
532
                       {\tt headTerm} \; = \; (\, {\tt Term}\,) \, (\, {\tt headVertex} \, . \, {\tt getValue} \, (\,) \,) \; ;
                       533
534
                             bodyTerm = (Term)(bodyVertex.getValue())
535
                             if (headVertex.getID() != bodyVertex.getID()) {
536
                                   if ((headTerm.isConstant() || isexistential[headVertex.getID()-← unification.getNbAtoms()])
                                         (body Term.is Constant () ~~|~|~|~is existential~[~body Vertex.get ID~()-\leftarrow unification.get NbAtoms~()~])~) \\
538
539
                                        return
                                   else if ((bodyTerm.isVariable()) \&\& (!isexistential[bodyVertex.getID()-\leftarrow)
540
                                         unification.getNbAtoms()])) {
541
                                              \tt unification.\_graph.contract(bodyVertex.getID(),headVertex.getID() \leftarrow
542
                                                   );
543
                                        catch (Exception e) {
544
                                                 è.printStackTrace();
545
546
                                               // TODO ConcurrentModificationException ???
547
                                  }
else {
548
549
550
                                              \verb"unification._graph.contract(headVertex.getID(),bodyVertex.getID() \leftarrow
551
                                              headVertex = bodyVertex;
552
553
                                              {\tt headTerm} \; = \; {\tt bodyTerm} \; ;
554
                                        catch (Exception e) {
   //e.printStackTrace();
555
556
                                              // TODO ConcurrentModificationException ???
557
558
                                        }
                                  }
559
                             }
560
561
                       headIndex++;
562
564
                  return true;
565
           }
566
567
```

570 };

```
package obr;
      import java.util.Scanner;
import java.util.regex.Pattern;
import java.io.File;
 4
 5
 6
       * This class provides static functions to parse a single rule from its string
       * representation, or a full set of rules from a file.
 9
10
      public class DTGParser {
11
12
            public static final String HEAD_SEPARATOR = ":-";
public static final String BEGIN_TERM_LIST = "\\(";
public static final String END_TERM_LIST = "\\\";
public static final String TERM_SEPARATOR = ", ";
/** Not marker constant
13
                                                                                                           // TODO
14
15
16
             /** Not marker constant. */
public static final char NOT_MARK = '!';
17
18
             /** Variable marker. */
19
20
             public static final char VARIABLE_MARK = '?';
             /** End of line marker. *
21
             public static final char END_LINE = '.';
22
             /**
23
              * Absurd predicate used to convert <code>body —&gt; !head</code> to * <code>body; head—&gt; ABSURD</code>.
24
25
26
27
             public static final Predicate ABSURD = new Predicate("ABSURD",0);
28
            29
30
31
                 @throws UnrecognizedStringFormatException If the string format is not ok.
32
             public static AtomicRule parseRule(String str) throws UnrecognizedStringFormatException {
   String[] subs = str.split(HEAD_SEPARATOR);
   if (subs.length != 2)
34
35
36
                          throw new UnrecognizedStringFormatException();
37
                    if (subs[1]. charAt(subs[1]. length()-1) != END_LINE)
38
                          throw new UnrecognizedStringFormatException();
39
                   AtomicRule rule = new AtomicRule();
40
41
                   String[] terms;
String[] atomSubs;
42
43
                   String term;
44
                   int termID , atomID;
                   boolean not = false;
46
47
                   \begin{array}{ll} \mbox{if } (\mbox{subs} \ [\ 0\ ]. \mbox{ charAt} \ (\ 0\ ) \ = \mbox{ NOT\_MARK} \ ) \ \{ \\ \mbox{ subs} \ [\ 0\ ] \ . \mbox{ substring} \ (\ 1\ , \mbox{ subs} \ [\ 0\ ] \ . \mbox{ length} \ (\ )\ ) \ ; \\ \mbox{ not} \ = \ \mbox{ true} \ ; \end{array}
48
49
50
51
53
                    /* BODY */
                   subs[1] = subs[1].substring(0,subs[1].length()-1); // last char is a dot atomSubs = subs[1].split(BEGIN_TERM_LIST); if (atomSubs.length != 2)
54
55
56
                   throw new UnrecognizedStringFormatException(); atomSubs[1] = atomSubs[1].substring(0,atomSubs[1].length()-1);
                   {\tt terms} \ = \ {\tt atomSubs} \ [\, 1\, ] \, . \, \, {\tt split} \, (\, {\tt TERM\_SEPARATOR} \, ) \, ;
59
                   atomID = rule.addAtom(new Predicate(atomSubs[0],terms.length));
for (int i = 0 ; i < terms.length ; i++) {
   if (terms[i].charAt(0) == VARIABLE_MARK)</pre>
60
61
62
                                term = terms[i].substring(1,terms[i].length());
63
                                term = "'" + terms[i] + "
65
                          {\tt termID} \; = \; {\tt rule.addTerm} \, (\, \dot{\, term} \, ) \; ; \\
                          {\tt rule.addEdge}\,(\,{\tt atomID}\,\,,{\tt termID}\,\,,{\tt i}\,)\;;
67
68
69
                    /* HEAD */
70
                   atomSubs = subs[0].split(BEGIN_TERM_LIST); if (atomSubs.length != 2)
72
                   \begin{array}{lll} & & & -/\\ & & & \text{throw new} & \texttt{UnrecognizedStringFormatException}\left(\right);\\ & & & \text{atomSubs}\left[1\right] = & & \text{atomSubs}\left[1\right].\, \text{substring}\left(0\,, \text{atomSubs}\left[1\right].\, \text{length}\left(\right) - 1\right);\\ & & & \text{terms} = & & \text{atomSubs}\left[1\right].\, \text{split}\left(\,\text{TERM\_SEPARATOR}\,\right); \end{array}
73
74
75
                   atomID = rule.addAtom(new Predicate(atomSubs[0], terms.length));
76
                   77
78
79
                                term = terms[i].substring(1,terms[i].length());
80
                               term = "'" + terms[i] + "'";
81
                          termID = rule.addTerm(term);
82
                          rule.addEdge(atomID, termID, i);
84
                   rule.setHead(atomID);
85
86
```

```
if (not) {
87
                   atomID = rule.addAtom(ABSURD);
88
89
                   rule.setHead(atomID);
90
91
92
              return rule:
93
         }
95
         /**
* Parses a file and returns the graphe of rule dependencies generated from the rule
96
97
98
          * @param filePath The path to the file to read.

* @return The graph of rule dependencies corresponding, or null if an error occured.
99
100
101
         {\color{red} \textbf{public static GraphRuleDependencies parseRules(String filePath)}} \ \{
102
              try {
    GraphRuleDependencies grd = new GraphRuleDependencies();
103
104
                   String line = null;
Scanner scan = new Scanner(new File(filePath));
105
106
                   scan.useDelimiter(Pattern.compile("\n"));
108
                  line = scan.next();
                   109
110
                            ;)))) {
try {
111
112
                                grd.addVertex(parseRule(line));
113
                            catch (UnrecognizedStringFormatException exception) { }
114
115
                       line = scan.next();
116
117
                   scan.close();
119
                   return grd;
120
              catch (Exception e) {
121
                  System.out.println(e);
e.printStackTrace();
122
123
124
                   return null;
125
126
         }
127
         /** This class cannot be instantiated. */ protected DTGParser() \{\ \}
128
129
130
131
```

```
package obr;
1
2
3
       * Interface for functions checking if a graph of rule dependencies or a subset of this graph↔
4
       belongs to a concrete * decidable class. <br/> * It provides two methods, the first one is used to check the full set of rules, and the \hookleftarrow
5
6
             second one to check only
       * a strongly connected component of this set. 
* The classes which implement this interface may be used as a check function in the GRD \leftrightarrow
7
8
            Analyser.
       * @see GRDAnalyser
9
10
     public interface DecidableClassCheck {
11
12
13
            * Checks a graph of rule dependencies.

* @return The associated decidable class label if the grd belongs to this decidable \hookleftarrow
14
15
                  class,
16
             * null otherwise.
17
           DecidableClassLabel grdCheck(GraphRuleDependencies grd);
18
19
           /**

* Checks only a strongly connected component of the graph of rule dependencies.

* @param grd The graph of rule dependencies.

* @param sccID The id of the strongly connected component to be checked.

* @return The associated decidable class label if the strongly connected component ← belongs to this decidable class.
20
21
23
24
             belongs to this decidable class, * null otherwise.
25
26
           DecidableClassLabel sccCheck(GraphRuleDependencies grd, int sccID);
27
29
     };
```

```
package obr;
3
      * Label for a decidable class check.
4
     * @see GRDAnalyser
5
6
     public class DecidableClassLabel {
          static final int FES = 1;
          static final int GBTS = 2;
10
          static final int FUS = 3;
11
          static final String FES_STR = "fes";
12
          static final String GBTS_STR = "TeS";
static final String GBTS_STR = "gbts";
static final String FUS_STR = "fus";
static final String FES_STRING = "Finite Expansion Set";
static final String GBTS_STRING = "Greedy Bounded Treewidth Set";
static final String FUS_STRING = "Finite Unification Set";
13
14
15
16
17
18
          static final String shortName(int abstractClassID) {
19
               switch (abstractClassID) {
20
                    case FUS :
22
                         return FUS_STR;
                     case FES :
23
                         return FES_STR;
24
                     case GBTS :
25
26
                          return GBTS_STR;
27
                     default :
                          return "";
29
               }
          }
30
31
          static final String longName(int abstractClassID) {
32
              switch (abstractClassID) {
33
34
                    case FUS :
                         return FUS_STRING;
35
                     case FES :
36
                          return FES_STRING;
37
                     case GBTS :
38
                          return GBTS_STRING;
39
                     default :
                         return "";
41
42
               }
          }
43
44
45
           * Constructor which let all boolean attributes to false.

* @param label The label of the decidable class.
46
47
48
          public DecidableClassLabel(String label) {
49
               _label = label;
50
          }
51
          /**
* Complete constructor.
53
54
           * @param label The label of the decidable class.

* @param fus True if the concrete class belongs to fus abstract class.

* @param fes True if the concrete class belongs to fes abstract class.
55
56
57
            * @param gbts True if the concrete class belongs to gbts abstract class.
59
          public DecidableClassLabel(String label, boolean fus, boolean fes, boolean gbts) {
60
               _label = label;
61
               _{\mathtt{fus}} = \mathtt{fus};
62
                _fes = fes;
63
                _gbts = gbts;
          }
65
66
          /**
 * Label getter.
 * @return The label of the concrete class.
67
68
69
70
          public String getLabel() {
72
              return _label;
73
74
          public boolean isFUS() {
75
              return _fus;
76
77
          public boolean isFES() {
79
80
               return _fes;
81
82
83
          public boolean isGBTS() {
84
               return _gbts;
85
86
```

```
/**
 * Converts the label into a string.
 * @return A string representation of the concrete class label.
 87
 88
 89
 90
            **Override

public String toString() {

String result = _label;

result += "(";
 91
 92
 93
                   if (_fus)
 95
                   result+=FUS_STR+" ";
if (_fes)
    result+=FES_STR + " ";
 96
 97
98
                   if (_gbts)
99
                         result+=GBTS_STR + " ";
101
                   result += ")
                   return result;
102
             }
103
104
             /** The real label of the concrete class. */
private String _label;
105
106
             /** True if the concrete class belongs to fus abstract class. */ private boolean _{\tt fus} = {\tt false}\,;
108
109
110
             /** True if the concrete class belongs to fes abstract class. */ private boolean _fes = false;
111
112
113
             /** True if the concrete class belongs to gbts abstract class. */ private boolean \_gbts = false;
114
115
116
      };
117
```

```
package obr;
     {\bf import} \ \ {\tt moca.graphs.IllegalConstructionException} \ ;
     import moca.graphs.vertices.Vertex;
import moca.graphs.edges.NeighbourEdge;
4
5
     import moca.graphs.edges.IllegalEdgeException;
6
     import java.util.ArrayList;
     import java.util.Iterator;
import java.util.NoSuchElementException;
10
11
12
     * Checks if a set of rules satisfies the disconnected property.<br/>
* I.e., if all rules have a frontier of size 0.
13
14
15
     16
17
          18
               true, true, true);
19
           * Checks a graph of rule dependencies. 
 * @return The decidable class label if the grd belongs to this decidable class, null \hookleftarrow
^{21}
22
                otherwise.
23
          public DecidableClassLabel grdCheck(GraphRuleDependencies grd) {
24
25
              if (check(grd.getVertexCollection()))
               return LABEL;
return null;
26
27
          }
28
29
30

* Checks only a strongly connected component of the graph of rule dependencies.
* @param grd The graph of rule dependencies.
* @param sccID The id of the strongly connected component to be checked.
* @return The decidable class label if the strongly connected component belongs to this \( \lefta \) decidable class, null otherwise.

32
33
34
35
          \begin{array}{ll} \textbf{public} & \texttt{DecidableClassLabel} & \texttt{sccCheck} (\texttt{GraphRuleDependencies} & \texttt{grd} \;, \; \textbf{int} \; \; \texttt{sccID}) \; \; \{ \end{array}
36
               if (check(grd.getComponent(sccID)))
37
38
                     return
                              LABEL;
                return null;
39
          }
40
41
43
            * Internal check
44
           * @param rules The set of rules to be checked.
45
          protected boolean check(Iterable < Vertex < AtomicRule > > rules) {
46
                for (Vertex<AtomicRule> vrule : rules) {
47
                     if (vrule.getValue().frontier().size() != 0)
48
50
                return true;
51
          }
52
53
     };
```

```
package obr;
     {\bf import} \ \ {\tt moca.graphs.IllegalConstructionException} \ ;
     import moca.graphs.vertices.Vertex;
import moca.graphs.edges.NeighbourEdge;
 4
 5
      import moca.graphs.edges.IllegalEdgeException;
 6
      import java.util.ArrayList;
     import java.util.Iterator;
import java.util.NoSuchElementException;
 9
10
11
12
      * Checks if a set of rules satisfies the domain-restricted property.
13
14
      public class DomainRestrictedCheck implements DecidableClassCheck {
15
16
            /** Associated label. */
public static final DecidableClassLabel LABEL = new DecidableClassLabel("domain—\leftarrow restricted", true, false, false);
17
18
19
20
             * Checks a graph of rule dependencies. 
 * @return the decidable class label if the grd belongs to this decidable class, null \hookleftarrow
^{21}
22
                   otherwise.
23
            public DecidableClassLabel grdCheck(GraphRuleDependencies grd) {
24
25
                 if (check(grd.getVertexCollection()))
                  return LABEL;
return null;
26
27
            }
28
29
30
             ** Checks only a strongly connected component of the graph of rule dependencies.

* @param grd The graph of rule dependencies.

* @param sccID The id of the strongly connected component to be checked.

* @return the decidable class label if the strongly connected component belongs to this 
decidable class, null otherwise.
32
33
34
35
            \begin{array}{ll} \textbf{public} & \texttt{DecidableClassLabel} & \texttt{sccCheck} (\texttt{GraphRuleDependencies} & \texttt{grd} \;, \; \textbf{int} \; \; \texttt{sccID}) \; \; \{ \end{array}
36
37
                  if (check(grd.getComponent(sccID)))
38
                         return
                                   LABEL;
                  return null;
39
            }
40
41
            protected boolean check(Iterable < Vertex < AtomicRule > > rules) {
43
                  AtomicRule rule = null;
44
                   int frontierSize = 0;
                   \quad \quad \textbf{for} \  \, (\, \texttt{Vertex} \! < \! \texttt{AtomicRule} \! > \, \texttt{vrule} \ : \  \, \texttt{rules} \,) \  \, \{ \,
45
                        rule = vrule.getValue();
frontierSize = rule.frontier().size();
46
47
                         if ((frontierSize > 0) && (frontierSize < rule.getNbUniversalVariables()))
48
50
                   return true;
51
            }
52
53
     };
```

```
package obr;

/**

* Exception thrown by the extension algorithm if failure.

* @see AtomicRule#extension

*/
public class ExtensionFailureException extends Exception { };
```

```
package obr;
    import java.util.ArrayList;
import java.util.Iterator;
4
5
    import moca.graphs.vertices.Vertex;
6
    public class FrontierGuardedCheck implements DecidableClassCheck{
10
          public static final DecidableClassLabel LABEL = new DecidableClassLabel ("frontier-guarded↔
               ", false, false, true);
11
12
          * Checks a graph of rule dependencies. 
 * @return the decidable class label if the grd belongs to this decidable class, null \hookleftarrow
13
14
                otherwise.
15
         public DecidableClassLabel grdCheck(GraphRuleDependencies grd) {
   if (check(grd.getVertexCollection()))
16
17
                    return LABEL;
18
              return null;
20
         }
21
         /**

* Checks only a strongly connected component of the graph of rule dependencies.

* @param grd The graph of rule dependencies.

* @param scc The strongly connected component to be checked.
22
23
25
           * @return the decidable class label if the strongly connected component belongs to this \leftarrow decidable class, null otherwise.
26
27
         public DecidableClassLabel sccCheck(GraphRuleDependencies grd, int sccID) {
28
              if (check(grd.getComponent(sccID)))
29
                   return LABEL;
31
              return null;
32
33
         protected boolean check(Iterable < Vertex < AtomicRule > > rules) {
34
              for (Vertex<AtomicRule> vrule : rules) {
35
                    if (!ruleCheck(vrule.getValue()))
36
37
                         return false;
38
39
              return true:
         }
40
41
         protected boolean ruleCheck(AtomicRule rule) {
43
               ArrayList<Vertex<Object>> frontier = rule.frontier();
44
              boolean guarded;
              for (Atom atom : rule) {
   guarded = true;
45
46
                    for (Vertex<Object> vertexTerm : frontier) {
47
                         Term t = (Term)(vertexTerm.getValue());
48
                         if (!atom.contains(t)) {
                              guarded = false;
50
51
                              break:
52
                    if (guarded)
53
54
                         return true;
56
              return false;
57
         }
58
59
    };
60
```

```
package obr;
     {\bf import} \ \ {\tt moca.graphs.IllegalConstructionException} \ ;
     import moca.graphs.vertices.Vertex;
import moca.graphs.edges.NeighbourEdge;
4
5
     import moca.graphs.edges.IllegalEdgeException;
6
     import java.util.ArrayList;
     import java.util.Iterator;
import java.util.NoSuchElementException;
10
11
12
     * Checks if a set of rules satisfies the frontier-1 property.

* I.e., if all rules have a frontier of size 1.
13
14
15
     public class FrontierOneCheck implements DecidableClassCheck {
16
17
          /** Associated label. */
public static final DecidableClassLabel LABEL = new DecidableClassLabel("frontier-1", \leftarrow
18
19
                false , false , true);
20
          /**  
    * Checks a graph of rule dependencies.  
    * @return the decidable class label if the grd belongs to this decidable class, null \leftarrow
^{21}
22
23
                 otherwise.
25
           public DecidableClassLabel grdCheck(GraphRuleDependencies grd) {
               if (check(grd.getVertexCollection()))
26
                      return LABEL;
27
                return null;
28
          }
29
30
31
            **
Checks only a strongly connected component of the graph of rule dependencies.

* @param grd The graph of rule dependencies.

* @param sccID The id of the strongly connected component to be checked.

* @return the decidable class label if the strongly connected component belongs to this ← decidable class, null otherwise.
32
33
34
35
36
37
           if (check(grd.getComponent(sccID)))
    return LABEL;
38
39
                return null;
40
          }
41
43
           protected boolean check(Iterable < Vertex < AtomicRule > > rules) {
                for (Vertex<AtomicRule> vrule : rules) {
  if (vrule.getValue().frontier().size() != 1){
44
45
46
                            return false;
                      }
47
48
                return true;
50
51
     };
52
```

```
package obr;
     {\color{red} \textbf{import}} \hspace{0.2cm} \texttt{moca.graphs.vertices.Vertex} \; ;
     {\color{red} \underline{import}} \ \ \mathtt{moca.graphs.vertices.VertexBinaryFunction} \ ;
4
      import moca.graphs.Graph;
5
     import java.util.ArrayList;
6
      * Analyse a graph of rule dependencies to determine if it belongs to decidable class.<br/>
* Furthermore, the GRDAnalyser will check the strongly connected components of the GRD.<br/>
* Then, it will check if a query will be answered in a finite time.
9
10
11
12
     public class GRDAnalyser {
13
14
           public abstract class ClassChecker {
   public void unprocess() { _processed = false; }
   public void process() { _processed = true; }
   public abstract String diagnostic();
   public boolean isProcessed() { return _processed; }
   protected boolean _processed = false;
}
15
16
17
18
19
20
22
           protected class DecidableClassChecker extends ClassChecker {
23
24
                 public static final String UNPROCESSED_MSG = "Decidable class checks unprocessed!";
25
27
                   \ast Adds a new decidable class check function into the list.
28
                  * If the function already exists, it will not be added.

* @param checkFunction The new function to add.
29
30
31
32
                 public void addDecidableClassCheck(DecidableClassCheck checkFunction) {
                      if (!_checkFunctions.contains(checkFunction))
34
                             _checkFunctions.add(checkFunction);
35
                 public boolean isFES(int sccID) {
   if (!_processed)
36
37
                             return false;
38
                        ArrayList < Decidable Class Label > labels = _sccLabels.get(sccID); for (Decidable Class Label | label : labels)
39
41
                             if (label.isFES())
42
                                    return true;
                        return false;
43
44
                 public boolean isGBTS(int sccID) {
                       if (!_processed)
46
47
                              return false;
                        ArrayList < DecidableClassLabel > labels = _sccLabels.get(sccID);
48
                        for (DecidableClassLabel label: labels)
if (label.isGBTS())
49
50
                                    return true;
51
                        return false;
53
                  public boolean isFUS(int sccID) {
54
                       if (!_processed)
    return false;
55
56
                        ArrayList < Decidable ClassLabel > labels = _sccLabels.get(sccID);
for (Decidable ClassLabel label : labels)
                             if (label.isFUS())
59
60
                                    return true;
                        return false;
61
62
                  public boolean isFES() {
63
                        if (_grdLabels.size() > 0) {
    for (int i = 0 ; (i < _grdLabels.size()) ; i++) {
        if (_grdLabels.get(i).isFES())</pre>
65
67
                                          return true:
                             }
68
69
70
                        return false;
                 72
73
74
75
76
77
                             }
                        return false;
79
80
                 public boolean isFUS() {
    if (_grdLabels.size() > 0) {
        for (int i = 0 ; (i < _grdLabels.size()) ; i++) {</pre>
81
82
                                    if (_grdLabels.get(i).isFUS())
84
                                        return true;
85
86
```

```
87
                          return false;
 88
 89
 90
 91
                     * Process all checks in a specific order :
 92
 93
                     * ul>
                     * checks if the graph is cyclic ;
                     * is it is, checks all functions onto the complete graph of rule dependencies ← ;
* >and checks all functions onto each strongly connected component of the GRD.<//>
 96
                           li>
                       97
 98
 99
                   @Override
                   public void process() {
    // reset old data
    if (_processed == true)
100
101
102
                                unprocess();
103
                          // init
104
                           \begin{array}{lll} & \text{``grdLabels} &= & \text{new ArrayList} < \text{DecidableClassLabel} > () \ ; \\ & \text{\_sccLabels} &= & \text{new ArrayList} < \text{ArrayList} < \text{DecidableClassLabel} > ( \_ \text{grd.getNbComponents} \leftrightarrow \text{Components}) \\ \end{array} 
106
                                ());
                                // starts checking
107
                          if (_grd.isCyclic()) {
108
                                DecidableClassLabel 1 = null;
109
                                for (DecidableClassCheck function : _checkFunctions) {
110
111
                                            1 = function.grdCheck(_grd);
if (1 != null)
112
113
                                                   _grdLabels . add(1);
114
115
                                       rac{	extsf{catch}}{	extsf{catch}} (UnsupportedOperationException e) { /* this check function cannot \hookleftarrow
116
                                             be used against the full grd */ }
117
                                for (int i = 0 ; i < _grd.getNbComponents() ; i++) {
   _sccLabels.add(new ArrayList<DecidableClassLabel>());
   for (DecidableClassCheck function : _checkFunctions) {
118
119
120
                                             try {
    1 = function.sccCheck(_grd,i);
121
122
123
                                                   if (1 != null)
                                                          \_sccLabels.get(i).add(1);
124
125
                                             \overset{\circ}{\operatorname{catch}} (UnsupportedOperationException e) { /* ... against a single \operatorname{scc} \hookleftarrow
126
                                                     */ }
127
128
                                }
129
130
                                 _grdLabels.add(AGRD_LABEL);
131
                          _processed = true;
132
134
135
                   @Override
                   public void unprocess() {
136
                         _grdLabels = null;
_sccLabels = null;
137
138
                          _{processed} = false;
139
140
141
142
                   @Override
                   public String diagnostic() {
   if (!_processed)
143
144
                                return UNPROCESSED_MSG;
145
146
147
                          {\tt StringBuilder\ result\ =\ new\ StringBuilder\,()\,;}
148
                          // complete grd
149
                          result.append("Graph of Rule Dependencies labels :\n");
150
                          for (DecidableClassLabel label : _grdLabels) {
151
                                result.append("\t");
result.append(label);
153
154
                                result.append(' \ n');
155
                          result.append(' \ n');
156
157
                          if (_sccLabels.size() > 0)
    result.append("Strongly Connected Components labels :\n");
for (int i = 0 ; i < _sccLabels.size() ; i++) {
    result.append("C");</pre>
159
160
161
162
                                result.append(i);
163
                                result.append(, t)
164
165
                                if (\_sccLabels.get(i).size() > 0)  {
                                      for (int j = 0 ; j < _sccLabels.get(i).size() ; j++) {
   result.append(_sccLabels.get(i).get(j));
   result.append("; ");</pre>
166
167
168
```

```
}
169
170
171
                             result.append("none");
172
173
                         \verb"result.append" ( \ ` \backslash n \ ') \ ;
                    }
174
175
                    return result.toString();
177
178
               /** Contains all determined decidable class labels for the GRD. */
179
               private ArrayList<DecidableClassLabel> _grdLabels;
/** Contains all determined decidable class labels for each strongly connected ← component of the GRD. */
180
181
182
               \begin{tabular}{ll} \bf private & \tt ArrayList < \tt DecidableClassLabel > \tt \_sccLabels; \\ \end{tabular}
183
               184
185
                   DecidableClassCheck >();
186
187
          };
188
          protected class AbstractClassChecker extends ClassChecker
189
                         \frac{1}{2} implements \frac{1}{2} VertexBinaryFunction<ArrayList<Vertex<AtomicRule>>> {
190
191
               public static final String UNPROCESSED_MSG = "Abstract class checks unprocessed!";
192
193
               @Override
194
               public void unprocess()
195
                   _grdAbstractClass = 0;
196
                    _sccAbstractClass = null;
197
                    _processed = false;
198
199
200
201
               @Override
               public void process() {
   if (_processed)
202
203
                         unprocess();
204
205
                    _{	t decidable} = {	t rue};
                    if (isFES())
206
                    \label{eq:continuous} $\tt \_grdAbstractClass = DecidableClassLabel.FES; $$ else $$ if $(isGBTS())$ 
207
208
                    \tt \_grd\mathring{A}bstract\mathring{C}lass = DecidableClassLabel.GBTS\,;\\ else if (isFUS())
209
                    \verb|-grdAbstractClass| = \verb|DecidableClassLabel.FUS|; \\ else \\
210
211
212
                    _decidable = false;
//if (!_decidable) {
213
214
                         _sccAbstractClass = new int[_grd.getNbComponents()];
215
                         processCombine();
216
217
                    _processed = true;
218
219
220
               protected void processCombine() {
    ArrayList < Integer > sourceID = new ArrayList < Integer > ();
221
222
223
                    final int nbComponents = _grd.getNbComponents();
                    int i,j;
                    boolean ended;
225
                    226
227
                         228
229
230
231
                         if (j == nbComponents)
232
233
                              sourceID.add(new Integer(i));
                   }
234
235
236
                    _decidable = true;
                    {\tt Graph.WalkIterator\ iterator};
237
238
                    \texttt{setMin}(\texttt{sourceID}.\texttt{get}(\texttt{i}),\texttt{0});\\ \texttt{iterator} = \texttt{\_grd}.\texttt{getStronglyConnectedComponentsGraph}().\texttt{BFSIterator}(\texttt{sourceID},\texttt{this}, \leftarrow)
239
240
                         null);
                    while ((iterator.hasNext()) && _decidable)
242
                         iterator.next();
243
               }
244
               @Override
245
               public String diagnostic() {
    if (!_processed)
246
247
                         return UNPROCESSED_MSG;
249
250
                    if (!_decidable)
                         return "This set of rule cannot be used to make a query.";
251
252
```

```
StringBuilder result = new StringBuilder();
253
                      if (_grdAbstractClass > 0) {
   result.append("All the GRD rules belongs to the ");
255
                           result.append(DecidableClassLabel.longName(_grdAbstractClass));
256
                           257
258
259
                           \tt result.append(DecidableClassLabel.longName(\_grdAbstractClass));\\
260
                           \mathtt{result.append} \left( \ ^{,} \backslash n \ ^{,} \right);
261
262
263
                           result.append("You must use different algorithms depending on the stongly ← connected component.\n\n");
264
266
                           result.append("Strongly Connected Components Abstract Classes :\n");
                      267
268
                           result.append(i);
result.append("]\t");
269
270
                           result.append(DecidableClassLabel.longName(_sccAbstractClass[i]));
271
                           result.append(' \ n');
273
274
                      return result.toString();
275
                }
276
277
                 * Abstract class to "use" on the full GRD.
* O means there is not only one abstract class which contains all rules.
279
280
281
                private int _grdAbstractClass = 0;
282
283
                 * Contains the abstract class label to use on the specific strongly connected
                 * component.
285
286
                private int _sccAbstractClass[] = null;
private boolean _decidable = false;
287
288
289
290
                \begin{array}{ll} \textbf{public} & \textbf{void} & \texttt{exec} \, (\, \texttt{Vertex} \! < \! \texttt{ArrayList} \! < \! \texttt{Vertex} \! < \! \texttt{AtomicRule} \! > \, > \, > \, \text{pred} \end{array}
291
292
                                       {\tt Vertex}{<}{\tt ArrayList}{<}{\tt Vertex}{<}{\tt AtomicRule}{>}{>}{\tt next})\  \, \{
                      293
                      final int sccNextID = next.getID();
if (_sccAbstractClass[sccPredID]) = _sccAbstractClass[sccNextID])
294
295
                           setMin(sccNextID, _sccAbstractClass[sccPredID]);
296
297
298
                private void setMin(int sccNextID, int label) {
                       \begin{tabular}{ll} if & (label <= DecidableClassLabel.FES) & \\ \end{tabular} 
299
                           if (isFES(sccNextID)) {
   _sccAbstractClass[sccNextID] = DecidableClassLabel.FES;
300
301
                                return;
302
304
305
                      if (label \le DecidableClassLabel.GBTS)  {
                           if (isGBTS(sccNextID)) {
306
                                _sccAbstractClass[sccNextID] = DecidableClassLabel.GBTS;
307
308
309
                           }
310
                      if (label \leftarrow DecidableClassLabel.FUS) {
311
                           if (isFUS(sccNextID)) {
    _sccAbstractClass[sccNextID] = DecidableClassLabel.FUS;
312
313
                                return;
314
                           }
315
316
                      _decidable = false;
317
318
                      \_sccAbstractClass[sccNextID] = 0;
319
                }
320
321
           };
322
323
324
           \begin{array}{lll} \textbf{public} & \textbf{static} & \textbf{final} & \textbf{DecidableClassLabel} & \textbf{AGRD\_LABEL} = \textbf{new} & \textbf{DecidableClassLabel} (\text{"acyclic-grd} \hookleftarrow \text{"acyclic-grd} ) \\ \end{array}
325
                 ', true, true, false);
327
            \ast Constructor. 
 \ast @param grd The graph of rule dependencies to be analysed.
328
329
330
           public GRDAnalyser(GraphRuleDependencies grd) {
331
332
                _{\tt grd} = {\tt grd};
333
334
335
           public void setGRD(GraphRuleDependencies grd) {
336
                _{\tt grd} = {\tt grd};
                _decidableChecker.unprocess();
337
```

```
_abstractChecker.unprocess();
338
340
          public String diagnostic() {
341
               String diagnostic() {
StringBuilder result = new StringBuilder();
result.append("[a] DECIDABLE CLASS CHECKS\n\n");
result.append(_decidableChecker.diagnostic());
result.append("\n\n[b] ABSTRACT CLASS TO USE\n\n
342
343
344
345
               result.append(_abstractChecker.diagnostic());
346
347
               return result.toString();
          }
348
349
          public void addDecidableClassCheck(DecidableClassCheck checkFunction) {
350
               _decidableChecker.addDecidableClassCheck(checkFunction);
352
353
          public void process() {
   processDecidableClass();
354
355
               processAbstractClass();
356
357
          {\color{red} \textbf{public} \ \textbf{void} \ \textbf{processDecidableClass()} \ \{
359
               \_\mathtt{decidableChecker.process}\left(\right);
360
361
362
          public void processAbstractClass() {
363
364
               _abstractChecker.process();
365
366
          public boolean isFUS() {
367
               return _decidableChecker.isFUS();
368
369
371
          public boolean isFES() {
372
               {\tt return \_decidableChecker.isFES();}
373
374
          public boolean isGBTS() {
375
376
               return _decidableChecker.isGBTS();
377
378
          public boolean isFUS(int sccID) {
379
               return _decidableChecker.isFUS(sccID);
380
381
382
383
          public boolean isFES(int sccID) {
384
              return _decidableChecker.isFES(sccID);
          }
385
386
          public boolean isGBTS(int sccID) {
387
               return _decidableChecker.isGBTS(sccID);
388
390
          /** The graph of rule dependencies to be analysed. */ {\tt private} GraphRuleDependencies {\tt \_grd}\,;
391
392
393
          394
396
397
```

```
package obr;
     {\bf import \;\; moca.\, graphs.\, Directed Simple Graph;}
4
     {\color{red} \mathbf{import}} \hspace{0.2cm} \texttt{moca.graphs.IllegalConstructionException} \; ; \\
     import moca.graphs.vertices.Vertex;
5
     {\color{red} \textbf{import}} \hspace{0.2cm} \texttt{moca.graphs.edges.IllegalEdgeException} \; ; \\
6
     import moca.graphs.edges.NeighbourEdge;
     import java.util.ArrayList;
import java.util.Iterator;
10
     import java.util.HashMap;
import java.util.NoSuchElementException;
11
12
13
14
15
      * Represents the graph of position dependencies corresponding to a GRD or to one of its \hookleftarrow
16
      strongly connected components.<br/>
to />
* The graph maintains a hash map to find quickly the vertex corresponding to a predicate and ↔
17
              its position.
         It is used to check the weakly-acyclic and the weakly-sticky properties.
18
19
     public class GraphPositionDependencies extends DirectedSimpleGraph < Predicate , Boolean > {
20
21
22
           /**
 * Default constructor.
23
24
25
           public GraphPositionDependencies() throws IllegalConstructionException {
26
                super();
27
28
29
30
            * Constructor from a set of rules.
            * @param rules The set of rule to convert.
31
32
           	extstyle{public} GraphPositionDependencies (Iterable < Vertex < AtomicRule >> rules) 	extstyle{throws} \leftarrow
33
                IllegalConstructionException {
34
                 super():
                 init(rules);
35
           }
36
37
38
            * Adds a predicate into the graph if not already in.

* Note that the number of created vertices is equals to the predicate arity.
39
40
            * @param p The predicate to be added.
41
42
           public void addPredicate(Predicate p) {
43
44
                45
                       {	t \_predicateIndex.put(p,getNbVertices()):}
                       for (int i = 0; i < p.getArity(); i++)
    addVertex(p);</pre>
46
47
                 }
48
           }
50
51
            * Convenient method to add a non special edge between two predicate positions.

* (from the first to the second)

* @param p The first predicate.
52
53
54
             * @param positionP The first position (it must be lesser than p arity).
             * @param q The second predicate.
            * @param positionQ The second position (it mus be lesser than q arity).
57
58
      \begin{array}{cccc} \textbf{public}^{'} \ \textbf{void} & \texttt{addEdge} \left( \texttt{Predicate} \ \textbf{p}, \ \textbf{int} \ \texttt{positionP} \ , \ \texttt{Predicate} \ \textbf{q}, \ \textbf{int} \ \texttt{positionQ} \right) \ \left\{ \\ & \texttt{addEdge} \left( \textbf{p}, \texttt{positionP}, \textbf{q}, \texttt{positionQ}, \frac{\texttt{false}}{\texttt{palse}} \right); \end{array} 
59
60
           }
61
62
63
            * Convenient method to add a non special edge between two predicate positions.

* (from the first to the second)

* @param p The first predicate.
64
65
66
               @param position P The first position (it must be lesser than p arity).
67
            * @param q The second predicate.

* @param positionQ The second position (it mus be lesser than q arity).

* @param special The edge value, if true it will be a special edge.
69
70
71
           \overline{\text{public}} void addEdge(Predicate p, int positionP, Predicate q, int positionQ, Boolean \leftrightarrow
72
                 special) {
                 try {
                      \verb"addEdge" (getVertex" (p, positionP"), getVertex" (q, positionQ"), special);\\
74
75
                 catch (IllegalEdgeException e) {
76
                      // if an edge already exists its value should be checked against the special \leftrightarrow
77
                            parameter.
           }
79
80
81
```

```
* Returns the vertex associated to a predicate position. < br />
 82
              Uses an internal hash map to provide fast access.

@param p The predicate to be found.
 83
 84
               @param position The position inside the predicate.
@throws NoSuchElementException Whenever a predicate does not belong to the graph, or ← if the position is greater than predicate arity.
 85
 86
            	extstyle{	t public} Vertex<Predicate> getVertex(Predicate p, 	ext{int} position) 	ext{throws} \leftrightarrow
 88
                 {\tt NoSuchElementException} \ \ \{
                 if (position >= p.getArity())
 89
                      throw new NoSuchElementException();
 90
                 Integer pIndex = _predicateIndex.get(p);
if (pIndex == null)
 91
 92
                       throw new NoSuchElementException();
 94
                 return getVertex(pIndex+position);
 95
 96
 97
            * Used to check the weakly acyclic property.

* @return True if there is no position with infinite rank, i.e. if it is weakly acyclic.
 98
 99
101
            public boolean finiteRank()
                 if (_finiteRanks != null) {
   for (int i = 0 ; i < getNbComponents() ; i++)
      if (!_finiteRanks[i])</pre>
102
103
104
                                 return false;
105
106
                 if (isAcyclic())
107
108
                      return true;
                 boolean success = true;
109
                 ArrayList < Vertex < Predicate > > scc = null;
110
                  \begin{array}{lll} & \text{for (int i = 0 ; (i < getNbComponents()) \&\& success ; i++) \{ \\ & \text{scc} = getComponent(i); } \end{array} 
111
                       // NOT OPTIMIZED TODO
113
                      114
115
                                 try {
   if (getEdgeValue(scc.get(j).getID(),scc.get(k).getID()) == true)
116
117
118
120
                                  catch (NoSuchElementException e) {
                                       // the edge does not exist,
// in particular there is no special edge
121
122
123
124
                           }
125
                      }
126
127
                 return success;
           }
128
129
130
             * Used to check the weakly sticky property.

* @param vertexID The vertex to be checked.

* @return True if the position corresponding to the vertex has a finite rank.
132
133
134
           public boolean finiteRank(int vertexID) {
135
                 if (_finiteRanks == null) {
136
                       if (isAcyclic())
137
                            return tru
139
                      processFiniteRanks();
140
                 return _finiteRanks[vertexID];
141
           }
142
143
144
145
             * Convenient method for finiteRank(vertexID).
146
             * @see #finiteRank(int)
147
           public boolean finiteRank(Predicate p, int position) {
   return finiteRank(getComponentID(getVertex(p,position).getID()));
148
149
151
152
            * Internal method which process the predicate positions ranks. * Will only be called by the finiteRank(int vertexID) method.
153
154
155
           protected void processFiniteRanks()
                 _finiteRanks = new boolean[getNbComponents()];
ArrayList<Vertex<Predicate>> scc = null;
157
158
                 for (int i = 0 ; i < getNbComponents() ; i++) {
   scc = getComponent(i);
   _finiteRanks[i] = true;</pre>
159
160
161
                       // NOT OPTIMIZED TODO
162
                       163
                            for (int k = 0; (k < scc.size()) && _finiteRanks[i]; k++) {
164
165
                                 try {
                                       if (getEdgeValue(scc.get(j).getID(),scc.get(k).getID()) == true)
166
```

```
_finiteRanks[i] = false;
167
168
                                       catch (NoSuchElementException e) { }
169
                                }
170
                         }
171
                   }
172
173
             }
174
175
              * Converts a vertex to the predicate position string.

* @param vertexID The id of the vertex to be converted.

* @return A string of form "p[i]"
176
177
178
179
             public String predicatePositionToString(int vertexID) {
180
181
                   \label{eq:predicate_p} \texttt{Predicate} \ \ p \ = \ \texttt{get} \, (\, \texttt{vertexID} \, ) \, ;
                   int position = 1;
boolean end = false;
while ((vertexID - position >= 0) && (!end)) {
   if (p.compareTo(get(vertexID-position)) == 0)
182
183
184
185
                                position++;
186
187
188
                                end = true;
189
                   position --:
190
                   return p.getLabel() + "[" + position + "]";
191
             }
192
194
              * Converts the full graph into a string. <br/> * It will first contain the vertices values, and then the edges.
195
196
197
             @Override
198
             public String toString() {
    StringBuilder result = new StringBuilder();
199
200
201
                   {\tt NeighbourEdge}\!<\!{\tt Boolean}\!>\;{\tt edge}\;=\;{\tt null}\;;
202
                    // vertices
203
                    for (int i = 0; i < getNbVertices(); i++) {
204
                         result.append(i);
result.append(": ");
205
206
207
                          {\tt result.append} \, (\, {\tt predicatePositionToString} \, (\, {\tt i} \, ) \, ) \, ;
208
                          result.append(' \ ');
209
                   result.append('\n');
210
211
212
                   /*while (predicateIndex < getNbVertices()) {
213
                          positionIndex = 0;
                          while (positionIndex < get(predicateIndex).getArity()) {
    result.append(predicateIndex + positionIndex);
    result.append(" : ");</pre>
214
215
216
                                result.append(get(predicateIndex).getLabel());
result.append("[");
217
218
                                result append (positionIndex);
result append ("]");
result append ('\n');
positionIndex++;
219
220
221
222
223
                          predicateIndex += positionIndex;
224
                   }*/
225
226
                    // edges
227
                   for (int i = 0 ; i < getNbVertices() ; i++) {
    for (Iterator<NeighbourEdge<Boolean>> iterator = neighbourIterator(i) ; iterator↔
228
229
                                 .hasNext() ;) {
                                edge = iterator.next();
230
                                {\tt result.append(predicatePositionToString(i))};\\
231
232
                                if (edge.getValue() = true)
result.append("\tx->\t");
233
234
235
                                      result.append("\t-->\t");
                                \tt result.append(predicatePositionToString(edge.getIDV()));\\
236
237
                                result.append(
238
                         }
239
                    return result.toString();
240
241
             }
242
243
              * Fullfills the graph from the set of rules.

* @param rules The set of rule.
244
245
246
             protected void init(Iterable < Vertex < AtomicRule > > rules) {
247
249
                     / vertices
                   for (Vertex<AtomicRule> rule : rules) {
   for (int i = 0 ; i < rule.getValue().getNbAtoms() ; i++)
        addPredicate(rule.getValue().getPredicate(i));</pre>
250
251
252
```

```
253
254
255
                                    // edges
                                   Vertex < Object > headVertex = null;
256
                                   AtomicRule rule = null;
Term neighbour = null;
Vertex<0bject> vertex = null;
257
258
259
                                   {\tt NeighbourEdge}{<} {\tt Integer}{>} \ {\tt edge} \ = \ {\tt null} \ ;
260
                                   {\tt NeighbourEdge}{<} {\tt Integer}{>} \ {\tt edge2} \ = \ {\tt null} \ ;
261
262
                                   NeighbourEdge < Integer > edge3 = null;
                                   Predicate p,q;
Vertex<Predicate> ri = null;
263
264
                                   Vertex < Predicate > sj = null;
265
                                    int positionP , positionQ;
267
                                   for (Vertex<AtomicRule> vertexRule : rules) {
268
                                               {\tt rule} \; = \; {\tt vertexRule.getValue} \, (\,) \; ; \\
                                              headVertex = rule.getHead();
for (Iterator<NeighbourEdge<Integer>> neighbourIterator = rule.neighbourIterator↔
269
270
                                                           (headVertex.getID())
                                                          neighbourIterator.hasNext() ;)
271
                                                          edge = neighbourIterator.next();
272
                                                         neighbour = rule.getTerm(edge.getIDV()-rule.getNbAtoms());

if (rule.isUniversal(rule.getVertex(edge.getIDV()))) {

   for (Iterator<NeighbourEdge<Integer>> neighbourIterator2 = rule.↔
273
274
275
                                                                                 neighbourIterator(edge.getIDV())
neighbourIterator2.hasNext();)
276
277
                                                                                 edge2 = neighbourIterator2.next();
278
                                                                                  vertex = rule.getVertex(edge2.getIDV());
279
                                                                                 if (rule.isBody(vertex)) {
280
                                                                                            p \, = \, (\, \texttt{Predicate} \,) \, (\, \texttt{vertex} \, . \, \texttt{getValue} \, (\,) \,) \, ;
                                                                                            positionP = edge2.getValue();
281
                                                                                             \begin{aligned}  ri &= \text{getVertex}(p, positionP); \\  for & (Iterator < NeighbourEdge < Integer > ) \text{ neighbourIterator3} = \text{rule}. \\  &\leftarrow \end{aligned} 
282
                                                                                                        \tt neighbourIterator(edge.getIDV()) \; ; \; neighbourIterator 3.has \texttt{Next} {\leftarrow}
                                                                                                        284
                                                                                                        if (rule.isHead(rule.getVertex(edge3.getIDV()))) {
   q = rule.getPredicate(edge3.getIDV());
285
286
287
                                                                                                                   positionQ = edge3.getValue();
                                                                                                                   addEdge(p,positionP,q,positionQ);
288
289
290
                                                                                             \begin{array}{lll} \textbf{for} & \texttt{(Iterator < Neighbour Edge < Integer > neighbour Iterator 3 = rule.} \\ \leftarrow & \texttt{(Iterator < Neighbour Edge < Integer > neighbour = neighbour Edge < Integer > neighbour = neighbo
291
                                                                                                        {\tt neighbourIterator(headVertex.getID())} \; ; \; {\tt neighbourIterator3.} \leftarrow
                                                                                                        hasNext();) {
292
                                                                                                        edge3 = neighbourIterator3.next();
293
                                                                                                        if \ (\texttt{rule.isExistential}(\texttt{rule.getVertex}(\texttt{edge3.getIDV}()))) \ \{
                                                                                                                  q = (Predicate)(headVertex.getVertex(edges
q = (Predicate)(headVertex.getValue());
positionQ = edge3.getValue();
sj = getVertex(q,positionQ);
if (isEdge(ri.getID(),sj.getID()))
    removeEdge(ri.getID(),sj.getID());
addEdge(p,positionP,q,positionQ,true);
294
295
296
297
298
299
300
                                                                                                      }
                                         } }
                                                                                        }
301
302
303
304
305
                                  }
306
307
308
309
                        /** Internal hash map used to access to the first vertex corresponding to the predicate. \hookleftarrow
310
                        */
private HashMap<Predicate,Integer> _predicateIndex = new HashMap<Predicate,Integer>();
/** Array of same length as the number of components, and valuing true if the scc has a ←
finite rank. */
private boolean _finiteRanks[] = null;
311
312
313
314
            };
```

```
package obr;
    {\color{red} \mathbf{import}} \hspace{0.2cm} \texttt{moca.graphs.DirectedSimpleGraph} \; ; \\
4
    {\color{red} \mathbf{import}} \hspace{0.2cm} \texttt{moca.graphs.IllegalConstructionException} \; ; \\
    {\color{red} \mathbf{import}} moca.graphs.vertices.Vertex;
5
    import moca.graphs.edges.IllegalEdgeException;
6
    import moca.graphs.edges.Edge;
    import moca.graphs.edges.NeighbourEdge;
    import moca.graphs.visu.AcyclicGraphLocalizer;
10
    {\color{red} \mathbf{import}} moca.graphs.visu.PolygonLocalizer;
    import moca.graphs.visu.PostScriptConverter;
11
    import moca.graphs.visu.SCCIdentityFunction;
12
13
    import java.util.ArrayList;
14
    import java.util.Scanner;
import java.util.Iterator;
16
17
    {\color{red} \mathbf{import}} java.util.regex.Pattern;
    import java.io.File;
18
    //import java.io.OutputStreamWriter;
//import java.io.BufferedOutputStream;
19
20
    //import java.io.FileOutputStream;
22
23
24
    /**
 * Unsecure :
25
        if a vertex already in the graph is added once again, it may produce strange behaviour
26
27
         if an edge is added manually it may produce errors
    public class GraphRuleDependencies extends DirectedSimpleGraph < AtomicRule , Boolean > {
29
30
         public GraphRuleDependencies() throws IllegalConstructionException {
31
             super();
32
33
34
35
         public GraphRuleDependencies(String filePath) throws IllegalConstructionException {
36
              super (
              fromFile(filePath);
37
38
39
         \textcolor{red}{\textbf{public}} \hspace{0.2cm} \textbf{GraphRuleDependencies} \hspace{0.1cm} \textbf{(GraphRuleDependencies} \hspace{0.1cm} \textbf{g)} \hspace{0.1cm} \textcolor{red}{\textbf{throws}} \hspace{0.1cm} \textbf{IllegalConstructionException} \leftarrow \textcolor{red}{}
41
              super(g);
         }
42
43
          * Whenever a vertex is added, the rule is checked for unification against all others.
45
46
          * This provides an always updated graph.
47
         public void addVertex(AtomicRule rule) {
48
              super.addVertex(rule);
49
              Vertex < AtomicRule > r = getVertex(getNbVertices()-1);
50
              Vertex < AtomicRule > r2 = null;
              52
                   hasNext();) {
                  r2 = ruleIterator.next();
53
                  54
55
                            addEdge(r.getID(),r2.getID(),true)
57
58
                   catch (IllegalEdgeException e) {
59
                           the edge already exists
60
                   try {
61
                        if ((r2 != r) && (r2.getValue().mayImply(r.getValue())))
    addEdge(r2.getID(),r.getID(),true);
63
64
                   catch (IllegalEdgeException e) {
65
                       // the edge already exists
66
67
             }
68
         }
70
71
         public void fromFile(String filePath) {
72
                  String line = null;
73
                   Scanner scan = new Scanner(new File(filePath));
74
                   scan.useDelimiter(Pattern.compile("\n"));
                   while (scan.hasNext())
76
77
                       addVertex(new AtomicRule(scan.next()));
                   scan.close();
78
79
              catch (Exception e) {
80
81
                  System.out.println(e);
                   e.printStackTrace();
83
84
```

```
85
              public String toString(){
 86
                    {\tt StringBuilder \ stringBuilder = \frac{new}{} \ StringBuilder();}
 87
                    int i = 0;
for (AtomicRule rule : this) {
 88
 89
                          stringBuilder.append("R");
stringBuilder.append(i);
 90
 91
                          stringBuilder.append(":
                          stringBuilder.append(rule);
 93
 94
                          stringBuilder.append(' \ ' );
 95
                          i++:
 96
                    stringBuilder.append('\n');
 97
                    Vertex < Atomic Rule > rule = null;
boolean newelement = false;
 99
                                                                               // TODO
                     \begin{array}{lll} \textbf{for} & (\texttt{Iterator} < \texttt{Vertex} < \texttt{AtomicRule} > & \texttt{ruleIterator} & = & \texttt{vertexIterator}() & ; & \texttt{ruleIterator} & \leftarrow \\ \end{array} 
100
                          hasNext() ; ) {
newelement = false;
101
                          rule = ruleIterator.next();
102
                                 for (Iterator < Neighbour Edge < Boolean > > neighbour = neighbour Iterator (rule. ←
    getID()); neighbour.hasNext(); ) {
if (!newelement) {
103
104
                                       {\tt stringBuilder.append("R")};\\
105
                                       stringBuilder.append(rule.getID());
stringBuilder.append("\t-->\t");
106
107
108
                                 \operatorname{\mathtt{stringBuilder}} . \operatorname{\mathtt{append}}(\operatorname{\mathtt{"R"}}) ;
109
                                 {\tt stringBuilder.append(neighbour.next().getIDV())};\\
110
111
                                 stringBuilder.append(',');
112
                                 newelement = true:
113
                           \inf_{if} (newelement == true)
114
                                 stringBuilder.append(' \setminus n');
116
117
                    return stringBuilder.toString();
118
119
             public String stronglyConnectedComponentsToString() {
120
121
                    {\tt DirectedSimpleGraph} < {\tt ArrayList} < {\tt Vertex} < {\tt AtomicRule} >>, \ {\tt Boolean} > {\tt sccg} \ = \ \hookleftarrow
                          getStronglyConnectedComponentsGraph();
                    StringBuilder stringBuilder = new StringBuilder();

for (int i = 0 ; i < sccg.getNbVertices() ; i++) {
    stringBuilder.append('C');
    stringBuilder.append(i);
    stringBuilder.append("\tau');
    for (int i = 0 : i < sccg.getVertex(i) getValue
122
123
124
125
126
                          for (int j = 0 ; j < sccg.getVertex(i).getValue().size() ; j++) {
    stringBuilder.append(sccg.getVertex(i).getValue().get(j).getID());
    if (j != sccg.getVertex(i).getValue().size()-1)
        stringBuilder.append(',');</pre>
127
128
129
130
131
                          stringBuilder.append('\n');
132
134
                    boolean newelement = false;
                    for (int i = 0 ; i < sccg.getNbVertices() ; i++) {
    newelement = false;</pre>
135
136
                            \begin{array}{lll} \textbf{for} & (\texttt{Iterator} < \texttt{NeighbourEdge} < \texttt{Boolean} > > \texttt{neighbour} = \texttt{sccg.neighbourIterator}(\texttt{i}) \; \; ; \; \; \hookleftarrow \end{array} 
137
                                 neighbour.hasNext();) {
                                 if (!newelement) (
                                       stringBuilder.append("C");
139
                                       stringBuilder.append(i);
140
                                       {\tt stringBuilder.append("\t-->\t");}
141
142
                                 stringBuilder.append("C");
143
                                 stringBuilder.append(neighbour.next().getIDV());
144
145
                                 stringBuilder.append(',');
146
                                 newelement = true;
147
                           if (newelement)
148
                                 stringBuilder.append('\n');
149
150
                    return stringBuilder.toString();
152
153
              public void sccToPostScript(String filePath) {
154
                    PostScriptConverter psOutput = new PostScriptConverter(
getStronglyConnectedComponentsGraph(),
155
156
157
                           480,640,
                          \stackrel{	ext{new}}{	ext{new}} AcyclicGraphLocalizer (480,640) ,
158
159
                          {\tt SCCIdentityFunction.instance} \ (\ ) \ ,
                            Strongly Connected Components");
160
                    psOutput.writeToFile(filePath);
161
             }
162
163
              public void toPostScript(String filePath) {
164
165
                    {\tt PostScriptConverter} \ \ ps{\tt Output} \ = \ \underset{\tt new}{\tt new} \ \ {\tt PostScriptConverter} (
166
                          480,640,
167
```

```
new PolygonLocalizer (480,640),
RuleIdentityFunction.instance(),
"Graph of Rule Dependencies");
psOutput.writeToFile(filePath);
};

};
```

```
package obr;
    import java.util.ArrayList;
import java.util.Iterator;
4
    import moca.graphs.vertices.Vertex;
6
    public class GuardedCheck implements DecidableClassCheck{
10
          false , true);
11
12
           * Checks a graph of rule dependencies. 
 * @return the decidable class label if the grd belongs to this decidable class, null \hookleftarrow
13
14
                otherwise.
15
         public DecidableClassLabel grdCheck(GraphRuleDependencies grd) {
   if (check(grd.getVertexCollection()))
16
17
                    return LABEL;
18
               return null;
20
         }
21
22
           * Checks only a strongly connected component of the graph of rule dependencies.

* @param grd The graph of rule dependencies.

* @param scc The strongly connected component to be checked.
23
25
           * @return the decidable class label if the strongly connected component belongs to this \leftarrow decidable class, null otherwise.
26
27
          public DecidableClassLabel sccCheck(GraphRuleDependencies grd, int sccID) {
28
              if (check(grd.getComponent(sccID)))
29
                    return LABEL;
31
               return null;
32
         33
34
                                                         ---GUARDED?-
               //System.out.println("----
35
               AtomicRule rule;
36
               int i,nbAtoms,nbVars;
37
38
               boolean guarded;
               for (Vertex<AtomicRule> vrule : rules) {
39
                     \begin{tabular}{ll} \tt rule &= \tt vrule.getValue(); \\ \end{tabular} 
40
                    nbAtoms = rule.getNbAtoms();
41
                    nbVars = rule.getNbUniversalVariables();
43
                    guarded = false
                    //System.out.println("rule = "+rule+"\nnbAtoms = "+nbAtoms+"\nnbVars = "+nbVars);
for (i = 0; (i < nbAtoms) && !guarded; i++) {
    //System.out.println("i = "+i+"\nisHead()?"+rule.isHead(i)+"\nvars = "+rule.\cup variables(i).size());
    if ((!nd) = in" | (!) |
44
45
46
                          if ((!rule.isHead(i))
47
                         && (nbVars == rule.variables(i).size()))
48
49
                              guarded = true;
50
                    if (!guarded)
51
                         return false;
52
53
               return true;
         }
55
56
    }
57
```

```
package obr;

/**

* Exception thrown by the marking process of some concrete class checks when it fails.

* @see StickyCheck#mark

* @see WeaklyStickyCheck#mark

*/

public class MarkFailureException extends Exception { };
```

```
package obr;
    import java.lang.Comparable;
4
5
     * Represents a predicate with its label and its arity. <br/> />
6
     public class Predicate implements Comparable < Predicate > {
9
10
          /**
 * Constructor.
11
           * @param label The predicate label.
12
           * @param arity The predicate arity.
13
14
          15
16
              _{label} = label;
               _{\mathtt{arity}} = \mathtt{arity};
17
          }
18
19
20
           * Copy constructor.
22
          * @param p The predicate to be copied.
23
          public Predicate(Predicate p) {
    _label = new String(p.getLabel());
    _arity = p.getArity();
24
25
26
27
28
          /**

* Constructor from a string representation.

* @param str The string representation.
29
30
31
           * @throws UnrecognizedStringFormatException If the string format is not correct.
32
          public Predicate(String str) throws UnrecognizedStringFormatException {
34
35
               fromString(str);
          }
36
37
38
          * Label getter.
* @return The predicate label.
39
40
41
          public String getLabel() {
42
              return _label;
43
          }
44
45
46
           * Arity getter.
47
          * @return The predicate arity.
48
49
          public int getArity() {
50
              return _arity;
51
53
54
           * Label setter.

* @param value The new label to set.
55
56
57
          public void setLabel(String value) {
59
              _label = value;
60
61
62
          * Arity setter.

* @param value The new arity to set.
63
65
66
          \begin{array}{ccc} \textbf{public} & \textbf{void} & \textbf{setArity(int} & \textbf{value)} \end{array} \big\{
              _arity = value;
67
68
69
70
          * Converts the predicate into a string.

* @return A string representation of the predicate.
72
73
          @Override
74
          public String toString() {
    return _label + '/' + _arity;
75
76
77
          }
78
         /**

* Converts from a string.<br/>
* A well-formated string is under the form of: &lt;predicate label&gt;/&lt;arity&gt;.

* @param str The string representation of a predicate.

* @throws UnrecognizedStringFormatException If the string is not well-formated.
79
80
81
82
84
          85
86
```

```
if (substr.length != 2)
 87
                         throw new UnrecognizedStringFormatException();
 88
 89
                   _{label} = substr[0];
                   \verb"_arity" = \texttt{new} \  \, \texttt{Integer} \, (\, \texttt{substr} \, [\, 1\, ]\, ) \, . \, \, \texttt{intValue} \, (\, ) \, \, ;
 90
            }
 91
 92
             /**
* Clones the predicate.
 93
 95
             * @return A clone.
 96
             public Predicate clone() {
 97
                  return new Predicate(new String(_label),_arity);
 98
99
            /**

* Compares two predicates.<br />

* Both label and arity are used.

* @return -1 if this &lt; p

* 0 if this = p

101
102
103
104
105
              *  1 if this > p  
106
108
             @Override
            public int compareTo(Predicate p) {
   if (getArity() < p.getArity())
      return -1;
   else if (getArity() > p.getArity())
109
110
111
112
                        return 1;
114
115
                         return _label.compareTo(p.getLabel());
116
            }
117
118
              * Overriden to provide an equals—consistent class.

* @param o The object to check against.

* @return True if this equals to o, false otherwise.
120
121
122
             @Override
123
             public boolean equals(Object o) {
124
125
                 if (!(o instanceof Predicate))
                         return false;
                   return compareTo((Predicate)o) == 0;
127
            }
128
129
130
             * Hashcode of the predicate.<br/>
* Hash the label and adds the arity.<br/>
* @return The hash code of the predicate.
131
132
133
134
             @Override
135
             public int hashCode() {
136
                 return _label.hashCode()+_arity;
137
139
            /** The label of the predicate. */
private String _label;
140
141
142
             /** The arity of the predicate. */
143
             private int _arity = 1;
146
      };
```

```
package obr;
      {\bf import} \ \ {\tt moca.graphs.IllegalConstructionException} \ ;
      import moca.graphs.vertices.Vertex;
import moca.graphs.edges.NeighbourEdge;
 4
 5
      import moca.graphs.edges.IllegalEdgeException;
 6
      import java.util.ArrayList;
      import java.util.Iterator;
import java.util.NoSuchElementException;
 9
10
11
12
      * Checks if a set of rules satisfies the range-restricted property.
 * I.e., if there is no existential variables.
13
14
15
      public class RangeRestrictedCheck implements DecidableClassCheck {
16
17
             /** Associated label. */
18
             public static final DecidableClassLabel LABEL = new DecidableClassLabel("range-restricted ←
19
                    ", false, true, true);
20
            /**  
    * Checks a graph of rule dependencies.  
    * @return The decidable class label if the grd belongs to this decidable class, null \leftarrow
^{21}
22
23
                    otherwise.
25
             public DecidableClassLabel grdCheck(GraphRuleDependencies grd) {
                  if (check(grd.getVertexCollection()))
    return LABEL;
26
27
                   return null;
28
            }
29
30
              **
Checks only a strongly connected component of the graph of rule dependencies.

* @param grd The graph of rule dependencies.

* @param sccID The id of the strongly connected component to be checked.

* @return The decidable class label if the strongly connected component belongs to this ← decidable class, null otherwise.
32
33
34
35
36
37
             rac{	t public}{	t blue} DecidableClassLabel sccCheck(GraphRuleDependencies grd, rac{	t int}{	t t} sccID) {
                   if (check(grd.getComponent(sccID)))
    return LABEL;
return null;
38
39
40
            }
41
43
             * Internal check.

* @param rules The set of rule to check.

* @return True if there is no existential variables, false otherwise.
44
45
46
47
             protected boolean check(Iterable < Vertex < AtomicRule > > rules) {
48
                   for (Vertex AtomicRule > vertex \ AtomicRule > \) rules) {
    for (Vertex \ AtomicRule > vrule : rules) {
        for (Iterator \ Vertex \ Object > \) termIterator = vrule .getValue() .vertexTermIterator \( \)
        () ; termIterator .hasNext() ;) {
        if (vrule .getValue() .isExistential(termIterator .next()))
50
51
52
                                        return false:
                          }
53
55
                   return true;
            }
56
57
      };
58
```

```
package obr;
     import moca.graphs.vertices.Vertex;
import moca.graphs.vertices.VertexIdentityFunction;
4
5
     public class RuleIdentityFunction extends VertexIdentityFunction < AtomicRule > {
    public String exec(Vertex < AtomicRule > v) {
        return "R"+v.getID();
    }
}
6
9
           public static RuleIdentityFunction instance() {
    if (_instance == null)
    _instance = new RuleIdentityFunction();
10
11
12
                 return _instance;
13
14
           15
16
     };
17
```

```
package obr;
     {\color{red} \underline{import}} \hspace{0.2cm} \texttt{moca.graphs.IllegalConstructionException} \; ; \\
    import moca.graphs.vertices.Vertex;
import moca.graphs.edges.NeighbourEdge;
4
5
     import moca.graphs.edges.IllegalEdgeException;
6
     import java.util.ArrayList;
     import java.util.Iterator;
import java.util.NoSuchElementException;
10
11
12
     * Checks if a set of rules satisfies the stickiness property.
13
14
     public class StickyCheck implements DecidableClassCheck {
15
16
          /** Associated label. */ public static final DecidableClassLabel LABEL = \frac{1}{1} DecidableClassLabel ("sticky", true, \leftarrow
17
18
               false, false);
19
20
           * Checks a graph of rule dependencies.

* @param grd The graph of rule dependencies to check.

* @return The decidable class label if the grd belongs to this decidable class, null ←
21
22
23
                otherwise.
25
          public DecidableClassLabel grdCheck(GraphRuleDependencies grd) {
               if (check(grd.getVertexCollection()))
26
27
                    return LABEL;
               return null;
28
          }
29
30
           **
Checks only a strongly connected component of the graph of rule dependencies.

* @param grd The graph of rule dependencies.

* @param sccID The id of the strongly connected component to be checked.

* @return The decidable class label if the strongly connected component belongs to this ← decidable class, null otherwise.
32
33
34
35
36
          rac{	t public}{	t blue} DecidableClassLabel sccCheck(GraphRuleDependencies grd, rac{	t int}{	t t} sccID) {
37
               if (check(grd.getComponent(sccID)))
    return LABEL;
38
39
               return null;
40
          }
41
43
           * Internal check.
44
           * @param rules The set of rules to check.
* @param rule if the set of rules satisfies the stickiness property, false otherwise.
45
46
47
          protected boolean check(Iterable < Vertex < AtomicRule > > rules) {
48
               _positions = new ArrayList<Integer>();
Vertex<Object> vertexTerm = null;
50
               NeighbourEdge <Integer > edge = null;
51
               AtomicRule rule = null;
52
53
54
               for (Vertex<AtomicRule> vrule : rules) {
                    rule = vrule.getValue();
57
                     termIterator.hasNext(); ) {
vertexTerm = termIterator.next();
58
                          59
                               60
                               catch (MarkFailureException e) { return false; }
61
62
                         }
                    }
63
               }
64
65
                // second walk
67
               for (int i = 0; i < positions.size(); i++) {
                    for (Vertex < AtomicRule > vrule : rules) {
68
                          rule = vrule.getValue();
69
                          try {
70
                               \tt vertexTerm = rule.getVertexTermFromAtom(rule.getHead().getID(),\_positions {\hookleftarrow}
71
                               .get(i));
try { mark(vertexTerm,rule); }
catch (MarkFailureException e) { return false; }
72
73
74
                          catch (NoSuchElementException e) { /* nothing to be done */ }
75
                    }
76
77
78
               return true;
79
80
```

```
81
          /**

* Marking processing.

* @param term The vertex term to be marked.

* @param rule The rule where to mark.

* @throws MarkFailureException If the marked variable occured more than once in the body

of rule
82
83
84
85
86
          protected void mark(Vertex<Object> term, AtomicRule rule) throws MarkFailureException {
89
               {\tt NeighbourEdge\!<\!Integer\!>\;edge\;=\;null\;;}
               90
91
93
                    if (rule.isBody(edge.getIDV())) {
                         if (cpt >= 2)
    throw new MarkFailureException();
if (!_positions.contains(edge.getValue()))
94
95
96
97
                              _positions.add(edge.getValue());
98
100
          }
101
102
          /**
* Internal list of positions to be checked.
*/
103
104
105
          protected ArrayList<Integer> _positions;
106
107
108
     };
```

```
package obr;
     import java.lang.String;
4
5
      * A term may be either a variable or a constant.<br/>
* A constant is surround by simple quotes.<br/>
* Note that two different types of constants exist : the first one is a classical constant ←
6
     added from a fact base.

* The second one is a constant which have been generated by an existential rule application.

* The "existential constants" start by a simple quote immediatly followed by an underscore.
9
10
11
     public class Term {
12
13
14
           * Constructor.
15
           * @param label The term label.
16
17
          public Term(String label) {
18
              _label = label;
19
20
21
22
           * Label getter.
* @return The term label.
23
24
26
          public String getLabel() {
27
             return _label;
28
29
30
           * Label setter.
* @param value The new label to set.
31
33
          public void setLabel(String value) {
34
              _label = value;
35
36
37
38
           * Allows to know if a term is a constant.

* @return True if the term is a constant, false otherwise.
39
40
41
          boolean isConstant() {
   return (_label.charAt(0) == '\'');
}
42
43
45
          /**

* Allows to know if a term is a variable.

* @return True if the term is a variable, false otherwise.
46
47
48
49
          boolean isVariable() {
50
             return !isConstant();
          }
52
53
54
           * Allows to know if a term is a constant which has been generated by an existential rule ↔
55
                  application.
            * @return True if the term is a generated constant, false otherwise.
57
          boolean isExistential() {
    return (isConstant() && (_label.charAt(1)=='_-'));
}
58
59
60
61
          /**

* Converts the term into a String.

* @return The string representation of the term.
63
64
65
          @Override
66
          public String toString() {
67
              return _label;
68
70
71
           * Clones the term.
72
           * @return A clone.
73
74
          @Override
75
76
          public Term clone() {
              return new Term(new String(_label));
77
78
79
           /** Term label. */
80
          private String _label;
82
```

```
package obr;
import java.lang.Exception;

/**
* Exception thrown whenever a string is not recognized.

public class UnrecognizedStringFormatException extends Exception { };
```

```
package obr;
     {\bf import} \ \ {\tt moca.graphs.IllegalConstructionException} \ ;
     import moca.graphs.vertices.Vertex;
import moca.graphs.edges.NeighbourEdge;
4
5
     import moca.graphs.edges.IllegalEdgeException;
6
     import java.util.ArrayList;
     import java.util.Iterator;
import java.util.NoSuchElementException;
10
11
12
      * Checks if a set of rules satisfies the weakly-acyclic property.
13
      * @see GraphPositionDependencies
14
15
     public class WeaklyAcyclicCheck implements DecidableClassCheck {
16
17
           /** Associated label. */
18
           public static final DecidableClassLabel LABEL = new DecidableClassLabel("weakly-acyclic",↔
19
                false , true , false );
20
          /**

* Checks a graph of rule dependencies.

* @param grd The graph of rule dependencies.

* @return The decidable class label if the grd belongs to this decidable class, null ←
^{21}
22
23
24
25
26
           {\color{red} \textbf{public}} \ \ \texttt{DecidableClassLabel} \ \ \texttt{grdCheck} \, (\, \texttt{GraphRuleDependencies} \ \ \texttt{grd} \, ) \ \ \{
                try { _graphPosDep = new GraphPositionDependencies(grd.getVertexCollection()); }
catch (IllegalConstructionException e) { return null; }
27
28
                 if (_graphPosDep.finiteRank())
29
30
                      return LABEL;
                 return null;
32
           }
33
           /**

* Checks only a strongly connected component of the graph of rule dependencies.

* @param grd The graph of rule dependencies.

* Draw id of the strongly connected component to be checked.
34
35
36
            * @param sccID The id of the strongly connected component to be checked.

* @return the decidable class label if the strongly connected component belongs to this ← decidable class, null otherwise.
37
39
           40
                try { _graphPosDep = new GraphPositionDependencies(grd.getComponent(sccID)); } catch (IllegalConstructionException e) { return null; }
41
43
                  \  \  \textbf{if} \ \ (\  \  \, \texttt{graphPosDep.finiteRank}\,(\,)\,) \\
                 return LABEL; return null;
44
45
46
47
           /** The graph of position dependencies generated from the set of rules. */
48
           private GraphPositionDependencies _graphPosDep;
50
51
     };
```

```
package obr;
     {\color{red} \underline{import}} \hspace{0.2cm} \texttt{moca.graphs.IllegalConstructionException} \; ; \\
4
     {\color{red} \textbf{import}} \hspace{0.2cm} \texttt{moca.graphs.vertices.Vertex} \; ;
     {\color{red} \textbf{import}} \hspace{0.2cm} \texttt{moca.graphs.edges.NeighbourEdge} \; ;
5
     {\color{red} \underline{import}} \hspace{0.2cm} \texttt{moca.graphs.edges.IllegalEdgeException} \; ;
6
     import java.util.ArrayList;
     import java.util.Iterator;
import java.util.NoSuchElementException;
10
11
12
      * Checks if a set of rules satisfies the weakly-stickiness property.
13
      * @see WeaklyAcyclicCheck
14
      * @see StickyCheck
15
      * @see GraphPositionDependencies
16
17
     public class WeaklyStickyCheck extends StickyCheck implements DecidableClassCheck {
18
19
           /** Associated label.
20
          public static final DecidableClassLabel LABEL = new DecidableClassLabel("weakly-sticky");
22
23
           * Checks a graph of rule dependencies.

* @param grd The graph of rule dependencies.

* @return The decidable class label if the grd belongs to this decidable class, null \Lambda
24
25
26
                 otherwise.
27
           28
                try { _graphPosDep = new GraphPositionDependencies(grd.getVertexCollection()); }
catch (IllegalConstructionException e) { }
29
30
                if (check(grd.getVertexCollection()))
31
                     return LABEL;
32
33
                return null;
34
          }
35
36
            * Checks only a strongly connected component of the graph of rule dependencies.
37
                             The graph of rule dependencies
38
            * @param sccID The id of the strongly connected component to be checked.

* @return The decidable class label if the strongly connected component belongs to this ← decidable class, null otherwise.
40
41
          public DecidableClassLabel sccCheck(GraphRuleDependencies grd, int sccID) {
42
               try { _graphPosDep = new GraphPositionDependencies(grd.getComponent(sccID)); }
catch (IllegalConstructionException e) { }
43
44
45
                if \quad (\,\texttt{check}\,(\,\texttt{grd}\,.\,\texttt{getComponent}\,(\,\texttt{sccID}\,)\,)\,)
46
                      return LABEL;
                return null;
47
          }
48
49
            * Marks a term
51
           * @param term The vertex to mark.

* @param rule The rule where to mark.

* @throws MarkFailureException If a marked variable occurs more than once in the body at↔
52
53
54
            a position with infinite rank.

* @see StickyCheck#mark(Vertex, AtomicRule)
            * @see GraphPositionDependencies#finiteRank(Predicate, int)
56
57
          protected void mark(Vertex<Object> term, AtomicRule rule) throws MarkFailureException {
  NeighbourEdge<Integer> edge = null;
58
59
                int cpt = 0;
60
                     (\texttt{Iterator} < \texttt{NeighbourEdge} < \texttt{Integer} > \texttt{iterator} = \texttt{rule.neighbourIterator}(\texttt{term.getID}() \leftarrow \texttt{iterator})
61
                      ) ; iterator.hasNext() ; ) { edge = iterator.next();
62
63
                      if (rule.isBody(edge.getIDV()))  {
                           cpt++;
64
                            _{	ext{if}} ((cpt >=2) && (!_graphPosDep.finiteRank(rule.getPredicate(edge.getIDV()),\leftrightarrow
65
                                 edge.getValue())))
                                 throw new MarkFailureException();
67
                           if (!_positions.contains(edge.getValue()))
68
                                 _positions.add(edge.getValue());
                     }
69
                }
70
71
           /** Graph of position dependencies created from the set of rules. */
73
74
           private GraphPositionDependencies _graphPosDep;
75
     };
76
```