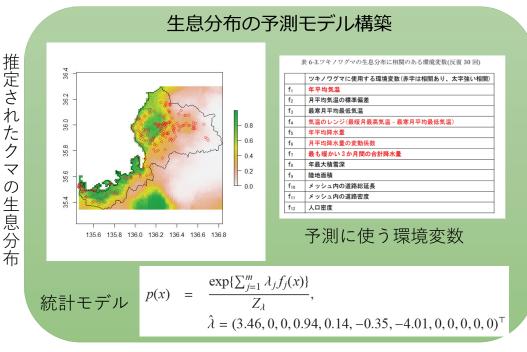
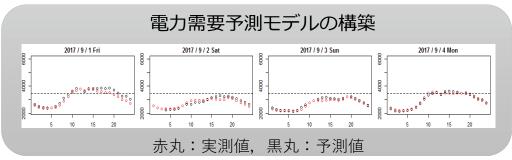
データサイエンス研究室では、さまざまなデータから有用な情報を抽出する手法を、統計科学、機械学習、情報理論、情報幾何学の視点から開発しています。またその手法を用いて実社会のさまざまな予測問題に取り組んでいます。





## 医療データへの機械学習法の応用 モデル構築アルゴリズム LogitBoost(二値判別) 1. 重みwの初期値を $w_i = \frac{1}{2}$ と置く、強分類器F(x)の初期値は0、及び確率p(x)は要素す 2. m = 1, 2, ..., M に対して, 以下の (a), (b), (c) を繰り返す. (a) 作業目的変数 z; と重み w; を以下の式に従い計算する $w_i^{(m)} = p^{(m-1)}(x_i)(1 - p^{(m-1)}(x_i))$ 遺伝子発現量のクラスタリング解析 (b) 弱分類器 f<sup>(m)</sup> を 2; に対する重み付き最小二乗回帰でフィッティングする。 (c) $F^{(m)}(x_i)$ を $F^{(m)}(x_i)$ ← $F^{(m-1)}(x_i) + \frac{1}{2}f^{(m)}(x_i)$ に従って更新する。続いて $p^{(m)}(x_i)$ 結果を以下の式に従い出力する。