# Chapitre 4: Apprentissage non supervisé K-means

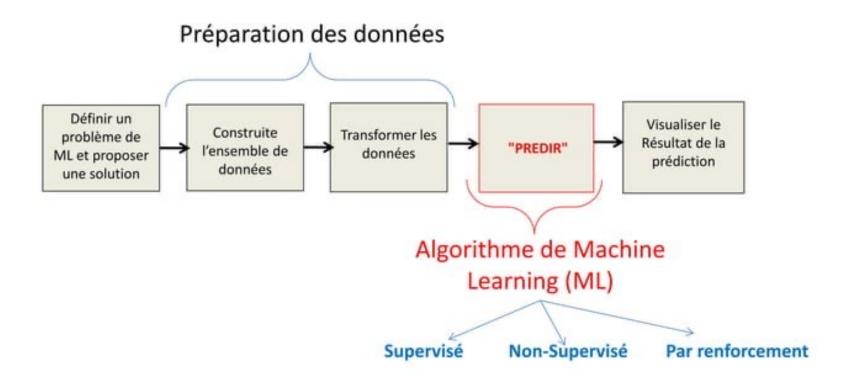
Pr Amadou Dahirou GUEYE Université Amadou Mahtar Mbow Master SISD, Ecole Polytech Novembre 2024

#### **Plan**

- Introduction à l'apprentissage non supervisé et au kmeans
- Qu'est-ce que le clustering ?
- Les types de clustering
- Qu'est-ce que K-means?
- Notion de similarité
- Choisir K : Le nombre de clusters
- Fonctionnement de l'algorithme K-means
- Avantages et limites
- Applications de K-means
- Cas Pratique

# Introduction sur l'apprentissage non supervisé

#### Processus d'apprentissage

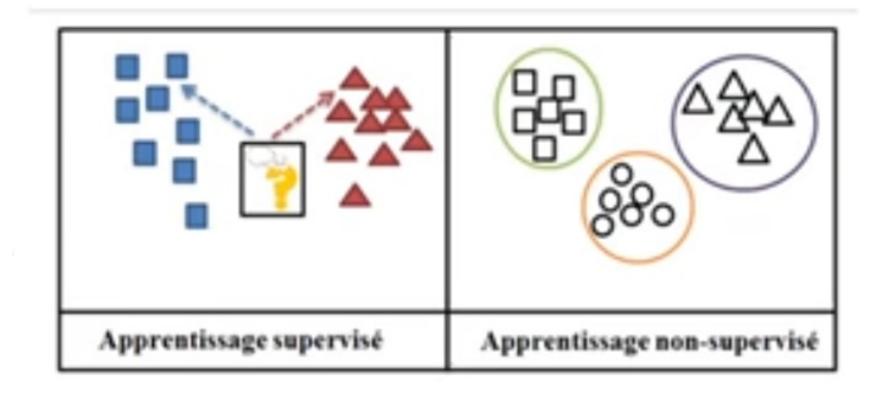


# Introduction sur l'apprentissage non supervisé

#### Différents contextes d'apprentissage

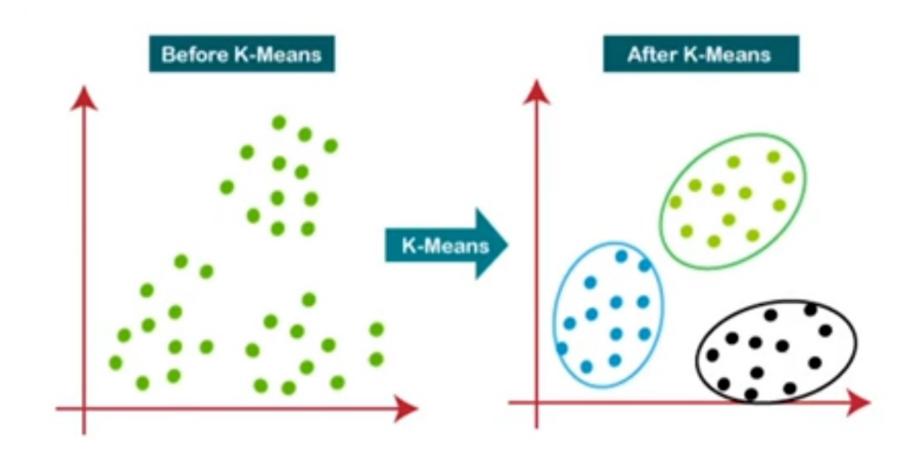
- Les algorithmes de Machine Learning (ML)
  - L'apprentissage non-supervisé
    - Aucun expert n'est disponible. L'algorithme doit découvrir par lui-même la structure des données.
  - L'apprentissage supervisé
    - un expert est employé pour étiqueter correctement des exemples (instances).
  - L'apprentissage par renforcement
    - l'algorithme apprend un comportement.

On s'intéresse, dans ce chapitre, au algorithmes d'apprentissage non supervisé.



#### Introduction au K-means

K-means est un algorithme non supervisé populaire en Machine Learning. Il est utilisé pour regrouper des données en clusters similaires.



Le clustering est une méthode d'apprentissage non supervisé (unsupervised learning). Ainsi, on n'essaie pas d'apprendre une relation de corrélation entre un ensemble de features X d'une observation et une valeur à prédire Y.

L'apprentissage non supervisé va plutôt trouver des patterns dans les données. Notamment, en regroupant les choses qui se ressemblent.

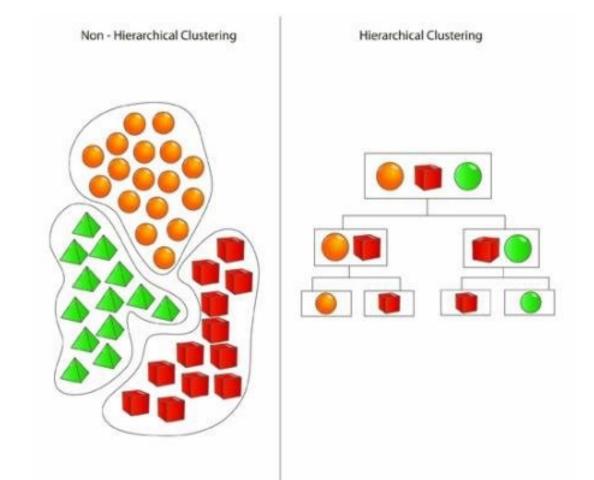
En apprentissage non supervisé, les données sont représentées comme suit :

$$X = \begin{pmatrix} x_{(1,1)} & x_{(1,2)} & x_{(1,...)} & x_{(1,n)} \\ x_{(2,1)} & x_{(2,2)} & x_{(2,...)} & x_{(2,n)} \\ \dots & \dots & \dots & \dots \\ x_{(m,1)} & x_{(m,2)} & x_{(m,...)} & x_{(m,n)} \end{pmatrix}$$

Il existe deux types de clustering :

- Le clustering hiérarchique
- Le clustering non-hiérarchique (partitionnement)

Il existe deux types de clustering :



# Qu'est-ce que K-means?

K-means est un algorithme non supervisé de clustering non hiérarchique. Il permet de regrouper en K clusters distincts les observations du dataset. Ainsi les données similaires se retrouveront dans un même cluster.

#### Notion de similarité

Pour pouvoir regrouper un jeu de données en K cluster distincts, l'algorithme K-Means a besoin d'un moyen de comparer le degré de similarité entre les différentes observations.

Les distances les plus connues pour le cas de clustering sont :

- La distance euclidienne
- La distance de Manhattan

#### Notion de similarité

La distance Euclidienne:

Soit une matrice X à n variables quantitatives. Dans l'espace vectoriel  $E^n$ . La distance euclidienne d entre deux observations  $x_1$  et  $x_2$  se calcule comme suit :

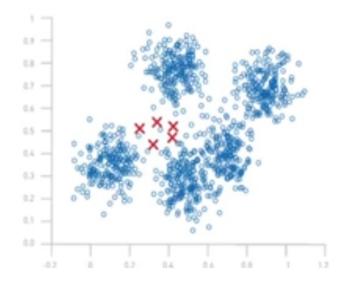
$$d(x_1, x_2) = \sqrt{\sum_{j=1}^{n} (x_{1n} - x_{2n})^2}$$

### Notion de similarité

La distance de Manhattan : est la distance entre deux points parcourue. la distance de Manhattan est donnée par :

distance Manhttan = 
$$\sum_{i=1}^{n} |(x_i - y_i)|$$

Choisir un nombre de cluster K n'est pas forcément intuitif. Un nombre K grand peut conduire à un partitionnement trop fragmenté des données. Par contre, un nombre de clusters trop petit, conduira à avoir, potentiellement, des cluster trop généralistes contenant beaucoup de données. Dans ce cas, on n'aura pas de patterns à découvrir.



La difficulté réside sur le fait de trouver un K qui met en lumière des patterns intéressants entre les données.

Il n'existe pas de méthode automatisé pour calculer le nombre de K.

La méthode qui est souvent utilisée est de choisir un nombre de cluster et de lancer le K-Means avec différentes valeurs de K puis calculer la variance entre les différents clusters.

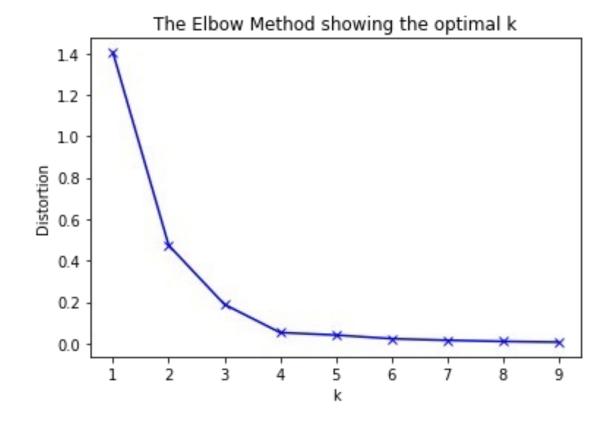
La variance des clusters se calcule comme suit :

$$V = \sum_{j} \sum_{x_i \to c_j} D(c_j, x_i)^2$$

#### Avec:

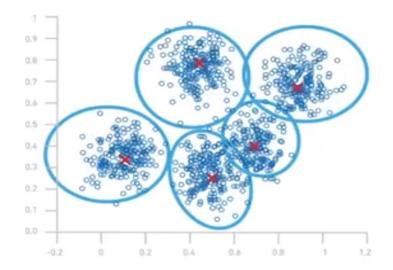
- $c_i$ : Le centre du cluster (le centroïd)
- $x_i$ : la ième observation dans le cluster ayant pour centroïd
- $D(c_j, x_i)$ : La distance (euclidienne ou autre) entre le centre du cluster et le point  $x_i$

En mettant dans un graphique le nombre de cluster K en fonction de la variance on obtient la courbe suivante:



k-means est un algorithme itératif qui minimise la somme des distances entre chaque individu et le centroïd. Le choix initial des centroïdes conditionne le résultat final.

- 1. Initialisation aléatoire des centroids.
- 2. Affectation des points au centroid le plus proche.
- 3. Mise à jour des centroids.
- 4. Répétition jusqu'à convergence ou stabilisation.



Principe algorithmique

Algorithme K-means

Entrée:

K le nombre de cluster à former Le Training Set (matrice de données)

**DEBUT** 

Choisir aléatoirement K points (une ligne de la matrice de données). Ces points sont les centres des clusters (nommé centroïd).

REPETER

Affecter chaque point (élément de la matrice de donnée) au groupe dont il est le plus proche à son centre

Recalculer le centre de chaque cluster et modifier le centroide

JUSQU'A CONVERGENCE OU (stabilisation de l'inertie totale de la population)

**FIN ALGORITHME** 

# Avantages et limites

- Avantages : Simple, rapide, adapté aux clusters bien séparés.
- Limites : Sensible à l'initialisation, optimums locaux, nécessite de connaître K.

# Applications de K-means

- Segmentation client.
- Clustering de documents (ex. Google Actualités).
- Exploration de données pour détection de similarités.
- Recommandation sur youtube et autres actualités.

# Cas Pratique

Un TP sur le K-Means

Réaliser un modèle de K-Means pouvant trouver des similarités sur des données médicales de patients

(Voir dataset et fichier word)

#### Conclusion

K-means est un algorithme clé en apprentissage non supervisé pour regrouper des données similaires. Bien choisir K est essentiel pour des résultats pertinents.