Провела мультивыравнивание: *Aliivibrio fischeri, Homo sapiens, -Moritella sp., Euprymna scolopes, Cobetia sp.*

Построено филогенетическое дерево <https://itol.embl.de/tree/21216464179156861692296394>

В отличие от предыдущего отчета, в котором дерево построено только для Cobetia штаммов, представленных заказчиком, добавлены также гены щелочной фосфатазы человека, кальмара, морителлы, симбионта кальмара (Aliivibrio fischeri).

Как Вы и предполагали, в 4 группу (PhoA, гомологи KGA01942) кроме Cobetia попали так же

-оба гена кишечной alkaline phosphatase Homo sapiens (NM\_001631, P09923.2),

-оба гена кальмара (AER46070, AER46070),

-ген морителлы (QUM82918),

Оба гена симбионта кальмара (Aliivibrio fischeri) относятся к другим классам alkaline phosphatse: OED54239 (3 группа), WP\_155685569, TDM51582 (5 группа, phoD)

Самостоятельно добавлена к исследованию морителла, поскольку для нее было показано, что её липосахариды как глубоководной бактерии не видны иммунной системе млекопитающих, поскольку имеют другую структуру.

Необходимо посмотреть литературу по структуре липосахаридов Cobetia amphilecti.

Начала исследовать ампликонную структуру и поиск по промоторам