



# STATISTICA E ANALISI DEI DATI

Capitolo 1 – Funzioni e Strutture dati

---

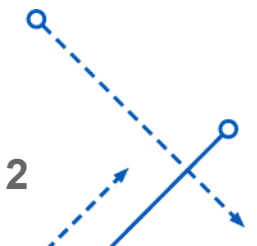
Dott. Stefano Cirillo  
Dott. Luigi Di Biasi

a.a. 2025-2026

# FUNZIONI IN R

## Breve recap: Funzioni

- Una funzione è un **blocco di codice** riutilizzabile e che esegue una specifica operazione.
- Per poter parlare di funzione è necessario che siano definiti almeno **input** e **output** della stessa per poterla poi considerare una black-box:
  - **Curiosità:** Il «*come vengono implementati i meccanismi di input e output*» dipende dal linguaggio di programmazione:
    - ad esempio, in C l'output può essere implementato *anche* sfruttando il passaggio di *argomenti per riferimento (i puntatori!)* anziché per valore;
- In **R**, una funzione può essere definita in diversi modi, poiché R stesso è **multi-paradigma**.
- In **R**, una funzione **accetta zero o più input** e restituisce **almeno un output** (che è NULL nel caso la funzione sia vuota).



# PROGRAMMAZIONE FUNZIONALE

---

- **Cos'è la Programmazione Funzionale?**

- La **programmazione funzionale** è un paradigma di programmazione che si basa sull'uso di **funzioni come entità di prima classe**

- In R, le funzioni possono essere:

- **Passate come argomenti** ad altre funzioni
    - **Restituite** da altre funzioni
    - **Memorizzate** in variabili

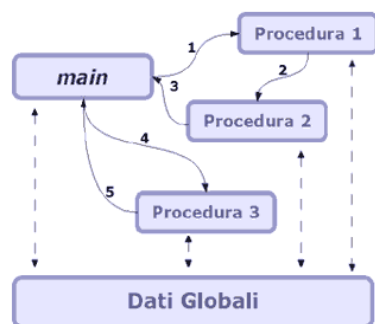
- **Caratteristiche della Programmazione Funzionale:**

- **Funzioni come Entità di Prima Classe:** Le funzioni possono essere manipolate come dati.
  - **Immutabilità:** Le variabili non vengono modificate, ma si creano nuove variabili.
  - **Funzioni Pure:** Funzioni senza effetti collaterali, cioè il risultato dipende solo dagli input.
  - **Composizione di Funzioni:** Funzioni combinate insieme per formare operazioni più complesse.

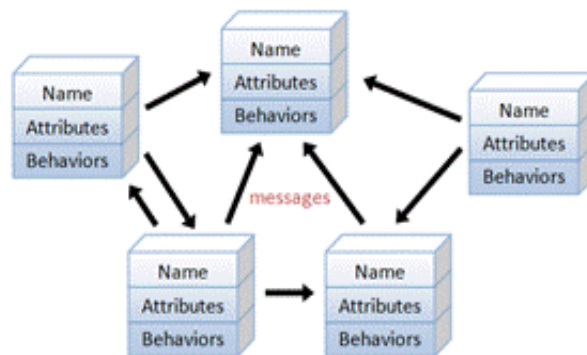
# FUNZIONI IN R

## Flashback: In che modo si programma R (e non in R!)

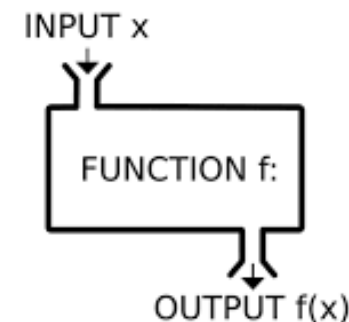
- R dispone offre un *linguaggio di interazione multi-paradigma* e mette a disposizione *caratteristiche funzionali, OOP e di **programmazione funzionale***.



Procedurale



OOP

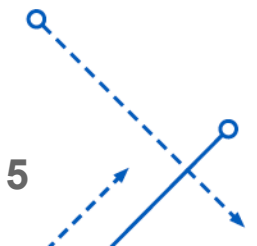


Funzionale

# FUNZIONI ANONIME

- R è contestualmente *fortemente* orientato alla **programmazione funzionale**:
  - Supporta le **funzioni anonime**;
  - Le funzioni sono entità di prima classe (*possono essere annidate, assegnate a variabili, passate come argomenti o ancora restituite da altre funzioni*):
    - Alcune funzioni **consentono di applicare funzioni** su **interi strutture di dati** (come vettori o liste) senza la necessità di espliciti cicli.

```
>  
>                                     2° argomento della funzione supply  
> supply(1:5, function(x) x^2)  
[1] 1 4 9 16 25  
>  
> |
```



# FUNZIONI

- Indipendentemente dalle funzioni presenti nei pacchetti, l'utente può scrivere una propria funzione seguendo delle regole di programmazione

- Per definire una funzione in R si usa il comando:

**function**(lista parametri)

- Ad esempio:

**function**(x) x+2

- è la funzione che prende un oggetto  $x$  in input e restituisce  $x+2$ 
  - La funzione in se non ha un nome, perché una funzione è un valore come un intero o un booleano (è appunto un tipo primitivo!)

- Se vogliamo assegnare una funzione ad un oggetto "funz", scriveremo

funz <- **function**()

```
>function(x) x + 2
```

```
>funz = function(x) x + 2  
>funz
```

```
>funz(10)
```

```
# c() definisce un vettore  
>funz(c(3, 5))
```

```
# funzione anonima  
>(function(x) x + 2)(c(3, 5))
```

```
##  
function(x)  
x + 2
```

```
##  
function(x)  
x + 2
```

```
##  
[1]  
12
```

```
##  
[1] 5  
7
```

```
##  
[1] 5  
7
```

6



# FUNZIONI

- Una **funzione** in R è un blocco di codice che può essere richiamato e riutilizzato
- Le funzioni in R possono prendere **argomenti in input** e restituire **valori in output**

```
#Funzioni
# Definire una funzione che somma due numeri
somma <- function(a, b) {
  return(a + b)
}

# Richiamare la funzione
risultato <- somma(5, 3)
risultato
```

8



# FUNZIONI

- Una **funzione** in R è un blocco di codice che può essere richiamato e riutilizzato
- Le funzioni in R possono prendere **argomenti in input** e restituire **valori in output**
- Alcuni argomenti in input possono avere un valore di **default** come parametro

```
#Funzioni  
# Definire una funzione che somma due numeri  
somma <- function(a, b) {  
  return(a + b)  
}  
  
# Richiamare la funzione  
risultato <- somma(5, 3)  
risultato
```

8

```
# Funzione con valore di default per un argomento  
saluta <- function(nome = "mondo") {  
  return(paste("Ciao", nome))  
}  
  
saluta()  
saluta("Alice")
```

'Ciao mondo'

'Ciao Alice'



# PROGRAMMAZIONE FUNZIONALE

- Passare una Funzione come Argomento:

```
# Funzione Come Argomento
# Funzione che applica una funzione ad ogni elemento di un vettore
applica_funzione <- function(f, x) {
  sapply(x, f)
}

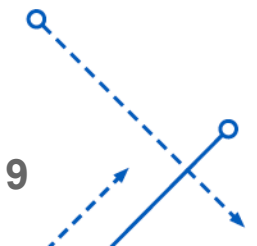
# Funzione anonima come argomento
v = 1:10
risultato_quadrato <- applica_funzione(function(x) x^2, v)
risultato_cubo <- applica_funzione(function(x) x^3, v)

#Stampa risultati
v
risultato_quadrato
risultato_cubo
```

1 · 2 · 3 · 4 · 5 · 6 · 7 · 8 · 9 · 10

1 · 4 · 9 · 16 · 25 · 36 · 49 · 64 · 81 · 100

1 · 8 · 27 · 64 · 125 · 216 · 343 · 512 · 729 · 1000



# PROGRAMMAZIONE FUNZIONALE

- Passare una Funzione come Argomento:

```
# Funzione Come Argomento
# Funzione che applica una funzione ad ogni elemento di un vettore
applica_funzione <- function(f, x) {
  sapply(x, f)
}

# Funzione anonima come argomento
v = 1:10
risultato_quadrato <- applica_funzione(function(x) x^2, v)
risultato_cubo <- applica_funzione(function(x) x^3, v)

#Stampa risultati
v
risultato_quadrato
risultato_cubo
```

1 · 2 · 3 · 4 · 5 · 6 · 7 · 8 · 9 · 10

1 · 4 · 9 · 16 · 25 · 36 · 49 · 64 · 81 · 100

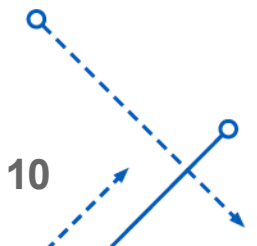
1 · 8 · 27 · 64 · 125 · 216 · 343 · 512 · 729 · 1000

- Restituire una Funzione:

```
# Funzione che restituisce un'altra funzione
crea_funzione <- function(moltiplicatore) {
  return(function(x) x * moltiplicatore)
}

# Creare una funzione che moltiplica per 3
moltiplica_per_3 <- crea_funzione(3)
moltiplica_per_3(5)
```

15



# FUNZIONI IN R

---

## La famiglia di funzioni apply

La famiglia di funzioni apply è progettata per facilitare l'applicazione di operazioni su insiemi di dati come matrici, array, liste e data frame:

- riducono l'uso esplicito dei cicli for;
- migliorano la leggibilità e la compattezza del codice.



# FUNZIONI IN R

## La famiglia di funzioni apply

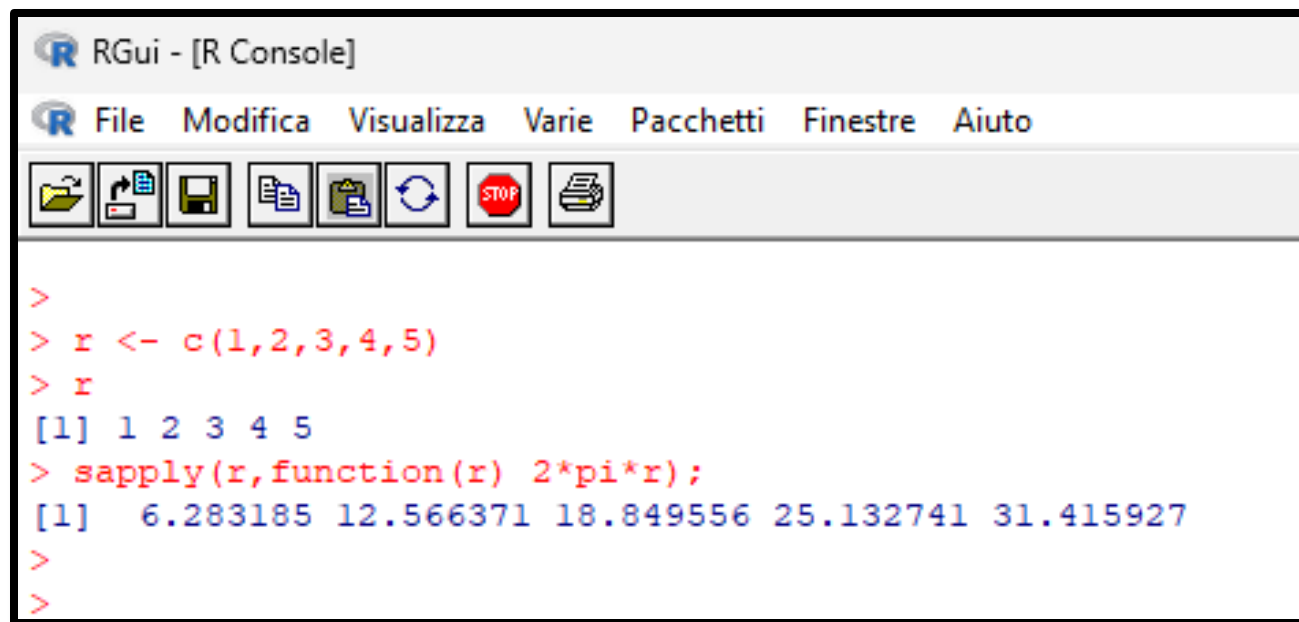
- **apply()** viene utilizzata per applicare una funzione su righe o colonne di una matrice o array.
- **lapply()** viene utilizzata per applicare una funzione a ogni elemento di una lista o di un vettore e restituisce una lista.
- **sapply()** è simile a **lapply()**, ma semplifica il risultato in un vettore o una matrice (se possibile), invece di restituire sempre una lista.
- **vapply()** è una variante di **sapply()** che richiede che venga specificato il tipo di output atteso, rendendolo più sicuro rispetto a **sapply()**.
- **mapply()** è una funzione multivariata che applica una funzione a più liste o vettori contemporaneamente.
- **tapply()** applica una funzione su un vettore in base a sottogruppi definiti da un fattore o una variabile categoriale.
- **rapply()** è una versione ricorsiva di **lapply()**, che permette di applicare una funzione agli elementi di una lista anche se essa contiene altre liste (annidate).



# FUNZIONI IN R

## La funzione `sapply`

- La funzione **sapply** è definita come **sapply**(X, FUN, ..., simplify = TRUE)
- In **R** si utilizza la funzione `sapply` per applicare una **funzione FUN** a tutti gli elementi di una sequenza, lista o di un **vettore X**.



```
RGui - [R Console]
File Modifica Visualizza Varie Pacchetti Finestre Aiuto
[Icons: Open, Save, Print, Copy, Paste, Undo, Redo, Stop, Run]

>
> r <- c(1,2,3,4,5)
> r
[1] 1 2 3 4 5
> sapply(r,function(r) 2*pi*r);
[1] 6.283185 12.566371 18.849556 25.132741 31.415927
>
>
```

# FUNZIONI IN R

## La funzione `sapply`

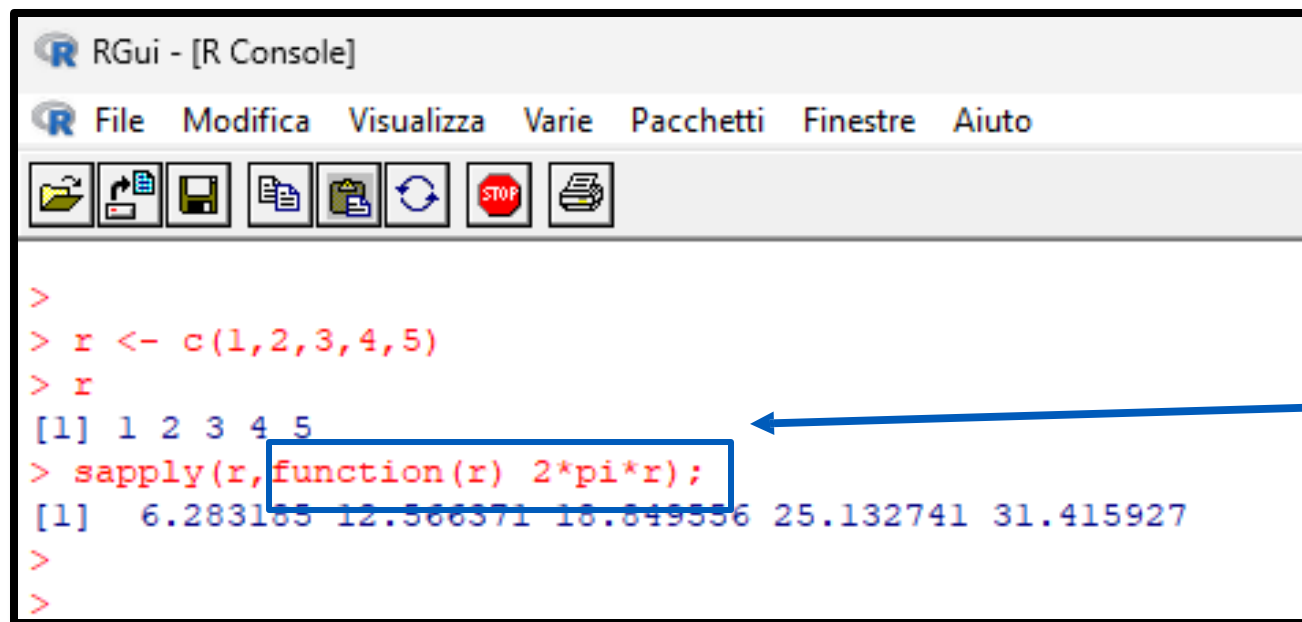
- La funzione **sapply** è definita come **sapply**(X, FUN, ..., simplify = TRUE)
- In **R** si utilizza la funzione `sapply` per applicare una **funzione FUN** a tutti gli elementi di una sequenza, lista o di un **vettore X**.

### Attenzione:

Ricordate a cosa servono i (...) ?  
Nella `sapply` vengono usati nel caso sia necessario passare parametri opzionali alla funzione FUN

### Attenzione:

Che tipo di funzione è questa?



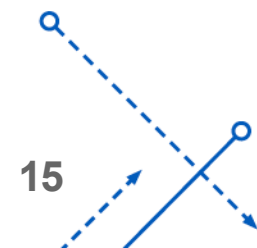
```
>  
> r <- c(1,2,3,4,5)  
> r  
[1] 1 2 3 4 5  
> sapply(r, function(r) 2*pi*r);  
[1] 6.283185 12.566371 18.849556 25.132741 31.415927  
>  
>
```

# FUNZIONI IN R

## La funzione apply

- La funzione **apply** è definita come **apply**(X, MARGIN, FUN, ...) in cui X è una matrice o un array, **MARGIN** specifica se applicare la funzione per righe (MARGIN=1) o per colonne (MARGIN=2) mentre **FUN**: è la funzione da applicare.

```
RGui - [R Console]
File Modifica Visualizza Varie Pacchetti Finestre Aiuto
[Icons]
> m <- matrix(1:9, nrow=3, ncol=3)
> m
      [,1] [,2] [,3]
[1,]    1    4    7
[2,]    2    5    8
[3,]    3    6    9
> apply(m, 1, sum)
[1] 12 15 18
> apply(m, 2, sum)
[1]  6 15 24
>
>
```



# FUNZIONI IN R

## La funzione apply /2

- Applichiamo la funzione **apply()** ad una matrice calcolando il valore minimo delle righe ed il valore massimo delle colonne.

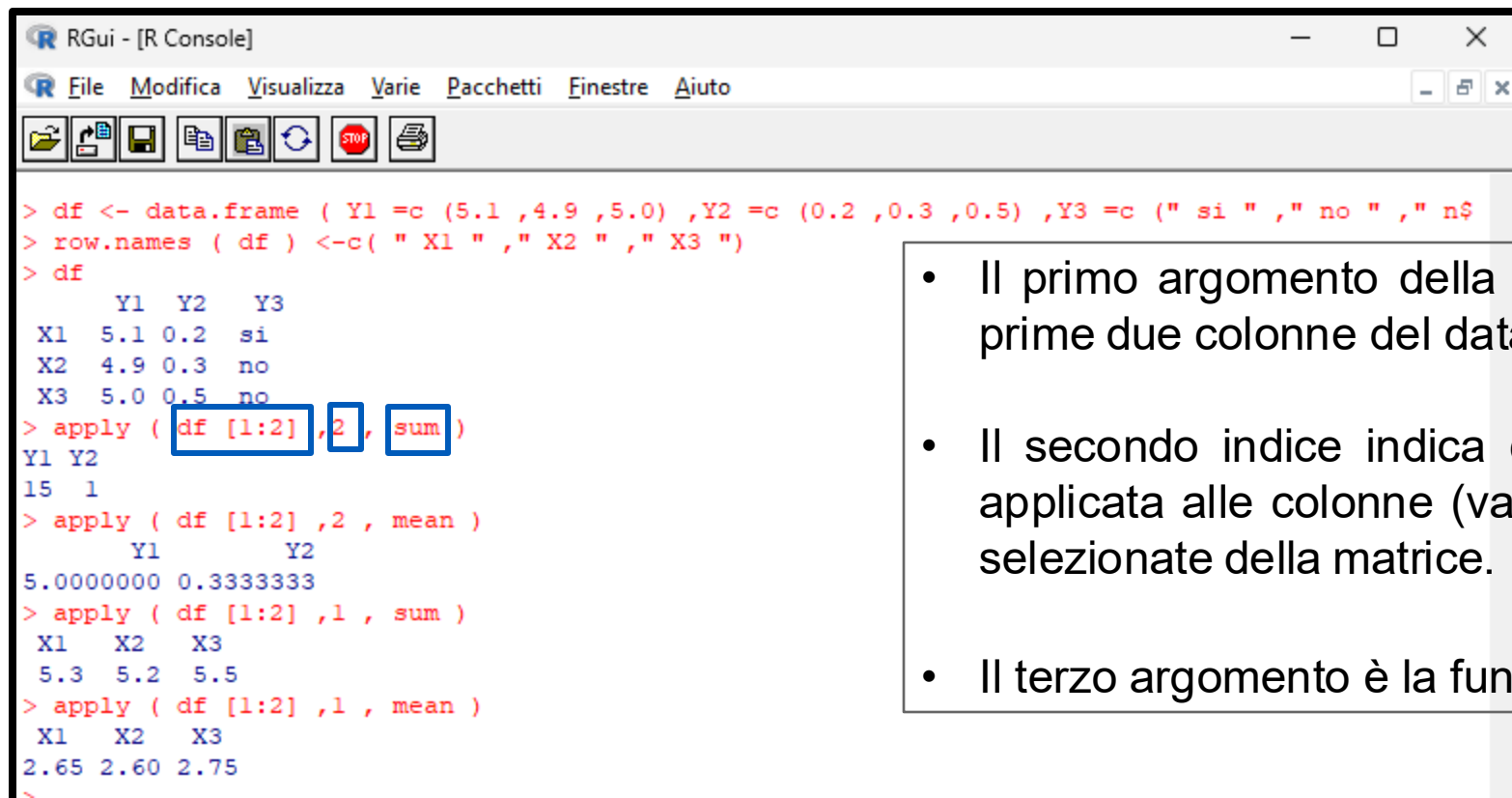
```
> a <- matrix (c(5, 2, 7, 1, 2, 8, 4, 5, 6), nrow=3, ncol=3)
> rownames(a)<-c("X1","X2","X3")
> colnames(a)<-c("Y1","Y2","Y3")
> a # visualizza la matrice a
  Y1 Y2 Y3
X1  5  1  4
X2  2  2  5
X3  7  8  6
>
> apply(a,1,min)
X1 X2 X3
 1  2  6
>
> apply(a,2,max)
Y1 Y2 Y3
 7  8  6
```



# FUNZIONI IN R

## La funzione apply /3

- Calcoliamo ora la somma e la media aritmetica degli elementi delle prime due colonne del seguente data frame:



```
> df <- data.frame ( Y1 =c (5.1 ,4.9 ,5.0) ,Y2 =c (0.2 ,0.3 ,0.5) ,Y3 =c ( " si " , " no " , " n$
> row.names ( df ) <-c( " X1 " , " X2 " , " X3 " )
> df
      Y1 Y2  Y3
X1  5.1 0.2  si
X2  4.9 0.3  no
X3  5.0 0.5  no
> apply ( df [1:2] ,2 , sum )
Y1 Y2
15  1
> apply ( df [1:2] ,2 , mean )
      Y1      Y2
5.0000000 0.3333333
> apply ( df [1:2] ,1 , sum )
X1  X2  X3
5.3  5.2  5.5
> apply ( df [1:2] ,1 , mean )
X1  X2  X3
2.65 2.60 2.75
```

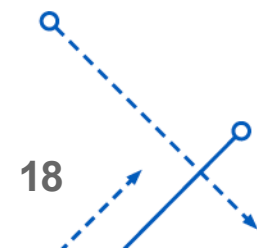
- Il primo argomento della funzione `apply()` seleziona le prime due colonne del data frame `df`
- Il secondo indice indica che la funzione deve essere applicata alle colonne (`val=2`) oppure alle righe (`val=1`) selezionate della matrice.
- Il terzo argomento è la funzione da utilizzare.

# FUNZIONI IN R

---

## Da ricordare

- **apply()** viene utilizzata principalmente per applicare una funzione a una matrice o a un array multidimensionale.
- **sapply()** è una versione semplificata di lapply che restituisce un vettore o una matrice se possibile. È utilizzata principalmente per applicare una funzione a ciascun elemento di una lista o di un vettore.



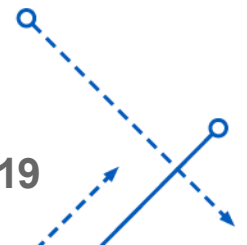
# APPLY E LAPPLY

---

- **apply()**: Applica una funzione su righe o colonne di una matrice o un array
- È utile quando si desidera eseguire calcoli su ogni riga o colonna di una matrice **senza usare cicli espliciti**

`apply(X, MARGIN, FUN, ...)`

- X: **Matrice** o **array**.
- MARGIN:
  - 1 per le righe
  - 2 per le colonne
- FUN: Funzione che si desidera applicare (ad esempio, **sum()**, **mean()**, ecc.)



# APPLY E LAPPLY

- **apply()**: Applica una funzione su righe o colonne di una matrice o un array

```
# Creare una matrice  
matrice <- matrix(1:9, nrow = 3, byrow = TRUE)  
matrice
```

A matrix:

3 × 3 of

type int

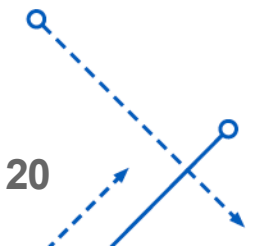
1 2 3

4 5 6

7 8 9

```
# Applicare la funzione sum() su ogni riga  
somme_righe <- apply(matrice, 1, sum) # Somma gli elementi di ogni riga  
somme_righe
```

6 15 24



# APPLY E LAPPLY

- `apply()`: Applica una funzione su righe o colonne di una matrice o un array

```
# Creare una matrice
matrice <- matrix(1:9, nrow = 3, byrow = TRUE)
matrice
```

A matrix:

3 × 3 of

type int

1 2 3

4 5 6

7 8 9

```
# Applicare la funzione sum() su ogni riga
somme_righe <- apply(matrice, 1, sum) # Somma gli elementi di ogni riga
somme_righe
```

6 15 24

```
# Applicare la funzione mean() su ogni colonna
media_colonne <- apply(matrice, 2, mean) # Calcola la media di ogni colonna
print(media_colonne)
```

[1] 4 5 6



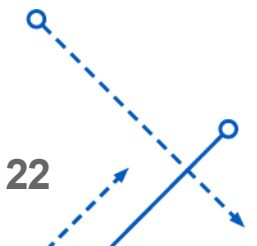
# APPLY E LAPPLY

---

- **lapply()**: è usata per applicare una funzione a ciascun elemento di una **lista** o di un **vettore**
- È utile per **iterare su liste di qualsiasi tipo**, non limitandosi a liste numeriche, ma anche su liste che contengono vettori, matrici o altri oggetti

**lapply**(X, FUN, ...)

- X: **Lista** o **Vettore**.
  - FUN: Funzione che si desidera applicare (ad esempio, **sum()**, **mean()**, ecc.)
- L'output è sempre una **Lista**



# APPLY E LAPPLY

- `lapply()`: è usata per applicare una funzione a ciascun elemento di una **lista** o di un **vettore**
- È utile per **iterare su liste di qualsiasi tipo**, non limitandosi a liste numeriche, ma anche su liste che contengono vettori, matrici o altri oggetti

`lapply(X, FUN, ...)`

- X: **Lista** o **Vettore**.
  - FUN: Funzione che si desidera applicare (ad esempio, `sum()`, `mean()`, ecc.)
- L'output è sempre una **Lista**

```
# Creare una lista  
lista <- list(a = 1:3, b = 4:6, c = 7:9)  
lista
```

\$a	1 · 2 · 3
\$b	4 · 5 · 6
\$c	7 · 8 · 9

```
# Applicare una funzione che moltiplica per 2 ciascun elemento della lista  
risultato <- lapply(lista, function(x) x * 2)  
risultato
```

\$a	2 · 4 · 6
\$b	8 · 10 · 12
\$c	14 · 16 · 18

# STATISTICA E ANALISI DEI DATI

Vettori



Dott. Stefano Cirillo  
Dott. Luigi Di Biasi

a.a. 2024-2025



# VETTORI

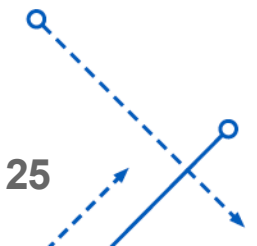
---

## Vettori

In R i vettori sono oggetti che mantengono al loro interno un insieme indicizzato di elementi **tutti dello stesso tipo**

### Classi di vettori

- character
- numeric
- integer
- logical
- complex



# VETTORI

## Vettori

In R i vettori sono oggetti che mantengono al loro interno un insieme indicizzato di elementi **tutti dello stesso tipo**

### Classi di vettori

- character
- numeric
- integer
- logical
- complex

### Inizializzare vettore

```
[19]: # Vettore di numeri interi
vettore_interi <- c(1, 2, 3, 4, 5)

# Vettore di numeri decimali
vettore_decimali <- c(1.1, 2.2, 3.3, 4.4)

print(vettore_interi)
print(vettore_decimali)
```

```
[1] 1 2 3 4 5
[1] 1.1 2.2 3.3 4.4
```

```
[20]: # Vettore di stringhe
vettore_stringhe <- c("R", "è", "un", "ottimo", "linguaggio")

print(vettore_stringhe)
```

```
[1] "R"      "è"      "un"     "ottimo" "linguaggio"
```

# VETTORI

## Vettori

In R i vettori sono oggetti che mantengono al loro interno un insieme indicizzato di elementi **tutti dello stesso tipo**

### Classi di vettori

- character
- numeric
- integer
- logical
- complex

```
[21]: # Vettore logico
vettore_logico <- c(TRUE, FALSE, TRUE, FALSE)

print(vettore_logico)

[1] TRUE FALSE TRUE FALSE
```

```
[25]: vettore <- c(1, "R", 2, "un", "ottimo", 3)
vettore

'1' 'R' '2' 'un' 'ottimo' '3'
```

```
[27]: vettore[1]
```

```
'1'
```

```
[26]: typeof(vettore[1])
```

```
'character'
```

I vettori contenuti sia stringhe che numeri, considerano i numeri come tipo **character**

# OPERAZIONI CON I VETTORI

## Come aggiungere elementi ad un vettore

I valori possono essere inseriti in un vettore in diversi modi, ad esempio attraverso:

- L'operatore di sequenza

```
> z<-8:12  
> z # visualizza il vettore z  
[1]  8  9 10 11 12  
>  
> class(z)  
[1] "integer"
```



# OPERAZIONI CON I VETTORI

## Come aggiungere elementi ad un vettore

I valori possono essere inseriti in un vettore in diversi modi, ad esempio attraverso:

- L'operatore di sequenza
- L'operatore di concatenazione

```
> z<-c(8.5,9.4,10.3,11.5,12.6)
> z # visualizza il vettore z
[1] 8.5 9.4 10.3 11.5 12.6
>
> class(z)
[1] "numeric"
```



# OPERAZIONI CON I VETTORI

## Come aggiungere elementi ad un vettore

I valori possono essere inseriti in un vettore in diversi modi, ad esempio attraverso:

- L'operatore di sequenza
- L'operatore di concatenazione
- La funzione `seq()`

```
> z<-seq(8,16,2)
> z # visualizza il vettore z
[1]  8 10 12 14 16
```



# OPERAZIONI CON I VETTORI

## Come aggiungere elementi ad un vettore

I valori possono essere inseriti in un vettore in diversi modi, ad esempio attraverso:

- L'operatore di sequenza
- L'operatore di concatenazione
- La funzione seq()
- La funzione rep()

```
> x<-rep(3,times=5)
> x # visualizza il vettore x
[1] 3 3 3 3 3
>
> y<-rep(c(4,3),times=5)
> y # visualizza il vettore y
[1] 4 3 4 3 4 3 4 3 4 3
>
> z<-rep(c(4,3),times=5,each=2)
> z # visualizza il vettore z
[1] 4 4 3 3 4 4 3 3 4 4 3 3 4 4 3 3 4 4 3 3
```



# OPERAZIONI CON I VETTORI

## Come aggiungere elementi ad un vettore

I valori possono essere inseriti in un vettore in diversi modi, ad esempio attraverso:

- L'operatore di sequenza
- L'operatore di concatenazione
- La funzione `seq()`
- La funzione `rep()`
- La funzione `scan()`

```
z = scan(text = "1 2 3")
```

```
z
```

```
1 2 3
```

```
z[2]
```

```
2
```





# OPERAZIONI CON I VETTORI

## Ordinare elementi in un vettore

L'ordinamento degli elementi all'interno di un vettore può essere effettuato tramite l'ausilio della funzione `sort()`, nel seguente modo:

```
> z<-c(8,15,16,2,4,8,2,3,10,9)
> sort(z, decreasing=FALSE)
[1]  2  2  3  4  8  8  9 10 15 16
>
> sort(z, decreasing=TRUE)
[1] 16 15 10  9  8  8  4  3  2  2
```



# OPERAZIONI CON I VETTORI

## Ordinare e ricercare elementi in un vettore

L'ordinamento degli elementi all'interno di un vettore può essere effettuato tramite l'ausilio della funzione `sort()`, nel seguente modo:

```
> z<-c(8,15,16,2,4,8,2,3,10,9)
> sort(z, decreasing=FALSE)
[1]  2  2  3  4  8  8  9 10 15 16
>
> sort(z, decreasing=TRUE)
[1] 16 15 10  9  8  8  4  3  2  2
```

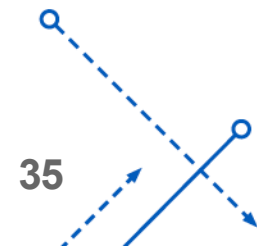
È possibile conoscere le posizioni assunte dagli elementi di un vettore che soddisfano una particolare condizione utilizzando la funzione `which()`, la quale richiede come argomento un vettore di tipo logico, ad esempio:

```
> z<-c(8,9,10,11,12)
> which(z>10)
[1]  4  5
```

# OPERAZIONI CON I VETTORI

- I vettori presenti nella stessa espressione possono essere di lunghezza differente. In questo caso, il valore dell'espressione è un vettore con la stessa lunghezza del vettore più lungo presente in quell'espressione.
- I vettori con meno elementi sono reconsiderati tante volte fino ad arrivare alla stessa lunghezza del vettore più lungo. Ad esempio:

```
> y<-c(1,2)
> z<-c(8,9,10,11,12)
> y*z
[1]  8 18 10 22 12
Warning message:
In y * z : longer object length is not a multiple of shorter object
length
>
> y+z
[1]  9 11 11 13 13
Warning message:
In y + z : longer object length is not a multiple of shorter object
length
```



# OPERAZIONI CON I VETTORI

- I vettori presenti nella stessa espressione possono essere di lunghezza differente. In questo caso, il valore dell'espressione è un vettore con la stessa lunghezza del vettore più lungo presente in quell'espressione.
- I vettori con meno elementi sono reconsiderati tante volte fino ad arrivare alla stessa lunghezza del vettore più lungo. Ad esempio:

```
> y<-c(1,2)
> z<-c(8,9,10,11,12)
> y*z
[1] 8 18 10 22 12
Warning message:
In y * z : longer object length is not a multiple of shorter object
length
>
> y+z
[1] 9 11 11 13 13
Warning message:
In y + z : longer object length is not a multiple of shorter object
length
```

# SLICING

## Accedere ad elementi del vettore

- Se si desidera accedere all'elemento  $i$ -esimo del vettore  $x$  occorre utilizzare  $x[i]$ , mentre con  $x[-i]$  si crea un nuovo vettore contenente tutti gli elementi di  $x$  escluso l'elemento  $i$ -esimo.

```
> x = seq(1:10)
> x[3]
[1] 3
> x[-3]
[1] 1 2 4 5 6 7 8 9 10
```



# SLICING

## Accedere ad elementi del vettore

- Se si desidera accedere all'elemento  $i$ -esimo del vettore  $x$  occorre utilizzare  $x[i]$ , mentre con  $x[-i]$  si crea un nuovo vettore contenente tutti gli elementi di  $x$  escluso l'elemento  $i$ -esimo.
- Invece, con  $x[i : j]$  si visualizzano gli elementi del vettore  $x$  dalla posizione  $i$  alla posizione  $j$ .

```
> x = seq(1:10)
> x[3]
[1] 3
> x[-3]
[1] 1 2 4 5 6 7 8 9 10
> x[2:6]
```

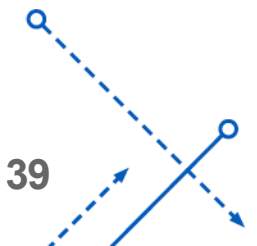


# SLICING

## Accedere ad elementi del vettore

- Se si desidera accedere all'elemento  $i$ -esimo del vettore  $x$  occorre utilizzare  $x[i]$ , mentre con  $x[-i]$  si crea un nuovo vettore contenente tutti gli elementi di  $x$  escluso l'elemento  $i$ -esimo.
- Invece, con  $x[i : j]$  si visualizzano gli elementi del vettore  $x$  dalla posizione  $i$  alla posizione  $j$ .
- Infine con  $x[-(i : j)]$  si crea un nuovo vettore contenente tutti gli elementi di  $x$  esclusi gli elementi dalla posizione  $i$  alla posizione  $j$ .

```
> x = seq(1:10)
> x[3]
[1] 3
> x[-3]
[1] 1 2 4 5 6 7 8 9 10
> x[2:6]
[1] 2 3 4 5 6
> x[-(2:6)]
[1] 1 7 8 9 10
```



# Funzioni matematiche che operano sui vettori

- **Numero di elementi del in x**  
> length(x)
- **Massimo valore contenuto in x**  
> max(x)
- **Minimo valore contenuto in x**  
> min(x)
- **Somma di tutti gli elementi di x**  
> sum(x)
- **Prodotto di tutti gli elementi di x**  
> prod(x)
- **Vettore con le differenze esistenti tra i valori di x**  
> diff(x)
- **Vettore con le somme parziali degli elementi di x**  
> cumsum(x)
- **Vettore con i prodotti parziali degli elementi di x**  
> cumprod(x)
- **Vettore con i massimi parziali degli elementi di x**  
> cummax(x)
- **Vettore con i massimi parziali degli elementi di x**  
> cummin(x)
- **Media aritmetica dei valori presenti di x**  
> mean(x)
- **Mediana dei valori presenti di x**  
> median(x)
- **Vettore contenente il minimo ed il massimo di x**  
> range(x)
- **Vettore che contiene i valori distinti di x**  
> unique(x)
- **Vettore che contiene i quantili di x**  
> quantile(x)
- **Varianza campionaria di x**  
> var(x)
- **Deviazione standard campionaria di x**  
> sd(x)
- **Correlazione campionaria dei tra x e y**  
> cor(x,y)
- **Ordina gli elementi di x in ordine crescente**  
> sort(x)
- **Rovescia gli elementi del vettore x**  
> rev(x)
- **Ordina gli elementi di x in ordine decrescente**  
> rev(sort(x))



# STATISTICA E ANALISI DEI DATI

Array e Matrici



Dott. Stefano Cirillo

Dott. Luigi Di Biasi

a.a. 2024-2025

# LISTE

- Una lista è una struttura dati in R che può contenere **elementi eterogenei**, ossia dati di diversi tipi (numeri, stringhe, vettori, liste, matrici, ecc.)
  - A differenza di vettori e array, gli elementi di una lista non devono essere dello stesso tipo o dimensione

Caratteristica	Lista	Vettore	Array
Tipologia di dati	Può contenere dati di <b>diversi tipi</b>	Dati di un <b>solo tipo</b>	Dati di un <b>solo tipo</b>
Dimensione	Può avere elementi di <b>dimensioni diverse</b>	Tutti gli elementi hanno la <b>stessa dimensione</b>	Tutti gli elementi hanno la <b>stessa dimensione</b>
Struttura	<b>Struttura flessibile</b>	Struttura <b>monodimensionale</b>	Struttura <b>multidimensionale</b>

# L'AMBIENTE INTEGRATO R

## Array

In R gli array sono oggetti che mantengono al loro interno un insieme indicizzato di elementi **tutti dello stesso tipo**

**R** fornisce ben tre metodi per «scoprire» il tipo di dato contenuto in un array:

- `class()`
- `typeof()`
- `mode()`

### Classi di array

- **character**
- **numeric**
- **integer**
- **logical**
- **complex**



# L'AMBIENTE INTEGRATO R

## Tipi di dati in un Array

R fornisce ben tre metodi per «scoprire» il tipo di dato contenuto in un array.

- `class` restituisce il tipo di dati contenuto in un array «dal punto di vista di R»
- `typeof` restituisce il tipo di dati contenuto in un array «dal punto di vista OOP»

- **character**
- **numeric**
- **integer**
- **logical**
- **complex**

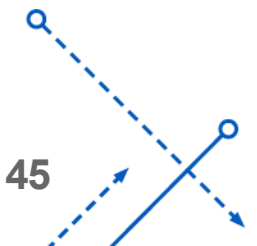
```
> X <- c(24 ,26 ,30 ,25 ,29 ,27 ,20 ,29 ,27 ,28 ,18 ,21 ,26 ,30 ,28);  
> class(X)  
[1] "numeric"  
> typeof(X)  
[1] "double"  
>
```



# ARRAY VS VETTORI

---

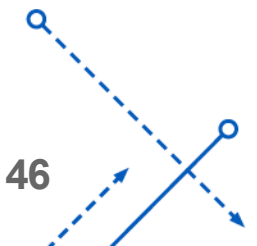
- Nella pratica array e vettori possono risultare molto simili
  - Molto spesso gli array vengono indicati come “**vector structure**”
- Semplicemente un array apre alla possibilità di specificare un ulteriore **parametro che ne definisce la dimensione**
- In particolare, in un array tridimensionale  $a$ ,  $a[i, j, k]$  è l'elemento nella posizione  $(i, j, k)$  dell'array
  - Un array tridimensionale  $a$  di dimensione  $n \times m \times r$  è visto come una sovrapposizione di  $r$  array bidimensionali di dimensione  $n \times m$



# ARRAY VS VETTORI

---

- **Dimensioni:** I vettori sono sempre unidimensionali, mentre gli array possono avere più dimensioni
- **Creazione:** I vettori si creano con `c()`, mentre gli array con `array()` specificando le dimensioni
- **Uso pratico:** I vettori sono ideali per serie di dati semplici, mentre gli array sono utili per rappresentare tabelle o matrici di dati multidimensionali



# DICHIARARE UN ARRAY

```
> a <- array(1:24, dim=c(4,3,2))
> a #visualizza l'array a
, , 1
```

	[,1]	[,2]	[,3]
[1,]	1	5	9
[2,]	2	6	10
[3,]	3	7	11
[4,]	4	8	12

```
, , 2
```

	[,1]	[,2]	[,3]
[1,]	13	17	21
[2,]	14	18	22
[3,]	15	19	23
[4,]	16	20	24

```
> dim(a)
[1] 4 3 2
>
> length(a)
[1] 24
```

```
> v <- c("casa", "albero")
> v
[1] "casa" "albero"
> a <- array(v, dim=c(1,2))
> a
      [,1] [,2]
[1,] "casa" "albero"
> v2 <- c(v, "biscotto", "lettera")
> v2
[1] "casa" "albero" "biscotto" "lettera"
> a2 <- array(v2, dim=c(1,4))
> a2
      [,1] [,2]
[1,] "casa" "albero"
> a2
      [,1] [,2] [,3] [,4]
[1,] "casa" "albero" "biscotto" "lettera"
> a3 <- array(v2, dim=c(2,2))
> a3
      [,1] [,2]
[1,] "casa" "biscotto"
[2,] "albero" "lettera"
```

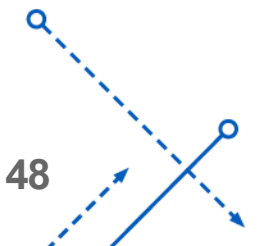
# DA ARRAY A MATRICI

- Gli array sono utili quando è necessario fornire differenti informazioni per identificare un elemento.
- Un esempio tipico di array contiene le temperature minime e massime, il giorno, il mese e l'anno di registrazione in diverse città (con tutti i valori espressi da numeri).
- Una matrice è un array bidimensionale di elementi univocamente determinati da una coppia di numeri interi, che costituiscono l'indice di riga e di colonna.
- Un array bidimensionale può essere inizializzato nel seguente modo:

```
> a <- array(1 : h, dim = c(n, m))
```

oppure equivalentemente

```
> a <- matrix(1 : h, nrow = n, ncol = m)
```



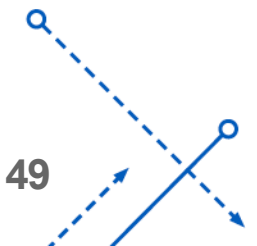


# RIEMPIRE LE MATRICI

- Se si vuole costruire una matrice  $n \times m$  con tutti elementi nulli si può utilizzare il comando **matrix()** nel seguente modo:

```
> a <- matrix(0, nrow = 2, ncol = 2)
> a
      [,1] [,2]
[1,]    0    0
[2,]    0    0
> a <- matrix(1, nrow = 2, ncol = 2)
> a
      [,1] [,2]
[1,]    1    1
[2,]    1    1
> a <- matrix(, nrow = 2, ncol = 2)
> a
      [,1] [,2]
[1,]   NA   NA
[2,]   NA   NA
```

- Se si desidera accedere all'elemento  $(i, j)$  della matrice  $a$  occorre utilizzare  $a[i, j]$ , mentre con  $a[, j]$  si selezionano gli elementi della colonna  $j$ -esima e infine con  $a[i, ]$  si selezionano gli elementi della riga  $i$ -esima.



# FUNZIONI CBIND E RBIND

## Riempire le matrici

- Le funzioni `cbind()` e `rbind()` permettono di creare opportune matrici componendo vettori di uguale lunghezza e matrici delle stesse dimensioni.
- La prima funzione usa i vettori per creare le colonne

```
a = cbind(c(1,2,5),4:6, matrix(7:12, nrow=3, ncol=2))  
a
```

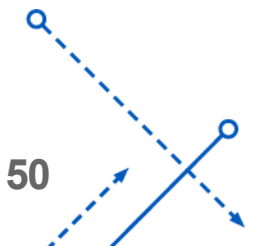
A matrix: 3 x 4

of type dbl

1 4 7 10

2 5 8 11

5 6 9 12



# FUNZIONI CBIND E RBIND

## Riempire le matrici

- Le funzioni `cbind()` e `rbind()` permettono di creare opportune matrici componendo vettori di uguale lunghezza e matrici delle stesse dimensioni.
- La prima funzione usa i vettori per creare le colonne

```
a = cbind(c(1,2,5), 4:6, matrix(7:12, nrow=3, ncol=2))  
a
```

A matrix: 3 x 4  
of type dbl

1	4	7	10
2	5	8	11
5	6	9	12

# FUNZIONI CBIND E RBIND

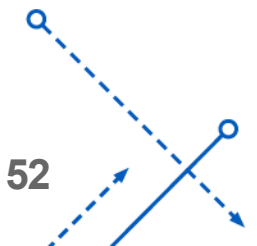
## Riempire le matrici

- Le funzioni `cbind()` e `rbind()` permettono di creare opportune matrici componendo vettori di uguale lunghezza e matrici delle stesse dimensioni.
- La prima funzione usa i vettori per creare le colonne mentre la seconda per creare le righe.

```
b = rbind(c(1,2,5),4:6, matrix(7:12, nrow=2, ncol=3))  
b
```

A matrix: 4  
x 3 of type  
dbl

1	2	5
4	5	6
7	9	11
8	10	12



# FUNZIONI CBIND E RBIND

## Riempire le matrici

- Le funzioni `cbind()` e `rbind()` permettono di creare opportune matrici componendo vettori di uguale lunghezza e matrici delle stesse dimensioni.
- La prima funzione usa i vettori per creare le colonne mentre la seconda per creare le righe.

```
b = rbind(c(1,2,5), 4:6, matrix(7:12, nrow=2, ncol=3))  
b
```

A matrix: 4  
× 3 of type  
dbl

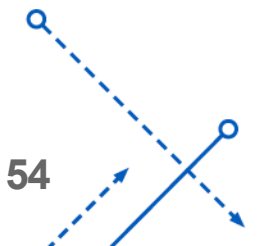
1	2	5
4	5	6
7	9	11
8	10	12

# FUNZIONE DIAG

## Riempire le matrici

- Altre funzioni molto utilizzate nell'algebra matriciale sono:
  - *diag*(v), con v **vettore**, usata per creare una matrice diagonale con gli elementi del vettore sulla diagonale e i restanti elementi nulli;

```
> v <- 1:10
> v
[1] 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10
> diag(v)
      [,1] [,2] [,3] [,4] [,5] [,6] [,7] [,8] [,9] [,10]
[1,] 1    0    0    0    0    0    0    0    0    0
[2,] 0    2    0    0    0    0    0    0    0    0
[3,] 0    0    3    0    0    0    0    0    0    0
[4,] 0    0    0    4    0    0    0    0    0    0
[5,] 0    0    0    0    5    0    0    0    0    0
[6,] 0    0    0    0    0    6    0    0    0    0
[7,] 0    0    0    0    0    0    7    0    0    0
[8,] 0    0    0    0    0    0    0    8    0    0
[9,] 0    0    0    0    0    0    0    0    9    0
[10,] 0    0    0    0    0    0    0    0    0    10
```



# FUNZIONE DIAG

## Riempire le matrici

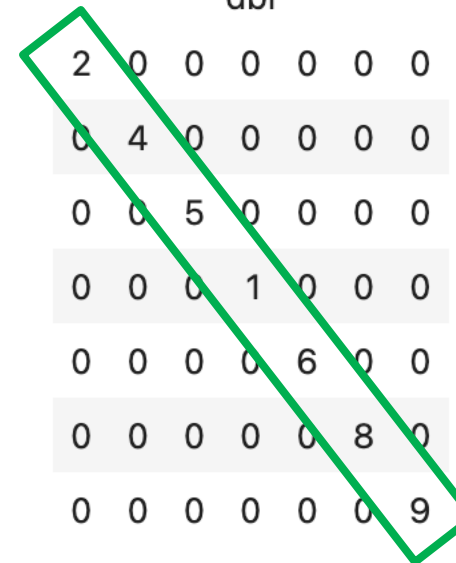
- Altre funzioni molto utilizzate nell'algebra matriciale sono:
  - **diag**(v), con **v vettore**, usata per creare una matrice diagonale con gli elementi del vettore sulla diagonale e i restanti elementi nulli;
  - **diag**(a), con **a matrice**, fornisce un vettore costituito dagli elementi della diagonale principale della matrice;

```
v = c(2,4,5,1,6,8,9)
v
```

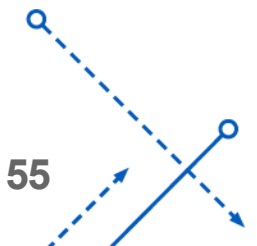
```
2 · 4 · 5 · 1 · 6 · 8 · 9
```

```
diag(v)
```

A matrix: 7 × 7 of type  
dbl



2	0	0	0	0	0	0
0	4	0	0	0	0	0
0	0	5	0	0	0	0
0	0	0	1	0	0	0
0	0	0	0	6	0	0
0	0	0	0	0	8	0
0	0	0	0	0	0	9



# FUNZIONE DIAG

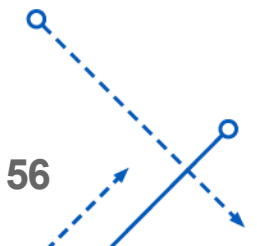
## Riempire le matrici

- Altre funzioni molto utilizzate nell'algebra matriciale sono:
  - **diag**(*v*), con *v* **vettore**, usata per creare una matrice diagonale con gli elementi del vettore sulla diagonale e i restanti elementi nulli;
  - **diag**(*a*), con *a* **matrice**, fornisce un vettore costituito dagli elementi della diagonale principale della matrice;
  - **diag**(*n*), con *n* **intero**, fornisce la matrice identità  $n \times n$ .

```
diag(6)
```

A matrix: 6 × 6 of  
type dbl

1	0	0	0	0	0
0	1	0	0	0	0
0	0	1	0	0	0
0	0	0	1	0	0
0	0	0	0	1	0
0	0	0	0	0	1





# ROWNAMES E COLNAMES

- È possibile cambiare i nomi assegnati alle intestazioni delle righe e delle colonne di una matrice:
- **rownames**(a) restituisce o imposta i nomi delle righe di una matrice o di un data frame
- **colnames**(a) restituisce o imposta i nomi delle colonne di una matrice o di un data frame

```
# Creazione di una matrice
matrice <- matrix(1:9, nrow = 3, ncol = 3)

# Assegna nomi alle righe e colonne
rownames(matrice) <- c("Riga1", "Riga2", "Riga3")
colnames(matrice) <- c("Col1", "Col2", "Col3")

# Visualizzare la matrice
print(matrice)
```

	Col1	Col2	Col3
Riga1	1	4	7
Riga2	2	5	8
Riga3	3	6	9

# OPERAZIONI MATRICIALI

- R permette di eseguire le usuali operazioni sui vettori e le matrici
- **R interpreta i suoi vettori come vettori colonna**
- Per effettuare la trasposizione di un vettore o di una matrice occorre utilizzare **la funzione `t()` di trasposizione**
  - Dall'esempio precedente, calcoliamo la matrice della trasposta:

```
# Visualizzare la matrice  
print(matrice)
```

	Col1	Col2	Col3
Riga1	1	4	7
Riga2	2	5	8
Riga3	3	6	9



```
t(matrice)
```

A matrix: 3 × 3 of type int

	Riga1	Riga2	Riga3
Col1	1	2	3
Col2	4	5	6
Col3	7	8	9

# OPERAZIONI MATRICIALI

- Sui vettori e sulle matrici delle stesse dimensioni sono applicabili le usuali operazioni aritmetiche

- Somma: **+**
- Differenza: **-**
- Prodotto: **\***
- Ecc.

che agiscono elemento per elemento

```
# Visualizzare la matrice  
print(matrice)
```

	Col1	Col2	Col3
Riga1	1	4	7
Riga2	2	5	8
Riga3	3	6	9

```
matrice+10
```

A matrix: 3 × 3 of type dbl

	Col1	Col2	Col3
<b>Riga1</b>	11	14	17
<b>Riga2</b>	12	15	18
<b>Riga3</b>	13	16	19

```
matrice-2
```

A matrix: 3 × 3 of type dbl

	Col1	Col2	Col3
<b>Riga1</b>	-1	2	5
<b>Riga2</b>	0	3	6
<b>Riga3</b>	1	4	7

```
matrice*0.5
```

A matrix: 3 × 3 of type dbl

	Col1	Col2	Col3
<b>Riga1</b>	0.5	2.0	3.5
<b>Riga2</b>	1.0	2.5	4.0
<b>Riga3</b>	1.5	3.0	4.5

# IL PRODOTTO MATRICIALE

- R fornisce la possibilità di effettuare il prodotto matriciale tra due matrici  $a$  di dimensione  $n \times m$  e  $b$  di dimensione  $m \times r$  **utilizzando l'operatore %\*%.**

```
# Visualizzare la matrice  
print(matrice)
```

	Col1	Col2	Col3
Riga1	1	4	7
Riga2	2	5	8
Riga3	3	6	9

```
t(matrice)
```

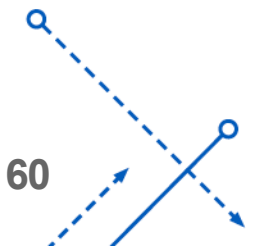
A matrix: 3 × 3 of type int

	Riga1	Riga2	Riga3
Col1	1	2	3
Col2	4	5	6
Col3	7	8	9

```
#Prodotto Matriciale: Matrice x Trasposta  
matrice %*% t(matrice)
```

A matrix: 3 × 3 of type dbl

	Riga1	Riga2	Riga3
Riga1	66	78	90
Riga2	78	93	108
Riga3	90	108	126



# DETERMINANTE DI UNA MATRICE

- Determinante di una matrice:
  - È un valore scalare associato a una matrice quadrata
  - Fornisce informazioni sulla matrice, ad esempio se è invertibile
  - Una matrice è invertibile solo se il suo determinante è diverso da zero
- È possibile calcolare il **determinante** di una matrice quadrata  $a$  con il comando  **$\text{det}(a)$** ,

```
# Creazione di una matrice 4x4
```

```
matrice <- matrix(c(4, 7, 2, 6, 3, 4, 4, 5, 1, 10, 20, 14, 4, 4, 5, 1), nrow = 4)  
rownames(matrice) <- c("Riga1", "Riga2", "Riga3", "Riga4")  
colnames(matrice) <- c("Col1", "Col2", "Col3", "Col4")  
matrice
```

```
# Calcolo del determinante
```

```
determinante <- det(matrice)  
determinante
```

A matrix: 4 × 4 of type dbl

	Col1	Col2	Col3	Col4
Riga1	4	3	1	4
Riga2	7	4	10	4
Riga3	2	4	20	5
Riga4	6	5	14	1

# INVERSA DI UNA MATRICE

- **Matrice inversa:**

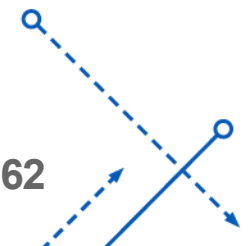
- La matrice inversa di una matrice quadrata  $A$  è una matrice  $A^{-1}$  tale che:

$$A \cdot A^{-1} = A^{-1} \cdot A = I$$

Dove  $I$  è la matrice identità di ordine  $n$

- In altre parole, è una matrice che, moltiplicata per la matrice originale, restituisce la matrice identità.
  - Una matrice quadrata  $A$  ha un'inversa  $A^{-1}$  se e solo se  $\det(A) \neq 0$
- È possibile calcolare il determinante di una matrice quadrata  $a$  con il comando **det(a)**
- Sia  $A$  una matrice quadrata invertibile, tale che  $\det(A) \neq 0$ , allora la matrice inversa  $A^{-1}$  è uguale al prodotto tra **l'inverso del determinante** di  $A$  e la **trasposta dei cofattori**

$$A^{-1} = \frac{1}{\det(A)} \cdot \text{cof}(A)^T$$



# INVERSA DI UNA MATRICE

- Sia  $A$  una matrice quadrata invertibile, tale che  $\det(A) \neq 0$ , allora la matrice inversa  $A^{-1}$  è uguale al prodotto tra **l'inverso del determinante** di  $A$  e la **trasposta dei cofattori**:

$$A^{-1} = \frac{1}{\det(A)} \cdot \text{cof}(A)^T$$

- **Cofattori:**

- Il **cofattore** di un elemento  $a_{ij}$  in una matrice  $A$  (nella posizione  $i$ -esima riga e  $j$ -esima colonna) è dato da:

$$C_{ij} = (-1)^{i+j} \cdot M_{ij}$$

- dove:

- $(-1)^{i+j}$  è il **segno** associato alla posizione  $(i,j)$ , il che significa che se la somma  $i + j$  è pari, il segno è positivo (+), e se è dispari, il segno è negativo (-)
- $M_{ij}$  è il **minore** dell'elemento  $a_{ij}$ , ossia **il determinante della matrice che si ottiene eliminando la riga  $i$  e la colonna  $j$**  dalla matrice originale



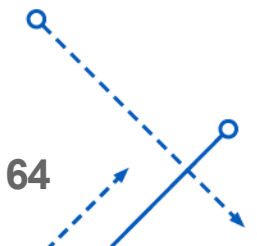
# INVERSA DI UNA MATRICE

- Per calcolare l'**inversa di una matrice** a quadrata non singolare (ossia con determinante diverso da zero) si usa il comando **solve(a)**:

```
# Calcolo dell'inversa
inversa <- solve(matrice)

# Visualizzazione dei risultati
print(inversa)
```

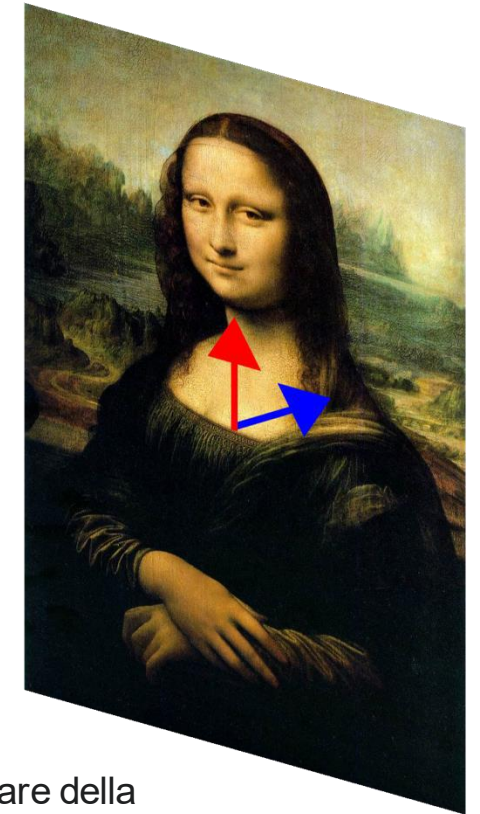
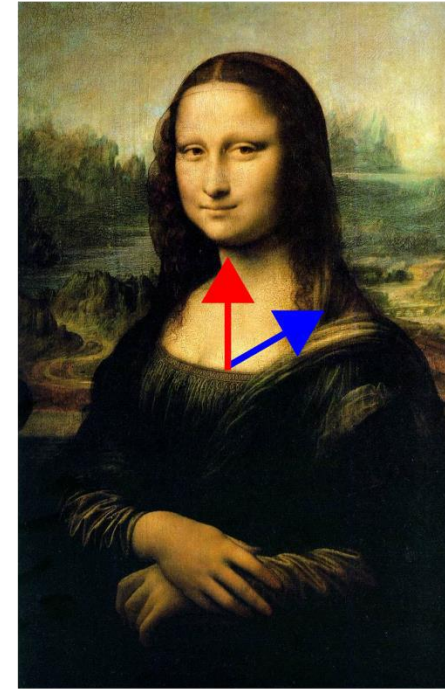
	Riga1	Riga2	Riga3	Riga4
Col1	-0.18885097	0.34698521	-0.11149033	-0.07508532
Col2	0.49829352	-0.61433447	0.01706485	0.37883959
Col3	-0.10352673	0.06370876	0.03526735	-0.01706485
Col4	0.09101251	0.09783845	0.08987486	-0.20477816



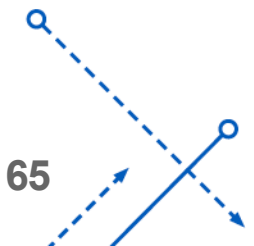


# AUTOVALORI ED AUTOVETTORI

- R consente anche di determinare gli **autovalori** e gli **autovettori** di una matrice quadrata  $A$  di ordine  $n$
- Autovalori ( $\lambda$ ) e Autovettori ( $v$ ) sono concetti fondamentali dell'algebra lineare:
  - Sia  $A$  una matrice quadrata  $n \times n$ ,  $v$  è chiamato **autovettore** se esiste un numero  $\lambda$  tale che valga la relazione:
$$A \cdot v = \lambda \cdot v$$
  - Ciò equivale a richiedere che  $(A - \lambda I)v = 0$ , dove  $I$  è la matrice identità ammette soluzioni non nulle se e solo se  $\det(A - \lambda I) = 0$
- Questo significa che, quando la matrice  $A$  agisce sull'autovettore  $v$ , il risultato è un vettore parallelo a  $v$ , scalato di un fattore  $\lambda$

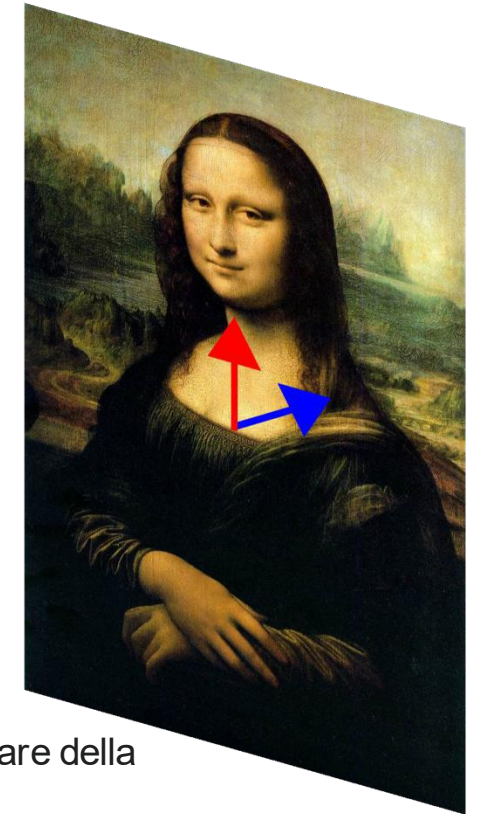
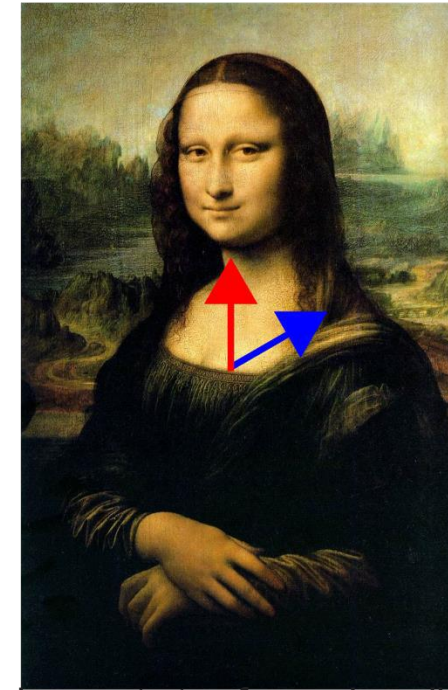


In questa trasformazione lineare della **Gioconda** l'immagine è modificata ma l'asse centrale verticale rimane fisso. Il vettore blu ha cambiato lievemente direzione, mentre quello rosso no. Quindi il vettore rosso è un **autovettore** della trasformazione e quello blu no. Inoltre, poiché il vettore rosso non è stato **né allungato, né compresso, né ribaltato**, il suo **autovalore** è 1. [[Wikipedia](#)]



# AUTOVALORI ED AUTOVETTORI

- Gli autovettori rappresentano le **direzioni** lungo le quali una trasformazione lineare (rappresentata dalla matrice  $A$ ) agisce semplicemente come una **dilatazione** o una **compressione**
- L'autovalore associato indica **quanto** viene dilatato o compresso l'autovettore nella sua direzione:
  - Se  $\lambda > 1$  la trasformazione **allunga** il vettore
  - Se  $0 < \lambda < 1$ , la trasformazione **accorcia** il vettore
  - Se  $\lambda = 1$ , il vettore **resta invariato** in lunghezza
  - Se  $\lambda = 0$ , il vettore viene **trasformato** nel vettore nullo
  - Se  $\lambda < 0$  il vettore viene **invertito** di direzione (oltre a essere eventualmente scalato)
- **Applicazioni:**
  - **Analisi delle componenti principali (PCA):** In statistica, l'analisi delle componenti principali usa gli autovettori e gli autovalori della matrice di covarianza dei dati per ridurre la dimensionalità e trovare le direzioni principali di varianza
  - **Meccanica quantistica:** Gli autovalori e autovettori di operatori quantistici corrispondono agli stati osservabili e ai valori misurabili di grandezze fisiche (energia, momento, ecc.).
  - ...



In questa trasformazione lineare della

**Gioconda** l'immagine è modificata ma l'asse centrale verticale rimane fisso. Il vettore blu ha cambiato lievemente direzione, mentre quello rosso no. Quindi il vettore rosso è un **autovettore** della trasformazione e quello blu no. Inoltre, poiché il vettore rosso non è stato **né allungato, né compresso, né ribaltato**, il suo **autovalore è 1**. [[Wikipedia](#)]



# AUTOVALORI ED AUTOVETTORI

- In R la funzione `eigen(A)` calcola gli **autovalori** e gli **autovettori** di una matrice  $A$ .
- Il risultato è una lista di due componenti:
  - un vettore di nome `values` contenente gli autovalori
  - una matrice di nome `vectors` che contiene i corrispondenti autovettori sulle sue colonne
- Questi due componenti possono essere usati in istruzioni di assegnazione utilizzando `eigen(A)$values` e `eigen(A)$vectors`, rispettivamente

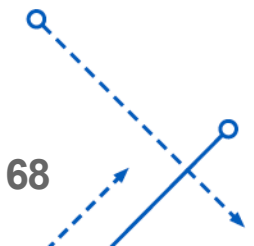
```
# Creazione della matrice 2x2
matrice <- matrix(c(4, 7, 2, 6), nrow = 2)

# Calcolo degli autovalori e autovettori
autovalori_autovettori <- eigen(matrice)

# Estrarre autovalori e autovettori
autovalori <- autovalori_autovettori$values
autovettori <- autovalori_autovettori$vectors

# Visualizzazione dei risultati
print(autovalori)
print(autovettori)
```

```
[1] 8.872983 1.127017
      [,1]      [,2]
[1,] -0.3796908 -0.5713345
[2,] -0.9251135  0.8207173
```





# AUTOVALORI ED AUTOVETTORI

- Per verificare se gli autovalori e autovettori di una matrice sono stati calcolati correttamente, si può controllare se la relazione fondamentale  $A \cdot v = \lambda \cdot v$  è soddisfatta per ciascun autovalore  $\lambda$  e il corrispondente autovettore  $v$

```
# Creazione di una matrice 2x2
matrice <- matrix(c(4, 7, 2, 6), nrow = 2)

# Calcolo degli autovalori e autovettori
autovalori_autovettori <- eigen(matrice)

# Estrazione degli autovalori e autovettori
autovalori <- autovalori_autovettori$values
autovettori <- autovalori_autovettori$vectors

# Verifica del primo autovalore e autovettore
A_v1 <- matrice %*% autovettori[, 1] # A * v1
lambda1_v1 <- autovalori[1] * autovettori[, 1] # λ1 * v1

# Verifica del secondo autovalore e autovettore
A_v2 <- matrice %*% autovettori[, 2] # A * v2
lambda2_v2 <- autovalori[2] * autovettori[, 2] # λ2 * v2
```

```
# Visualizzazione dei risultati
cat("Verifica per il primo autovalore e autovettore:\n")
print(A_v1)
print(lambda1_v1)

cat("\nVerifica per il secondo autovalore e autovettore:\n")
print(A_v2)
print(lambda2_v2)
```

Verifica per il primo autovalore e autovettore:

```
      [,1]
[1,] -3.368990
[2,] -8.208516
[1] -3.368990 -8.208516
```

Verifica per il secondo autovalore e autovettore:

```
      [,1]
[1,] -0.6439035
[2,]  0.9249620
[1] -0.6439035  0.9249620
```

**DOMANDE?**

