Programmazione I (Tucci/Distasi)

PR1 MT/RD 28/06/2022

Modello:	1

Cognome:	
0	
Nome:	
Matricola:	
Email:	

Regole del gioco: Compilare i dati personali prima d'incominciare. Una volta iniziata la prova, non è consentito lasciare l'aula. Usare questi stessi fogli (compreso il retro, dove necessario) per rispondere. *Buon lavoro!*

1. L'indice di massa corporea (Body Mass Index, BMI) è una misura della relazione fra massa e statura che ci dice se siamo sottopeso, nella norma o sovrappeso. Si calcola come rapporto fra la massa corporea espressa in chilogrammi e il quadrato della statura espressa in metri. Le sue unità di misura sono quindi kg/m².

$$BMI = \frac{peso \ in \ kg}{\left(statura \ in \ metri\right)^2}.$$

Consideriamo il seguente tipo di dati

```
Paziente * solo_magri(Paziente * pazienti, int n, int * nmagri)
```

che prende in input un array pazienti [] di n oggetti di tipo Paziente e restituisce un nuovo array contenente soltanto i pazienti con un BMI che non supera $18.5\,\mathrm{kg/m^2}$. Il risultato sarà allocato dinamicamente in dipendenza del numero di elementi che soddisfano la condizione. Il parametro output nmagri rifletterà la dimensione dell'array risultato. Nel caso nessun elemento soddisfi la condizione, la funzione solo_magri() ritornerà NULL e imposterà nmagri a zero.

Per lo svolgimento di questo esercizio, scrivere ed usare una funzione ausiliaria

```
double BMI(Paziente *p)
```

che, dato un puntatore p a un oggetto di tipo Paziente, ne restituisce il valore di BMI.

2. Con riferimento all'esercizio precedente, scrivere una funzione

```
int lista_normali(FILE *fout, Paziente pazienti[], int n)
```

che, ricevendo un vettore pazienti[] di n oggetti Paziente, per ogni paziente con BMI compreso fra 18.5 e $24.9\,\mathrm{kg/m^2}$ scrive in un file di testo già aperto (e puntato da fout) una riga con nome, statura e peso separati da spazi. La funzione lista_normali() restituisce 1 se tutto è andato bene, 0 se c'è stato qualche errore.

Risposte per il modello 1

1. L'indice di massa corporea (Body Mass Index, BMI) è una misura della relazione fra massa e statura che ci dice se siamo sottopeso, nella norma o sovrappeso. Si calcola come rapporto fra la massa corporea espressa in chilogrammi e il quadrato della statura espressa in metri. Le sue unità di misura sono quindi kg/m².

```
BMI = \frac{peso \ in \ kg}{\left(statura \ in \ metri\right)^2}.
```

Consideriamo il seguente tipo di dati

```
Paziente * solo_magri(Paziente * pazienti, int n, int * nmagri)
```

che prende in input un array pazienti[] di n oggetti di tipo Paziente e restituisce un nuovo array contenente soltanto i pazienti con un BMI che non supera $18.5\,\mathrm{kg/m^2}$. Il risultato sarà allocato dinamicamente in dipendenza del numero di elementi che soddisfano la condizione. Il parametro output nmagri rifletterà la dimensione dell'array risultato. Nel caso nessun elemento soddisfi la condizione, la funzione solo_magri() ritornerà NULL e imposterà nmagri a zero.

Per lo svolgimento di questo esercizio, scrivere ed usare una funzione ausiliaria

```
double BMI(Paziente *p)
```

che, dato un puntatore p a un oggetto di tipo Paziente, ne restituisce il valore di BMI.

Risposta

Ecco una possibile soluzione.

```
#define BMI_MAGREZZA 18.5
#define BMI_SOVRAPPESO 24.9

double BMI(Paziente * p)
{
   return p->peso / (p->statura * p->statura);
}

Paziente *copy_paziente(Paziente * dest, Paziente * source)
{
   strcpy(dest->nome, source->nome);
   dest->peso = source->peso;
   dest->statura = source->statura;
   return dest;
}
```

```
Paziente *solo_magri(Paziente * pazienti, int n, int *nmagri)
  int i, j, contamagri = 0;
 Paziente *magri;
                                // sara' array risultato
  for (i = 0; i < n; i++)
                               // contiamo i "magri"
      if (BMI(&pazienti[i]) <= BMI_MAGREZZA)</pre>
          contamagri++;
    }
  if (contamagri == 0)
      *nmagri = 0;
      return NULL;
   }
  magri = malloc(sizeof(Paziente) * contamagri);
  if (magri == NULL)
      fprintf(stderr, "malloc(%ld) failed. Sorry, bye.\n",
              sizeof(Paziente) * contamagri);
      exit(-1);
   }
 j = 0;
  for (i = 0; i < n; i++)
      if (BMI(&pazienti[i]) <= BMI_MAGREZZA)</pre>
          copy_paziente(&magri[j], &pazienti[i]);
    }
  *nmagri = contamagri;
  return magri;
```

2. Con riferimento all'esercizio precedente, scrivere una funzione

```
int lista_normali(FILE *fout, Paziente pazienti[], int n)
```

che, ricevendo un vettore pazienti[] di n oggetti Paziente, per ogni paziente con BMI compreso fra 18.5 e 24.9 kg/m² scrive in un file di testo già aperto (e puntato da fout) una riga con nome, statura e peso separati da spazi. La funzione lista_normali() restituisce 1 se tutto è andato bene, 0 se c'è stato qualche errore.

Risposta

Ecco una possibile soluzione.

```
#include <stdio.h>
#include "paziente.h"
#include "protos.h"
#include "bmi.h"
int lista_normali(FILE * fout, Paziente pazienti[], int n)
  int i, status;
  double this_BMI;
  for (i = 0; i < n; i++)
   {
      this_BMI = BMI(&pazienti[i]);
      if (this_BMI >= BMI_MAGREZZA && this_BMI <= BMI_SOVRAPPESO)</pre>
        {
          status = fprintf(fout, "%s %g %g\n",
                           pazienti[i].nome, pazienti[i].statura,
                           pazienti[i].peso);
          if (status != 3)
                             // some error
              fclose(fout);
              return 0;
            }
        }
  fclose(fout);
  return 1;
                                // everything OK
```