

TP02 : Analyse de données RNASeq

Justine Guégan - j.guegan-ihu@icm-institute.org
Guillaume Meurice - guillaume.meurice@gustaveroussy.fr

27 octobre 2016

L'objectif de ce TP est d'analyser un jeu de données 'RNASeq'. Il nécessite le chargement de plusieurs packages qui seront utilisés à différentes étapes du TP :

- package DESeq2 :

```
source("https://bioconductor.org/biocLite.R")
biocLite("DESeq2")
```

- package ggplot2

```
install.packages("ggplot2")
```

- package pheatmap

```
install.packages("pheatmap")
```

- package RColorBrewer

```
install.packages("RColorBrewer")
```

Prise en main du jeu de données

1 - Charger les données.

Les données sont disponibles sur le site web du TP, à l'adresse suivante : <https://pf-bb.github.io/CentraleSupelec-R-genomics/>

Exercice 1 : Description des échantillons

Combien y a t'il d'échantillons ? Quels sont les modalités et les effectifs du facteur étudié ?

Exercice 2 : Description des données

Evaluer la dynamique des comptages.