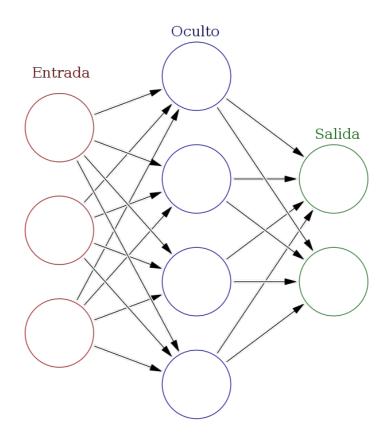


Neuro
Evolution
Augmenting
Topologies

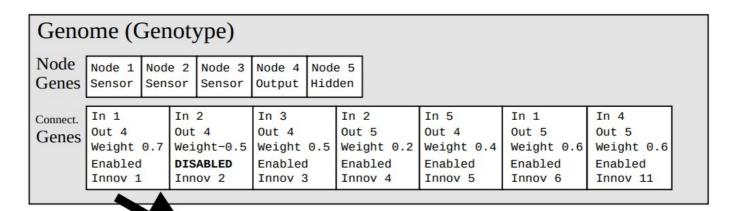
Redes Neuronales

 Red neuronal completamente conectada.

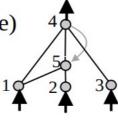


Genotipo y Fenotipo

- EL genotipo esta compuesto de dos tipos genes:
 - Gen nodo:
 - (Input, Output, Hidden)
 - Id
 - Gen conexión:
 - Gen nodo origen
 - Gen nodo destino
 - El peso de la conexion
 - Un bit para indicar si la conexión esta activada o no.
 - Numero de innovación.



Network (Phenotype)

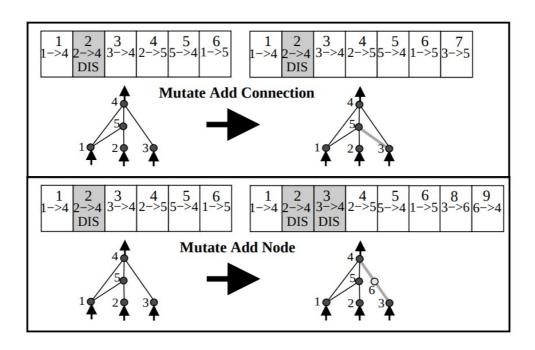


Inicialización

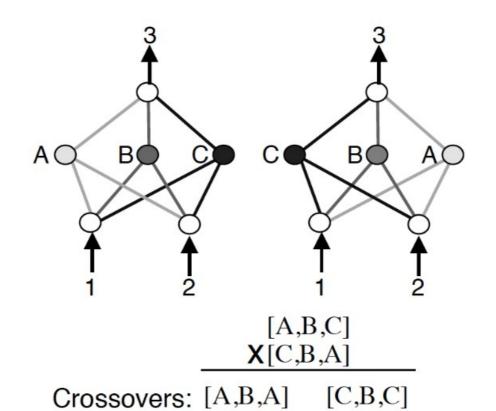
- Población inicial homogénea de redes neuronales sin capas ocultas.
- Permite aumentar la complejidad de las redes solo si se considera necesario.

Mutación

• Existen distintos operadores de mutación



Problema del emparejamiento



(both are missing information)

Especiación. Protección de las nuevas redes

Distancia de compatibilidad

$$\delta = \frac{c_1 E}{N} + \frac{c_2 D}{N} + c_3 \cdot \overline{W}.$$

, donde :

- C1, c2, c3 son constantes que nos permiten calibrar el peso de los operandos.
- E es el número de genes excedentes.
- D es el número de genes disjuntos.
- N es el numero de genes del genomas mas grande (suele ser 1 si el nº de genes < 20)
- W es la media de las diferencias de los genes compatibles

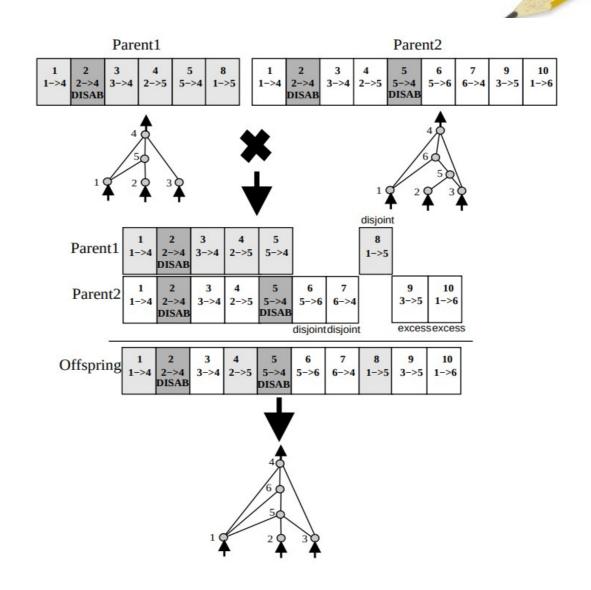
Cuanto mas cercana sea la distancia de compatibilidad, mas afines son los genomas.

Se suele establecer el 3 como el umbral de pertenencia

Función de fitness compartida

$$f_i' = \frac{f_i}{\sum_{j=1}^n \operatorname{sh}(\delta(i,j))}.$$

Operador de cruce



Selección

1.	230
2.	102
3.	512
4.	3
5.	20
6.	442
7.	223
8.	120
9.	900



1.	230
2	102

6.			442
		- 7	

3.	512

7.		223



Ejemplo

 https://www.youtube.com/watch?v=qv6UVOQ0 F44

