Aprendizado de Máquina

Projeto de Aprendizado de Máquina Ponta a Ponta



Prof. Regis Pires Magalhães regismagalhaes@ufc.br - http://bit.ly/ufcregis

O'REILLY®

Mãos à Obra: Aprendizado de Máquina com Scikit-Learn, Keras & TensorFlow



GÉRON, Aurélien; **Mãos à Obra: Aprendizado de Máquina com Scikit-Learn, Keras & TensorFlow:** Conceitos, Ferramentas e Técnicas para a Construção de Sistemas Inteligentes. 2ª Ed. Alta Books, 2021.

PARTE I - Os conceitos básicos do aprendizado de máquina

- 1. O Cenário do Aprendizado de Máquina
- 2. Projeto de Aprendizado de Máquina Ponta a Ponta
- 3. Classificação
- 4. Treinando Modelos
- 5. Máquinas de Vetores de Suporte
- 6. Árvores de Decisão
- 7. Aprendizado Ensemble e Florestas Aleatórias (Bagging, Random Forests, Boosting, Stacking)
- 8. Redução de Dimensionalidade (PCA, Kernel PCA, LLE)
- 9. Técnicas de Aprendizado Não Supervisionado (Clusterização, Misturas de gaussianas)

PARTE II - Redes Neurais e Aprendizado Profundo

- 10. Introdução às Redes Neurais Artificiais com a Biblioteca Keras
- 11. Treinando Redes Neurais Profundas
- 12. Modelos Customizados e Treinamento com a Biblioteca TensorFlow
- 13. Carregando e Pré-processando Dados com a TensorFlow
- 14. Visão Computacional Detalhada das Redes Neurais Convolucionais
- 15. Processamento de Sequências Usando RNNs e CNNs
- 16. Processamento de Linguagem Natural com RNNs e Mecanismos de Atenção
- 17. Aprendizado de Representação e Aprendizado Gerativo com Autoencoders e GANs
- 18. Aprendizado por Reforço
- 19. Treinamento e Implementação de Modelos TensorFlow em Larga Escala

Passos

- 1. Analisar o panorama geral.
- 2. Obter os dados.
- 3. Identificar e visualizar os dados para obter informações úteis.
- 4. Preparar os dados para os algoritmos do aprendizado de máquina.
- 5. Selecionar e treinar um modelo.
- 6. Aperfeiçoar o modelo.
- 7. Apresentar a solução.
- 8. Disponibilizar em produção, monitorar e fazer a manutenção do sistema.

Trabalhando com Dados Reais

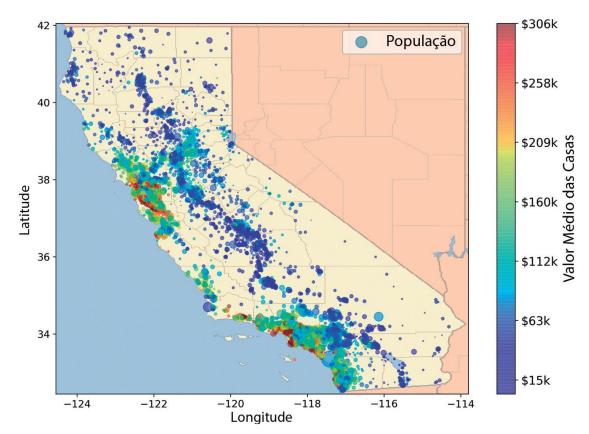
- Repositórios populares de open data
 - UC Irvine Machine Learning Repository
 - http://archive.ics.uci.edu/ml/
 - Conjunto de dados no Kaggle
 - https://www.kaggle.com/datasets
 - Conjunto de Dados no AWS da Amazon
 - https://registry.opendata.aws/
- Metaportais de dados (repositórios open data)
 - Data Portals
 - http://dataportals.org/
 - OpenDataMonitor
 - http://opendatamonitor.eu/
 - Quandl
 - http://quandl.com/

Trabalhando com Dados Reais

- Outras páginas que listam muitos repositórios populares de open data
 - Lista de conjuntos de dados de aprendizado de máquina do Wikipedia
 - https://homl.info/
 - Quora.com
 - https://homl.info/10
 - Conjuntos de dados em subseção do Reddit
 - https://www.reddit.com/r/datasets

Trabalhando com Dados Reais

- Estaremos usando aqui:
 - Conjunto de dados dos preços de imóveis da Califórnia, armazenado no repositório StatLib.
 - · Baseado no censo da Califórnia de 1990.



• Tarefa:

 criar um modelo de preços para setor imobiliário usando os dados do censo do estado da Califórnia.

Dados com indicadores como:

- população, renda média e preço médio do imóvel para cada grupo de bairros (regiões).
 - um grupo de bairros geralmente comporta uma população de 600 a 3 mil pessoas.

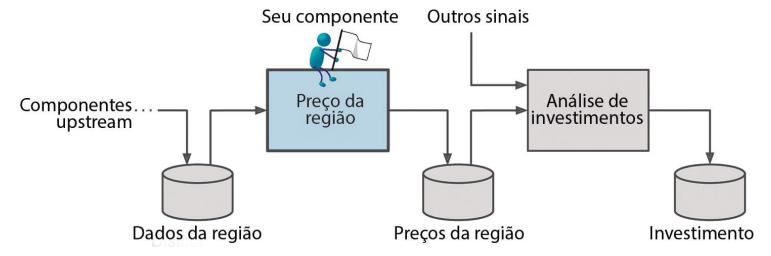
Objetivo:

 realizar uma previsão do preço médio do imóvel em qualquer região, considerando todos os outros indicadores.

- Abordar o problema
 - Qual é exatamente o objetivo do negócio?
 - Construir um modelo não é o objetivo final.
 - Como a empresa espera usar e se beneficiar desse modelo?

- Pipelines
 - Sequência de componentes de processamento de dados = pipeline de dados.

Pipelines



- Escolha uma medida de desempenho
 - Raiz do Erro Quadrático Médio (RMSE)

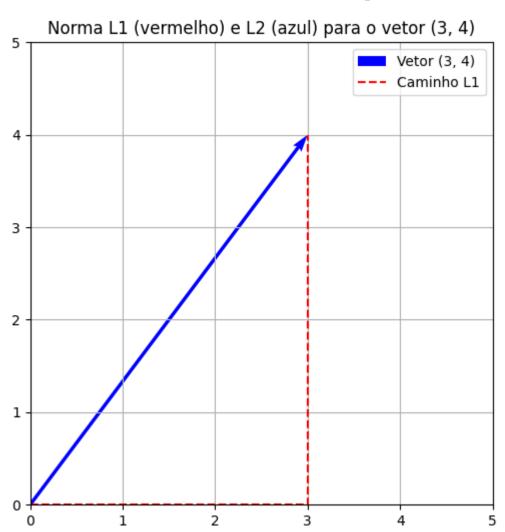
RMSE(
$$\mathbf{X}, h$$
) = $\sqrt{\frac{1}{m} \sum_{i=1}^{m} \left(h(\mathbf{x}^{(i)}) - y^{(i)}\right)^2}$

Erro Médio Absoluto - MAE

MAE(X, h) =
$$\frac{1}{m} \sum_{i=1}^{m} |h(\mathbf{x}^{(i)}) - y^{(i)}|$$

- RMSE e MAE são formas de calcular a distância entre dois vetores:
 - o vetor das predições e o vetor dos valores-alvo.
- Diversos cálculos de distância, ou normas, são possíveis.

Norma L1 e L2 para o vetor (3,4)



- A raiz de uma soma de quadrados (RMSE) corresponde à norma euclidiana.
- A norma $\{2 \in \text{representada por } \| \cdot \|_2 \text{ (ou apenas } \| \cdot \| \text{)}.$
- Calculada como a raiz quadrada da soma dos quadrados de seus componentes.
- Para um vetor $v=(v_1,v_2,...,v_n)$, a norma L2 é dada por:

$$\|\mathbf{v}\|=\sqrt{v_1^2+v_2^2+\cdots+v_n^2}$$

 Cada componente contribui de forma quadrática, o que significa que valores extremos (outliers) são amplificados, pois o quadrado de um número muito grande se torna ainda maior.

Norma 11:

Soma diretamente os valores absolutos dos componentes:

$$\|\mathbf{v}\|_{L1} = \sum |v_i|$$

- Cada componente contribui de forma **linear** para o cálculo da norma.
- Outliers (valores extremos) têm impacto **proporcional** ao seu valor absoluto, sem amplificação.

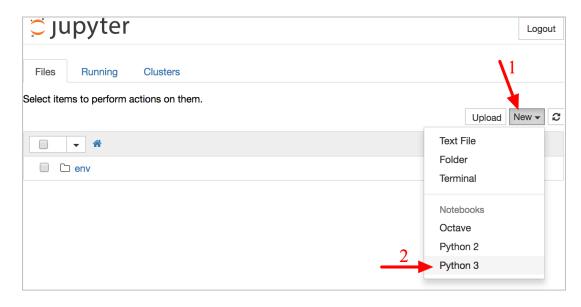
- Diversos cálculos de distância, ou normas, são possíveis:
 - □ A soma de absolutos (MAE) corresponde à norma $\{1, \text{ notado por } \| \cdot \|_1$.
 - Chamado de norma Manhattan porque calcula a distância entre dois pontos em uma cidade usando quarteirões ortogonais da cidade.
 - a norma lk de um vetor v que contém n elementos é definida como:

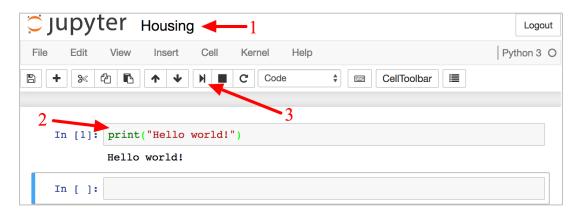
$$\| \mathbf{v} \|_{k} = (|v_{0}|^{k} + |v_{1}|^{k} + \dots + |v_{n}|^{k})^{\frac{1}{k}}$$

- Quanto maior o índice da norma, mais ela se concentra em grandes valores e negligencia os pequenos.
- Portanto, RMSE é mais sensível aos outliers do que o MAE.
 - Quando há muitos outliers, prefere-se MAE.
- Contudo, quando os outliers são exponencialmente raros, a RMSE funciona muito bem e geralmente é a preferida.

- Enumere e verifique as hipóteses
 - Exemplo: verificar se é melhor modelar o problema como classificação ou regressão.

- Criando o workspace
 - Dependências importantes:
 - · jupyter matplotlib numpy pandas scipy scikit-learn
- Criando um Ambiente Isolado
 - virtualenv (venv)
 - conda





- Faça o download dos dados
 - https://raw.githubusercontent.com/ageron/handsonml2/master/datasets/housing/housing.tgz

```
import pandas as pd

def load_housing_data(housing_path=HOUSING_PATH):
    csv_path = os.path.join(housing_path, "housing.csv")
    return pd.read_csv(csv_path)
```

Uma rápida olhada na estrutura dos dados

In [5]:	<pre>housing = load_housing_data() housing.head()</pre>						
Out[5]:		longitude	latitude	housing_median_age	total_rooms	total_bedrooms	populatio
	0	-122.23	37.88	41.0	880.0	129.0	322.0
	1	-122.22	37.86	21.0	7099.0	1106.0	2401.0
	2	-122.24	37.85	52.0	1467.0	190.0	496.0
	3	-122.25	37.85	52.0	1274.0	235.0	558.0
	4	-122.25	37.85	52.0	1627.0	280.0	565.0

Uma rápida olhada na estrutura dos dados

```
In [6]: housing.info()
        <class 'pandas.core.frame.DataFrame'>
        RangeIndex: 20640 entries, 0 to 20639
        Data columns (total 10 columns):
                              20640 non-null float64
        longitude
        latitude
                              20640 non-null float64
        housing median age
                             20640 non-null float64
                              20640 non-null float64
        total rooms
                             20433 non-null float64
        total bedrooms
        population
                             20640 non-null float64
        households
                             20640 non-null float64
        median income
                             20640 non-null float64
        median house value
                             20640 non-null float64
        ocean proximity
                              20640 non-null object
        dtypes: float64(9), object(1)
        memory usage: 1.6+ MB
```

```
>>> housing["ocean_proximity"].value_counts()
<1H OCEAN    9136
INLAND    6551
NEAR OCEAN    2658
NEAR BAY    2290
ISLAND    5
Name: ocean_proximity, dtype: int64</pre>
```

Uma rápida olhada na estrutura dos dados

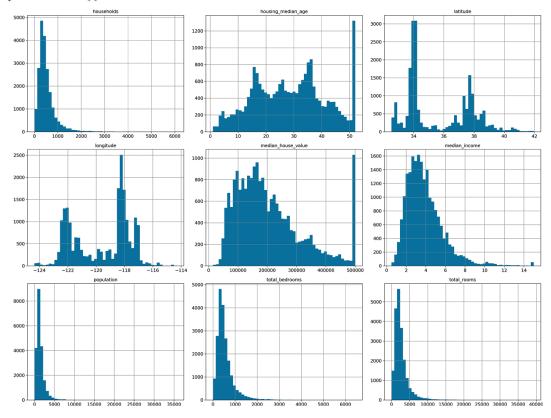
In [8]: housing.describe()

Out[8]: housing.median.age_total_rooms_total_bedry

	longitude	latitude	housing_median_age	total_rooms	total_bedro
count	20640.000000	20640.000000	20640.000000	20640.000000	20433.0000
mean	-119.569704	35.631861	28.639486	2635.763081	537.870553
std	2.003532	2.135952	12.585558	2181.615252	421.385070
min	-124.350000	32.540000	1.000000	2.000000	1.000000
25%	-121.800000	33.930000	18.000000	1447.750000	296.000000
50%	-118.490000	34.260000	29.000000	2127.000000	435.00000C
75%	-118.010000	37.710000	37.000000	3148.000000	647.000000
max	-114.310000	41.950000	52.000000	39320.000000	6445.00000

Uma rápida olhada na estrutura dos dados

```
%matplotlib inline # only in a Jupyter notebook
import matplotlib.pyplot as plt
housing.hist(bins=50, figsize=(20,15))
plt.show()
```



• Criando um conjunto de testes

```
import numpy as np

def split_train_test(data, test_ratio):
    shuffled_indices = np.random.permutation(len(data))
    test_set_size = int(len(data) * test_ratio)
    test_indices = shuffled_indices[:test_set_size]
    train_indices = shuffled_indices[test_set_size:]
    return data.iloc[train_indices], data.iloc[test_indices]
```

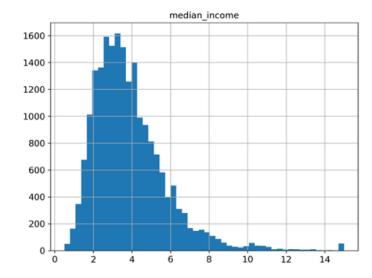
```
>>> train_set, test_set = split_train_test(housing, 0.2)
>>> len(train_set)
16512
>>> len(test_set)
4128
```

- Criando um conjunto de testes
 - Usando o scikit learn

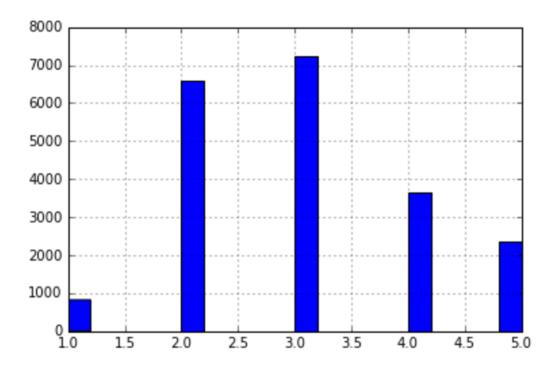
```
from sklearn.model_selection import train_test_split

train_set, test_set = train_test_split(housing, test_size=0.2, random_state=42)
```

- Criando um conjunto de testes
 - É importante ter um número suficiente de instâncias para cada estrato.
 - Exemplo: renda média



• Estratos – categoria de renda



 Amostragem estratificada com base na categoria da renda

```
from sklearn.model_selection import StratifiedShuffleSplit

split = StratifiedShuffleSplit(n_splits=1, test_size=0.2, random_state=42)
for train_index, test_index in split.split(housing, housing["income_cat"]):
    strat_train_set = housing.loc[train_index]
    strat_test_set = housing.loc[test_index]
```

```
>>> strat_test_set["income_cat"].value_counts() / len(strat_test_set)
3     0.350533
2     0.318798
4     0.176357
5     0.114583
1     0.039729
Name: income_cat, dtype: float64
```

- Amostragem estratificada x aleatória
 - O conjunto de testes gerado com amostragem estratificada tem proporções da categoria de renda quase idênticas às do conjunto completo de dados.

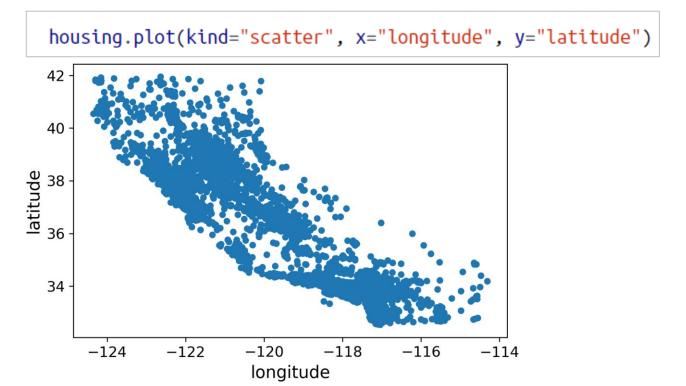
	Overall	Stratified	Random	Rand. %error	Strat. %error
1	0.039826	0.039729	0.040213	0.973236	-0.243309
2	0.318847	0.318798	0.324370	1.732260	-0.015195
3	0.350581	0.350533	0.358527	2.266446	-0.013820
4	0.176308	0.176357	0.167393	-5.056334	0.027480
5	0.114438	0.114583	0.109496	-4.318374	0.127011

 Remover o atributo income_cat para que os dados voltem ao estado original

```
for set_ in (strat_train_set, strat_test_set):
    set_.drop("income_cat", axis=1, inplace=True)
```

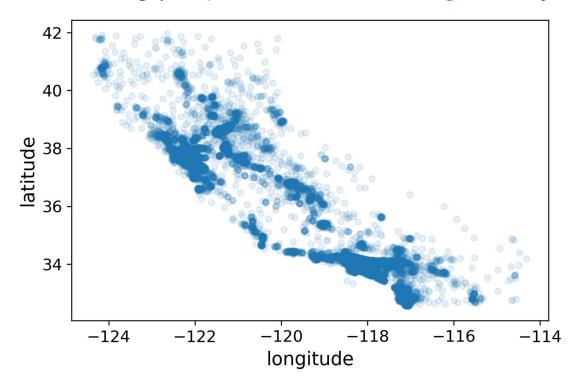
```
housing = strat_train_set.copy()
```

Visualizando dados geográficos



- Visualizando dados geográficos
 - visualização com destaque nas áreas de alta densidade

housing.plot(kind="scatter", x="longitude", y="latitude", alpha=0.1)



Visualizando dados geográficos

```
housing.plot(kind="scatter", x="longitude", y="latitude", alpha=0.4,
      s=housing["population"]/100, label="population", figsize=(10,7),
      c="median house value", cmap=plt.get cmap("jet"), colorbar=True,
 plt.legend()
                                                         500000
                                             population
                                           População
                                                         400000
                                                    Valor médio dos imóveis
34
                                                         100000
                                        -116
    -124
             -122
                      -120
                               -118
                                                 -114
                       longitude
```

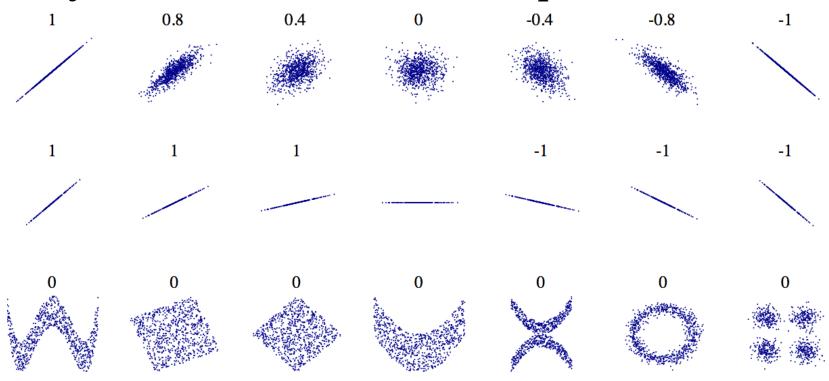
Preço médio das moradias na Califórnia

Buscando Correlações

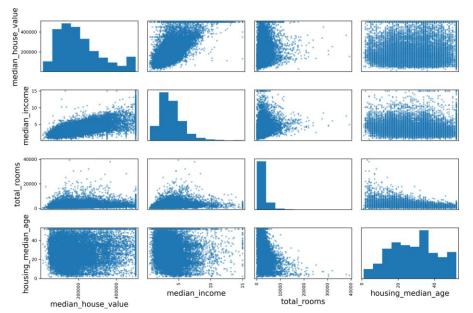
```
corr_matrix = housing.corr()
```

```
>>> corr matrix["median house value"].sort values(ascending=False)
median house value
                   1.000000
median income
              0.687170
total rooms
             0.135231
housing median age 0.114220
households
            0.064702
total bedrooms 0.047865
population
           -0.026699
longitude
                  -0.047279
latitude
                  -0.142826
Name: median house value, dtype: float64
```

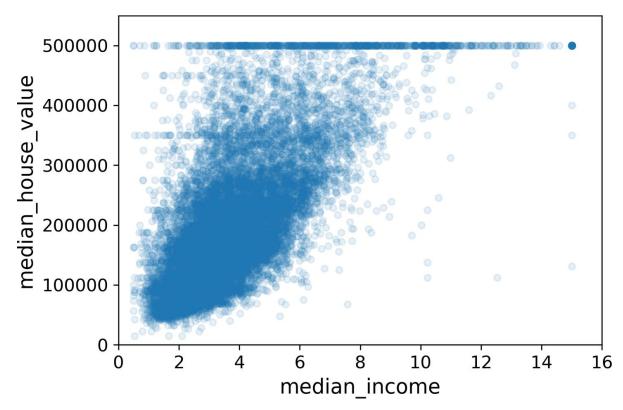
• Coeficiente de correlação padrão de vários conjuntos de dados (fonte: Wikipedia)



• Matriz de dispersão para plotar todos os atributos numéricos em relação a qualquer outro atributo numérico, além de um histograma de cada atributo numérico.



Renda média versus valor médio dos imóveis



Testando combinações de atributo

```
housing["rooms_per_household"] = housing["total_rooms"]/housing["households"]
housing["bedrooms_per_room"] = housing["total_bedrooms"]/housing["total_rooms"]
housing["population_per_household"]=housing["population"]/housing["households"]
```

- número de cômodos por família
- número total de quartos / número de cômodos
- população por domicílio

Testando combinações de atributo

```
>>> corr_matrix = housing.corr()
>>> corr_matrix["median_house_value"].sort_values(ascending=False)
median_house_value
                   1.000000
median income
                         0.687160
rooms per household
                    0.146285
total rooms
                          0.135097
housing median age
                      0.114110
households
                          0.064506
total bedrooms
                      0.047689
population per household
                         -0.021985
population
                          -0.026920
longitude
                         -0.047432
latitude
                         -0.142724
bedrooms_per_room
                          -0.259984
Name: median house value, dtype: float64
```

- Separação entre preditores e rótulos
 - drop() cria uma cópia dos dados

```
housing = strat_train_set.drop("median_house_value", axis=1)
housing_labels = strat_train_set["median_house_value"].copy()
```

Limpando os dados

- A maioria dos algoritmos de AM não funciona com características ausentes.
- Opções ao se deparar com valores faltantes no atributo total_bedrooms:
 - 1. Abrir mão das regiões correspondentes.
 - 2. Abrir mão de todo o atributo.
 - 3. Definir os valores para algum valor (zero, a média, a mediana etc.).

```
housing.dropna(subset=["total_bedrooms"]) # option 1
housing.drop("total_bedrooms", axis=1) # option 2
median = housing["total_bedrooms"].median() # option 3
housing["total_bedrooms"].fillna(median, inplace=True)
```

- Limpando os dados
 - Scikit Learn tem a classe SimpleImputer para lidar com valores faltantes.

```
from \( \gamma \) sklearn.impute import SimpleImputer
imputer = SimpleImputer(strategy="median")
housing_num = housing.drop("ocean_proximity", axis=1)
imputer.fit(housing num)
>>> imputer.statistics_
array([ -118.51 , 34.26 , 29. , 2119.5 , 433. , 1164. , 408. , 3.5409])
>>> housing_num.median().values
array([ -118.51 , 34.26 , 29. , 2119.5 , 433. , 1164. , 408. , 3.5409])
X = imputer.transform(housing_num)
housing tr = pd.DataFrame(X, columns=housing num.columns,
                           index=housing num.index)
```

- O design da biblioteca Scikit-Learn
 - Princípios de design usados no Scikit:
 - Consistência todos os objetos compartilham uma interface simples e consistente:
 - Estimadores Qualquer objeto capaz de estimar alguns parâmetros com base em um conjunto de dados se chama de estimador.
 - Exemplo: SimpleImputer
 - A estimativa em si é realizada pelo método fit().
 - Transformadores Alguns estimadores também podem transformar um conjunto de dados e se chamam transformadores.
 - A transformação é realizada pelo método transform(), que transforma o conjunto de dados.
 - Ele retorna o conjunto de dados transformados.
 - Todos os transformadores também têm um método fit_transform()
 - Equivalente a chamar o fit() e depois o transform().
 - Algumas vezes o fit_transform() é otimizado e roda muito mais rápido.

- O design da biblioteca Scikit-Learn
 - Princípios de design usados no Scikit:
 - Preditores
 - · Alguns estimadores são capazes de realizar previsões.
 - Eles se chamam preditores.
 - Exemplo: LinearRegression
 - Um preditor tem um método predict()
 - Pega um conjunto de dados de instâncias novas e retorna um conjunto de dados de predições correspondentes.
 - Tem um método score()
 - Computa a qualidade das predições, levando em conta um conjunto de teste (e os rótulos correspondentes (aprendizado supervisionado).
 - Inspeção
 - Todos os hiperparâmetros do estimador são diretamente acessados por meio de variáveis das instâncias públicas (Exemplo: imputer.strategy)
 - Todos os parâmetros aprendidos do estimador também são acessados por meio das variáveis das instâncias públicas seguido de "_" (Exemplo: imputer.statistics_).

- O design da biblioteca Scikit-Learn
 - Princípios de design usados no Scikit:
 - Não proliferação de classes
 - Os conjuntos de dados são representados como matrizes NumPy ou matrizes esparsas SciPy
 - · Hiperparâmetros são apenas strings ou números do Python.
 - Composição
 - Blocos de construção são reutilizados tanto quanto possível.
 - Exemplo: estimador Pipeline a partir de uma sequência arbitrária de transformadores seguida de um estimador final.
 - Padrões plausíveis
 - Valores-padrão aceitáveis para a maioria dos parâmetros, facilitando a criação rápida de um sistema de trabalho de referência.

- Manipulando texto e atributos categóricos
 - A maioria dos algoritmos de AM prefere trabalhar com números.

```
>>> housing cat = housing[["ocean proximity"]]
>>> housing cat.head(10)
      ocean proximity
17606
            <1H OCEAN
            <1H OCEAN
18632
14650
           NEAR OCEAN
3230
               TNI AND
3555
            <1H OCEAN
19480
               INLAND
8879
            <1H OCEAN
13685
               INLAND
4937
            <1H OCEAN
4861
            <1H OCEAN
```

- Manipulando texto e atributos categóricos
 - A maioria dos algoritmos de AM prefere trabalhar com números.

```
>>> from sklearn.preprocessing import OrdinalEncoder
>>> ordinal encoder = OrdinalEncoder()
>>> housing cat encoded = ordinal encoder.fit transform(housing cat)
>>> housing cat encoded[:10]
array([[0.],
       [0.],
       [4.],
       [1.],
       [0.].
       [1.],
       [0.],
       [1.],
       [0.],
       [0.1]
>>> ordinal encoder.categories
[array(['<1H OCEAN', 'INLAND', 'ISLAND', 'NEAR BAY', 'NEAR OCEAN'],</pre>
       dtype=object)]
```

- Manipulando texto e atributos categóricos
 - Um dos problemas com essa representação é que os algoritmos de AM assumem que dois valores próximos são mais semelhantes que dois valores distantes.
 - Isso pode ser bom em alguns casos
 - Exemplo: categorias ordenadas como "ruim", "médio", "bom" e "excelente".
 - Uma solução comum é criar um atributo binário por categoria.
 - One Hot Encoding

```
>>> from sklearn.preprocessing import OneHotEncoder
>>> cat_encoder = OneHotEncoder()
>>> housing_cat_1hot = cat_encoder.fit_transform(housing_cat)
>>> housing_cat_1hot
<16512x5 sparse matrix of type '<class 'numpy.float64'>'
   with 16512 stored elements in Compressed Sparse Row format>
```

Manipulando texto e atributos categóricos

- Se um atributo categórico tiver um grande número de categorias possíveis, a codificação one-hot resultará em um grande número de características.
- Isso pode retardar o treinamento e prejudicar o desempenho.
- Alternativas:
 - Substituir a entrada categórica por características numéricas úteis relacionadas às categorias.
 - Ex:
 - substituir a categoria ocean_proximity pelo atributo binário "ao nível do mar".
 - Um código de país pode ser substituído pela população e pelo PIB per capita do país.
 - Substituir categoria por um vetor de baixa dimensão e capaz de aprender, chamado embedding.
 - A representação de cada categoria seria aprendida durante o treinamento (aprendizado por representação Cap. 13 e 17).

- Se um atributo categórico tiver um grande número de categorias possíveis, a codificação one-hot resultará em um grande número de características.
- Isso pode retardar o treinamento e prejudicar o desempenho.

- Alternativas à codificação one-hot:
 - Substituir a entrada categórica por características numéricas úteis relacionadas às categorias.
 - Ex:
 - substituir a categoria ocean_proximity pelo atributo binário "ao nível do mar".
 - Um código de país pode ser substituído pela população e pelo PIB per capita do país.
 - Substituir categoria por um vetor de baixa dimensão e capaz de aprender, chamado embedding.
 - A representação de cada categoria seria aprendida durante o treinamento (aprendizado por representação Cap. 13 e 17).

- Customize os Transformadores
 - Escreva seus próprios para tarefas como operações de limpeza customizadas ou combinar atributos específicos.
 - Crie uma classe e implemente os três métodos: fit(), transform() e fit_transform().

Customize os Transformadores

```
from sklearn.base import BaseEstimator, TransformerMixin
rooms ix, bedrooms ix, population ix, households ix = 3, 4, 5, 6
class CombinedAttributesAdder(BaseEstimator, TransformerMixin):
    def __init__(self, add bedrooms per room = True): # no *args or **kargs
        self.add bedrooms per room = add bedrooms per room
    def fit(self, X, y=None):
        return self # nothing else to do
    def transform(self, X):
        rooms_per_household = X[:, rooms_ix] / X[:, households_ix]
        population_per_household = X[:, population_ix] / X[:, households_ix]
        if self.add_bedrooms_per_room:
            bedrooms_per_room = X[:, bedrooms_ix] / X[:, rooms_ix]
            return np.c [X, rooms per household, population per household,
        else:
            return np.c [X, rooms per household, population per household]
attr_adder = CombinedAttributesAdder(add_bedrooms_per_room=False)
housing_extra_attribs = attr_adder.transform(housing.values)
```

Escalonamento das Características

- Os algoritmos de ML não funcionam bem quando atributos numéricos de entrada têm escalas muito diferentes.
- Ex: o número total de cômodos varia de 6 a 39.320, ao passo que a renda média varia apenas de 0 a 15.
- Geralmente não é necessário escalonar os valores-alvo (rótulos).
- Há duas formas comuns de todos os atributos terem a mesma escala: escalonamento min-max e padronização.
 - Escalonamento min-max (normalização)
 - os valores são deslocados e reescalonados de modo que acabam variando de o a 1.
 - · No Scikit: MinMaxScaler.

Escalonamento das Características

- Padronização
 - Subtrair o valor médio (os valores padronizados sempre têm média zero) e, dividir pelo desvio-padrão para que a distribuição resultante tenha variação de unidade.
 - A padronização não vincula valores a um intervalo específico, o que pode ser um problema para alguns algoritmos (Ex: as redes neurais geralmente esperam um valor de entrada que varia de o a 1).
 - · No entanto, a padronização não é tão afetada pelos outliers.
 - Ex: suponha que uma região tenha uma renda média igual a 100 (por engano). O escalonamento min-max condensaria todos os outros valores de 0-15 para 0-0,15, enquanto a padronização não seria muito afetada.
 - No Scikit: StandardScaler.

IMPORTANTE:

- Em todas as transformações:
 - Ajustar os escalonamentos apenas aos dados de treinamento, não ao conjunto de dados completo (incluindo o conjunto de testes).
 - Só então você poderá usá-los para transformar o conjunto de treinamento e o conjunto de testes (e os dados novos).

Escalonamento das Características

$$x_{std}^{(i)} = \frac{x^{(i)} - \mu_x}{\sigma_x}$$

$$x_{norm}^{(i)} = \frac{x^{(i)} - \mathbf{x}_{min}}{\mathbf{x}_{max} - \mathbf{x}_{min}}$$

standardization

	input	standardized	normalized
0	0	-1.46385	0.0
1	1	-0.87831	0.2
2	2	-0.29277	0.4
3	3	0.29277	0.6
4	4	0.87831	0.8
5	5	1.46385	1.0

min-max scaling ("normalization")

Normalization

```
np.random.seed(0)
x = np.random.rand(20)
x = (x * 100).round(2)
x = np.resize(x, (20, 1))
```

```
60.28]
 54.49]
42.37]
 64.59]
43.76]
89.18]
96.37]
 38.34]
79.17
 52.891
 56.8 1
 92.56]
 7.1
 8.71]
 2.02]
83.26]
 77.82]
[ 87. ]]
```

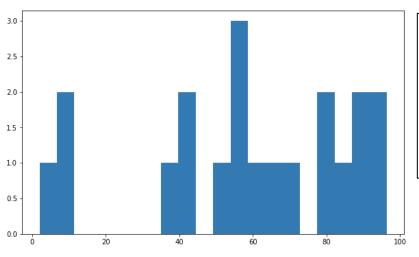
[[54.88]

71.52

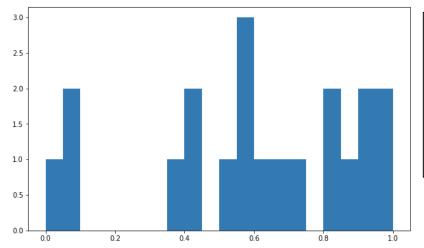
Normalization

```
x norm = normalize(x)
```

plt.hist(x, bins=20)



x --mean: 58.16, std: 27.59, min: 2.02, max: 96.37



```
x_norm
---
mean: 0.59,
std: 0.29,
min: 0.0,
max: 1.0
```

```
[[ 0.56025437],
  0.73661897],
  0.61748808],
  0.55612083],
  0.42766296],
  0.66316905],
  0.44239534],
  0.92379438],
  0.38494966],
  0.81770005],
  0.53916269],
  0.58060413],
  0.95961844],
  0.05384208],
  0.0709062 ],
  0.
  0.861049281,
  0.80339163],
  0.90068892]]
```

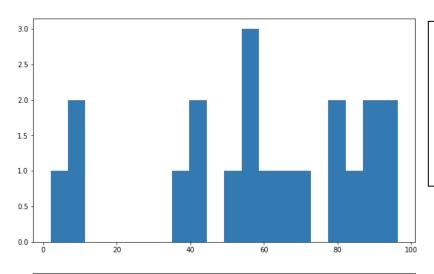
Standardization

```
x_{std}^{(i)} = \frac{x^{(i)} - \mu_x}{\sigma_x}
```

Standardization

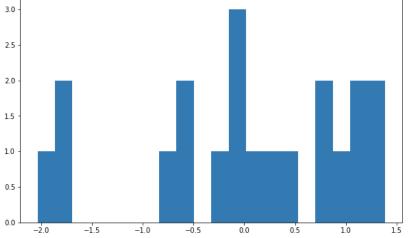
 $x_std = standardize(x)$

plt.hist(x, bins=20)



x --mean: 58.16, std: 27.59, min: 2.02,

max: 96.37



x_std --mean: 0.0, std: 1.0, min: -2.03, max: 1.38

```
[-0.11870903],
 [ 0.48434953],
  0.076995071,
 [-0.13284322],
 [-0.5720902]
 [ 0.23319593],
 [-0.52171451],
 [1.12437442],
  1.38495081],
 [-0.71814345],
 Γ 0.761597 ],
 [-0.19082962],
 [-0.04912535],
 [ 1.24687069],
 [-1.85032791],
 [-1.79197909],
 [-2.03443473],
 [ 0.90982474],
 [ 0.71267098],
 [ 1.04536795]]
```

- Transformação de Pipelines
 - Existem muitas etapas de transformação de dados que precisam ser executadas na ordem correta.
 - A classe Pipeline ajuda com essas sequências de transformações.

- Transformação de Pipelines
 - É conveniente ter um único transformador para lidar com todas as colunas, aplicando as transformações adequadas a cada coluna.
 - No Scikit: ColumnTransformer funciona bem com os DataFrames do Pandas.

- Transformação de Pipelines
 - O OneHotEncode retorna uma matriz esparsa, ao passo que o num_pipeline retorna uma matriz densa.

- Transformação de Pipelines
 - Em vez de usar um transformador, pode-se especificar a string "drop" caso queira que as colunas sejam dropadas (default), ou pode especificar um "pass through" se desejar que as colunas permaneçam inalteradas.

>>> lin_rmse = np.sqrt(lin_mse)

>>> lin rmse

68628.19819848922

• Treinando e avaliando o conjunto de treinamento

```
from sklearn.linear model import LinearRegression
lin reg = LinearRegression()
lin_reg.fit(housing prepared, housing labels)
>>> some data = housing.iloc[:5]
>>> some_labels = housing_labels.iloc[:5]
>>> some_data_prepared = full_pipeline.transform(some_data)
>>> print("Predictions:", lin_reg.predict(some_data_prepared))
Predictions: [ 210644.6045 317768.8069 210956.4333 59218.9888 189747.5584]
>>> print("Labels:", list(some_labels))
Labels: [286600.0, 340600.0, 196900.0, 46300.0, 254500.0]
>>> from sklearn.metrics import mean_squared_error
>>> housing predictions = lin_reg.predict(housing prepared)
>>> lin mse = mean squared error(housing labels, housing predictions)
```

- Treinando e avaliando o conjunto de treinamento
 - DecisionTreeRegressor poderoso: capaz de identificar relacionamentos n\(\tilde{a}\)o lineares complexos nos dados.

```
from sklearn.tree import DecisionTreeRegressor

tree_reg = DecisionTreeRegressor()
tree_reg.fit(housing_prepared, housing_labels)

>>> housing_predictions = tree_reg.predict(housing_prepared)
>>> tree_mse = mean_squared_error(housing_labels, housing_predictions)
>>> tree_rmse = np.sqrt(tree_mse)
>>> tree_rmse
0.0
```

É provável que tenha ocorrido overfitting!!!

- Avaliando melhor com a validação cruzada
 - Função train_test_split() divide o conjunto de treino em um conjunto menor e em um conjunto de validação.
 - Depois, treina-se os modelos com esse conjunto menor e avaliaos em relação ao conjunto de validação.

- Avaliando melhor com a validação cruzada
 - Outra alternativa é usar o método k-fold de validação cruzada:
 - Dividir aleatoriamente o conjunto de treinamento em *k* subconjuntos distintos chamados folds.
 - Treinar e avaliar o modelo *k* vezes, escolhendo sempre um fold diferente para avaliação e treinamento dos outros (*k-1*) folds.
 - O resultado é um array que contém k classificações de avaliação.

- Avaliando melhor com a validação cruzada
 - Os recursos de validação cruzada do Scikit esperam uma função de utilidade (quanto maior, melhor) do que uma função de custo (quanto menor, melhor).
 - Portanto, a função score é de fato oposta à MSE (ou seja, um valor negativo).

Avaliando melhor com a validação cruzada

```
>>> def display_scores(scores):
...     print("Scores:", scores)
...     print("Mean:", scores.mean())
...     print("Standard deviation:", scores.std())
...
>>> display_scores(tree_rmse_scores)
Scores: [70194.33680785 66855.16363941 72432.58244769 70758.73896782
71115.88230639 75585.14172901 70262.86139133 70273.6325285
75366.87952553 71231.65726027]
Mean: 71407.68766037929
Standard deviation: 2439.4345041191004
```

O modelo de árvore de decisão está sobreajustando tanto que acaba sendo pior do que o modelo de regressão linear

```
>>> lin_scores = cross_val_score(lin_reg, housing_prepared, housing_labels, scoring="neg_mean_squared_error", cv=10)
...
>>> lin_rmse_scores = np.sqrt(-lin_scores)
>>> display_scores(lin_rmse_scores)
Scores: [66782.73843989 66960.118071 70347.95244419 74739.57052552
68031.13388938 71193.84183426 64969.63056405 68281.61137997
71552.91566558 67665.10082067]
Mean: 69052.46136345083
Standard deviation: 2731.674001798348
```

Escolha e treine um modelo

Avaliando melhor com a validação cruzada

```
>>> def display_scores(scores):
...    print("Scores:", scores)
...    print("Mean:", scores.mean())
...    print("Standard deviation:", scores.std())
...
>>> display_scores(tree_rmse_scores)
Scores: [70194.33680785 66855.16363941 72432.58244769 70758.73896782
   71115.88230639 75585.14172901 70262.86139133 70273.6325285
   75366.87952553 71231.65726027]
Mean: 71407.68766037929
Standard deviation: 2439.4345041191004
```

```
>>> from sklearn.ensemble import RandomForestRegressor
>>> forest_reg = RandomForestRegressor()
>>> forest_reg.fit(housing_prepared, housing_labels)
>>> [...]
>>> forest_rmse
18603.515021376355
>>> display_scores(forest_rmse_scores)
Scores: [49519.80364233 47461.9115823 50029.02762854 52325.28068953
49308.39426421 53446.37892622 48634.8036574 47585.73832311
53490.10699751 50021.5852922 ]
Mean: 50182.303100336096
Standard deviation: 2097.0810550985693
```

Esse modelo é muito melhor.

Florestas aleatórias parecem muito boas.
No entanto, o score no conjunto de treino é muito menor do que nos conjuntos de validação.
Significa que o modelo ainda está se sobreajustando ao conjunto de treinamento.

Escolha e treine um modelo

- Avaliando melhor com a validação cruzada
 - Possíveis soluções para sobreajustes:
 - simplificar o modelo
 - restringi-lo (ou seja, regularizá-lo)
 - obter mais dados de treinamento.
 - Deve-se testar muitos outros modelos de diversas categorias de algoritmos de AM

Grid Search

- Scikit Learn: GridSearchCV
 - Defina os hiperparâmetros e valores deseja que ele teste, e ele avaliará todas as combinações de valores possíveis por meio de validação cruzada.

- Grid Search
 - Obter a melhor combinação de hiper-parâmetros:

```
>>> grid_search.best_params_
{'max_features': 8, 'n_estimators': 30}
```

- Como 8 e 30 são os valores máximos que foram avaliados, você deve tentar pesquisar novamente com valores mais altos, pois o score pode melhorar ainda mais.
- O melhor modelo pode ser obtido assim:

Grid Search

- GridSearchCV com refit = True (que é o padrão),
 depois de identificar o melhor estimador usando a
 validação cruzada, ele o restringe em todo o conjunto
 de treinamento.
- Ao fornecer mais dados, provavelmente, melhorará o desempenho do modelo.

Os scores de avaliação também estão disponíveis:

```
>>> cvres = grid_search.cv_results_
>>> for mean_score, params in zip(cvres["mean_test_score"], cvres["params"]):
        print(np.sqrt(-mean score), params)
63669.05791727153 {'max features': 2, 'n estimators': 3}
55627.16171305252 {'max features': 2, 'n estimators': 10}
53384.57867637289 {'max features': 2, 'n estimators': 30}
60965.99185930139 {'max features': 4, 'n estimators': 3}
52740.98248528835 {'max features': 4, 'n estimators': 10}
50377.344409590376 {'max features': 4, 'n estimators': 30}
58663.84733372485 {'max features': 6, 'n estimators': 3}
52006.15355973719 {'max features': 6, 'n estimators': 10}
50146.465964159885 {'max features': 6, 'n estimators': 30}
57869.25504027614 {'max features': 8, 'n estimators': 3}
51711.09443660957 {'max_features': 8, 'n_estimators': 10}
49682.25345942335 {'max features': 8, 'n estimators': 30}
62895.088889905004 {'bootstrap': False, 'max_features': 2, 'n_estimators': 3}
54658.14484390074 {'bootstrap': False, 'max features': 2, 'n estimators': 10}
59470.399594730654 {'bootstrap': False, 'max features': 3, 'n estimators': 3}
52725.01091081235 {'bootstrap': False, 'max features': 3, 'n estimators': 10}
57490.612956065226 {'bootstrap': False, 'max features': 4, 'n estimators': 3}
51009.51445842374 {'bootstrap': False, 'max features': 4, 'n estimators': 10}
```

Randomized Search

- Grid search é bom quando há poucas combinações.
- Mas, quando o espaço de pesquisa de hiperparâmetro é grande, é preferível usar o RandomizedSearchCV.
- Em vez de testar todas as combinações possíveis, ela avalia um determinado número de combinações aleatórias.
- Basta definir o número de iterações, que você terá mais controle sobre o custo computacional que deseja alocar para a pesquisa por hiperparâmetro.

Métodos ensemble

- O agrupamento (ou "ensemble") geralmente terá um desempenho superior em relação ao melhor modelo individual.
 - Ex: As florestas aleatórias funcionam melhor do que as árvores de decisão, sobretudo se os modelos individuais tiverem tipos muito diferentes de erros.

- Analise os melhores modelos e seus erros
 - Você obtém informações reveladoras sobre o problema inspecionando os melhores modelos.
 - Ex: o RandomForestRegressor pode indicar a importância relativa de cada atributo para realizar predições precisas:

- Analise os melhores modelos e seus erros
 - Scores de importância ao lado dos nomes de atributos correspondentes:

```
>>> extra_attribs = ["rooms_per_hhold", "pop_per_hhold", "bedrooms_per_room"]
>>> cat encoder = full pipeline.named transformers ["cat"]
>>> cat_one_hot_attribs = list(cat_encoder.categories_[0])
>>> attributes = num_attribs + extra_attribs + cat_one_hot_attribs
>>> sorted(zip(feature importances, attributes), reverse=True)
[(0.3661589806181342, 'median income'),
(0.1647809935615905, 'INLAND'),
(0.10879295677551573, 'pop per hhold'),
 (0.07334423551601242, 'longitude'),
 (0.0629090704826203, 'latitude'),
 (0.05641917918195401, 'rooms per hhold'),
 (0.05335107734767581, 'bedrooms per room'),
 (0.041143798478729635, 'housing median age'),
 (0.014874280890402767, 'population'),
 (0.014672685420543237, 'total rooms'),
 (0.014257599323407807, 'households'),
 (0.014106483453584102, 'total_bedrooms'),
 (0.010311488326303787, '<1H OCEAN'),
 (0.002856474637320158, 'NEAR OCEAN'),
 (0.00196041559947807, 'NEAR BAY'),
 (6.028038672736599e-05, 'ISLAND')]
```

- Analise os melhores modelos e seus erros
 - Com essa informação, pode-se descartar algumas das características menos úteis.
 - Ex: Apenas uma categoria da ocean_proximity é de fato útil; logo, você pode tentar descartar as outras.

- Avalie seu sistema no conjunto de testes
 - Obter os preditores e os rótulos do seu conjunto de testes;
 - Execute seu full_pipeline para transformar os dados (chame o transform(), não o fit_transform());
 - Avalie o modelo final no conjunto de testes:

```
final_model = grid_search.best_estimator_

X_test = strat_test_set.drop("median_house_value", axis=1)
y_test = strat_test_set["median_house_value"].copy()

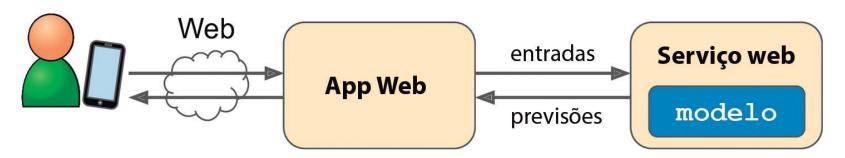
X_test_prepared = full_pipeline.transform(X_test)
final_predictions = final_model.predict(X_test_prepared)

final_mse = mean_squared_error(y_test, final_predictions)
final_rmse = np.sqrt(final_mse)  # => evaluates to 47,730.2
```

- Avalie seu sistema no conjunto de testes
 - Melhorando a estimativa pontual do erro de generalização:
 - Calcular um intervalo de confiança de 95% para o erro de generalização, usando scipy.stats.t.interval():

Implemente, Monitore e Faça a Manutenção de Seu Sistema

- Implementar o modelo em seu ambiente de produção.
 - salvar o modelo treinado.
 - Fazer upload do modelo treinado em seu ambiente de produção.
 - Usá-lo para realizar predições chamando o método predict().
 - Encapsular o modelo em um serviço web dedicado que seu aplicativo web pode consultar por meio de uma REST API.



Implemente, Monitore e Faça a Manutenção de Seu Sistema

- Escrever um código de monitoramento para verificar o desempenho em tempo real do seu sistema em intervalos regulares e acionar alertas quando ele cair.
- Atualizar seus conjuntos de dados e treinar seu modelo regularmente.

Teste

- Familiarize-se com o processo
 - Selecione um conjunto de dados de seu interesse.
 - Etapa de preparação de dados:
 - Desenvolva ferramentas de monitoramento;
 - · Configure pipelines de avaliação humana;
 - · Automatize o treinamento regular de modelos.
 - Teste todo o processo do começo ao fim.

