Vincent Emonet

Ingénieur d'étude en informatique

30 route du val de Gorbio 06500 Menton. France # +33 6 75 72 59 52 ⊠ vincent.emonet@gmail.com net.github.io in vincent-emonet vemonet 13/11/1991 - Permis B

Expérience professionnelle

Janvier 2015 à Ingénieur d'étude en informatique - Gestion d'ontologies et web sémantique,

Juillet 2017 CNRS - Laboratoire d'Informatique, de Robotique et de Microélectronique de Montpellier, France.

- o Administration et développement des plateformes bioportal.lirmm.fr et agroportal.lirmm.fr : github.com/sifrproject
- o Implémentations de nouvelles fonctionnalités aux services BioPortal (Ruby on Rails, Java, SPARQL)
- o Gestion de la compatibilité avec la version principale du NCBO BioPortal
- o Intégration, consolidation et documentation de programmes de fouilles de données et de traitement du langage naturel : gite.lirmm.fr/advanse (Java, AngularJS, administration Linux)
- o Amélioration de l'outil de matching d'ontologie YAM++ (Java) : gite.lirmm.fr/opendata
- o Développement d'une interface web pour la validation de mappings entre ontologies (JEE) : yamplusplus.lirmm.fr

Mars 2014 à Ingénieur en bioinformatique - Gestion de données biologiques,

Septembre 2014 Université de Laval, Québec, Canada.

- Participation à l'administration et au développement du projet bio2rdf.org
- o Développement de composants d'ETL Talend en sémantique github.com/vemonet/talend4sw
- o Développement de web services de gestion de données biologiques format RDF github.com/bio2rdf/bio2rdf-rest
- Conversion de bases de données biologiques au format RDF (PubMed, neXtProt)
- o Mise en place d'une plateforme Hadoop pour le Big Data sur des serveurs CentOS

Juin 2013 à Assistant ingénieur en bioinformatique - Gestion de données biologiques,

Août 2013 Université de Laval, Québec, Canada.

- o Conversion des données de bases de données biologiques vers le format RDF, standard du web sémantique, en utilisant l'ETL Talend et Java dans le cadre du projet bio2rdf.org
- o 1ère place au Hackathon de la 4th International Conference on Biomedial Ontology à Montréal

Juin 2012 à Stage en bioinformatique dans un laboratoire de recherche en écologie,

Août 2012 University of California, Berkeley, Etats-Unis.

- o Elaboration de programmes d'analyse de séquences en Python 2.7
- o Préparation d'une Amazon Machine Image basée sur Linux

Avril 2011 à Technicien dans un laboratoire de recherche en biochimie,

Juin 2011 INSERM. Nice. France.

Analyse de l'expression de gènes par qPCR et Western Blot

Formations

2012 - 2014 Master Génie physiologique, biotechnologique et informatique,

Université de Poitiers, Option biotechnologie.

- 2011 2012 Licence en génie bio-informatique, Université de Poitiers (86), Option biotechnologie.
- 2009 2011 **D.U.T. Génie biologique**, *Toulon (83)*, Option analyse biologique et biochimique.
- 2008 2009 **Baccalauréat**, *Menton* (06).

Série scientifique, spécialité mathématiques, mention Bien

Publications

- Plateformes Publications dans les archives ouvertes HAL : https://hal.archives-ouvertes.fr/search/index/q/*/authFullName_s/Vincent+ Emonet
 - Publications sur *dblp computer science bibliography*: http://dblp.uni-trier.de/pers/hd/e/Emonet:Vincent

 - LIRMM o Anne Toulet, Vincent Emonet, Clement Jonquet, Modèle de métadonnées dans un portail d'ontologies, JFO: Journées Francophones sur les Ontologies, 2016
 - C. Jonquet et al., Reusing the NCBO BioPortal technology for agronomy to build AgroPortal, 7th International Conference on Biomedical Ontologies, 2016
 - o A. Annane, V. Emonet, F. Azouaou, C. Jonquet. Multilingual Mapping Reconciliation between **English-French biomedical ontologies**. 6th International Conference on Web Intelligence, Mining and Semantics, 2016
 - Bio2RDF o M. Dumontier et al., Bio2RDF Release 3: A larger, more connected network of Linked Data for the Life Sciences. International Semantic Web Conference, 2014

Compétences

Langages Java, Ruby (on Rails), Regex, Web (HTML, JavaScript, CSS), SQL, Python

Web Web sémantique (RDF, SPARQL), Ontologies, Services REST, JSON, XML

Outils Git, Linux (Shell, Debian, RedHat), Docker, ETL Talend et méthodologie Agile

Biologie Notions en biotechnologie, génétique, biologie moléculaire, biologie cellulaire et physiologie

Langues

Anglais Score TOEIC 2014: 935.

Expérience anglophone significative (5 mois aux Etats-Unis)

Participation active aux conversations, ainsi que lecture et rédaction de documents

Espagnol Notions de base

Centres d'intérêt

Sports Vélo (tout terrain et cyclotourisme), Ultimate frisbee, trails, randonnée

Divers Voyages, nature, actualités

Références

LIRMM Clément Jonquet, chercheur en informatique (jonquet@lirmm.fr)

Zohra Bellahsene, chercheuse en informatique (bella@lirmm.fr)

Jérôme Azé, chercheur en informatique (jerome.aze@lirmm.fr)

Bio2RDF François Belleau, initiateur du projet bio2rdf.org (francois.belleau@gmail.com)

UC Berkeley Adam Retchless, chercheur en bioinformatique (adam@retchless.us)