«TableStart:Samples»

«TableStart:Samples»

sample: «sample»

patient: «patient»

dob: «dob»

age: «age»

urn: «urn»

isdraft: «isdraft»

ampReads: «ampReads»

amppct: «ampPct»

location: «location»

requester: «requester»

extref: «extref»

collect\_date: «collect\_date»

rcvd\_date: «rcvd\_date»

morphology: «morphology»

tumour\_pct: «tumour\_pct»

clinContext: «clinContext»

firstReviewer: «firstReviewer»

firstReviewedDate: «firstReviewedDate»

secondReviewer: «secondReviewer»

secondReviewedDate: «secondReviewedDate»

finalReviewer: «finalReviewer»

finalReviewedDate: «finalReviewedDate»

«TableStart:Variants»

«TableStart:Variants»

refseq: «refseq»

hgvsc:«hgvsc»

hgvsp:«hgvsp»

varreaddepth: «varreaddepth»

totalreaddepth: «totalreaddepth»

exon: «exon»

class: «class»

afpct: «afpct»

gene:«gene»

genedesc:

«genedesc»

mut:

«mut»

citations:

«citations»

«TableEnd:Variants»

«TableEnd:Variants»

lowAmps:

«lowAmps»

rois:

«rois»

«TableEnd:Samples»

«TableEnd:Samples»