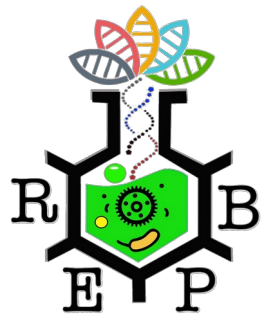




Red de Egresados del Posgrado en Biociencias  
de la Universidad Autónoma de Guerrero



# Introducción a Linux

M en BC. Alberto Patricio Hernández

[patriciofcqb@gmail.com](mailto:patriciofcqb@gmail.com)

Clase 2



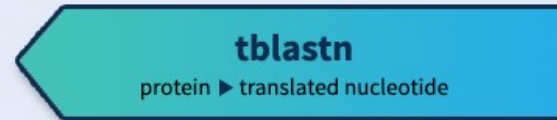
## Clase 2



¿Entendimos la manipulación de archivos?

# BLAST

## Web BLAST



BLASTN: Comparación de secuencias de nucleótidos (ADN o ARN).

BLASTP: Comparación de secuencias de proteínas.

BLASTX: Traduce una secuencia de nucleótidos a las seis posibles secuencias de proteínas y las compara con una base de datos de proteínas.

TBLASTN: Traduce una secuencia de proteínas a las seis posibles secuencias de nucleótidos y las compara con una base de datos de nucleótidos.

TBLASTX: Traduce ambas secuencias de nucleótidos a todas las posibles secuencias de proteínas y las compara.

## Formato fasta

Formato basado en texto para representar secuencias de nucleótidos o amino ácidos mediante códigos que emplean letras.

```
>MW820601.1 Botrytis cinerea isolate HNSMJ-4 small subunit ribosomal RNA gene,  
partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and  
internal transcribed spacer 2, complete sequence; and large subunit ribosomal RNA  
gene, partial sequence  
CGTAACAAGGTTTCCGTAGGTGAACCTGCGGAAGGATCATTACAGAGTTCATGCCCCGAAAGGGTAGACCT  
CCCACCCTTGTGTATTACTTTGTTGCTTTGGCGAGCTGCCTTCGGGCCTTGTATGCTCGCCAGAGAA  
TACCAAACTCTTTTATTAATGTCGTCTGAGTACTATATAATAGTTAAACTTTCAACAACGGATCTCT  
TGGTTCGGCATCGATGAAGAACGCAGCGAAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGAATCA  
TCGAATCTTTGAACGCACATTGCGCCCCTTGGTATTCCGGGGGGCATGCCTGTTGAGCGTCATTTCAAC  
CCTCAAGCTTAGCTTGGTATTGAGTCTATGTAGTAATGGCAGGCTCTAAAATCAGTGGCGGCGCCGCTG  
GGTCTGAACGTAGTAATATCTCTCGTTACAGGTTCTCGGTGTGCTTCTGCCAAAACCCAAATTTTCTA  
TGGTTGACCTCGGATCAGGTAGGGATACCCGCTGAACTTAAGCATAT
```

