library(dplyr) library(magrittr)

Curso_R %>% filter(city == 'Corrientes')

BIENVENIDOS AL TALLER

APRENDER R DESDE CERO

DICTANTE: LIC. EN SISTEMAS PATRICIA A. LOTO



COORDINADORA: MG. SONIA MARIÑO

Lunes 12 de agosto de 2019.

HOY HABLAMOS SOBRE...

PARTE 1: Buenas prácticas

Tipo de datos (objetos)

Datos Atómicos

Vectores

Matrices

Factores

Dataframes

Elementos de la sintaxis de R/ Coerción





PARTE 2: Estructuras de Control y Funciones

If-else

For

While

Funciones.

La importancia de trabajar con proyectos

Importación de Datos en R

Exploración básica de datos



BUENAS PRÁCTICAS

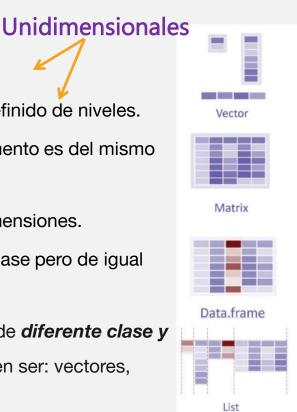
- 1. Llamar todos los paquetes al inicio de nuestro script. De este modo, cuando más adelante volvamos a trabajar con el script (u otra persona quiera ejecutarlo) queda claro desde el principio cuáles paquetes se utilizan (y si sería necesario descargarlos, en caso de no tenerlos).
- 2. Comentar nuestro script. En R podemos agregar comentarios anteponiendo un # al fragmento que cumple esa función. En una línea de nuestro script, todo lo que está después de un # no se ejecuta como código.

¿POR QUÉ ES IMPORTANTE COMENTAR NUESTRO SCRIPT?

- Porque así podemos recordar qué es lo que un determinado fragmento de código hace, o podemos dejar registro de por qué realizamos algo de una determinada manera. Esto es muy útil para que nuestro futuro yo (o las personas con las que compartiremos nuestro script) entiendan lo que hicimos.
- Los comentarios también son muy útiles cuando estamos aprendiendo! Probablemente en el futuro ya no necesites indicar que "library()" sirve para cargar paquetes, pero por ahora es una buena manera de ir registrando qué es lo que hace cada función.
- También es útil agregar al inicio de nuestro script una descripción de su objetivo o del contexto en que lo escribimos.

TIPO DE OBJETOS

- Vectores: secuencia de elementos de datos del mismo tipo.
- Factores: vector utilizado para variables categóricas con número definido de niveles.
- Matrices: *vectores columna* de 2 dimensiones en la que cada elemento es del mismo tipo.
- Arreglo (array): similar a una matriz pero puede tener más de 2 dimensiones.
- Dataframes: lista en la que cada columna puede ser de diferente clase pero de igual longitud.
- Listas: conjunto indexado de objetos donde los objetos pueden ser de *diferente clase y longitud*. Puede pensarse como un *contenedor de objetos* que pueden ser: vectores, factores, matrices, arreglos, dataframes y listas.



OPERADORES

 Las operaciones pueden ser agrupadas usando paréntesis, y asignadas a variables de manera directa.

Aritméticos	Comparativos o relacionales	Lógicos
+ adición - sustracción * multiplicación / división ~ potencia %% modulo %/% división de enteros	<pre>< menor que > mayor que <= menor o igual que >= mayor o igual que == igual ! Diferente</pre>	! X 'NO' lógico x & y 'Y' lógico x & y idem x y 'O' lógico Xor (x,y) O exclusivo

EN R TODOS LOS DATOS SON OBJETOS



DATOS ATÓMICOS

Pueden ser de diferentes tipos: reales, enteros, complejos o booleanos. La función *class ()* nos dice el tipo de dato.

#Numéricos (reales)

monto <- 2.5 class (monto)

#Enteros

cantidad <- 1L class (cantidad)

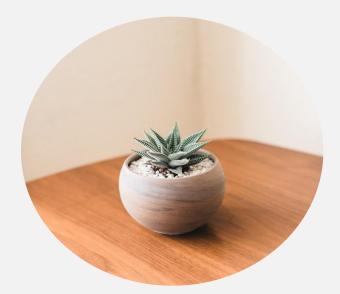
#Complejos

z < -2+2i class (y)

#Caracteres

nombre<- "Patricia" class (nombre)

Al agregar la letra L final, R entiende que se trata de un número entero.



#Lógicos o booleanos

es_estudiante <- TRUE class (es_estudiante)

VECTORES

Son conjuntos de datos que pueden ser numéricos, lógicos o caracteres.

Se crea con la función c ()

#Un vector de tipo numérico

edad <- c (50, 30, 20) edad

#Un vector de tipo lógico o booleano

es_casado <- c (T,F,F,T,T) print (es casado)

#Un vector de cadena de caracteres

nombres <- c ("Julia", "Juan", "María") print (nombres)



datos <- c (edad, nombres, es_casado) datos



VECTORES

Podemos crear <u>secuencias</u> de distintas formas

```
#Mediante el operador :
seq1 <- 1:20
seq1

seq2 <- 40:20
seq2

#Mediante la función seq()
seq3 <- seq (1, 9, by=2)</pre>
```

```
Permite crear una secuencia creciente o decreciente
```

Con length() se puede saber la longitud de un vector

Length (seq1) Length (seq3)

seq3

MATRICES

Desde el punto de vista del lenguaje, una matriz es un **vector** <u>con atributo</u> <u>adicional: dim</u>. Es decir, es un vector de 2 dimensiones, a saber: el número de renglones o filas y el número de columnas.

Las matrices por defecto se crean de columna a columna, empezando por fila superior izquierda, completando hasta abajo hasta alcanzar la dimensión de filas, y luego sigue agregando las columnas siguientes de a una por vez hacia la derecha. En caso, debo especificar 'byrow'

mat3 <- matrix(11:30, nrow=5, ncol=4, byrow=True)

MATRICES

#Por medio de la función dim

dim (matriz) <- c (5:4) matriz <- c (11:30) matriz class (matriz)

#Por medio de la función matrix()

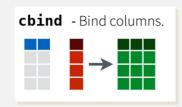
matriz2 <- matrix(11:30, nrow=5, ncol=4)

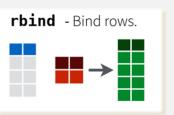
#Por medio de cbind () y rbind ()

a <- c (6,9,12) b <- c (7,10,13)

c <- cbind (a,b) añade una columna

d <- rbind (a,b) añade una fila





MATRICES: INDEXACIÓN

Para acceder a los elementos de una matriz

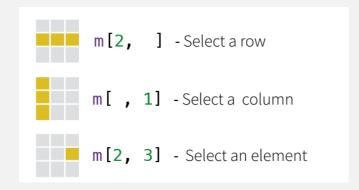
```
#Mediante el operador [] 
mat2 <- matrix(11:30, nrow=5, ncol=4)
```

Se puede acceder mediante elemento de la matriz como un vector

```
m <- matriz2[3,2] k <- matriz8]
```

Para Listas, mediante el operador [[]] n <- matriz2 [[2]]

Y <- matriz2 [[2,3]]



ALGUNAS FUNCIONES DE MATRICES

dim devuelve las dimensiones de una matriz

dimnames devuelve el nombre de las dimensiones de una matriz

colnames devuelve el nombre de las columnas de una matriz

rownames devuelve el nombre de las filas de una matriz

mode devuelve el tipo de datos de los elementos de una matriz

length devuelve el número total de elementos de una matriz

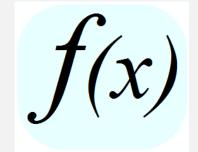
is.matrix devuelve T si el objeto es una matriz, F si no lo es

[,] accede a elementos dentro de la matriz

apply Aplica una función sobre las filas o columnas de una matriz

cbind Añade una columna a una matriz dada

rbind Añade una fila a una matriz dada



FACTORES

Son cadena de caracteres que se utilizan para nombrar cosas u objetos.

#Por medio de la función c ()

```
persona <- c ("Pedro", "Juan", "Silvia", "María")
mes.nac <- c ("Enero", "Febrero", "Marzo", "Abril")
```

print (persona[2]); print (mes.nac[2])

#Es posible concatenar factores mediante la función paste() paste (persona[2], "nació en el mes de", mes.nac[2])

#Indexación mediante []

Al ser una estructura unidimensional como los vectores, es factible usar el operador[] para indexar.

persona [1] mes.nac [4]



LISTAS

Una lista es una clase de dato que puede contener cero o más elementos, cada uno de los cuales puede ser de una clase distinta.

Esto no ocurre con las matrices y los arrays que tienen elementos de igual clase.

#Por medio de la función list()

list_data <- list("Red", "Green", c(21,32,11), TRUE, 51.23, 119.1)

#Indexación mediante [], [[]] y \$

list_data[1] Selecciona una sublista

list_data[[3]] ← Selecciona un único elemento

#Para utilizar \$, los elementos deben tener un nombre.

list_2<-list(ciudades=c("Corrientes", "Resistencia"), edades=c(20,30))

list 2\$edades



DATAFRAMES

Un dataframe es una **lista** cuyos componentes pueden ser vectores, matrices o factores, con la única salvedad de que las filas y columnas coincidan en todos sus componentes.

Tiene apariencia de una tabla.

#Por medio de la función data.frame() x <- data.frame (sitios=1:4, muestreado = c(T,F,F,T))

#En R hay pre-cargados algunos dataframes Ejemplo: mtcars e iris.

#En general, importamos los dataframes mediante read.table() y read.csv().



DATAFRAMES: INDEXACIÓN

#Mediante el operador []

mtcars[1] mtcars [2,] mtcars[,2]

También permite acceder a un elemento concreto mtcars[3,2]

#Mediante el operador \$
mtcars\$hp
mtcars\$w



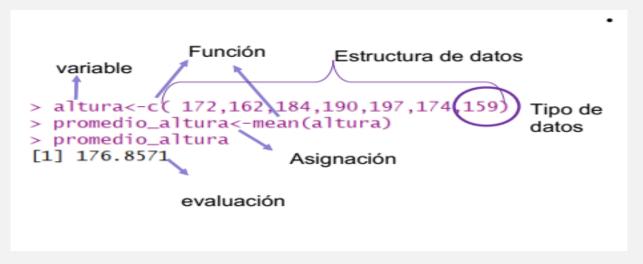
Sólo para listas y dataframes

#Podemos modificar una columna

mi.mtcars <- mtcars mi.mtcars\$hp <- mtcars\$hp * 100

ELEMENTOS DE LA SINTAXIS DE R

- Asignación
- Tipo de datos
- Estructura de datos
- Operadores
- Funciones
- Variables globales vs locales o temporales



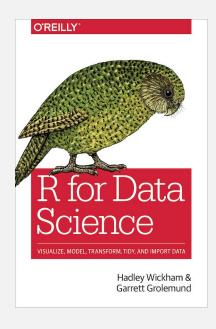
ELEMENTOS DE LA SINTAXIS DE R

Coerción:

- Implícita: R interpreta automáticamente que tipo de datos son cuando lee datos de tipo character, numeric o logical. Si lee un dato y no lo puede asignar, pone NA y avisa con un warning.
- ✓ x <- 1.5
- √ is.numeric(x)
- Explícita: se le indica a R que interprete un dato de determinada manera.
- \checkmark x <-1.03
- ✓ class(x)
- √ y <- as.integer(x)
 </p>
- √ class(y)



Libro R para Ciencia de Datos



http://r4ds.had.co.nz/ https://github.com/hadley/r4ds

ESTRUCTURAS DE CONTROL

Las estructuras de control nos permiten controlar el flujo de ejecución de una secuencia de comandos. De este modo, podemos poner "lógica" en el código de R y lograr así reutilizar fragmentos de código una y otra vez.

Permiten evaluar las entradas, y ejecutar código diferente según ciertos casos.

#if /else

Permite decidir si ejecutar o no un fragmento de código en función de una condición.

#for

Ejecuta un bucle una cantidad fija de veces.

#while

Ejecuta un bucle mientras sea verdadera una condición.

FUNCIONES

- Una función es un conjunto de instrucciones para realizar una tarea especifica
- Puede aceptar argumentos o parámetros
- Puede devolver uno o más valores o ninguno
- Usamos tanto las funciones que trae R preinstaladas como las que agregamos al cargar paquetes, o creando funciones propias

FUNCIONES

Constan de:

- lista de argumentos (arglist)
- código (body)
- entorno en el cual son válidas las variables que se crean y usan para realizar la acción de la función

```
Mifuncion <- function( arg1,arg2,...)
{ instrucciones
return (objeto)
}
```

```
Ejemplo:

sumacuadrado <- function(x_1, x_2)

{ y <- x_1^2 + x_2^2

return(y)

}

myFunction(x_1 = 2, x_2=3)

## [1] 13
```

LA IMPORTANCIA DE TRABAJAR CON PROYECTOS

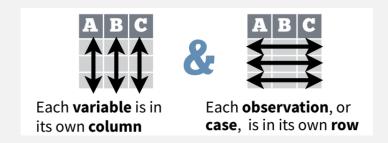
Una de las ventajas de RStudio es que permite crear "proyectos". Un proyecto es un espacio o contexto de trabajo asociado a una carpeta en particular, en la que se guardan nuestros scripts, archivos de datos, gráficos, etc. Cuando creamos un proyecto en RStudio, se crea un tipo especial de archivo (.Rproj) que lo que hace es vincular todo lo que se encuentra dentro de esa carpeta.

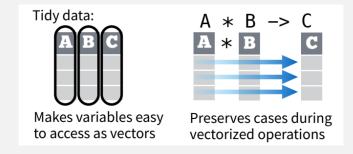
¿Por qué esto es útil? Si parte de nuestro script, por ejemplo, implica abrir un archivo que está en la carpeta de nuestro proyecto, no necesito indicar en mi código toda la ruta del archivo: lo que hará RStudio será buscarlo en el entorno/carpeta del proyecto. Si movemos la carpeta a otro lugar de nuestro computador o la compartimos con otra persona, nuestro código seguirá funcionando, ya que el archivo .Rproj mantendrá todo unido. Si no creara un proyecto, tendría que indicar al inicio de mi script cuál es la ruta de la carpeta que ocuparé como espacio de trabajo. El problema de esa opción es que si muevo la carpeta o le cambio el nombre, tendría que volver a escribir la ruta para que todo funcione. Al crear un proyecto eso deja de ser una preocupación.

IMPORTACIÓN DE DATOS EN R

Esos datos pueden ser tabulares, jerárquicos, relacionales y distribuidos.

#Tidy data: es importante tener los datos ordenados.





IMPORTACIÓN DE DATOS EN R

```
#Por medio de read.csv()
```

Iris <-read.csv("E:/DATASETS/iris.csv")

View(iris)

#Por medio de read.table ()

mtcars <- read.table ("E:/DATASETS/mtcars.txt")

mtcars <- read.table ("E:/DATASETS/mtcars.txt", header=TRUE)

View(mtcars)



IMPORTACIÓN DE DATOS EN R

#También podemos importar otro tipo de datos mediante el paquete readxl

- Ejemplo:
- install.packages ("readxl")
- library (readxl)
- estadis <- read_xlsx("estadistica2009.xlsx")



EXPLORACIÓN BÁSICA DE DATOS CON IRIS

- El dataset más común para análisis estadísticos y ciencia de datos.
- · Lo vamos a usar para ver funciones básicas para explorar un dataframe.

Iris virginica



Iris versicolor



Iris setosa

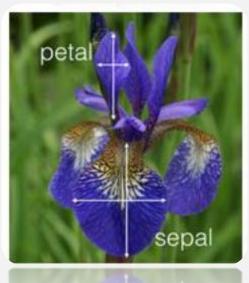


EXPLORACIÓN BÁSICA DE DATOS CON IRIS

Carga del dataset

data(iris)

- # Funciones básicas
- class (iris)
- dim (iris)
- names(iris)
- str(iris)
- attributes (iris)
- summary (iris)





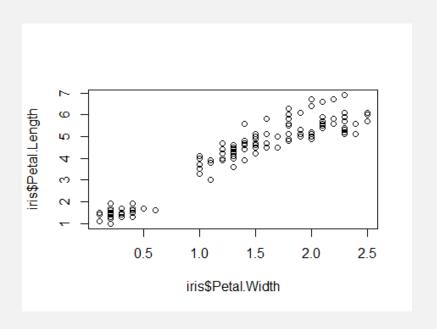
EXPLORACIÓN BÁSICA DE DATOS - IRIS

Visualización básica

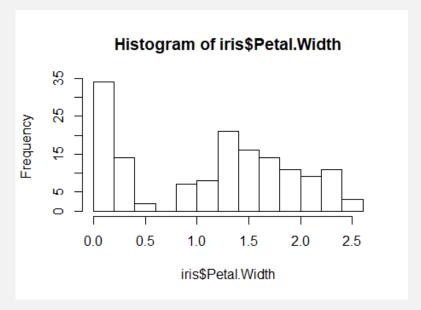
- 1. plot(iris\$Petal.Width, iris\$Petal.Length)
- 2. hist (iris\$Petal.Width)
- 3. Pie(table(iris\$Species))

EXPLORACIÓN BÁSICA DE DATOS - IRIS

1. Plot



2. Histograma





¿ESTAMOS EN CONTACTO?



Email: patricialoto@hotmail.com



Twitter: https://twitter.com/patriloto

