

**20.06.2020**

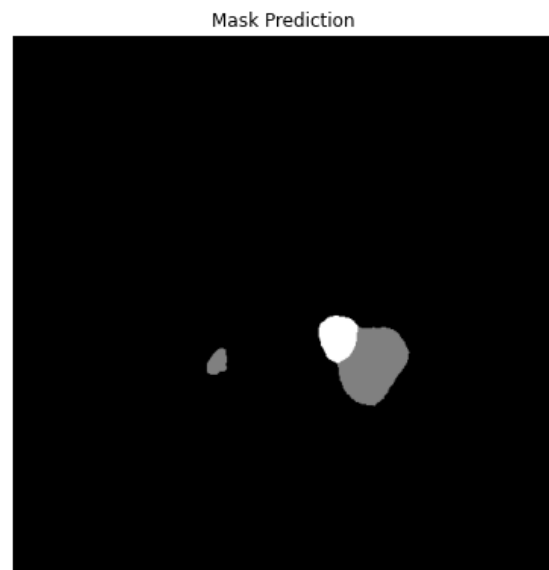
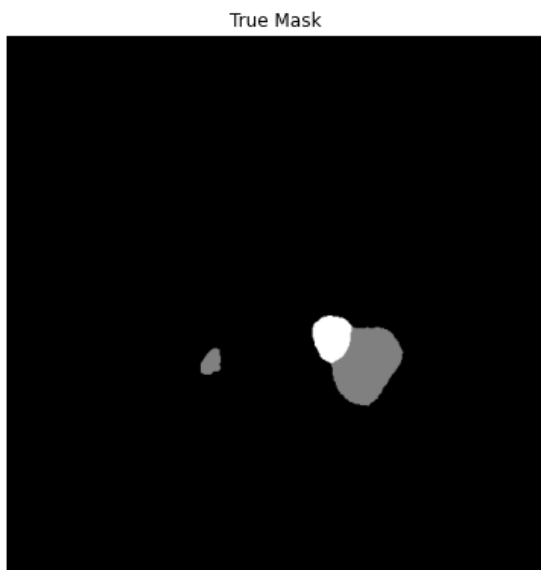
**Grupa 1**

W celu sprawdzenia poprawności działania wykorzystywanej ewaluacji, wykonano obliczenia dla case'a o indeksie 10. Wykorzystane kody zebrane zostały w plikach: sprawdzenie\_klasyfikacja\_RF\_7, evaluation\_function, evaluation\_print\_results. Otrzymane wyniki ewaluacji przedstawiały się następująco:

mean kidney:	S:
0.9259562682539358	21.05329318839001
std kidney:	mean S:
0.2061197135257649	0.9569678721995477
max kidney:	std S:
1.0	0.10742726706338149
min kidney:	max S:
0.0	1.0
mean tumor:	min S:
0.9879794761451564	0.5
std tumor:	
0.05508496045784362	
max tumor:	
1.0	
min tumor:	
0.7355484751934456	

Przykładowe wyglądy masek przedstawiono poniżej:

- Wysoka dokładność predykcji



- Średnia jakość predykcji

True Mask

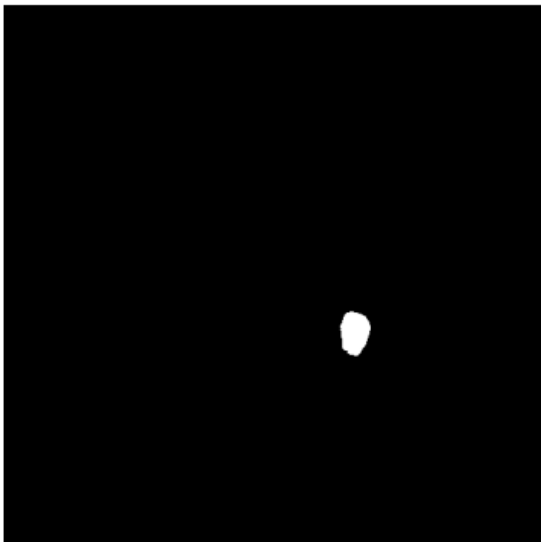


Mask Prediction



- Nieudana segmentacja

True Mask



Mask Prediction

