



0

0.063

0.084

0.08

0.071

0.042

0.071

0.067

COV012580

[0.05, 0.1)

0.084

0.054

0.084

0.08

[0.1, 0.15)

0.172

0.151

0.172

0.163

COV028678

[0.15, 0.2)

0.13

0.109

0.13

0.126

COV028693

0.08

0.059

0.038

0

COV000423

COV011905

COV007337

COV002807

COV000423

0.084

0.063

0

0.038

COV002807

Sequence

dissimilarity, %

0.063

0

0.063

0.059

COV007337

[0,0.05)