



INSTITUTO SUPERIOR TÉCNICO

ÁLGEBRA LINEAR NUMÉRICA

---

# Projeto Computacional

---

LICENCIATURA EM MATEMÁTICA APLICADA E COMPUTAÇÃO

Junho 2022

Clara Pereira 99405  
Marta Sereno 99432  
Samuel Pearson 99441

# Conteúdo

Grupo I . . . . .	2
Exercício 1 . . . . .	2
Exercício 2 . . . . .	3
Grupo II . . . . .	7
Exercício 1 . . . . .	7
Exercício 2 . . . . .	10
Grupo III . . . . .	13
Exercício 1 . . . . .	13
Exercício 2 . . . . .	15
Referências . . . . .	16

## Grupo I

### 1.

Neste primeiro exercício é pedido que se implemente o Método de Gram-Schmidt Modificado no *Matlab*. Para tal, foi criada a função *gsm* que recebe uma matriz  $A \in \mathbb{R}^{m \times n}$  e determina a respetiva decomposição  $QR$ , onde  $Q \in \mathbb{R}^{m \times n}$  e  $R \in \mathbb{R}^{n \times n}$  é uma matriz triangular superior. Assim, dada a coluna  $a_i$  de  $A$ , sabe-se que  $r_{ii} = \|a_i\|_2$  e que  $q_i = \frac{a_i}{r_{ii}}$ . Para além disso, dado  $i < j \leq n$ , pode-se calcular recursivamente os elementos de  $R$  acima da diagonal fazendo  $r_{ij} = q_i \cdot a_j$  e, de seguida, determina-se  $a_{j+1} = a_j - r_{ij} \cdot q_i$  que deverá ser utilizado no próximo cálculo de  $r_{ij}$ . Por fim, o programa devolve as matrizes

$$Q = [q_1 \dots q_n] \quad R = \begin{bmatrix} r_{11} & r_{12} & \dots & r_{1n} \\ 0 & r_{22} & \dots & r_{2n} \\ \vdots & \vdots & \ddots & \vdots \\ 0 & 0 & \dots & r_{nn} \end{bmatrix}.$$

```

1 function [Q,R] = gsm(A)
2
3     [m,n] = size(A); % dimensões da matriz A
4     Q = zeros(m,n); % matriz genérica com as dimensões de Q
5     R = zeros(n,n); % matriz genérica com as dimensões de R
6     Anew = A; % gerar matriz de modo a não alterar a matriz A diretamente
7
8     for i = 1:1:n
9         R(i,i) = norm(Anew(:,i)); % elementos na diagonal de R
10        Q(:,i) = Anew(:,i)/R(i,i); % colunas de Q
11
12        for j = i+1:1:n
13            R(i,j) = Q(:,i)'*Anew(:,j); % elementos acima da diagonal de R
14            Anew(:,j) = Anew(:,j)-R(i,j)*Q(:,i); % coluna de A a ser usada no
15                próximo cálculo de R(i,j), passo de ortogonalização
16        end
17    end
18 end

```

No Método de Ortogonalização de Gram-Schmidt Clássico, ortogonaliza-se cada vetor individualmente aos vetores anteriores, enquanto que no Método de Ortogonalização de Gram-Schmidt Modificado, para cada vetor, ortogonaliza-se todos os vetores seguintes ao inicial, como se pode verificar no código acima.

```
>> [Q,R] = gsm([-1 0; 1 -1])

Q =

    -0.7071    -0.7071
     0.7071    -0.7071

R =

    1.4142    -0.7071
         0      0.7071
```

Figura 1: Exemplo de aplicação do Método definido

## 2. a)

Nesta alínea pretende-se calcular as normas  $\|Q_n R_n - A_n\|_F$  e  $\|Q_n^T Q_n - I_n\|_F$ , onde  $A_n = Q_n R_n$  e  $A_n \in \mathbb{R}^{100 \times n}$ ,  $n = 10, \dots, 100$ , dada por  $(A_n)_{ij} = \frac{1}{i+j-1}$ . Foi então criada a função *frob* que, dado um valor de  $n$ , devolve uma lista com os valores de ambas as normas, recorrendo ao comando *norm* com a especificação *fro*, de Frobenius. Para a primeira norma, a função recorre à decomposição  $QR$  determinada através da função *gsm* anterior, enquanto que para a segunda, é definida a matriz  $I$  diagonal, com as mesmas dimensões de  $Q$ , matriz quadrada  $n \times n$ .

Função *Matlab* criada para resolução do problema:

```

1  function [res] = frob(n)
2
3      % definição da matriz A com dimensão 100Xn
4      A = zeros(100,n);
5      for i = 1:1:100
6          for j = 1:1:n
7              A(i,j) = 1/(i+j-1);
8          end
9      end
10
11     % determinação das matriz Q e R através da função definida previamente
12     [Q,R] = gsm(A);
13     % matriz identidade com as mesmas dimensões de Q
14     I = eye(n);
15
16     F1 = (Q*R)-A; % matriz correspondente à primeira norma
17     F2 = (Q'*Q)-I; % matriz correspondente à segunda norma
18
19     % determinação de ambas as normas
20     res = [norm(F1,"fro"); norm(F2,"fro")];
21
22 end

```

Na tabela abaixo apresentam-se os resultados obtidos para cada  $n$ :

-	$\ Q_n R_n - A_n\ _F$	$\ Q_n^T Q_n - I_n\ _F$
$n = 10$	0.0000	0.0000
$n = 20$	0.0000	1.6907
$n = 30$	0.0000	2.3720
$n = 40$	0.0000	2.6919
$n = 50$	0.0000	2.8054
$n = 60$	0.0000	2.9485
$n = 70$	0.0000	3.1012
$n = 80$	0.0000	3.2144
$n = 90$	0.0000	3.3588
$n = 100$	0.0000	3.6135

Dado que  $A_n = Q_n R_n$  e, sabe-se teoricamente que  $Q^T = Q^{-1}$  já que as colunas da matriz  $Q$  são ortonormadas, ou seja,  $Q^T Q = I$ , o resultado deveria ser nulo para ambas as normas. Tal é verdade para a primeira norma. No entanto, como se pode ver nos resultados obtidos para a segunda norma, para matrizes de grandes dimensões, mesmo utilizando o método modificado, esta decomposição funciona mal e não devolve os resultados pretendidos. A acumulação de erro é uma consequência do passo de ortogonalização, onde recorremos à subtração das projeções nas colunas de  $Q$  que já foram calculadas. Assim, cada coluna de  $Q$  tem uma componente de erro que aumenta com o índice  $i$  da coluna, o que explica o aumento de erro com o aumento do valor de  $n$  no cálculo de  $\|Q_n^T Q_n - I_n\|_F$ , apresentado na tabela acima.

## 2. b)

Esta alínea tem como objetivo obter a solução exata do sistema  $A_{100}x = b$ , onde  $b \in \mathbb{R}^{100}$  é definido por  $b_i = \sum_{j=1}^{100} \frac{1}{i+j-1}$ , usando a decomposição  $QR$ .

Considerando que

$$Ax = b \Leftrightarrow QRx = b \Leftrightarrow Q^{-1}QRx = Q^{-1}b \Leftrightarrow R^{-1}Rx = R^{-1}Q^{-1}b \Leftrightarrow x = R^{-1}Q^{-1}b,$$

depois de ser definida a matriz  $A$  de Hilbert através do comando *hilb* e gerados a sua decomposição  $QR$ , coma função *gsm*, e o vetor  $b$ , recorrendo ao comando *symsum* que calcula a soma da série pretendida para cada linha  $i$ , basta fazer  $x = R^{-1}Q^{-1}b$  recorrendo ao comando *inv* que calcula a matriz inversa.

Programa definido para encontrar a solução e tirar conclusões da mesma:

```

1  % gerar matriz A de hilbert
2  A = hilb(100);
3
4  % gerar vetor b
5  syms j
6  b = ones(100,1);
7  for i = 1:1:100
8      b(i) = symsum(1/(i+j-1),j,1,100);
9  end
10
11 % determinar solução do sistema Ax=b usando QR
12 [Q, R] = gsm(A); % decomposição QR de A
13 x = inv(R)*inv(Q)*b; % solução deduzida no relatório
14 disp(x);
15
16
17 % cálculo dos erros relativos da solução
18 e = ones(100,1);
19 for k = 1:1:100
20     e(k) = abs(1-x(k))*100;
21 end
22 disp(e);
23
24
25 % explicar os resultados obtidos
26 cond(A); % número de condição de A
27 disp(R); % visualizar matriz R

```

Na tabela abaixo apresentam-se as primeiras 10 linhas da solução obtida e o respectivo erro relativo comparado com a solução prevista  $x = [1 \dots 1]^T$ ,

$x$	erro relativo
$0.0010 \cdot 10^3$	$0.0000 \cdot 10^5$
$0.0010 \cdot 10^3$	$0.0000 \cdot 10^5$
$0.0010 \cdot 10^3$	$0.0000 \cdot 10^5$
$0.0008 \cdot 10^3$	$0.0002 \cdot 10^5$
$-0.0029 \cdot 10^3$	$0.0039 \cdot 10^5$
$-0.0195 \cdot 10^3$	$0.0205 \cdot 10^5$
$0.0283 \cdot 10^3$	$0.0273 \cdot 10^5$
$-0.1308 \cdot 10^3$	$0.1318 \cdot 10^5$
$-0.0662 \cdot 10^3$	$0.0672 \cdot 10^5$
$-0.4158 \cdot 10^3$	$0.4168 \cdot 10^5$

A estabilidade do Método de Gram-Schmidt Modificado está dependente do número de condição da matriz  $A$ , como este número é extremamente elevado,  $\text{cond}(A) = 4.07 \cdot 10^{19}$ , o problema é mal condicionado, o que leva a erros relativos muito altos, como se pode observar nos resultados acima. Recorrendo ao comando *disp*, pode-se, ainda, verificar que a matriz  $R$  está muito próxima de ser uma matriz singular, um erro assinalado pelo próprio *Matlab*, já que os seus pivots são muito próximos de zero. Este facto também contribui para o mau condicionamento do problema.

## Grupo II

### 1.

#### 1 a)

Para esta alínea implementou-se a função *doubleSVD* que recebe como parâmetros uma imagem e um número *opt* (igual a 0 ou 1) e converte a imagem numa matriz  $A$  de tipo *double*, devolvendo como resultado a decomposição *SVD* de  $A$  (Matrizes  $U$ ,  $S$  e  $V$ ) através do comando *svd* do Matlab e, se  $\text{opt} = 1$ , o programa imprime também o número de valores singulares obtidos (tendo em conta que este número corresponde ao mínimo entre o número de linhas e colunas da matriz  $S$ , que é diagonal contendo os valores singulares de  $A$ ).

De seguida apresenta-se o script elaborado e o resultado obtido:

```
1 function [U,S,V] = doubleSVD(imagem,opt) %opt: opção de fazer o display do
2 %número de valores singulares obtidos: 1 se queremos display, 0 c.c.
3 A=im2gray(imread(imagem)); %comando im2gray de modo a considerar a imagem
4 %como estando a preto e branco
5
6 A=double(A); %Obter matriz com entradas com precisão dupla
7 [U,S,V]=svd(A); %Obter decomposição SVD
8
9 if opt==1
10     min(size(S)) %mostrar o número de valores singulares obtidos, se desejado
11 end
12 end
13 %Nota: ao aplicar função na command window, para apenas ver o nº de valores
14 %singulares obtido, usar ";" (suprimindo o output muito grande da
15 %decomposição SVD da matriz em questão).
```



```
>> doubleSVD('BW_WashingtonDC.jpg',1);

ans =

    1400
```

Figura 2: N<sup>o</sup> de valores singulares obtido para a imagem escolhida

### 1 b)

Para simplificar a imagem e calcular a percentagem de qualidade de dados preservada criou-se a função *simplifica*, que recebe como parâmetros uma imagem e um valor no intervalo  $[0, 1]$  (referente à porção de valores singulares preservados) e devolve a imagem simplificada e a sua qualidade, expressa em percentagem.

```
1 function qualidade = simplifica(imagem,percentagem)
2
3 A=im2gray(imread(imagem));
4 A=double(A);
5 S=svd(A); %Obter valores singulares de A
6 Denominador=sumsqr(S); %No cálculo da qualidade da imagem, o denominador é
7 %a soma dos quadrados dos valores singulares de A
8 N=ceil(length(S)*percentagem); %min(size(S)) dá-nos o número de valores
9 % singulares de A. N é o número de valores a preservar.
10
11 [U2,S2,V2]=svds(A,N); %Decomposição SVD retendo a percentagem de
12 % valores singulares desejada
13 Numerador=sumsqr(S2); %O numerador no cálculo da qualidade é a soma dos
14 % quadrados dos valores singulares retidos
15
16 %Obtenção da nova matriz:
17 X=U2*S2*V2';
18 Anew=uint8(X);
19 %Produção do resultado:
20 imshow(Anew) %imagem obtida
21 qualidade=100*(Numerador/Denominador); %qualidade de dados preservada
22 end
```

Em seguida apresentam-se os resultados obtidos:



Figura 3: Percentagem: 25%



Figura 4: Percentagem: 50%



Figura 5: Percentagem: 75%

Quanto à qualidade das imagens obtidas, os resultados foram os seguintes:

```
>> simplifica('BW_WashingtonDC.jpg',0.25)
ans =
    99.7198
>> simplifica('BW_WashingtonDC.jpg',0.5)
ans =
    99.9887
>> simplifica('BW_WashingtonDC.jpg',0.75)
ans =
    99.9995
```

Figura 6: Qualidade

Podemos então verificar, tanto pelas percentagens obtidas como pela visualização das imagens simplificadas, que a qualidade das imagens se manteve bastante elevada, mesmo preservando apenas 25% dos valores singulares, o que indica que a eliminação dos valores singulares de menor valor absoluto pouco contribuiu para a perda de definição da imagem.

## 2.

De modo a simplificar agora imagens a cores, implementou-se a função *cores*, que recebe como inputs uma imagem (a cores) e um parâmetro *percentagem* (que na verdade deverá ser um número real no intervalo  $[0, 1]$  e não uma percentagem propriamente dita), devolvendo a imagem resultante de preservar apenas essa mesma percentagem dos valores singulares em cada camada *RGB*.

O algoritmo encontra-se devidamente comentado no código:

```
1 function res = cores(imagem,percentagem) %Nota: na verdade deve-se usar
2 %como input a fração dos valores singulares que se pretende preservar
3 %(número entre 0 e 1) e não uma percentagem propriamente dita.
4
5 %carregar imagem:
6 A=imread(imagem);
7
8 %decompor em camadas de diferentes cores e obter as matrizes com entradas
9 % em precisão dupla:
10 A1=A(:,:,1); %Vermelho
11 A1=double(A1);
12 A2=A(:,:,2); %Verde
13 A2=double(A2);
14 A3=A(:,:,3); %Azul
15 A3=double(A3);
16
17 %Obter valores singulares de cada matriz:
18 s1=svd(A1);
19 s2=svd(A2);
20 s3=svd(A3);
21 %Obter o número de valores singulares a preservar em cada matriz
22 %(menor valor inteiro que permite preservar pelo menos a percentagem
23 %pretendida):
24 n1=ceil(length(s1)*percentagem);
25 n2=ceil(length(s2)*percentagem);
26 n3=ceil(length(s3)*percentagem);
27
28 %Obter a decomposição SVD de cada matriz com o número certo de valores
29 %singulares preservados:
30 [U1,S1,V1]=svds(A1,n1);
31 [U2,S2,V2]=svds(A2,n2);
32 [U3,S3,V3]=svds(A3,n3);
33
34 %Obter as novas camadas RGB:
35 X1=U1*S1*V1';
36 X2=U2*S2*V2';
37 X3=U3*S3*V3';
38
39 Anew1=uint8(X1);
40 Anew2=uint8(X2);
41 Anew3=uint8(X3);
42
43 %Visualizar a imagem resultante da compressão:
44 Aend(:,:,1)=Anew1;
45 Aend(:,:,2)=Anew2;
46 Aend(:,:,3)=Anew3;
47 imshow(Aend)
```

Resultados (input - cores('RGB\_Passaro.JPG',percentagem)):



Figura 7: Percentagem: 25%



Figura 8: Percentagem: 50%



Figura 9: Percentagem: 75%

Novamente, observa-se que, em termos visuais, as imagens parecem permanecer idênticas quando se preservam 25%, 50% ou 75% dos valores singulares em cada camada *RGB*, indicando que a qualidade destas deverá ser fortemente ditada por uma pequena percentagem dos valores singulares mais elevados. Apenas a partir de 10-15% de retenção é que se torna evidente a perda de definição da imagem.

## Grupo III

### 1.

A primeira parte deste exercício consistia em implementar, em *Matlab*, uma função que aproximasse o número de condição de uma matriz  $A \in \mathbb{R}^{n \times n}$ , simétrica e não singular. Sabemos que, nesse caso,

$$\text{cond}_2(A) = \rho(A)\rho(A^{-1}),$$

em que  $\rho(A)$  representa o raio espectral da matriz  $A$ , isto é, o módulo do máximo valor próprio desta matriz, em módulo. Para efetuarmos o cálculo de  $\rho(A)$ , recorreremos ao método iterativo das potências, que, dada uma aproximação  $x_0$  tal que  $\|x_0\|_\infty = 1$ , uma matriz  $A$ , e uma tolerância  $\epsilon$ , devolve uma aproximação de  $\rho(A)$ . A função *mpot2* recebe então esses 3 argumentos, e aplica o método das potências tanto para  $A$  como para  $A^{-1}$ , multiplicando, finalmente, os valores obtidos.

```

1 function [c] = mpot2(A,x0,eps)
2 if norm(x0,Inf)~= 1 %verificar condições para x0: norma infinito = 1
3     disp("a aproximação inicial escolhida não é válida")
4 else
5     c=1; %inicializar número de condição
6     for i= 1:2
7         if i==1
8             B=A; %calcular rho(A)
9         elseif i==2
10            B=inv(A); %calcular rho(A^-1)
11        end
12        x=x0; %inicializar método das potências: k=0
13        d=eps+1;
14        lb1=eps;
15        while d>eps %iterações do método: k=1,2,...
16            lb0=lb1;
17            z=B*x;
18            v=find(x); %lista de índices de x(k) diferentes de 0
19            j=v(1);
20            lb1=z(j)/x(j);
21            x=z/lb1;
22            d=abs((lb1-lb0)/lb1);
23        end
24        c=abs(lb1)*c; %no final do ciclo for, c=1*rho(A)*rho(A^-1)
25    end
26 end

```

```

w =
    1.0e+18 *
Columns 1 through 9
    0.0000    0.0000    0.0000    0.0000    0.0000    0.0000    0.0005    0.0163    0.3618
Columns 10 through 16
    0.6981    0.4374    0.9901    6.2696    1.7347    3.0226    3.1975

```

Figura 10: números de condição

## 2.

Para a segunda parte do Exercício 3, testou-se o código anterior no cálculo do número de condição de matrizes de Hilbert com diferentes dimensões. Pretende-se verificar que o número de condição aumenta exponencialmente quando  $n$  aumenta. Para isto, calculou-se o número de condição das matrizes de Hilbert com  $n = 5, \dots, 15, 20, 25, 30, 35, 40$ , pela função *metpot2*.

```

1 function [c] = mpot2(A,x0,eps)
2 if norm(x0,Inf)~= 1 %verificar condições para x0: norma infinito = 1
3     disp("a aproximação inicial escolhida não é válida")
4 else
5     c=1; %inicializar número de condição
6     for i= 1:2
7         if i==1
8             B=A; %calcular rho(A)
9         elseif i==2
10            B=inv(A); %calcular rho(A^-1)
11        end
12        x=x0; %inicializar método das potências: k=0
13        d=eps+1;
14        lb1=eps;
15        while d>eps %iterações do método: k=1,2,...
16            lb0=lb1;
17            z=B*x;
18            v=find(x); %lista de índices de x(k) diferentes de 0
19            j=v(1);
20            lb1=z(j)/x(j);
21            x=z/lb1;
22            d=abs((lb1-lb0)/lb1);
23        end
24        c=abs(lb1)*c; %no final do ciclo for, c=1*rho(A)*rho(A^-1)
25    end
26 end

```

De seguida, traçou-se o gráfico dos logaritmos dos respetivos números de condição obtidos, em função da dimensão  $n$  das matrizes. Repetiu-se o processo com a função *cond* do *Matlab*, de forma a verificar a precisão dos resultados. Espera-se obter um gráfico linear ou aproximadamente linear.



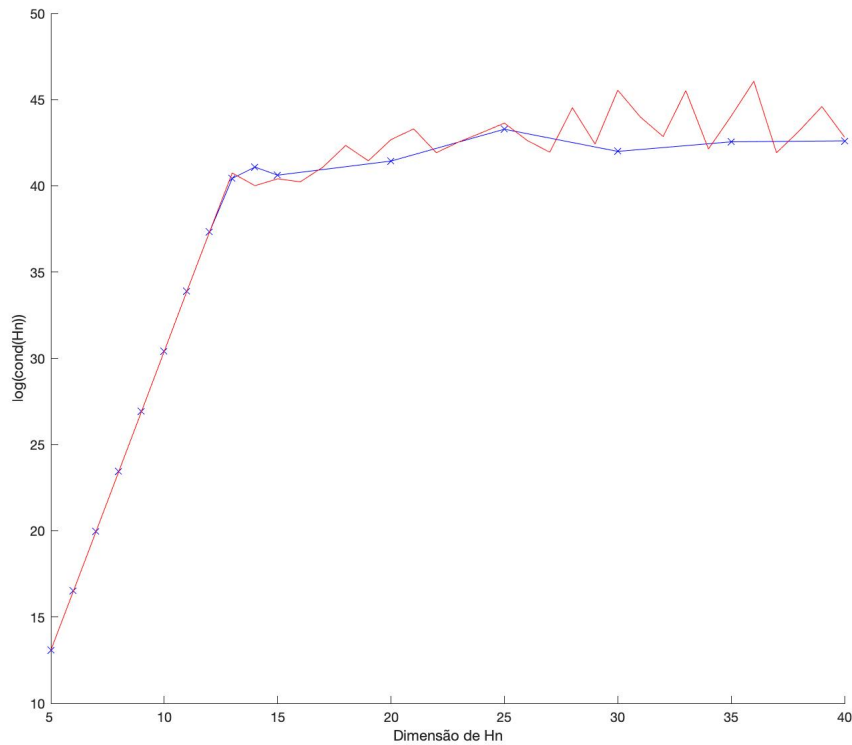


Figura 11: *mpot2*, a azul, e *cond*, a vermelho

Analisando os resultados, podemos concluir que, até  $n = 13$ , o número de condição tem crescimento exponencial (o seu logaritmo tem crescimento linear), todavia parece tornar-se relativamente constante para  $n$  superior. As matrizes de Hilbert têm, no entanto, um crescimento exponencial, mesmo para  $n > 13$ , que pode ser demonstrado através de processos analíticos. Assim, o método não devolve resultados precisos para matrizes de Hilbert de dimensões superiores a 13. Este fenómeno deve-se à elevada propagação de erros, que ocorre ao calcular a inversa da matriz de Hilbert, que é quase singular. Efetivamente, as matrizes de Hilbert apresentam um problema pelo seu mau condicionamento, sendo estas tão sensíveis que a função implementada, bem como a função *cond* do *Matlab*, devolvem resultados drasticamente distintos quando avaliadas em computadores diferentes.

# Bibliografia

- [1] Alfio Quateroni, Riccardo Sacco, Fausto Saleri (2007), *Numerical Mathematics*
- [2] N. S. Hoang and A. G. Ramm (2007), *Solving ill-conditioned linear algebraic systems by the dynamical systems method*, Department of Mathematics, Kansas State University
- [3] Cleve Moler, (2013), *Hilbert Matrices*, Mathworks
- [4] Brady Mathews, (2014), *Image Compression Using Singular Value Decomposition (SVD)*, The University of Utah