# Concentração de matrizes aleatórias e suas aplicações em estatísticas

September 2024

# Sumário

1	Introdução / Objetivos						
2	$\mathbf{Pre}$	reliminares sobre matrizes (4. 1)					
	2.1	Decor	nposição em valores singulares (4. 1. 1)	2			
	2.2	Norm	a de operador e valores singulares extremos (4. 1. 2)	3			
	2.3	Norm	a de Frobenius (4. 1. 3)	4			
	2.4	Aprox	cimação de posto menor (4. 1. 4)	5			
	2.5	Isome	trias aproximadas (4. 1. 5)	6			
3	Redes e números de cobertura e de embalagem (4. 2)						
	3.1	Núme	ero de cobertura e volume (4. 2. 1)	12			
4	Cot	Cotas superiores para matrizes aleatórias sub-gaussianas (4.4)					
	4.1	Cálcu	lo da norma de uma rede $(4.4.1)$	15			
	4.2	As no	rmas para matrizes aleatórias sub-gaussianas (4. 4. 2)	16			
5	$\mathbf{A}\mathbf{p}$	Aplicação: Detecção de comunidades (4. 5)					
	5.1	Mode	lo de bloco estocástico (4. 5. 1.)	19			
	5.2	Matri	z de Adjacência Esperada (4. 5. 2)	19			
	5.3	Teoria	a da perturbação (4. 5. 3)	21			
	5.4	Clusterização Espectral (4.5.4)					
6	$\mathbf{A}\mathbf{p}$	Aplicação: Estimação de covariância e clusterização (4.7) 2					
	6.1	Aplicação: Clusterização de conjunto de pontos					
7	Inti	roduçã	o para clusterização BLOCK MARKOV CHAINS	29			
	7.1	Notaç	ão	29			
	7.2	Cadeias de Markov em Blocos (BMCs)					
	7.3	Comportamento de Equilíbrio					
		7.3.1	Proposição	30			
		7.3.2	Prova	30			
	7.4	Temp	o de mistura	31			
		7.4.1	Proposição	32			
		7.4.2	Prova	32			
8	Apo	êndice		33			
	8.1	Cadei	as de Markov	33			
		8.1.1	Propriedade de Markov	33			
		8.1.2	Homogeneidade no tempo	33			
		8.1.3	Matriz de Transição	33			
		8.1.4	Distribuição estacionária	34			
		8.1.5	Reversível e Simétrica	34			

8.2	Teorema de Perron—Frobenius	34
8.3	Lema de Jonson Lindenstrauss	34
8.4	Modelo Erdös - Rényi	35
8.5	Algoritmo de K-médias	35
8.6	Análise de componentes principais (PCA)	35
8.7	Convergências	35
8.8	Desigualdades úteis	36
8.9	SVD	36
	8.9.1 Ideia da SVD	36
	8.9.2 Existência de v's e u's	36
	8.9.3 Encontrando os v's e u's	37
8.10	Provas omitidas no livro	37
	8.10.1 Teorema min-max de Courant-Fisher	38
	8.10.2 Teorema de Eckart-Young-Mirsky	38
	8.10.3 Teorema de Davis - Kahan	38

# 1 Introdução / Objetivos

1) Estudar o capítulo 4 do Livro do Roman Vershynin, "High-Dimensional Probability". Mais precisamente, as seções 4.1, 4.2 e 4.4 (a base necessária para as aplicações) e em seguida as seções 4.5 (aplicação no problema de detecção de comunidades) e 4.7 (aplicação no problema de estimação da matriz de covariância e clusterização).

Link para o livro: https://www.math.uci.edu/~rvershyn/papers/HDP-book/HDP-book.html#

2) Estudar o artigo Semidefinite Programs on Sparse Random Graphs and their Application to Community Detection

Link para o artigo: https://web.stanford.edu/~montanar/SDPgraph/sdp.pdf

2\*) Estudar o artigo Clustering in Block Markov Chains

Link para o artigo https://projecteuclid.org/journals/annals-of-statistics/volume-48/issue-6/Clustering-in-Block-Markov-Chains/10.1214/19-AOS1939. full

- 3) Voltar no texto e ir preenchendo lacunas que faltaram
- 4) A definir

# 2 Preliminares sobre matrizes (4. 1)

#### 2.1 Decomposição em valores singulares (4. 1. 1)

Def. (Decomposição em valores singulares): Para  $A \in \mathbb{R}^{m \times n}$  com p = posto(A), a decomposição de A em  $\sum_{i=1}^{p} s_i u_i v_i^T$ , com  $v_i \in \mathbb{R}^n$  e  $u_i \in \mathbb{R}^m$ , em que  $v_i$  e  $u_i$  são, respectivamente, os autovetores ortonormais de  $A^T A$  e  $AA^T$  e  $s_i$  é a raiz quadrada do autovalor  $\lambda_i$  de  $A^T A$  e  $AA^T$ .

Teo. 1 (Min-max de Courant-Fisher): Se A é uma matriz simétrica e  $\lambda_1 \ge \ldots \ge \lambda_k \ge \ldots \ge \lambda_n$  são autovalores de A, então

$$\lambda_k = \max_{\dim(E)=k} \min_{x \in S(E)} \langle Ax, x \rangle$$

em que E é um subespaço k-dimensional de  $\mathbb{R}^n$  e  $S(E) = \{x \in E : ||x|| = 1\}.$ 

**Exe. 1**: Se A é uma matriz invertível que tem decomposição em valores singulares, então

$$A^{-1} = \sum_{i=1}^{n} s_i^{-1} v_i u_i^T$$

Primeiro, notamos que

$$A = \sum_{i=1}^{n} s_i u_i v_i^T = \begin{bmatrix} u_1 & \dots & u_n \end{bmatrix} \begin{bmatrix} s_1 & \dots & 0 \\ \vdots & \ddots & \vdots \\ 0 & \dots & s_n \end{bmatrix} \begin{bmatrix} v_1 \\ \vdots \\ v_n \end{bmatrix} = U \Sigma V^T$$

Analogamente,

$$\sum_{i=1}^{n} s_i^{-1} v_i u_i^T = \begin{bmatrix} v_1 & \dots & v_n \end{bmatrix} \begin{bmatrix} s_1^{-1} & \dots & 0 \\ \vdots & \ddots & \vdots \\ 0 & \dots & s_n^{-1} \end{bmatrix} \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} = V \Sigma^{-1} U^T$$

Mas, uma vez que U e V são matrizes ortogonais, as suas transpostas coincidem

com as suas inversas. Logo,

$$\begin{split} A\bigg(\sum_{i=1}^n s_i^{-1} v_i u_i^T\bigg) &= \bigg(\sum_{i=1}^n s_i u_i v_i^T\bigg) \bigg(\sum_{i=1}^n s_i^{-1} v_i u_i^T\bigg) \\ &= U \Sigma V^T V \Sigma^{-1} U^T \\ &= U \Sigma V^{-1} V \Sigma^{-1} U^{-1} \\ &= U \Sigma \Sigma^{-1} U^{-1} \\ &= U U^{-1} \\ &= I \end{split}$$

# 2.2 Norma de operador e valores singulares extremos (4. 1.2)

**Def.** (Norma de operador): Se  $l_2^n$  denotar o espaço de Hilbert obtido ao munirmos  $\mathbb{R}^n$  com a norma euclidiana  $\|\cdot\|_2$ , então a matriz  $A_{m\times n}$  é interpretada como um operador de  $l_2^n$  em  $l_2^m$ . Logo,

$$||A|| = \max_{x \in \mathbb{R}^n - \{0\}} \frac{||Ax||_2}{||x||_2} = \max_{x \in \mathbb{R}^n - \{0\}} \left| |A\left(\frac{x}{||x||_2}\right)| \right|_2 = \max_{x \in S(\mathbb{R}^n)} ||Ax||_2$$

Além disso, para  $y \in S(\mathbb{R}^m)$ , pela desigualdade de Cauchy-Schwarz,  $\langle Ax, y \rangle \leq \|Ax\|_2 \|y\|_2 = \|Ax\|_2$ . Particularmente, se  $y^* = \frac{Ax}{\|Ax\|_2}$ , então  $y^* \in S(\mathbb{R}^m)$  e  $\langle Ax, y^* \rangle = \|Ax\|_2$ . Assim, Argmax  $\{y \in S(\mathbb{R}^m)\}$   $\langle Ax, y \rangle = y^*$ . Logo,

$$\max_{(x,y)\in S(\mathbb{R}^n)\times S(\mathbb{R}^m)} \langle Ax, y \rangle = \max_{x\in S(\mathbb{R}^n)} \left( \max_{y\in S(\mathbb{R}^m)} \langle Ax, y \rangle \right)$$

$$= \max_{x\in S(\mathbb{R}^n)} \left\langle Ax, \frac{Ax}{\|Ax\|_2} \right\rangle$$

$$= \max_{x\in S(\mathbb{R}^n)} \frac{\langle Ax, Ax \rangle}{\|Ax\|_2}$$

$$= \max_{x\in S(\mathbb{R}^n)} \frac{\|Ax\|_2^2}{\|Ax\|_2}$$

$$= \max_{x\in S(\mathbb{R}^n)} \|Ax\|_2$$

$$= \|A\|$$

Também notamos que, se E é um subespaço unidimensional de  $\mathbb{R}^n$ , então é uma reta. Disso, para  $v \in E$  vetor unitário, pela linearidade Av = -(A(-v)). Logo, min  $\{x \in S(E)\} \|Ax\| = \|Av\|_2 = \|A(-v)\|_2$ . Assim, pelo Teo. 1,

$$s_1 = \max_{\dim(E)=1} \min_{x \in S(E)} \|Ax\|_2 = \max_{x \in S(\mathbb{R}^n)} \|Ax\|_2 = \|A\|$$

Percebemos, por fim, que  $s_n > 0$  somente se m > n. Nesse caso, p = n. Além disso,  $s_n$  é uma medida da não-degeneração de A. Assim,  $s_n = ||A^+||^{-1}$ , em que  $A^+$ 

é a pseudoinversa de Moore-Penrose de A e  $\|A^+\|$  é a norma do operador de  $A^{-1}$  restrita à imagem de A.<sup>1</sup>

#### 2.3 Norma de Frobenius (4. 1. 3)

Def. (Norma de Frobenius): Para  $A \in \mathbb{R}^{m \times n}$ ,

$$||A||_F = \left(\sum_{i=1}^m \sum_{j=1}^n A_{ij}^2\right)^{1/2}$$

Além disso, uma vez que  $\langle A,A \rangle = \operatorname{tr}(A^TA),$ 

$$||A||_F = \left(\sum_{i=1}^m \sum_{j=1}^n A_{ij}^2\right)^{1/2}$$

$$= \left(\sum_{i=1}^m \sum_{j=1}^n A_{ij} A_{ij}\right)^{1/2}$$

$$= (\operatorname{tr}(A^T A))^{1/2}$$

$$= (\langle A, A \rangle)^{1/2}$$

Disso, dado que as matrizes U e V são ortogonais e que tr(AB) = tr(BA),

$$||A||_{F} = (\operatorname{tr}(A^{T}A))^{1/2}$$

$$= (\operatorname{tr}((U\Sigma V^{T})^{T}U\Sigma V^{T}))^{1/2}$$

$$= (\operatorname{tr}(U\Sigma V^{T}(U\Sigma V^{T})^{T}))^{1/2}$$

$$= (\operatorname{tr}(U\Sigma V^{T}V\Sigma^{T}U^{T}))^{1/2}$$

$$= (\operatorname{tr}(U\Sigma V^{-1}V\Sigma^{T}U^{-1}))^{1/2}$$

$$= (\operatorname{tr}((U\Sigma \Sigma^{T}U^{-1}))^{1/2}$$

$$= (\operatorname{tr}((U\Sigma)(\Sigma^{T}U^{-1})))^{1/2}$$

$$= (\operatorname{tr}((\Sigma^{T}U^{-1})(U\Sigma)))^{1/2}$$

$$= (\operatorname{tr}(\Sigma^{T}U^{-1}U\Sigma))^{1/2}$$

$$= (\operatorname{tr}(\Sigma^{T}\Sigma))^{1/2}$$

$$= (\sum_{i=1}^{p} s_{i}^{2})^{1/2}$$

Por fim, se  $s=(s_1,...,s_p)$  é o vetor dos valores singulares de A, então  $||A||_F=(\sum_{i=1}^p s_i^2)^{1/2}=||s||_2$  e  $||A||_2=s_1=\max\{s_1,...,s_p\}=||s||_{\infty}$ . Além disso, as normas são equivalentes. De fato, dado que  $s_1\geq ... \geq s_p$ ,

$$||A|| = s_1 \le (s_1^2)^{1/2} \le \left(\sum_{i=1}^p s_i^2\right)^{1/2} = ||A||_F$$

<sup>1</sup> Se  $A \in \mathbb{R}^{m \times n}$ , então a pseudoinversa de Moore-Penrose é  $A^+ \in \mathbb{R}^{n \times m}$  tal que  $AA^+A = A$ ,  $A^+AA^+ = A^+$ ,  $(AA^+)^T = AA^+$  e  $(A^+A)^T = A^+A$ .

Por outro lado,

$$||A||_F = \left(\sum_{i=1}^p s_i^2\right)^{1/2} \le \left(\sum_{i=1}^p s_1^2\right)^{1/2} = \sqrt{p}s_1 = \sqrt{p}||A||$$

**Exe. 2**: Se s é vetor dos valores singulares de A, então

$$s_1 = (s_1^2)^{1/2} \le \left(\sum_{i=1}^p s_i^2\right)^{1/2} = \|s\|_2 = \|A\|_F = \frac{\|A\|_F}{1} = \frac{\|A\|_F}{\sqrt{1}}$$

Agora, para n = 2, ..., p,

$$\sqrt{n}s_n = (ns_n^2)^{1/2} \le \left(\sum_{i=1}^n s_i^2\right)^{1/2} \le \left(\sum_{i=1}^p s_i^2\right)^{1/2} = ||s||_2 = ||A||_F$$

Portanto, para  $s_n \in s$ ,

$$s_n \le \frac{1}{\sqrt{n}} ||A||_F$$

#### 2.4 Aproximação de posto menor (4. 1. 4)

Teo. 2 (Eckart-Young-Mirsky): Dada  $A \in \mathbb{R}^{m \times n}$ , sejam k < p e  $\|\cdot\|$  uma norma unitariamente invariante,  $A_k$  é dita melhor aproximação de A de posto k se Argmin  $\{posto(A') \leq k\} \|A - A'\| = A_k = \sum_{i=1}^k s_i u_i v_i^T$ .

**Exe.** 3: Para  $A_k$  melhor aproximação de A de posto k,

$$||A - A_k||^2 = (||A - A_k||)^2$$

$$= \left( \left\| \sum_{i=1}^p s_i u_i v_i^T - \sum_{i=1}^k s_i u_i v_i^T \right\| \right)^2$$

$$= \left( \left\| \sum_{i=k+1}^p s_i u_i v_i^T \right\| \right)^2$$

$$= (\max\{s_{k+1}, ..., s_p\})^2$$

$$= s_{k+1}^2$$

Analogamente,

$$||A - A_k||_F^2 = \left( \left\| \sum_{i=k+1}^p s_i u_i v_i^T \right\|_F \right)^2 = \left( \left( \sum_{i=k+1}^p s_i^2 \right)^{1/2} \right)^2 = \sum_{i=k+1}^p s_i^2$$

 $<sup>\</sup>overline{ ^2 \text{ Se } \|\cdot\| \text{ uma norma em } \mathbb{R}^{m\times n}, \text{ ent} \tilde{\text{ao}}, \text{ para } A \in \mathbb{R}^{m\times n}, \|UAV\| = \|A\| \text{ para todas matrizes unitárias } U \in \mathbb{R}^{m\times m} \text{ e } V \in \mathbb{R}^{n\times n}, \text{ em que matriz unitária significa que, se } A \in \mathbb{R}^{m\times n}, \text{ ent} \tilde{\text{ao}}$   $A^TA = I_n \text{ e } AA^T = I_m.$ 

#### 2.5 Isometrias aproximadas (4. 1. 5)

Dada  $A \in \mathbb{R}^{m \times n}$ , os valores singulares extremos  $s_1$  e  $s_n$  são, respectivamente, a menor cota superior e a maior inferior tais que, para  $x \in \mathbb{R}^n$ ,  $s_n \|x\|_2 \le \|Ax\|_2 \le s_1 \|x\|_2$ . De fato, para  $y \in \mathbb{R}^n - \{0\}$  – no caso em que y = 0, o resultado é trivial –, seja  $y^* = \frac{y}{\|y\|_2}$ . Pela definição,  $\|Ay\|_2 = \|y\|_2 \|Ay^*\|_2 \le \|y\|_2 \max_{\{x \in S(\mathbb{R}^n)\}} \|Ax\|_2 = \|y\|_2 \|A\|$  Mas, pelo Teo. 1,  $s_1 = \|A\|$ . Logo,  $\|Ay\| \le \|y\|_2 s_1$ . Por outro lado, também pelo Teo. 1,  $s_n = \max_{\{\dim(E)=n\}} \min_{\{x \in S(E)\}} \|Ax\|_2 = \min_{\{x \in S(\mathbb{R}^n)\}} \|Ax\|_2$ . Já, pela definição,  $\|y\|_2 \|Ay^*\|_2 \ge \|y\|_2 \min_{\{x \in S(\mathbb{R}^n)\}} \|Ax\|_2$ . Disso,  $\|Ay\|_2 \ge s_n \|y\|_2$ . Disso, dado que a relação também é verdadeira para  $x - y \in \mathbb{R}^n$ ,  $s_1$  e  $s_n$  podem ser interpretados como fatores extremos de deformação de distâncias que o operador A causa em  $\mathbb{R}^n$ .

**Exe.** 4: Seja  $A \in \mathbb{R}^{m \times n}$ , com  $n \leq m$ . Supomos que  $A^T A = I_n$ , então, ao definirmos  $P = AA^T \in \mathbb{R}^{m \times m}$ , verificamos que é uma projeção, pois  $P^2 = AA^T AA^T = A(A^TA)A^T = AI_nA^T = P$ . Além disso, também pela hipótese,  $P^T = (AA^T)^T = (A^T)^T A^T = AA^T = P$ . Disso, P é uma projeção ortogonal em  $\mathbb{R}^m$ . Por fim, outra vez, pela hipótese,

$$A^{T}A = \begin{bmatrix} a_{1}^{T} \\ \vdots \\ a_{n}^{T} \end{bmatrix} \begin{bmatrix} a_{1} & \dots & a_{n} \end{bmatrix}$$

$$= \begin{bmatrix} \langle a_{1}, a_{1} \rangle & \dots & \langle a_{1}, a_{n} \rangle \\ \vdots & \ddots & \vdots \\ \langle a_{n}, a_{1} \rangle & \dots & \langle a_{n}, a_{n} \rangle \end{bmatrix}$$

$$= \begin{bmatrix} 1 & \dots & 0 \\ \vdots & \ddots & \vdots \\ 0 & \dots & 1 \end{bmatrix}$$

$$= I$$

Logo, posto que  $\langle a_i, a_j \rangle = \delta_{ij}$ , as colunas de A são ortonormais. Assim, para  $a_i \in \{a_1, ..., a_n\}$ ,  $Pa_i = AA^Ta_i = Ae_i = a_i$ . Logo, P projeta, em  $\mathbb{R}^m$ , um subespaço ortogonal de dimensão n.

Em seguida, supomos que  $P = AA^T$  é uma projeção ortogonal em  $\mathbb{R}^m$  de um subespaço de dimensão n. Se  $x \in \mathbb{R}^n$ , então, para alguns  $\alpha_1, ..., \alpha_n, x = \sum_{i=1}^n \alpha_i e_i$ . Logo, pela ortonormalidade da base canônica,

$$||x||_2 = \left\| \sum_{i=1}^n \alpha_i e_i \right\|_2 = \sum_{i=1}^n ||\alpha_i e_i||_2 = \sum_{i=1}^n ||\alpha_i|| ||e_i||_2 = \sum_{i=1}^n ||\alpha_i||$$

Disso,

$$Ax = A\left(\sum_{i=1}^{n} \alpha_i e_i\right) = \sum_{i=1}^{n} \alpha_i A e_i = \sum_{i=1}^{n} \alpha_i e_i$$

Mas,  $a_1, ..., a_n$  é o conjunto das colunas de A, que é ortonormal. Novamente,

$$||Ax||_2 = \left\| \sum_{i=1}^n \alpha_i a_i \right\|_2 = \sum_{i=1}^n |\alpha_i| ||a_i||_2 = \sum_{i=1}^n |\alpha_i|$$

Portanto, posto que  $x \in \mathbb{R}^n$  é arbitrário,  $||Ax||_2 = ||x||_2$ .

Agora, supomos que A seja tal que, para  $x \in \mathbb{R}^n$ ,  $||Ax||_2 = ||x||_2$ . Por absurdo, supomos que  $s_1 = k > 0$  tal que  $k \neq 1$ . Disso, para algum  $y \in \mathbb{R}^n - \{0\}$ , k||y|| = ||Ay||. Mas isso contradiz a hipótese inicial. Logo,  $s_1 = 1$ . De modo análogo, concluímos que  $s_n = 1$ .

Por fim, supomos que  $s_1 = 1 = s_n$ . Disso, a matriz  $\Sigma$  da decomposição em valores singulares de A é a matriz  $I_n$ . Assim, ao também considerarmos a ortogonalidade das matrizes da decomposição em valores singulares,

$$A^{T}A = (U\Sigma V^{T})^{T}(U\Sigma V^{T})$$

$$= ((V^{T})^{T}\Sigma^{T}U^{T})U\Sigma V^{T}$$

$$= VI_{n}^{T}(U^{-1}U)I_{n}V^{-1}$$

$$= VV^{-1}$$

$$= I_{m}$$

**Lem. 1**: Se  $A \in \mathbb{R}^{m \times n}$  e  $\delta > 0$  tal que  $||A^T A - I_n|| \leq \max\{\delta, \delta^2\}$ , então, para  $x \in \mathbb{R}^n$  arbitrário,  $(1 - \delta)||x||_2 \leq ||Ax||_2 \leq (1 + \delta)||x||_2$ . Consequentemente,  $1 - \delta < s_n \leq ... \leq s_1 < 1 + \delta$ .

Dem.:

Podemos assumir sem perda de generalidade que  $||x||_2 = 1$ , pois sempre podemos normalizar o vetor. Temos, então, da nossa hipótese,

$$\max(\delta, \delta^{2}) \ge ||A^{T}A - I_{n}||$$

$$\ge |\langle (A^{T}A - I_{n})x, x \rangle|$$

$$= |(A^{T}Ax)^{T}x - (I_{n}x)^{T}x|$$

$$= |x^{T}A^{T}Ax - x^{T}x|$$

$$= |(Ax)^{T}Ax - ||x||_{2}|$$

$$= |||Ax||_{2}^{2} - 1|$$

Agora, provamos que  $\max(|z-1|,|z-1|^2) \leq |z^2-1|$ , para  $z \geq 0$ . Se z < 1, então  $z \geq z^2$ . Assim,  $|z-1| = 1 - z \leq 1 - z^2 = |z^2-1|$ . Além disso, uma vez que  $|z-1| \leq 1, \, |z-1|^2 \leq |z-1|$ . Logo, a desigualdade é satisfeita. No caso em que z > 1, se  $z \leq 2$ , então, analogamente,  $|z-1| \leq 1$  e, assim,  $|z-1| \geq |z-1|^2$ . Disso, |z-1| = |z-1| < |z-1| > 1 e, consequentemente,  $|z-1|^2 > |z-1|$ . Mas  $|z-1|^2 = |z-1|^2 =$ 

Disso,  $\max(\delta, \delta^2) \ge |\|Ax\|_2^2 - 1| \ge \max(|||Ax||_2 - 1|, ||||Ax||_2 - 1|^2)$ . No caso em que  $\max(\delta, \delta^2) = \delta$ ,  $\delta \ge \max(|||Ax||_2 - 1|, ||||Ax||_2 - 1|^2) \ge |\|Ax\|_2 - 1|$ . Disso,  $\delta \ge \|Ax\|_2 - 1 \ge \delta$ , isto é,  $1 + \delta \ge \|Ax\|_2 \ge 1 - \delta$ . Analogamente, se  $\max(\delta, \delta^2)$ , então  $\delta^2 \ge |\|Ax\|_2 - 1|^2 \ge 0$ . Assim, ao tomarmos a raíz quadrada, chegamos ao primeiro caso. Portanto, uma vez que  $\|x\|_2 = 1$ , concluímos que  $(1 + \delta)\|x\|_2 \ge \|Ax\|_2 \ge (1 - \delta)\|x\|_2$ .

**Exe. 5**: Primeiro, para k=1,...,n,  $s_k^2=\lambda_k$ , em que  $\lambda_k$  é autovalor de  $A^TA$ . Assim, se  $\delta\in(0,1]$ , dado que  $1-\delta\geq0$ , então  $0<(1-\delta)^2\leq\lambda_k\leq(1+\delta)^2$ . Mas, dado que  $\delta\geq\delta^2>0$ ,  $(1+\delta)^2\leq1+3\delta$  e  $(1-\delta)^2>1-2\delta$ , ou seja,  $1-2\delta<\lambda_k\leq1+3\delta$  e, consequentemente,  $-2\delta<\lambda_k-1\leq3\delta$ . Logo,  $\lambda_k-1\in(-2\delta,3\delta]$ . Portanto,  $|\lambda_k-1|\leq3\delta=3\max(\delta,\delta^2)$ . Agora, se  $\delta>1$ , então  $0\leq\lambda_k\leq(1+\delta)^2$ . Disso, posto que  $\delta^2>\delta$ ,  $(1+\delta)^2<1+3\delta^2$  e, por isso,  $0\leq\lambda_k<1+3\delta^2$ , isto é,  $-\delta^2<-1\leq\lambda_k-1<3\delta^2$ . Logo,  $\lambda_k-1\in(-\delta^2,3\delta^2)$ . Portanto,  $|\lambda_k-1|<3\delta^2=3\max(\delta,\delta^2)$ . Desse modo, uma vez que  $|\lambda_1-1|=\|A^TA-I_n\|$ ,  $\|A^TA-I_n\|\leq3\max(\delta,\delta^2)$ .

Obs.: Para  $Q \in \mathbb{R}^{n \times m}$ , pelo Exercício 4,  $QQ^T = I_n$  se e somente se  $Q^TA$  é uma projeção ortogonal de dimensão n em  $\mathbb{R}$ , em que Q é dita projeção de  $\mathbb{R}^m$  para  $\mathbb{R}^n$ . Além disso,  $A \in \mathbb{R}^{m \times n}$  é uma imersão isométrica de  $\mathbb{R}^n$  em  $\mathbb{R}^m$  se e somente se  $A^T$  é uma projeção de  $\mathbb{R}^m$  para  $\mathbb{R}^n$ . Analogamente, no caso de A ser uma isometria aproximada,  $A^T$  é dita uma projeção aproximada.

#### Exe. 6:

Uma matriz é dita unitária se  $U^*U = UU^* = I_n$  em que  $U^*$  é o transposto conjugado (no caso real  $U^* = U^T$  e matriz unitária é a matriz ortonormal)

Seja 
$$U_{nn}=\begin{bmatrix} & | & | & \dots & | \\ v_1 & v_2 & \dots & v_n \\ & | & | & \dots & | \end{bmatrix}$$
 uma matriz ortonormal, ou seja, os vetores colu-

nas são ortogonais entre si.

Escolhendo k colunas quaisquer da matriz e juntando em uma nova matriz (ordenados as colunas para facilitar) temos:

$$V_{nk} = \begin{bmatrix} | & | & \dots & | \\ v_1 & v_2 & \dots & v_k \\ | & | & \dots & | \end{bmatrix} e V_{kn}^T = \begin{bmatrix} - & v_1 & - \\ - & v_2 & - \\ \dots & \dots & \dots \\ - & v_k & - \end{bmatrix}$$

Fazendo:

$$V_{kn}^T V_{nk} = \begin{bmatrix} - & v_1 & - \\ - & v_2 & - \\ \dots & \dots & \dots \\ - & v_k & - \end{bmatrix} \cdot \begin{bmatrix} \mid & \mid & \dots & \mid \\ v_1 & v_2 & \dots & v_k \\ \mid & \mid & \dots & \mid \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} \langle v_1, v_1 \rangle & \langle v_1, v_2 \rangle & \dots & \langle v_1, v_k \rangle \\ \langle v_2, v_1 \rangle & \langle v_2, v_2 \rangle & \dots & \langle v_2, v_k \rangle \\ \dots & \dots & \dots & \dots \\ \langle v_k, v_1 \rangle & \langle v_k, v_2 \rangle & \dots & \langle v_k, v_k \rangle \end{bmatrix}$$

Como os  $v_i$  são ortonormais entre si, temos que  $\langle v_i, v_j \rangle = \begin{cases} 1 & i = j \\ 0 & i \neq j \end{cases}$ , logo  $V_{kn}^T V_{nk} = I_k$ , logo V é isometria pela definição.

Agora escolhendo k linhas quaisquer de U temos:

$$V_{kn} = \begin{bmatrix} & & & & & & \\ & & & & & & \\ & v_1' & v_2' & \dots & v_n' & \\ & & & & & & \end{bmatrix}$$
 Como U é uma matriz unitária, as linhas continuas

sendo ortonormais

$$P = (V_{kn}V_{nk}^T)^T = V_{kn}V_{nk}^T$$
logo é simétrica

$$P^{2} = PP = V_{kn}V_{nk}^{T}V_{kn}V_{nk}^{T} = V_{kn} \cdot I_{n} \cdot V_{nk}^{T} = V_{kn}V_{nk}^{T}$$

Seja  $u \in Ker(P)$  e  $w \in Im(P)$ , temos que  $< u, w > = < u, Pw > = < P^Tu, w > = < Pu, w > = < 0, w > = 0$ , logo a imagem é o núcleo são ortogonais entre si.

Decomposição em blocos: 
$$V_{kn}V_{nk}^T = \sum_{i=1}^n v_i'v_i'^T$$

# 3 Redes e números de cobertura e de embalagem (4. 2)

**Def.** ( $\epsilon$ -rede): Para (X, d) espaço métrico,  $K \subset X$  subconjunto e  $\epsilon > 0$ , subconjunto  $\mathcal{N} \subset K$  é dito  $\epsilon$ -rede de K se, para todo  $x \in K$ , existe  $y \in \mathcal{N}$  tal que  $d(x, y) \leq \epsilon$ .

**Def.** (Número de cobertura): A menor cardinalidade possível para que  $\mathcal{N}$  seja  $\epsilon$ -rede de K, notado como  $\mathcal{N}(K, d, \epsilon)$ .

Obs.: Para (X, d) espaço métrico completo, o subconjunto K é pré-compacto se e somente se, para todo  $\epsilon > 0$ ,  $\mathcal{N}(K, d, \epsilon) < \infty$ , ou seja, o número de cobertura é uma medida de compacidade de K.

**Def.** ( $\epsilon$ -separabilidade): Para (X, d) espaço métrico,  $K \subset X$  subconjunto e  $\epsilon > 0$ , subconjunto  $\mathcal{N} \subset X$  é dito  $\epsilon$ -separado em K se, para todo  $x, y \in \mathcal{N}$ ,  $d(x, y) > \epsilon$ .

**Def.** (Número de embalagem): A maior cardinalidade possível para que, dado subconjunto  $K \subset X$ ,  $\mathcal{N}$  seja  $\epsilon$ -separado em K, notado como  $\mathcal{P}(K, d, \epsilon)$ .

#### Exe. 7:

a) Sejam  $(X, \|\cdot\|)$  um espaço normado, d a métrica induzida pela norma  $\|\cdot\|$  e  $K \subset X$  subconjunto. Logo, pela definição, o número de embalagem é

$$\mathcal{P}(K, d, \epsilon) = \max\{|\mathcal{N}| : \mathcal{N} \subset K \text{ \'e $\epsilon$-separado em } K\}$$
$$= \max\{|\mathcal{N}| : \mathcal{N} \subset K \text{ tal que, se } x, y \in \mathcal{N}, \text{ então } d(x, y) > \epsilon\}$$
$$= \max\{|\mathcal{N}| : \mathcal{N} \subset K \text{ tal que, se } x, y \in \mathcal{N}, \text{ então } ||x - y|| > \epsilon\}$$

Seja  $\mathcal{N}_0 = \operatorname{Argmax}\{|\mathcal{N}| : \mathcal{N} \subset K \text{ tal que, se } x, y \in \mathcal{N}, \text{ então } ||x - y|| > \epsilon\}.$  Disso, por absurdo, supomos que existam  $x_0, y_0 \in \mathcal{N}_0$  distintos tais que, para algum  $z_0 \in K$ ,  $z_0 \in \mathcal{B}(x_0, \epsilon/2) \cap \mathcal{B}(y_0, \epsilon/2)$ . Logo,  $||x_0 - z_0|| + ||y_0 - z_0|| \le \epsilon$ . Mas, pela desigualdade triangular,  $||x_0 - y_0|| \le \epsilon$ , uma contradição com o fato de que  $\mathcal{N}_0$  é  $\epsilon$ -separado. Portanto,  $\mathcal{N}_0$  é o conjunto maximal de centros de bolas fechadas de raio  $\epsilon/2$ .

b) Sejam X um conjunto finito qualquer e d a métrica discreta. Logo, para  $x, y \in X$  distintos, d(x, y) = 1. Disso,  $\mathcal{P}(X, d, 1) = 1$ . Por outro lado, o maior número de bolas fechadas disjuntas centradas nos pontos de X e de raio 1/2 é |X|.

**Lem.** 2: Se  $\mathcal{N}$  é  $\epsilon$ -separado maximal em K, então  $\mathcal{N}$  é  $\epsilon$ -rede em K.

Dem.:

Seja  $x \in K$ . Se  $x \in \mathcal{N}$ , então, trivialmente, existe  $x_0 \in \mathcal{N}$  tal que  $d(x,x) = d(x,x_0) \leq \epsilon$ . Caso contrário, por absurdo, supomos que não exista  $x_0 \in \mathcal{N}$  tal que  $d(x,x_0) \leq \epsilon$ . Logo,  $\mathcal{N}_t = \mathcal{N} \cup \{x\}$  é  $\epsilon$ -separado em K, uma contradição à maximalidade de  $\mathcal{N}$ . Portanto,  $\mathcal{N}$  é, realmente,  $\epsilon$ -rede de K.

Obs.: o último lema indica um algoritmo para a construção de uma  $\epsilon$ -rede em um conjunto K compacto: escolhemos  $x_1 \in X$  qualquer; em seguida, escolhemos  $x_2 \in X$  tal que  $d(x_1, x_2) > \epsilon$ ; e, a partir daí, escolhemos  $x_n \in X$  tal que, para  $x_i = x_1, ..., x_{n-1} \in X$ ,  $d(x_i, x_n) > \epsilon$ . Dado que K é compacto, existe uma subcobertura finita dele.

**Lem.** 3: Se  $K \subset X$  subconjunto e  $\epsilon > 0$ , então  $\mathcal{P}(K, d, 2\epsilon) \leq \mathcal{N}(K, d, \epsilon) \leq \mathcal{P}(K, d, \epsilon)$ .

Dem.:

Pelo Lema 2, se  $\mathcal{N}_0$  é  $\epsilon$ -separado maximal em K, então  $\mathcal{N}_0$  é  $\epsilon$ -rede em K. Disso,  $\mathcal{N}(K, d, \epsilon) = \min\{|\mathcal{N}| : \mathcal{N} \subset K \text{ é } \epsilon\text{-rede em } K\} \leq |\mathcal{N}_0| = \max\{|\mathcal{N}| : \mathcal{N} \subset K \text{ é } \epsilon\text{-separado em } K\} = \mathcal{P}(K, d, \epsilon)$ .

Por outro lado, sejam  $\mathcal{N}_1$   $2\epsilon$ -separado em K e  $\mathcal{N}_2$   $\epsilon$ -rede em K. Logo, para cada  $x_i \in \mathcal{N}_1$ , existe  $y_j \in \mathcal{N}_2$  tal que  $x_i \in \mathcal{B}(y_j, \epsilon)$ . Além disso, se  $x_i, x_j \in \mathcal{N}_1$  distintos, então  $d(x_i, x_j) > 2\epsilon$ , ou seja, para cada  $y_i \in \mathcal{N}_2$ , existe, no máximo, um  $x_j \in \mathcal{N}_1$  tal que  $x_j \in \mathcal{B}(y_i, 2\epsilon)$ . Logo, pelo princípio das casas dos pombos,  $|\mathcal{N}_1| \leq |\mathcal{N}_2|$ . Porém, dado que  $\mathcal{N}_1$  e  $\mathcal{N}_2$  são arbitrários,  $\mathcal{P}(K, d, 2\epsilon) \leq \mathcal{N}(K, d, \epsilon)$ .

**Exe.** 8: Sejam (X, d) espaço métrico,  $K \subset X$  subconjunto e  $\epsilon > 0$ . Supomos que  $\mathcal{N}_0$  é  $\epsilon$ -rede minimal em K. Disso, se  $x \in \mathcal{N}_0$ , então  $x \in K$  e, consequentemente,  $x \in X$ . Portanto, tomamos a  $\epsilon$ -rede externa em K como  $\mathcal{N}^{\text{ext}} = \mathcal{N}_0$ . Logo,  $\mathcal{N}^{\text{ext}}(K, d, \epsilon) = \min\{|\mathcal{N}| : \mathcal{N} \subset X \text{ é } \epsilon\text{-rede em } K\} \leq |\mathcal{N}^{\text{ext}}| = |\mathcal{N}_0| = \min\{|\mathcal{N}| : \mathcal{N} \subset K \text{ é } \epsilon\text{-rede em } K\} = \mathcal{N}(K, d, \epsilon)$ 

Agora, supomos que  $\mathcal{N}_0^{\text{ext}}$  seja  $(\epsilon/2)$ -rede externa minimal em K. Logo, para cada  $x_i \in \mathcal{N}_0^{\text{ext}}$ , existe  $y_i \in K$  tal que  $y_i \in \mathcal{B}(x_i, \epsilon/2) - \bigcup_{x_j \in \mathcal{N}_0^{\text{ext}} - \{i\}} \mathcal{B}(x_j, \epsilon/2)$  – se isso fosse falso, então  $\mathcal{N}_0^{\text{ext}}$  não seria minimal, já que poderíamos retirar  $x_i$  e ainda cobrir K. Porém,  $\mathcal{B}(x_i, \epsilon/2) \subset \mathcal{B}(y_i, \epsilon)$ , em que  $y_i \in K$ . Disso, consideramos  $\mathcal{N}_0 = \{y_1, ..., y_n\}$  que é uma  $\epsilon$ -rede em K, pois contém a  $(\epsilon/2)$ -rede em K. Portanto,  $\mathcal{N}(K, d, \epsilon) = \min\{|\mathcal{N}| : \mathcal{N} \subset K \text{ é uma } \epsilon$ -rede em  $K\} \leq |\mathcal{N}_0| = |\mathcal{N}_0^{\text{ext}}| = \min\{|\mathcal{N}| : \mathcal{N} \subset K \text{ é uma } \epsilon$ -rede em  $K\}$ .

**Exe.** 9: Sejam K = [0,1],  $L = [0,1/3] \cup [2/3,1]$  e d euclidiana. Obviamente,  $L \subset K$ . Além disso,  $\mathcal{N}_K = \{1/2\}$  é uma  $\epsilon$ -rede em K, pois, se  $x \in K$ , então  $d(x,1/2) \leq 1/2$ . Logo,  $\mathcal{N}(K,d,1/2) = 1$ . Porém, se  $\mathcal{N}_L$  é uma  $\epsilon$ -rede em L, então existem  $x_1 \in [0,1/3]$  e  $x_2 \in [2/3,1]$  em  $\mathcal{N}_L$ . Disso,  $\mathcal{N}(L,d,1/2) = 2$ . Portanto,  $L \subset K$  não implica  $\mathcal{N}(L,d,\epsilon) \leq \mathcal{N}(K,d,\epsilon)$ .

Pela cadeia de desigualdades da última questão,  $\mathcal{N}(L, d, \epsilon) \leq \mathcal{N}^{\text{ext}}(L, d, \epsilon/2) = \mathcal{N}(X, d, \epsilon/2)$ . Analogamente,  $\mathcal{N}(X, d, \epsilon/2) = \mathcal{N}^{\text{ext}}(L, d, \epsilon/2) \leq \mathcal{N}(K, d, \epsilon/2)$ . Portanto,  $\mathcal{N}(L, d, \epsilon) \leq \mathcal{N}(K, d, \epsilon/2)$ .

#### 3.1 Número de cobertura e volume (4. 2. 1)

**Def.** (Soma de Minkowski): Sejam  $A, B \subset \mathbb{R}^n$  subconjuntos, definimos  $A + B = \{a + b : a \in A, b \in B\}$ 

**Pro.** 1: Se  $K \subset \mathbb{R}^n$  subconjunto e  $\epsilon > 0$ , então  $|K|/|\epsilon B_2^n| \leq \mathcal{N}(K, \epsilon) \leq \mathcal{P}(K, \epsilon) \leq |K + (\epsilon/2)B_2^n|/|(\epsilon/2)B_2^n|$ , em que  $|\cdot|$  é a norma euclidiana de  $\mathbb{R}^n$  e  $B_2^n$  a bola euclidiana unitária em  $\mathbb{R}^n$ .

Dem.:

Se  $n = \mathcal{N}(K, \epsilon)$ , então K pode ser coberto por n bolas de raio  $\epsilon$ , ou seja,  $|K| \leq n |\epsilon B_2^n|$ . Portanto,  $|K|/|\epsilon B_2^n| \leq \mathcal{N}(K, \epsilon)$ .

A desigualdade intermediária é a do Lema 3.

Se  $n = \mathcal{P}(K, \epsilon)$ , então podemos, pelo Exercício 7, ter n bolas disjuntas de raio  $\epsilon/2$  e centro em K. Essas bolas podem não estar totalmente contidas em K, mas o estão em  $K + (\epsilon/2)B_2^n$ , na qual a soma de Minkowski. Disso,  $n|(\epsilon/2)B_2^n| \leq |K + (\epsilon/2)B_2^n|$ . Portanto,  $\mathcal{P}(K, \epsilon) \leq |K + (\epsilon/2)B_2^n|/|(\epsilon/2)B_2^n|$ .

Cor. 1: O número de cobertura de bola euclidiana unitária  $B_2^n$  satisfaz, para  $\epsilon > 0$ ,  $\epsilon^{-n} \leq \mathcal{N}(B_2^n, \epsilon) \leq ((2/\epsilon) + 1)^n$ .

Dem.:

Dado que  $|\epsilon B_2^n| = \epsilon^n |B_2^n|$ , pela primeira desigualdade da cadeia da Proposição  $1, \epsilon^{-n} = |B_2^n|/|\epsilon B_2^n| \leq \mathcal{N}(\mathcal{B}_2^n, \epsilon)$ .

Novamente, pela Proposição 1,  $((2/\epsilon) + 1)^n = ((1 + (\epsilon/2))/(\epsilon/2))^n = ((1 + \epsilon/2))/(\epsilon/2))^n$ 

$$(\epsilon/2)^n/((\epsilon/2)^n) = |(1+(\epsilon/2))B_2^n|/|(\epsilon/2)B_2^n| \ge \mathcal{N}(B_2^n, \epsilon).$$

**Def.** (Espaço métrico de Hamming): O cubo de Hamming é  $\{0,1\}^n$  e a distância de Hamming é  $d_H(x,y) = |\{i : x_i \neq y_i\}|$ , em que  $x,y \in \{0,1\}^n$ . Disso, o espaço métrico de Hamming é  $(\{0,1\}^n, d_H)$ .

**Exe. 10**: Sejam  $d_H$  a métrica de Hamming e  $x, y, z \in \{0, 1\}^n$ 

- (i) Se x=y, então, para todo  $i=1,...,n,\ x_i=y_i$ . Disso,  $d_H(x,y)=|\{i: x_i\neq y_i\}|=0$ . Reciprocamente, seja  $d_H(x,y)=0$ . Por absurdo, supomos que exista i=1,...,n tal que  $x_i\neq y_i$ . Logo,  $d_H(x,y)=|\{i: x_i\neq y_i\}|=1>0$ , uma contradição à hipótese inicial. Desse modo, x=y. Portanto, x=y se e somente se  $d_H(x,y)=0$ .
- (ii) Se  $x \neq y$ , então existe i = 1, ..., n tal que  $x_i \neq y_i$ . Portanto,  $d_H(x, y) = |\{i : x_i \neq y_i\}| = 1 > 0$ .
- (iii) Dado que  $\{i: x_i \neq y_i\} = \{j: y_j \neq x_j\}, d_H(x, y) = |\{i: x_i \neq y_i\}| = |\{j: y_j \neq x_j\}| = d_H(y, x).$
- (iv) Para i=1,...,n, ou  $x_i=y_i$ , ou  $x_i\neq y_i$ . Neste caso, dado que  $x_i,y_i,z_i\in\{0,1\},\ z_i=x_i$  ou  $z_i=y_i$ , ou seja,  $z_i\neq y_i$  ou  $z_i\neq x_i$ . Desse modo,  $|\{i:x_i\neq y_i\}|=1\le 1+0=|\{i:x_i\neq z_i\}|+|\{i:z_i\neq x_i\}|$ . Naquela situação, ou  $x_i=y_i=z_i$ , ou  $x_i=y_i\neq z_i$ . Na primeira situação,  $|\{i:x_i\neq y_i\}|=0\le 0+0=|\{i:x_i\neq z_i\}|+|\{i:z_i\neq x_i\}|$  e, na outra,  $|\{i:x_i\neq y_i\}|=0\le 1+1=|\{i:x_i\neq z_i\}|+|\{i:z_i\neq x_i\}|$ . Disso, ao considerarmos que  $\sum_{i=1}^n |\{i:x_i\neq y_i\}|=|\bigcup_{i\in\{1,...,n\}} \{i:x_i\neq y_i\}|$ ,  $d_H(x,y)=|\{i:x_i\neq y_i\}|\le |\{i:x_i\neq z_i\}|+|\{i:z_i\neq y_i\}|=d_H(x,z)+d_H(z,y)$ . Portanto, a desigualdade triangular é válida.

#### Exe. 11:

Provar:

$$\frac{2^n}{\sum\limits_{k=0}^m \binom{n}{k}} \le \mathcal{N}(K, d_H, m) \le \mathcal{P}(K, d_H, m) \le \frac{2^n}{\sum\limits_{k=0}^{\lfloor m/2 \rfloor} \binom{n}{k}}$$

 $k = \{0,1\}^n$ , logo k tem  $2^n$  vetores ao todo

- A desigualdade  $\mathcal{N}(k, d_H, m) \leq \mathcal{P}(k, d_H, m)$  vem dos lemas 4.2.6 e 4.2.8
- A desigualdade da esquerda (direto da proposição 4.2.12):

 $\mathcal{N}(K, d_H, m)$  é o número mínimo de bolas de raio m que cobrem k. Para um vetor estar na bola ele pode diferir em no máximo m elementos do centro da bola. Temos  $\binom{n}{0}$  que diferem em 0 elementos,  $\binom{n}{1}$  que diferem em 1 elemento, ...,  $\binom{n}{i}$  que diferem em i elementos, logo temos  $\sum_{k=0}^{m} \binom{n}{k}$  elementos dentro de cada bola.

Temos ao todo  $\sum_{k=0}^{m} \binom{n}{k} \cdot \mathcal{N}(K, d_H, m)$  elementos cobertos, como cobrimos todo k então  $2^n \leq \sum_{k=0}^{m} \binom{n}{k} \cdot \mathcal{N}(K, d_H, m)$ 

• Desigualdade da direita:

 $\mathcal{P}(K, d_H, m)$  é a cardinalidade do maior subconjunto m-separável de K. Podemos fazer bolas de raio  $\lfloor m/2 \rfloor$  que essas bolas vão ser disjuntas. Temos:

 $\sum_{k=0}^{m} \binom{n}{k} \cdot \mathcal{P}(K, d_H, m) \text{ elementos cobertos pelas bolas. Como os centros das bolas estão a uma distância de pelo menos <math>m+1$  e o raio é de  $\lfloor m/2 \rfloor$ , não cobrimos os  $2^n$  pontos por completo, logo  $\sum_{k=0}^{m} \binom{n}{k} \cdot \mathcal{P}(K, d_H, m) \leq 2^n$ 

# 4 Cotas superiores para matrizes aleatórias sub-gaussianas (4.4)

#### 4.1 Cálculo da norma de uma rede (4. 4. 1)

**Lem.** 4: Se  $A \in \mathbb{R}^{m \times n}$  e  $\epsilon \in (0,1)$ , então, para  $\mathcal{N}$   $\epsilon$ -rede da esfera  $S(\mathbb{R}^n)$ ,  $\sup_{x \in \mathcal{N}} ||Ax||_2 \le ||A|| \le (1-\epsilon)^{-1} \sup_{x \in \mathcal{N}} ||Ax||_2$ .

Dem.:

Dado que  $\mathcal{N} \subset S(\mathbb{R}^n)$ , trivialmente, se  $x \in \mathcal{N}$ , então  $||Ax||_2 \leq ||A||$ . Portanto,  $\sup_{x \in \mathcal{N}} ||Ax||_2 \leq ||A||$ .

Agora, uma vez que  $S(\mathbb{R}^n)$  é compacta e  $\|\cdot\|$  é contínua, existe  $x \in S(\mathbb{R}^n)$  tal que  $\|Ax\|_2 = \sup_{x \in S(\mathbb{R}^n)} = \|A\|$ . Além disso, se  $\mathcal{N}$  é uma  $\epsilon$ -rede, então existe  $y \in \mathcal{N}$  tal que  $\|x - y\|_2 \leq \epsilon$ . Disso, pela desigualdade da norma do operador,  $\|Ax - Ay\|_2 = \|A(x - y)\|_2 \leq \|A\| \|x - y\|_2 \leq \epsilon \|A\|$ . Logo, pela desigualdade triangular,  $(1 - \epsilon)\|A\| = \|A\| - \epsilon \|A\| \leq \|Ax\| - \|Ax - Ay\|_2 \leq \|Ay\|_2 \leq \sup_{z \in \mathcal{N}} \|Az\|_2$ . Portanto, ao multiplicarmos por  $(1 - \epsilon)^{-1}$ ,  $\|A\| \leq (1 - \epsilon) \sup_{x \in \mathcal{N}} \|Ax\|_2$ .

**Exe.** 12: Para  $x \in \mathbb{R}^n$ ,  $\epsilon \in (0,1]$  e  $\mathcal{N}$   $\epsilon$ -rede de  $S(\mathbb{R}^n)$ , se x=0, então  $\|x\|_2=0$  e, para todo  $y \in \mathbb{R}^n$ ,  $\langle x,y \rangle = 0$ . Portanto,  $\sup_{y \in \mathcal{N}} \langle x,y \rangle \leq \|x\|_2$ . Caso contrário, definimos  $x^* = x/\|x\|_2$ . Disso, dado que  $\sup_{y \in S(\mathbb{R}^n)} \langle x^*,y \rangle = 1$  em que  $\limsup_{y \in S(\mathbb{R}^n)} \langle x^*,y \rangle = x^*$ , se  $y \in \mathcal{N}$ , então  $\langle x^*,y \rangle \leq 1$ , ou seja,  $\langle x,y \rangle \leq \|x\|_2$ . Portanto,  $\sup_{y \in \mathcal{N}} \langle x,y \rangle \leq \|x\|_2$ .

Analogamente, no caso trivial em que x=0, a desigualdade  $\|x\|_2=0\leq 0=(1-\epsilon)^{-1}\|x\|_2$  é válida. Para além disso, se  $x\neq 0$ , consideramos, outra vez,  $x^*=x/\|x\|$  e a desigualdade  $\sup_{y\in S(\mathbb{R}^n)}\langle x^*,y\rangle\leq 1$ . Mas, por absurdo, supomos que  $\sup_{y\in \mathcal{N}}\langle x^*,y\rangle<1-\epsilon$ . Logo, uma vez que  $x^*,y\in S(\mathbb{R}^n)$ ,  $d(x^*,y)=\|x^*-y\|_2=\sqrt{\langle x^*-y,x^*-y\rangle}=\sqrt{\langle x^*,x^*\rangle-2\langle x^*,y\rangle+\langle y,y\rangle}=\sqrt{2(1-\langle x^*,y\rangle)}>\sqrt{2\epsilon}>\epsilon$ , uma contradição ao fato de que  $\mathcal{N}$  é uma  $\epsilon$ -rede em  $S(\mathbb{R}^n)$ . Disso,  $\sup_{y\in S(\mathbb{R}^n)}\langle x^*,y\rangle\geq 1-\epsilon$ . Portanto,  $(1-\epsilon)^{-1}\sup_{y\in S(\mathbb{R}^n)}\langle x,y\rangle\geq \|x\|_2$ .

**Exe. 13**: Sejam  $A \in \mathbb{R}^{m \times n}$  e  $\epsilon \in [0, 1/2)$ .

- a) Para  $\mathcal{N}$   $\epsilon$ -rede em  $S(\mathbb{R}^n)$  e  $\mathcal{M}$   $\epsilon$ -rede em  $S(\mathbb{R}^m)$ ,
- b)

#### Exe. 14:

# 4.2 As normas para matrizes aleatórias sub-gaussianas (4. 4.2)

Teo. 3:

Seja A uma matriz aleatória m por n cujas entradas  $A_{ij}$  sejam variáveis aleatórias sub-gaussianas<sup>3</sup> independentes de média zero. Então, para cada t > 0 temos:

$$||A|| \le C \cdot K \cdot (\sqrt{m} + \sqrt{n} + t)$$

com probabilidade pelo menos  $1-2\cdot exp(-t^2)$ . Onde  $k=\max_{i,j}||A_{ij}||_{\Psi_2}$  Dem.:

Precisamos verificar  $\langle Ax, y \rangle$  para todos os vetores x, y da esfera unitária. Para isso vamos usar uma estratégia: Passo 1 (Aproximação): Discretizar a esfera usando uma  $\epsilon$ -rede, assim vamos poder olhar só para os pontos da  $\epsilon$ -rede ao invés de olhar para todo a esfera. Passo 2 (Concentração): Estabeleceremos um controle sobre  $\langle Ax, y \rangle$  para todos os x, y da  $\epsilon$ -rede. Passo 3 (União): Aplicar a união de probabilidades para estender o controle obtido nos pontos discretos da rede para todo a esfera. (C e c são constantes positivas)

Passo 1 (Aproximação): Escolha  $\epsilon = \frac{1}{4}$ . Usando o corolário 4.2.13, podemos achar uma  $\epsilon$ -rede  $\mathcal{N}$  da esfera  $S^{n-1}$  e uma uma  $\epsilon$ -rede  $\mathcal{M}$  da esfera  $S^{m-1}$  com cardinalidades:

$$\mathcal{N} < 9^n \text{ e } \mathcal{M} < 9^m$$

Pelo exercício 4.4.3 a norma de operador de A pode ser limitada usando redes:

$$||A|| \le 2 \max_{x \in \mathcal{N}, y \in \mathcal{M}} < Ax, y >$$

Passo 2 (Concentração): Fixe  $x \in \mathcal{N}$  e  $y \in \mathcal{M}$ . Então:

$$\langle Ax, y \rangle = y^{T} Ax = \sum_{j=1}^{m} y_{i}(Ax)_{i}; (Ax)_{i} = \sum_{j=1}^{n} A_{ij}x_{j} \to \langle Ax, y \rangle = \sum_{i=1}^{m} \sum_{j=1}^{n} y_{i}A_{ij}x_{j}$$

É uma soma de variáveis aleatórias sub-gaussianas independentes. Pela proposição 2.6.1 (Falar alguma coisa sobre essa proposição) temos que a soma é sub-gaussiana e que:

$$|| \langle Ax, y \rangle ||_{\Phi_2}^2 \le C \sum_{i=1}^m \sum_{j=1}^n ||y_i A_{ij} x_j||_{\Phi_2}^2 \le C K^2 \sum_{i=1}^m \sum_{j=1}^n y_i^2 x_j^2 = C K^2 \left(\sum_{i=1}^m y_i^2\right) \left(\sum_{j=1}^n x_j^2\right)^2 \left(\sum_{j=1}$$

Como x e y são unitários então:  $|| < Ax, y > ||_{\Phi_2}^2 \le CK^2$ 

Usando (2.14) (Falar sobre o 2.14) podemos reafirmar isso como o limite da cauda:

 $<sup>^3</sup>$ A cauda da distribuição decai pelo menos tão rápido quanto uma gaussiana. É sub-gaussiana se  $\exists \alpha>0\ t.q. \mathbb{P}(|X-\mu|>t)\leq 2\cdot \exp\left(\frac{-t^2}{2\alpha^2}\right)$ 

$$\mathbb{P}\{\langle Ax, y \rangle \geq u\} \leq 2 \cdot exp\left(\frac{-cu^2}{k^2}\right), \ u \geq 0$$

Passo 3 (União): Agora, desfixamos x e y usando uniões . Suponha que o evento  $\max_{x \in \mathcal{N}, y \in \mathcal{M}} < Ax, y > \geq u \text{ ocorra. Então existe } x \in \mathcal{N} \text{ e } y \in \mathcal{M} \text{ tais que } < Ax, y > \geq u.$  Então:

$$\mathbb{P}\{\max_{x \in \mathcal{N}, y \in \mathcal{M}} < Ax, y \ge u\} \le \sum_{x \in \mathcal{N}, y \in \mathcal{M}} \mathbb{P}\{< Ax, y \ge u\}$$

Usando que  $\mathcal{N} \leq 9^n$  e  $\mathcal{M} \leq 9^m$  e  $\mathbb{P}\{\langle Ax, y \rangle \geq u\} \leq 2 \cdot exp\left(\frac{-cu^2}{k^2}\right), u \geq 0,$  temos que:

$$\sum_{x \in \mathcal{N}, y \in \mathcal{M}} \mathbb{P}\{\langle Ax, y \rangle \geq u\} \leq \mathcal{N} \cdot \mathcal{M} \cdot 2 \cdot exp\left(\frac{-cu^2}{k^2}\right) \leq 9^{n+m} \cdot 2 \cdot exp\left(\frac{-cu^2}{k^2}\right)$$

Escolha:

$$u = CK(\sqrt{n} + \sqrt{m} + t)$$

Estão  $u^2 \geq C^2 K^2 (n+m+t^2)$  e se a constante C é escolhida suficientemente grande, então  $\frac{cu^2}{k^2}$  também será, digamos  $\frac{cu^2}{k^2} \geq 3(m+n)+t^2$ , então:

$$9^{n+m} \cdot 2 \cdot exp\left(\frac{-cu^2}{k^2}\right) \le 9^{n+m} \cdot 2 \cdot exp\left(-3(m+n) - t^2\right) \le 2 \cdot exp(-t^2)$$

lembrando que  $||A|| \le 2 \max_{x \in \mathcal{N}, y \in \mathcal{M}} \langle Ax, y \rangle$ , logo:

$$2 \cdot exp(-t^2) \ge \mathbb{P}\left\{2 \max_{x \in \mathcal{N}, u \in \mathcal{M}} \langle Ax, y \rangle \ge 2u\right\} \ge \mathbb{P}\left\{||A|| \ge 2u\right\}$$

 $\mathbb{P}\{||A|| \geq 2u\} \leq 2 \cdot exp(-t^2)$ , o 2 pode ser incorporado na constante C. Basicamente estamos falando que a probabilidade da norma de A se afastar de u decai exponencialmente.

Se 
$$\mathbb{P}\{||A|| \ge 2u\} \le 2 \cdot exp(-t^2) \to \mathbb{P}\{||A|| \le 2u\} \le 1 - 2 \cdot exp(-t^2)$$

Exe. 15:

Exe. 16:

Cor. 2:

Seja A uma matriz aleatória n por n simétrica cujas entradas  $A_{ij}$  na diagonal e acima são variáveis aleatórias sub-gaussianas independentes de média zero. Então, para qualquer t > 0, temos:

$$||A|| \le CK(\sqrt{n} + t)$$

com probabilidade pelo menos  $1-4\cdot exp(-t^2)$ . Aqui  $K=\max_{i,j}||A_{ij}||_{\psi_2}$  Dem.:

Decomponha A em uma matriz triangular superior  $A^+$  e uma matriz triangular inferior  $A^-$ . Não importa qual das duas matrizes vai ficar com a diagonal, mas vamos coloca-la na  $A^+$  para sermos específicos. Então:

$$A = A^+ + A^-$$

Aplicando o teorema 3 em cada parte  $(A^+ e A^-)$  separadamente. Temos que:

$$||A^+|| \leq CK(\sqrt{n}+t)$$
e  $||A^-|| \leq CK(\sqrt{n}+t)$ 

Analogamente a demonstração do teorema 3:

Escolhemos 
$$u = CK(\sqrt{n} + t)$$
  $\mathbb{P}\{||A^+|| \ge 2u\} \le 2 \cdot exp(-t^2)$   $e \mathbb{P}\{||A^-|| \ge 2u\} \le 2 \cdot exp(-t^2)$   $e \mathbb{P}\{||A^+|| \ge 2u\} \le 2 \cdot exp(-t^2)$   $e \mathbb{P}\{||A^+|| \ge 2u\} \le 2 \cdot exp(-t^2)$   $e \mathbb{P}\{||A^+|| \ge 2u\} \le 2 \cdot exp(-t^2)$  Pela desigualdade triangular temos que  $||A|| \le ||A^+|| + ||A^-||$ , logo:  $e \mathbb{P}\{||A|| \ge 2u\} \le \mathbb{P}\{||A^+|| + ||A^-|| \ge 2u\} \le 4 \cdot exp(-t^2)$ 

Então:  $\mathbb{P}\{||A|| \le 2u\} \ge 1 - 4 \cdot exp(-t^2)$ 

# 5 Aplicação: Detecção de comunidades (4. 5)

Comunidades são aglomerados de vértices bem conectados. Vamos ver como achar as comunidades de forma precisa e eficiente

#### 5.1 Modelo de bloco estocástico (4. 5. 1.)

Vamos tentar resolver o problema de detecção de comunidades para uma rede com duas comunidades.

#### Def. (Modelo de bloco estocástico)

Divida de n vértices em dois conjuntos (comunidades)<sup>4</sup> com  $\frac{n}{2}$  vértices cada. Construa um Grafo aleatório G conectando cada par de vértices de forma independente com probabilidade  $\mathbf{p}$  se eles forem da mesma comunidade e  $\mathbf{q}$  se forem de comunidades diferentes.

Vamos assumir que p > q, nesse caso arestas tendem a acontecer entre vértices da mesma comunidade. No caso de p = q temos o modelo **Erdös - Rényi**.

#### 5.2 Matriz de Adjacência Esperada (4. 5. 2)

Será conveniente identificar um grafo G com sua matriz de adjacências<sup>5</sup> A. Para um grafo aleatório G(n, p, q) a matriz de adjacências A vai ser uma matriz aleatória.

Podemos dividir A em uma parte determinística e uma parte aleatória:

$$A = D + R$$

Onde D é a esperança de A (D é o "sinal" e R o "ruído")

Podemos computar a auto estrutura da matriz D. As entradas  $A_{ij}$  são Bernoullis com parâmetros  $\mathbf{p}$  ou  $\mathbf{q}$  (Depende se os vértices i e j são da mesma comunidade ou não) então as entradas de D são  $\mathbf{p}$  ou  $\mathbf{q}$ .

**Exemplo**: Se agruparmos os vértices que pertencem a mesma comunidade juntos então para n = 4 a matriz D vai ser:

$$D = \mathbb{E}[A] = \begin{bmatrix} p & p & q & q \\ p & p & q & q \\ q & q & p & p \\ q & q & p & p \end{bmatrix}$$

De modo geral  $D=\begin{bmatrix} \mathbf{1}p & \mathbf{1}q \\ \mathbf{1}q & \mathbf{1}p \end{bmatrix}$  em que  $\mathbf{1}$  é uma matriz quadrada  $\frac{n}{2}$  de 1's

<sup>&</sup>lt;sup>4</sup>o modelo de bloco estocástico também abrange modelos com mais de duas comunidades diferentes e com tamanhos diferentes

 $<sup>^5</sup>$ matriz de adjacências de um grafo com n<br/> vértices vai ser uma matriz simétrica n por n com 1 na entrada <br/>  $A_{ij}$  se i e j são ligados e 0 caso contrario

**Exe. 17:** Mostraremos que a matriz D tem posto 2 e que os autovalores  $\lambda_i$  não 0 e seus correspondentes autovetores são:

$$\lambda_1 = \left(\frac{p+q}{2}\right)n, \quad , \lambda_2 = \left(\frac{p-q}{2}\right)n, \quad u_1 = \begin{bmatrix} 1 \\ \dots \\ 1 \\ 1 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix}, \quad u_2 = \begin{bmatrix} 1 \\ \dots \\ 1 \\ -1 \\ \dots \\ -1 \end{bmatrix}$$

(Os vetores são n por 1 e em  $u_2$  metade das entradas são 1 e a outra metade -1)

Que a matriz D tem posto 2 é obvio pois as primeiras  $\frac{n}{2}$  colunas são iguais umas as outras e as últimas  $\frac{n}{2}$  colunas também e se  $p \neq q$  então as primeiras  $\frac{n}{2}$  colunas são diferentes das outras, logo temos 2 vetores LI.

$$Du_{1} = \begin{bmatrix} \mathbf{1}p & \mathbf{1}q \\ \mathbf{1}q & \mathbf{1}p \end{bmatrix} \begin{bmatrix} 1 \\ \dots \\ 1 \\ 1 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} \frac{n}{2}p + \frac{n}{2}q \\ \dots \\ \frac{n}{2}p + \frac{n}{2}q \\ \frac{n}{2}q + \frac{n}{2}p \\ \dots \\ \frac{n}{2}q + \frac{n}{2}p \end{bmatrix} = \left(\frac{p+q}{2}\right)n \begin{bmatrix} 1 \\ \dots \\ 1 \\ 1 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix} = \lambda_{1}u_{1}$$

$$Du_{2} = \begin{bmatrix} \mathbf{1}p & \mathbf{1}q \\ \mathbf{1}q & \mathbf{1}p \end{bmatrix} \begin{bmatrix} 1 \\ \dots \\ 1 \\ -1 \\ \dots \\ -1 \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} \frac{n}{2}p - \frac{n}{2}q \\ \dots \\ \frac{n}{2}p - \frac{n}{2}q \\ \frac{n}{2}q - \frac{n}{2}p \\ \dots \\ \dots \\ \frac{n}{2}q - \frac{n}{2}p \end{bmatrix} = \left(\frac{p-q}{2}\right)n \begin{bmatrix} 1 \\ \dots \\ 1 \\ -1 \\ \dots \\ -1 \end{bmatrix} = \lambda_{2}u_{2}$$

O autovetor  $u_2$  contém toda a informação sobre a estrutura das comunidades (uma ficou com os valores 1 e a outra -1). Se soubéssemos  $u_2$  poderíamos identificar as comunidades olhando para o valor de cada entrada. Mas não temos acesso a  $D = \mathbb{E}[A]$  então não temos acesso a  $u_2$ , somente sabemos A = D + R, uma versão com ruído de D.

Pela norma do operador sabemos que  $||D|| = \sigma_1$  mas como D é simétrica  $\sigma_1 = |\lambda_1|$ , logo  $||D|| = \lambda_1 \sim n$ . Enquanto que o ruído pode ser limitado usando o corolário 2:

 $||R|| \le C\sqrt{n}$  com probabilidade de pelo menos  $1 - 4e^{-n}$ 

Então para n >> 1, o ruído R é muito menor que o sinal D, ou seja, A está próximo de D e vamos poder usar A no lugar de D para extrair informações sobre as comunidades. Vamos justificar isso usando a Teoria de perturbação clássica para matrizes.

#### 5.3 Teoria da perturbação (4. 5. 3)

A teoria da perturbação vai descrever como os autovalores e autovetores da matriz mudam sobre perturbações na matriz.

#### Teo. 4 (Desigualdade de Weyl):

Para quaisquer matrizes simétricas S e T com mesma dimensão, temos:

 $\max_i |\lambda_i(S) - \lambda_i(T)| \leq ||S - T||$ . Então a norma do operador determina a estabilidade do espectro.

Exe. 18: Deduza a desigualdade de Weyl usando a caracterização de Courant-Fisher min-max de autovalores:

$$\lambda_i(S) = \max_{Dim(E)=i} \min_{x \in S(E)} \langle Sx, x \rangle, \qquad \lambda_i(T) = \max_{Dim(E)=i} \min_{x \in S(E)} \langle Tx, x \rangle$$

$$S = T + (S - T) \text{ e } T = S + (T - S)$$

Para qualquer subespaço E de dimensão i e  $x \in E$  unitário:

$$< Sx, x > = < Tx, x > + < (S - T)x, x >$$

Agora:

$$|\langle (S-T)x, x \rangle| \le ||(S-T)x|| \cdot ||x||$$
 por cauchy-schwarz e  $||(S-T)x|| \le ||S-T|| \cdot ||x||$  pela norma do operador

Então: 
$$|\langle (S-T)x, x \rangle| \le ||S-T|| \cdot ||x||^2$$
 e como  $||x|| = 1$ , temos:  $|\langle (S-T)x, x \rangle| < ||S-T||$ 

Então temos:

$$< Sx, x> \leq < Tx, x> + ||S-T||$$
e pra qualquer subespaço E vale: 
$$\min_{x \in S(E)} < Sx, x> \leq \min_{x \in S(E)} (< Tx, x> + ||S-T||) = \min_{x \in S(E)} (< Tx, x>) + ||S-T||$$

Tirando o máximo sobre todos os subespaços de dimensão i temos:

$$\lambda_i(S) \le \lambda_i(T) + ||S - T||$$

Fazendo a mesma coisa mas trocando S com T temos:

$$\lambda_i(T) \le \lambda_i(S) + ||S - T||, \log i;$$

 $|\lambda_i(S) - \lambda_i(T)| \le ||S - T||$  e como isso vale para todo i então podemos tirar o máximo:

$$\max_{i} |\lambda_i(S) - \lambda_i(T) \le ||S - T|||$$

Vale um resultado para os autovetores. Temos que ter cuidado para rastrear o mesmo autovetor antes e depois da perturbação pois se os autovalores  $\lambda_i(S)$  e  $\lambda_{i+1}(S)$  estiverem muito próximos eles podem acabar trocando de ordem e vamos comparar autovetores diferentes. Para prevenir isso vamos assumir que os

autovalores de S são bem separados

Teo. 5 (Davis - Kahan): Sejam S e T matrizes simétricas com mesmas dimensões. Fixe i e assuma que o i-ésimo maior autovetor de S está bem separado do resto do espectro, ou seja:

$$\min_{j:j\neq i} |\lambda_i(S) - \lambda_j(S)| = \delta > 0$$

Então o ângulo entre os autovetores de S e T correspondentes ao i-ésimo autovetor mais largo (como um número entre 0 e  $2\pi$ ) satisfaz:

$$sin \angle (v_i(S), v_i(T)) \le \frac{2||S - T||}{\delta}$$

 $sin \angle(v_i(S),v_i(T)) \leq \frac{2||S-T||}{\delta}$  A conclusão do teorema implica que os autovetores unitários são perto um do outro até um sinal, ou seja:

$$\exists \theta \in \{-1, 1\} : ||v_i(S) - \theta v_i(T)|| \le \frac{2^{\frac{3}{2}}||S - T||}{\delta}$$

Tentar fazer a demonstração no apêndice e explicar a conclusão

#### Clusterização Espectral (4.5.4) 5.4

Aplicar o teorema de Davis - Kahan para S = D e T = A = D + R e para o segundo maior autovetor  $(u_2)$ .

Precisamos checar se  $\lambda_2$  é bem separado do resto do espectro de D, isto é, 0 e  $\lambda_1$ . A distância é:

$$\delta = min(\lambda_2, \lambda_1 - \lambda_2) = min\left(\frac{p-q}{2}, q\right)n =: \mu n$$

Aplicando  $||R|| \le C\sqrt{n}$  com probabilidade pelo menos  $1 - 4e^{-n}$  à:

$$\exists \theta \in \{-1, 1\} : ||v_i(S) - \theta v_i(T)|| \le \frac{2^{\frac{3}{2}||S - T||}}{\delta}$$

Podemos limitar a distância entre o autovetor **unitário** de *D* e *A*:

$$\exists \theta \in \{-1,1\}: ||v_2(D) - \theta v_2(A)|| \le \frac{C\sqrt{n}}{\mu n} = \frac{C}{\mu \sqrt{n}} \text{ com probabilidade pelo menos } 1 - 4e^{-n}.$$

Mas os autovetores  $u_i(D)$  tem norma  $\sqrt{n}$ . Então multiplicamos ambos os lados por  $\sqrt{n}$ , obtendo nessa normalização que:

$$||u_2(D) - \theta u_2(A)||_2 \le \frac{C}{\mu}$$

Segue que a maioria dos coeficientes de  $\theta u_2(A)$  e  $u_2(D)$  devem ser iguais. De fato, sabemos que:

$$\sum_{j=1}^{n} |u_2(D)_j - \theta u_2(A)_j|^2 \le \frac{C}{\mu^2}$$

E sabemos que os coeficientes de  $u_2(D)$  são todos  $^+$ 1. Então todo coeficiente j para os quais os sinais  $\theta u_e(A)_j$  e  $u_2(D)_j$  discordam contribuem com pelo menos 1 para a soma. Então o número de discordâncias de sinais deve ser limitado por  $\frac{C}{u^2}$ .

Resumindo, podemos usar o vetor  $u_2(A)$  para estimar precisamente o  $u_2(\dot{D})$  e usar os sinais das entradas de  $u_2(A)$  para detectar as comunidades.

#### Algoritmo Clusterização Espectral:

Input: Grafo G

Output: Partição de vértices de G em 2 comunidades

- 1. Compute a matriz de Adjacências A do Grafo
- **2**. Compute  $u_2(A)$  (segundo maior autovetor)
- 3. Particione os vértices em duas comunidades de acordo com os sinais das entradas de  $u_2(A)$

#### Teo. 6 (Clusterização Espectral para o modelo de bloco estocástico)

Seja  $G \sim G(n,p,q)$  com p>q e  $\min(q,p-q)=\mu>0$ . Então, com probabilidade de pelo menos  $1-4e^{-n}$ , o algorítimo de clusterização espectral identifica as comunidades de G corretamente com até  $\frac{C}{\mu^2}$  classificações incorretas

Resumindo: O algoritmo de clusterização espectral classifica corretamente todos exceto um constante número de vértices, desde que o grafo aleatório seja denso o suficiente  $(q \ge const)$  e que a probabilidade de ligações dentro e entre comunidades estejam bem separadas  $(p - q \ge conts)$ 

# 6 Aplicação: Estimação de covariância e clusterização (4.7)

Suponha que queremos analisar dados de alta dimensão representados por pontos  $X_1, X_2, ..., X_m$  amostrados de uma distribuição desconhecida de  $\mathbb{R}^n$ . Uma das ferramentas mais básicas para a análise exploratória dos dados é a análise de componentes principais (PCA).

Como não temos acesso a toda distribuição mas só uma amostra finita  $\{X_1, X_2, ..., X_m\}$ , só podemos esperar conseguir calcular a matriz de covariância da distribuição subjacente aproximada. Se pudermos fazer isso, o teorema de Davis-Kahan nos permitiria estimar os componentes principais da distribuição subjacente, que são os autovetores da matriz de covariância.

Então, como podemos estimar a matriz de covariância a partir dos dados? Seja X o vetor aleatório extraído da distribuição (desconhecida). Assuma por simplicidade que X tenha média 0 então podemos denotar a matriz de covariância por  $\Sigma = \mathbb{E}[XX^T]$  (Não vamos depender de média 0 mas facilita  $\Sigma$  ser matriz de segundo momento de X)

Para estimar  $\Sigma$  podemos usar a matriz de covariância amostral  $\Sigma_m$ , que é computada da amostra como:

$$\Sigma_m = \frac{1}{m} \sum_{i=1}^m X_i X_i^T$$

Como  $X_i$  e X tem a mesma distribuição, nossa estimativa é não viesada, isto é,  $\mathbb{E}[\Sigma_m] = \Sigma$ . Então a lei dos grandes números aplicada a cada entrada de  $\Sigma$  nos da que  $\Sigma_m \to \Sigma$  quase certamente a medida que o tamanho da amostra m cresce para infinito. Isso leva a pergunta: quão grande o tamanho da amostra precisa ser para que  $\Sigma_m \approx \Sigma$  com alta probabilidade? Vamos mostrar que  $m \approx n$  é suficiente.

#### Teo. 7 (Estimação de covariância)

Seja X um vetor aleatório sub gaussiano em  $\mathbb{R}^n$ . Mais precisamente, assuma que exista  $K \geq 1$  tal que:

$$|| < X, x > ||_{\Psi_2} \le K|| < X, x > ||_{L_2}$$
 para qualquer  $x \in \mathbb{R}^n$ 

Então para qualquer inteiro positivo m, temos:

$$\mathbb{E}||\Sigma_m - \Sigma|| \le CK^2 \left(\sqrt{\frac{n}{m}} + \frac{n}{m}\right)||\Sigma||$$

#### Antes da Prova:

Detalhes da norma

$$||X||_{L^p} = \mathbb{E}[|X|^p]^{\frac{1}{p}}$$
  
 $||\langle X, x \rangle||_{L^2}^2 = \mathbb{E}[\langle X, x \rangle^2], \text{ mas } \langle X, x \rangle^2 = (X^T x)^2 = x^T X X^T x, \text{ logo:}$ 

 $\mathbb{E}[<X,x>^2]=\mathbb{E}[x^TXX^Tx]=x^T\mathbb{E}[XX^T]x=<\mathbb{E}[XX^T]x,x>$ , então caso  $\mathbb{E}[XX^T]=I$  vamos ter  $||< X,x>||_{L^2}=||x||_2$ 

Def. (Norma sub gaussiana de variável aleatória sub gaussiana)

Se 
$$X$$
 é variável aleatória sub gaussiana então  $||X||_{\Psi_2} = \inf \left\{ t > 0 : \mathbb{E} \left[ \exp \left( \frac{X^2}{t^2} \right) \right] \right\}$ 

#### Def. (Norma sub gaussiana de vetor aleatório sub gaussiano)

Se X é vetor aleatório sub gaussiano de  $\mathbb{R}^n$   $||X||_{\Psi_2} = \sup_{x \in S^{n-1}} || \langle X, x \rangle ||_{\Psi_2}$ 

#### Def. (Vetor aleatório isotrópico)

Um vetor aleatório X em  $\mathbb{R}^n$  é chamado isotrópico se  $\Sigma(X) = \mathbb{E}[XX^T] = I_n$ .

**Prova:** Primeiro vamos trazer os vetores  $X, X_1, ..., X_n$  para posição isotrópica. Existem vetores aleatórios isotrópicos independentes  $Z, Z_1, ..., Z_n$  tais que:

$$X = \Sigma^{\frac{1}{2}} Z$$
 e  $X_i = \Sigma^{\frac{1}{2}} Z_i$ 

(Isso é checado no exercício 3.2.2)

A partir de  $|| < X, x > ||_{\Psi_2} \le K|| < X, x > ||_{L_2}$  e  $X = \sum^{\frac{1}{2}} Z$  temos:

 $||<\Sigma^{\frac{1}{2}}Z,x>||_{\Psi_{2}}\leq K||<\Sigma^{\frac{1}{2}}Z,x>||_{L_{2}}$ e como  $\Sigma^{\frac{1}{2}}$  é simétrico podemos passar para o outro lado, obtendo  $||< Z,\Sigma^{\frac{1}{2}}x>||_{\Psi_{2}}\leq K||< Z,\Sigma^{\frac{1}{2}}x>||_{L_{2}}$ . Se  $y=\Sigma^{\frac{1}{2}}x$  então  $||< Z,y>||_{\Psi_{2}}\leq K||< Z,y>||_{L_{2}}=K||y||_{2}$ , pois  $\mathbb{E}[ZZ^{T}]=I$ .

Tomando o sup e pela definição de vetores aleatórios sub-gaussianos temos:  $||Z||_{\Psi_2} \leq K$  e analogamente  $||Z_i||_{\Psi_2} \leq K$ .

Então

$$||\Sigma_m - \Sigma|| = ||\Sigma^{\frac{1}{2}} R_m \Sigma^{\frac{1}{2}} \le ||R_m|| \cdot ||\Sigma|| \text{ onde } R_m := \frac{1}{m} \sum_{i=1}^m Z_i Z_i^T - I_n$$

Considere a matriz aleatória  $A_{m,n}$  cujas linhas são  $Z_i^T$ . Então:

$$\frac{1}{m}A^{T}A - I_{n} = \frac{1}{m}\sum_{i=1}^{m} Z_{i}Z_{i}^{T} - I_{n} = R_{m}$$

Podemos aplicar o teorema 4.6.1 (Mais precisamente o exercício 4.6.2) para A e obtemos:

$$\mathbb{E}(||R_m||) \le CK^2 \left(\sqrt{\frac{n}{m}} + \frac{n}{m}\right)$$

Agora, voltando para:  $||\Sigma_m - \Sigma|| \le ||R_m|| \cdot ||\Sigma||$ , tirando a esperança dos dois lados obtemos:

$$\mathbb{E}||\Sigma - \Sigma_m|| \le CK^2 \left(\sqrt{\frac{n}{m}} + \frac{n}{m}\right)||\Sigma||$$

25

**Observação:** O teorema implica que para qualquer  $\epsilon \in (0,1)$ , temos garantido de ter uma estimação de covariância com um bom erro,  $\mathbb{E}||\Sigma_m - \Sigma|| \le \epsilon ||\Sigma||$  se tivermos o tamanho da amostra  $m \approx \epsilon^{-2}n$ 

Em outras palavras, a matriz de covariância pode ser estimada precisamente pela matriz de covariância amostral se o tamanho da amostra m for proporcional a dimensão n.

**Exe. 19:** Cheque que para qualquer  $u \leq 0$ , temos:

$$||\Sigma - \Sigma_m|| \le CK^2 \left( \sqrt{\frac{n+u}{m}} + \frac{n+u}{m} \right) ||\Sigma||$$

com probabilidade pelo menos  $1 - 2 \cdot exp(-u)$ 

$$||\Sigma_m - \Sigma|| = ||\Sigma^{\frac{1}{2}} R_m \Sigma^{\frac{1}{2}} \le ||R_m|| \cdot ||\Sigma|| \text{ onde } R_m := \frac{1}{m} \sum_{i=1}^m Z_i Z_i^T - I_n$$

Considere a matriz aleatória  $A_{m,n}$  cujas linhas são  $Z_i^T$ . Então:

$$\frac{1}{m}A^{T}A - I_{n} = \frac{1}{m}\sum_{i=1}^{m} Z_{i}Z_{i}^{T} - I_{n} = R_{m}$$

Podemos aplicar o teorema 4.6.1 para A e obtemos:

$$||R_m|| = \left| \left| \frac{1}{m} A^T A - I_n \right| \right| \le K^2 \max(\delta, \delta^2), \text{ com probabilidade pelo menos } 1 - 2 \cdot m(t^2) \text{ and } \delta = C \left( \sqrt{n} + t \right)$$

$$exp(-t^2)$$
 onde  $\delta = C\left(\sqrt{\frac{n}{m}} + \frac{t}{\sqrt{m}}\right)$ 

Botando 
$$t = \sqrt{u}$$
 temos que  $\delta = C\left(\sqrt{\frac{n}{m}} + \sqrt{\frac{u}{m}}\right)$  e  $\delta^2 = C^2\left(\frac{n+u}{m} + \frac{2\sqrt{nu}}{m}\right)$ 

Usando 
$$\sqrt{a} + \sqrt{b} \le \sqrt{2(a+b)}, \left(\sqrt{\frac{n}{m}} + \sqrt{\frac{u}{m}}\right) = \sqrt{2}\left(\sqrt{\frac{n+u}{m}}\right)$$

Usando 
$$2\sqrt{ab} \le a + b$$
,  $\left(\frac{n+u}{m} + \frac{2\sqrt{nu}}{m}\right) \le 2\left(\frac{n+u}{m}\right)$ 

$$\max(\delta, \delta^2) \le \delta + \delta^2 \le C\sqrt{2} \left(\sqrt{\frac{n+u}{m}}\right) + C^2 2\left(\frac{n+u}{m}\right)$$
, fazendo  $C' = \max(C\sqrt{2}, C^2 2)$ ,

temos:

$$||R_m|| \le K^2 \max(\delta, \delta^2) \le K^2 C' \left( \sqrt{\frac{n+u}{m}} + \frac{n+u}{m} \right)$$
, substituindo:

$$||\Sigma_m - \Sigma|| \le K^2 C' \left( \sqrt{\frac{n+u}{m}} + \frac{n+u}{m} \right) \cdot ||\Sigma||$$

## 6.1 Aplicação: Clusterização de conjunto de pontos

Vamos ilustrar o teorema com uma aplicação de clustering. Como na aplicação anterior, vamos tentar identificar clusters nos dados. Mas a natureza dos dados vai ser diferente, ao invez de redes, vamos trabalhar com conjuntos de pontos em  $\mathbb{R}^n$ . O objetivo geral vai ser particionar o conjunto de pontos dado em alguns clusters. O

que exatamente constitui um cluster não está bem definido na ciência de dados. Mas o senso comum sugere que pontos no mesmo cluster tendam a estar mais próximos uns dos outros do que pontos de clusters diferentes.

Assim como fizemos para redes, vamos criar um modelo probabilístico básico de conjuntos de pontos em  $\mathbb{R}^n$  com duas comunidades e estudar o problema de clusterização para esse modelo

#### Def. (Modelo de mistura Gaussiana)

Gere m pontos aleatórios em  $\mathbb{R}^n$  da seguinte forma: Jogue uma moeda honesta; se cair cara amostre um ponto de  $N(\mu, I_n)$  e se cair coroa, de  $N(-\mu, I_n)$ . Essa distribuição de pontos é chamada Modelo de mistura gaussiano com médias  $\mu$  e  $-\mu$ .

Equivalentemente, podemos considerar um vetor aleatório  $X = \theta \mu + g$  onde  $\theta$  é uma variável aleatória Bernoulli,  $g \in N(0, I_n)$ , e  $\theta$  e g são independentes. Peque uma amostra  $X_1, ..., X_m$  de vetores aleatórios independentes que são distribuídos identicamente a X. Então a amostra será distribuída de acordo com o modelo de mistura gaussiana.

Suponha que temos uma amostra de m pontos distribuídos de acordo com o modelo de mistura gaussiana. Nosso objetivo é identificar qual ponto pertence a qual cluster. Para isso, podemos usar uma variante do algoritmo de clusterização espectral que introduzimos para redes.

Para ver por que um espectral tem chance de funcionar aqui, note que a distribuição de X não é isotrópica mas sim esticado na direção de  $\mu$ . Assim, podemos calcular aproximadamente  $\mu$  calculando o primeiro componente principal dos dados. Após isso, podemos projetar os pontos projetar os pontos na linha gerada por  $\mu$  e assim classificá-los apenas olhando de que lado da origem as projeções estão. Isso leva ao seguinte algoritmo:

#### Algoritmo Clusterização Espectral:

Input: pontos  $X_1, ..., X_m$  de  $\mathbb{R}^n$ 

Output: Partição dos pontos em 2 clusters

- 1. Compute a matriz de covariância amostral  $\Sigma_m = \frac{1}{m} \sum_{i=1}^m X_i X_i^T$
- 2. Compute o autovetor  $v = v_1(\Sigma_m)$  correspondente ao maior autovalor de  $\Sigma_m$
- 3. Particione os vértices em duas comunidades de acordo com os sinais do produto interno de v com os dados. (Para ser específico, se  $\langle v, X_i \rangle > 0$  ponha o ponto  $X_i$  na primeira comunidade, caso contrário na segunda)

# Teo. 8 (Garantias da Clusterização espectral do modelo de mistura gaussiano)

Seja  $X_1, ..., X_m$  pontos de  $\mathbb{R}^n$  amostrados do modelo de mistura gaussiano como acima, i.e. existem duas comunidades com médias  $-\mu$  e  $\mu$ .

Seja 
$$\epsilon > 0$$
 tal que  $||\mu||_2 \ge C\sqrt{\log\left(\frac{1}{\epsilon}\right)}$ . Suponha que o tamanho da amostra

satisfaz

$$m \ge \left(\frac{n}{||\mu||_2}\right)^c$$

onde c>0 é uma constante absoluta apropriada.

Então com probabilidade de pelo menos  $1-4e^{-n}$ , o algoritmo de clusterização espectral acima identifica as comunidades corretamente com até  $\epsilon m$  vértices classificados erradamente.

Exe. 20: Prove o Teorema 8 para o algoritmo de clusterização espectral aplicado ao modelo de mistura gaussiana.

a) Compute a matriz de covariância

# Agora começamos o estudo do artigo CLUSTERING IN BLOCK MARKOV CHAINS

# 7 Introdução para clusterização BLOCK MARKOV CHAINS

#### 7.1 Notação

Para quaisquer dois conjuntos  $A, B \subseteq V \triangleq \{1, ..., n\}$ , definimos sua **diferença simétrica** por  $A\Delta B = (A \setminus B) \cup (B \setminus A)$ . Para quaisquer dois números  $a, b \in \mathbb{R}$ , introduzimos a notação abreviada  $a \wedge b = \min\{a, b\}$  e  $a \vee b = \max\{a, b\}$ .

Para qualquer matriz  $m \times n$ ,  $A \in \mathbb{R}^{m \times n}$ , indicamos suas linhas por  $A_{r,\cdot}$  para r = 1, ..., m e suas colunas por  $A_{\cdot,c}$  para c = 1, ..., n. Também introduzimos a notação abreviada  $A_{A,B} = \sum_{x \in A} \sum_{y \in B} A_{x,y}$  para todos os subconjuntos  $A, B \subseteq V$ .

Definimos o simplex de probabilidade de dimensão n-1 por  $\Delta^{n-1} = \{x \in [0,1]^n : ||x||_1 = 1\}$ , bem como o conjunto de **matrizes estocásticas** (linhas somam 1) por  $S_{n\times n} = \{(x_{r,c}) \in [0,1]^{n\times n} : \sum_{c=1}^n x_{r,c} = 1 \text{ para } r = 1,...,n\}$  similarmente.

Em nossas análises assintóticas, escrevemos  $f(n) \sim g(n)$  se  $\lim_{n\to\infty} f(n)/g(n) = 1$ , f(n) = o(g(n)) se  $\lim_{n\to\infty} f(n)/g(n) = 0$  e f(n) = O(g(n)) se  $\lim_{n\to\infty} f(n)/g(n) < \infty$ .

Sempre que  $\{X_n\}_{n=1}^{\infty}$  é uma sequência de variáveis aleatórias de valor real e  $\{a_n\}_{n=1}^{\infty}$  uma sequência determinística, escrevemos

$$X_n = o_{\mathbb{P}}(a_n) \iff P\left(\left|\frac{X_n}{a_n}\right| \ge \delta\right) \to 0 \quad \forall \delta > 0$$

$$\iff \forall \varepsilon, \delta > 0, \exists N_{\varepsilon,\delta} : P\left(\left|\frac{X_n}{a_n}\right| \ge \delta\right) \le \varepsilon \quad \forall n > N_{\varepsilon,\delta}$$

e

$$X_n = O_{\mathbb{P}}(a_n) \iff \forall \varepsilon > 0, \exists \delta_{\varepsilon}, N_{\varepsilon} : P\left(\left|\frac{X_n}{a_n}\right| \ge \delta_{\varepsilon}\right) \le \varepsilon \quad \forall n > N_{\varepsilon}.$$

Similarmente,  $X_n = \Omega_P(a_n)$  denota  $\forall \varepsilon > 0, \exists \delta_{\varepsilon}, N_{\varepsilon} : P[|X_n/a_n| \leq \delta_{\varepsilon}] \leq \varepsilon \quad \forall n > N_{\varepsilon},$  e  $X_n \asymp_{\mathbb{P}} (a_n)$  significa  $\forall \varepsilon > 0, \exists \delta_{\varepsilon}^-, \delta_{\varepsilon}^+, N_{\varepsilon} : P[\delta_{\varepsilon}^- \leq |X_n/a_n| \leq \delta_{\varepsilon}^+] \geq 1 - \varepsilon \quad \forall n > N_{\varepsilon}.$ 

## 7.2 Cadeias de Markov em Blocos (BMCs)

Assumimos que temos n estados  $V = \{1, ..., n\}$ , cada um dos quais está associado a um de K clusters, ou seja, o conjunto de estados é particionado tal que  $V = \bigcup_{k=1}^K V_k$  com  $V_k \cap V_l = \emptyset$  para todo  $k \neq l$ . Seja  $\sigma(.)$  um função que associa o estado  $v \in V$  ao seu cluster. Também assumimos que existem constantes  $\alpha \in \Delta^{K-1}$  tais que  $\lim_{n\to\infty} |V_k|/(n\alpha_k) = 1$ , ou seja,  $\alpha_i$  representa a proporção de estados no cluster i.

Para quaisquer  $\alpha \in \Delta^{K-1}$  e  $p \in \mathcal{S}_{K \times K}$  (o conjunto de matrizes estocásticas  $K \times K$ ), definimos a BMC  $\{X_t\}_{t \geq 0}$  da seguinte forma. Sua matriz de transição  $P \in \mathcal{S}_{n \times n}$  será definida como

$$P_{x,y} = \frac{p_{\sigma(x),\sigma(y)}}{|V_{\sigma(y)}| - \mathbf{1}_{[\sigma(x) = \sigma(y)]}} \cdot \mathbf{1}_{[x \neq y]} \quad \text{para todo } x, y \in V, \tag{1}$$

Aqui  $p_{\sigma(x),\sigma(y)}$  é a entrada da matriz  $p \in \mathcal{S}_{K\times K}$  que representa as probabilidades de transição do cluster de x para o cluster de y.  $|V_{\sigma(y)}|$  é a quantidade de elementos do cluster de y e devemos subtrair 1 caso x também seja do mesmo cluster pois um estado não vai para si mesmo.  $\mathbf{1}_{[x\neq y]}$  é pelo menos motivo de que um estado não vai para si mesmo.

Note que esta cadeia de Markov não é necessariamente reversível. Adicionalmente, assumimos que  $K, \alpha, p$  são fixos, e que estudamos o regime assintótico  $n \to \infty$ . Assumimos que o menor cluster tem um tamanho que cresce linearmente com n:  $\alpha_{\min} \triangleq \min_k \alpha_k > 0$ .

Finalmente, como estamos interessados no agrupamento (clustering) dos estados, assumiremos que

$$\exists \eta > 1 \text{ tal que } \max_{a,b,c} \{ p_{b,a}/p_{c,a}, p_{a,b}/p_{a,c} \} \le \eta,$$

o que garante um nível mínimo de separabilidade dos parâmetros e também que é sempre possível ir de um cluster para o outro.

#### 7.3 Comportamento de Equilíbrio

Assumimos que a matriz estocástica p é tal que a distribuição de equilíbrio de  $\{X_t\}_{t\geq 0}$  existe, e a denotaremos por  $\Pi_x$  para  $x\in V$ . Por simetria,

 $\Pi_x = \Pi_y \triangleq \bar{\Pi}_k$  para quaisquer dois estados  $x, y \in V_k$  para todo k = 1, ..., K.

Considere a quantidade escalonada

$$\pi_k \triangleq \lim_{n \to \infty} \sum_{x \in V_k} \Pi_x = \lim_{n \to \infty} |V_k| \bar{\Pi}_k \quad \text{para } k = 1, ..., K.$$

#### 7.3.1 Proposição

A quantidade  $\pi$  resolve  $\pi^T p = \pi^T$ , e é, portanto, a distribuição de equilíbrio de uma cadeia de Markov com matriz de transição p e espaço de estados  $\{1, ..., K\}$ .

#### 7.3.2 Prova

Primeiro, provamos que  $\pi$  é uma distribuição de probabilidade. Isso decorre de (i) definição de  $\pi$ , (ii) simetria de todos os estados no mesmo cluster, e (iii) porque

 $\Pi$  é uma distribuição de probabilidade:

$$\sum_{k=1}^{K} \pi_k \stackrel{\text{(i)}}{=} \sum_{k=1}^{K} \lim_{n \to \infty} |V_k| \bar{\Pi}_k$$

$$\stackrel{\text{(ii)}}{=} \lim_{n \to \infty} \sum_{k=1}^{K} \sum_{x \in V_k} \Pi_x = \lim_{n \to \infty} \sum_{x \in V} \Pi_x$$

$$\stackrel{\text{(iii)}}{=} 1.$$

Em seguida, mostramos que as equações de balanço são satisfeitas. Para k = 1, ..., K, segue da simetria de quaisquer dois estados  $x, z \in V_k$  que  $\Pi_x = \Pi_z = \bar{\Pi}_k$ . Portanto, para qualquer  $y \in V_l$ , pelo (iv) balanço global (A chance de se estar em y é o somatório das chances de se estar em x multiplicado pela chances de ir de x para y):

$$\Pi_{y} = \bar{\Pi}_{l} \stackrel{\text{(iv)}}{=} \sum_{k=1}^{K} \sum_{x \in V_{k}} \Pi_{x} P_{x,y}$$

$$= \sum_{k=1}^{K} \sum_{x \in V_{k}} \bar{\Pi}_{k} \frac{p_{k,l}}{|V_{l}| - \mathbf{1}_{[k=l]}} \cdot \mathbf{1}_{[x \neq y]}$$

$$= \sum_{k=1}^{K} \bar{\Pi}_{k} (|V_{k}| - \mathbf{1}_{[k=l]}) \frac{p_{k,l}}{|V_{l}| - \mathbf{1}_{[k=l]}}.$$

Tomando o limite  $n \to \infty$ , e notando que  $|V_j| \to \infty$  para todo j e que  $\lim_{n \to \infty} |V_k| \bar{\Pi}_k = \pi_k$ , descobrimos que

$$\pi_l = \sum_{k=1}^K \pi_k p_{k,l}$$
 para todo  $l = 1, \dots, K$ .

Isso é equivalente a  $\pi = \pi p$  e completa a prova.

Com isso podemos concluir que o comportamento de longo prazo do BMC com n estados pode ser descrito por uma cadeia de Markov muito mais simples, com apenas K estados (os clusters).

### 7.4 Tempo de mistura

A próxima proposição fornece um limite para o **tempo de mistura**  $t_{\text{mix}} \in (0, \infty)$ , que é definido por  $d(t) \triangleq \sup_{x \in V} \{d_{\text{TV}}(P_{x,\cdot}^t, \mu)\}$  e  $t_{\text{mix}}(\varepsilon) \triangleq \min\{t \geq 0: d(t) \leq \varepsilon\}$ , onde

$$d_{\text{TV}}(\mu, \nu) \triangleq \frac{1}{2} \sum_{x \in V} |\mu_x - \nu_x|.$$

#### 7.4.1 Proposição

Para qualquer BMC com  $n \ge 4/\alpha_{\min}$ ,  $t_{\min}(\varepsilon) \le -c_{\min} \ln \varepsilon$ , onde  $c_{\min} = -1/\ln(1-1/(2\eta))$ .

#### 7.4.2 Prova

#### Escrever prova

A Proposição acima implica que os tempos de mistura são suficientemente curtos para que nossos resultados se mantenham, independentemente de assumirmos que a cadeia de Markov está inicialmente em equilíbrio. Mostraremos mais a frente que o importante é que a cadeia atinja a estacionariedade dentro de T passos (o comprimento da trajetória observada) e, consequentemente, T precisa ser escolhido suficientemente grande em relação a n para garantir que isso ocorra. Portanto, assumimos por simplicidade que a cadeia é iniciada a partir do equilíbrio. Isso elimina a necessidade de rastrear termos de correção de ordem superior.

#### 8 Apêndice

#### 8.1 Cadeias de Markov

Considere um processo estocástico de tempo discreto,  $X_n$ , n = 0, 1, 2, ..., em que  $X_n$  assume valores no conjunto finito  $S = \{1, ..., N\}$ . Chamamos os valores possíveis de  $X_n$  de **estados** do sistema. Para descrever as probabilidades de tal processo, precisamos fornecer os valores de  $P\{X_0 = i_0, X_1 = i_1, ..., X_n = i_n\}$ , para todo n e toda sequência finita de estados  $(i_0, ..., i_n)$ .

Equivalentemente, poderíamos fornecer a distribuição de probabilidade inicial  $\phi(i) = \mathbb{P}\{X_0 = i\}$  e as "probabilidades de transição",

$$q_n(i_n|i_0,\ldots,i_{n-1}) = \mathbb{P}\{X_n = i_n|X_0 = i_0,\ldots,X_{n-1} = i_{n-1}\}$$

pois então

$$\mathbb{P}\{X_0 = i_0, \dots, X_n = i_n\} = \phi(i_0)q_1(i_1|i_0)q_2(i_2|i_0, i_1) \cdots q_n(i_n|i_0, \dots, i_{n-1})$$
 (2)

#### 8.1.1 Propriedade de Markov

O futuro e o passado são condicionalmente independentes dado o presente. Ou seja, para fazer previsões do comportamento de um sistema no futuro, é suficiente considerar apenas o estado presente do sistema e não o histórico passado.

$$\mathbb{P}\{X_{n+1} = j | X_0 = i_0, \dots, X_{n-1} = i_{n-1}, X_n = i\} = P\{X_{n+1} = j | X_n = i\}$$

#### 8.1.2 Homogeneidade no tempo

Uma cadeia de Markov homogênea no tempo é um processo tal que

$$P\{X_n = i_n | X_0 = i_0, \dots, X_{n-1} = i_{n-1}\} = p(i_{n-1}, i_n),$$

para alguma função  $p: S \times S \to [0,1]$ . Geralmente quando dizemos **Cadeia de Markov**, queremos dizer cadeia de Markov homogênea no tempo.

#### 8.1.3 Matriz de Transição

Para fornecer as probabilidades de uma cadeia de Markov, precisamos fornecer uma distribuição de probabilidade inicial  $\phi(i) = \mathbb{P}\{X_0 = i\}$  e as probabilidades de transição p(i,j), pois então, por (2),

$$P\{X_0 = i_0, \dots, X_n = i_n\} = \phi(i_0)p(i_0, i_1)p(i_1, i_2) \cdots p(i_{n-1}, i_n)$$
(3)

A matriz de transição P para a cadeia de Markov é a matriz  $N \times N$  cuja entrada  $(i, j), P_{ij}$ , é p(i, j). A matriz P é uma matriz estocástica, i.e.,

$$0 \le P_{ij} \le 1, \quad 1 \le i, j \le N, \tag{4}$$

$$\sum_{j=1}^{N} P_{ij} = 1, \quad 1 \le i \le N. \tag{5}$$

Qualquer matriz que satisfaça (4) e (5) pode ser a matriz de transição para uma cadeia de Markov.

#### 8.1.4 Distribuição estacionária

Suponha que  $\pi$  é um vetor de probabilidade limite, isto é, para algum vetor de probabilidade inicial v,

$$\pi = \lim_{n \to \infty} v P^n.$$

Então

$$\pi = \lim_{n \to \infty} vP^{n+1} = \left(\lim_{n \to \infty} vP^n\right)P = \pi P.$$

Chamamos um vetor de probabilidade  $\pi$  de uma distribuição de probabilidade invariante para P se

$$\pi = \pi P$$
.

Tal  $\pi$  também pode ser chamado de distribuição de probabilidade **estacionária** ou de **equilíbrio**. Note que um vetor de probabilidade invariante é um **autovetor à esquerda** de P com **autovalor 1**.

Escrever sobre periodicidade e redutibilidade para falar quando  $\pi$  existe

#### 8.1.5 Reversível e Simétrica

Uma cadeia de Markov de tempo discreto com matriz de transição P é dita reversível em relação a  $\pi$  se

$$\pi(x)P(x,y) = \pi(y)P(y,x),$$

para todos  $x, y \in S$ , e **simétrica** se P(x, y) = P(y, x).

#### 8.2 Teorema de Perron—Frobenius

Escrever o teorema de Perron-Frobenius

#### 8.3 Lema de Jonson Lindenstrauss

Pode ser útil para redução de dimensionalidade

#### 8.4 Modelo Erdős - Rényi

O modelo de bloco estocástico é na verdade uma extensão do modelo Erdös - Rényi:

G(n,p): Dados n vértices, conectamos cada par de vértices distintos com probabilidade  $\mathbf{p}$  de forma independente.

O grau esperado de cada vértice é (n-1)p =: d e se  $d \gtrsim log(n)$  (grafo denso, ou seja, o número de arestas é próximo ao número máximo de arestas) então o grafo é regular (grafo onde cada vértice tem o mesmo número de adjacências) com alta probabilidade.

#### 8.5 Algoritmo de K-médias

K-médias é um algoritmo de clusterização que tem como objetivo minizar a variância dentro de cada cluster

#### Algoritmo:

- 1. Aleatoriamente atribua cada observação a um dos número de 1 até k. Isso vai servir de atribuição inicial de clusters para as observações.
  - 2. Itere até as atribuições de cluster pararem de mudar:
    - (a) Para cada um dos clusters K, calcule o centróide do cluster.
    - (b) Atribua cada observação ao cluster cujo centróide está mais próximo.

### 8.6 Análise de componentes principais (PCA)

O autovetor  $u_1$  correspondente ao maior autovalor  $s_1$  define a primeira direção principal. Isto é, a direção em que a distribuição é mais estendida e explica a maior parte da variabilidade dos dados. O próximo autovalor  $u_2$  (correspondente ao segundo maior autovalor  $s_2$ ) define a próxima direção principal que melhor explica a variação restante nos dados e assim por diante.

A análise de componentes principais (PCA) computa os primeiros componentes principais e projeta os dados de  $\mathbb{R}^n$  no subespaço E gerado por eles (os componentes principais). Isso reduz consideravelmente a dimensão dos dados e simplifica a análise.

Por exemplo, se somente 2 ou 3 autovalores forem grandes e sejam considerados informativos e os outros considerados ruídos então a projeção vai permitir a visualização dos dados.

### 8.7 Convergências

Colocar convergência em probabilidade, em distribuição e quase certamente e suas relações aqui

#### 8.8 Desigualdades úteis

Botar as desigualdades de jensen, markov, triangular,... que vamos usar alguma hora

#### 8.9 SVD

#### 8.9.1 Ideia da SVD

Uma discussão extra sobre decomposição em valores singulares (SVD)

Queremos diagonalizar uma matriz  $A: \mathbb{R}^n \to \mathbb{R}^m$  mas não podemos usar o teorema espectral diretamente pois  $m \neq n$ . Só temos uma base de vetores ortonormais que é levada em outra base de vetores ortogonais.  $v_j \perp v_i \Rightarrow Av_j \perp Av_i$ 

$$Av_i = ||Av_i|| \frac{Av_i}{||Av_i||} = \sigma_i u_i, ||u_i|| = 1$$
, onde o  $\sigma$  é o valor singular

- Quando n > m, alguns vetores vão ser amassados (Vetores do núcleo), e eles tem os valores singulares 0. Mas eles nem vão importar pois vão ser amassados mesmo. Quando m > n alguns vetores vão surgir que não estavam na história antes.
- $\bullet$  Essas Bases v e u são únicas (exceto nas identidades), e qualquer matriz A tem uma Decomposição em valores singulares.

#### 8.9.2 Existência de v's e u's

Seja a matriz  $A: \mathbb{R}^n \to \mathbb{R}^m$ , vamos supor que temos uma coleção de  $v_i$  que satisfazem  $Av_i = \sigma_i u_i, i = 1, 2, ..., k \le m$  ou n com  $\sigma_i > 0$ , também supomos:

$$\langle u_i, u_j \rangle = \langle v_i, v_j \rangle = \delta_{ij} = \begin{cases} 1, i = j \\ 0, i \neq j \end{cases}$$
 (Os *u*'s e *v*'s são ortonormais)

$$A = \sum_{i=1}^{k} \sigma_i u_i v_i^T$$
 (SVD em forma de blocos independentes)

$$Av_i = \sigma_1 u_1 v_1^T v_i + \sigma_2 u_2 v_2^T v_i + \dots + \sigma_k u_k v_k^T v_i = \sigma_i u_i \to Av_i = \sigma_i u_i, \ i \le k$$

Se k < n:  $Av_{k+1} = ... = Av_n = 0$  (ou seja quem é maior do que k está no núcleo de A e tem o valor singular 0)

• Também podemos escrever a SVD em forma de matriz:

$$U_{mk} = \begin{pmatrix} | & & | \\ u_1 & \dots & u_k \\ | & & | \end{pmatrix}, V_{nk} = \begin{pmatrix} | & & | \\ v_1 & \dots & v_k \\ | & & | \end{pmatrix}, \Sigma_{kk} = \begin{pmatrix} \sigma_1 & 0 & 0 \\ 0 & \dots & 0 \\ 0 & 0 & \sigma_k \end{pmatrix}$$

$$\mathbf{A} = \mathbf{U} \mathbf{\Sigma} \mathbf{V^T}$$

$$j \leq k: \ V^T v_j = e_j \to \Sigma e_j = \sigma_j e_j \to U \sigma_j e_j = \sigma_j u_j \Rightarrow A v_j = \sigma_j u_j$$
$$j > k: \ V^T v_j = 0 \Rightarrow A v_j = 0$$

- $\cdot V \to \text{Vetores singulares à direita}.$
- $\cdot U \to \text{Vetores singulares à esquerda}.$
- $\Sigma \to \text{Valores singulares}$ .
- $U \in V$  são ortogonal, ou seja,  $U^TU = V^TV = I$ . E  $\Sigma$  é Diagonal.

**Obs:** Por conveniência nos ordenamos os  $\sigma$  em uma ordem não crescente, ou seja  $\sigma_1 \geq \sigma_2 \geq ... \geq \sigma_k$ 

Como não temos nada de errado até o momento, só precisamos encontrar quem de fato são os nossos u's, v's e  $\sigma$ 's.

#### 8.9.3 Encontrando os v's e u's

Até agora temos que 
$$A = \sum_{i=1}^k \sigma_i u_i v_i^T = U \Sigma V^T$$
, logo  $A^T = \sum_{i=1}^k \sigma_i v_i u_i^T = V \Sigma U^T$ 

Transpor a matriz A nos faz trocar os u's de lugar com os v's, então se temos uma decomposição singular para A, também temos uma decomposição singular para  $A^T$ .

$$A^T: \mathbb{R}^m \to \mathbb{R}^n \ e \ A^T u_j = \sigma_j v_j u_j^T u_j = \sigma_j v_j, \ j \leq k$$

. Vamos olhar as matrizes simétricas  $AA^T$  e  $A^TA$ :

 $AA^Tu_j=\sigma_jAv_j=\sigma_j^2u_j$ , ou seja, os  $u_j$  são autovetores da matriz  $AA^T$  e os  $\sigma_j$  são as raizes quadradas dos autovalores.

 $A^TAv_j=\sigma_jA^Tu_j=\sigma_j^2v_j$ , ou seja, os  $v_j$  são autovetores da matriz  $A^TA$  e os  $\sigma_j$  são as raizes quadradas dos autovalores.

#### Obs:

 $\langle AA^Tu,u\rangle=\langle A^Tu,A^Tu\rangle\geq 0\ \forall u$  (positiva-definida, ou seja,  $\lambda>0\ \forall \lambda$ ) e mesma coisa para  $A^TA$ .

Como  $A^TA$  é positiva definida e simétrica, então pelo teorema espectral sempre vamos ter uma base ortonormal tal que  $A^TAv_j = \lambda_j v_j$ , com  $\lambda_j \geq 0$ 

Igualmente para  $AA^T$  sempre vamos ter uma base ortonormal tal que  $AA^Tu_j = \lambda_j u_j$ , com  $\lambda_j \geq 0$ 

Então nossos u's v's e  $\sigma$ 's sempre vão estar definidos.

#### Obs2:

Um caso particular é quando a matriz A é uma matriz simétrica. Nesse caso, os valores singulares vão ser os valores absolutos dos autovalores de A e os vetores singulares a esquerda e a direita serão ambos iguais aos autovetores de A.

#### 8.10 Provas omitidas no livro

Teoremas e suas provas que os livros e artigos usados deixaram omitidos

#### 8.10.1 Teorema min-max de Courant-Fisher

O Teorema Min-Max de Courant-Fischer é um resultado fundamental na álgebra linear, que oferece uma forma de caracterizar os autovalores de uma matriz simétrica real. Ele estabelece uma relação entre os autovalores de uma matriz e os subespaços vetoriais em termos de valores máximos e mínimos.

Definição: Quociente de Rayleigh

$$R_A(x) = \frac{x^T A x}{x^T x}$$

Onde A é uma matriz simétrica e x é um vetor de dimensão compatível Se x é um autovetor de A temos que  $R_A(x) = \frac{x^T A x}{x^T x} = \frac{x^T \lambda x}{x^T x} = \lambda \frac{x^T x}{x^T x} = \lambda$ 

O Teorema de Courant-Fischer fala que os vetores x que maximizam  $R_A(x)$  são justamente os autovetores do maior autovalor de A. Na verdade, ele fornece uma caracterização de todos os autovalores de uma matriz simétrica.

**Teorema** (Courant-Fischer)

Seja A uma matriz simétrica com autovalores  $\lambda_1 \geq \lambda_2 \geq ... \geq \lambda_n$ , então:

$$\lambda_k = \max_{S \subset \mathbb{R}^n} \min_{x \in S} R_A(x)$$
, onde  $\dim(S) = k$  e  $x \neq 0$ 

$$\lambda_k = \min_{T \subseteq \mathbb{R}^n} \max_{x \in T} R_A(x)$$
, onde  $\dim(T) = n - k + 1$  e  $x \neq 0$ 

(A maximização e minimização são feitas sobre os espaços S e T de  $\mathbb{R}^n$ )

Prova:

- 8.10.2 Teorema de Eckart-Young-Mirsky
- 8.10.3 Teorema de Davis Kahan