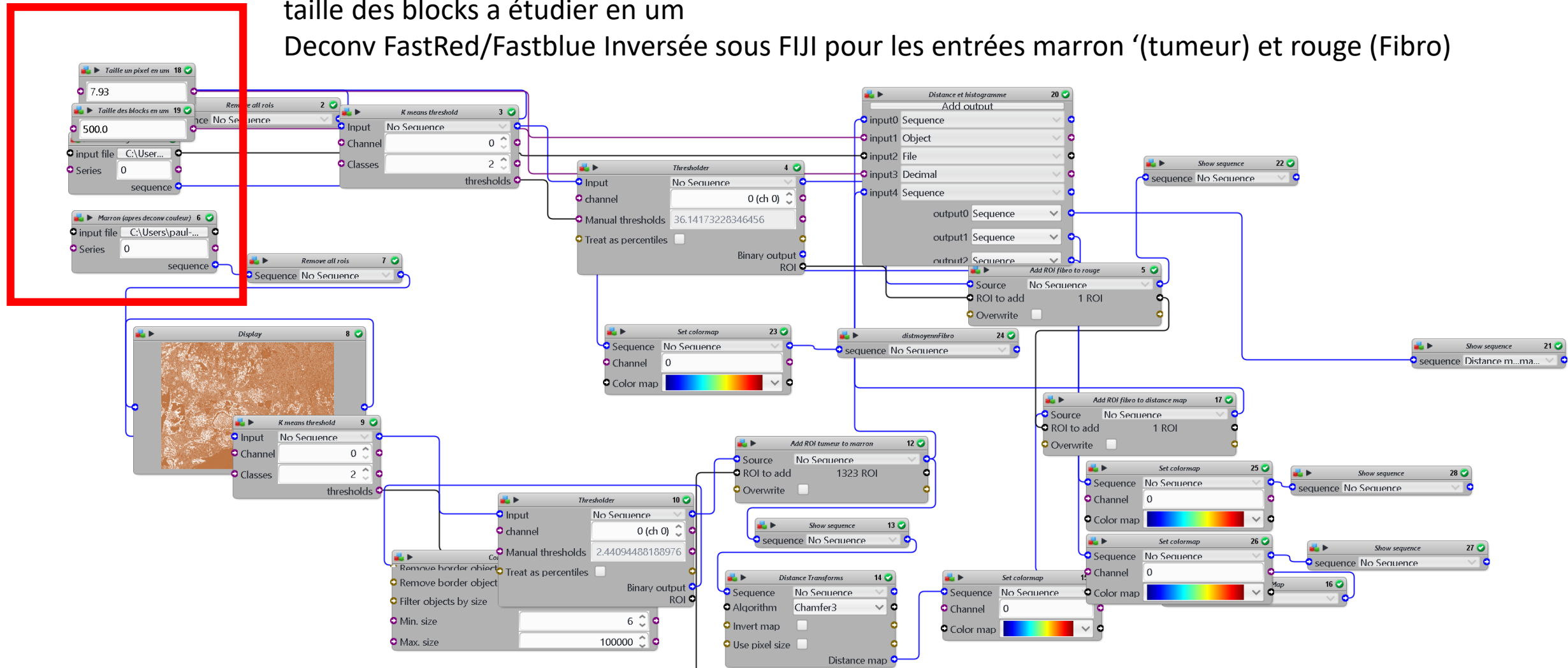
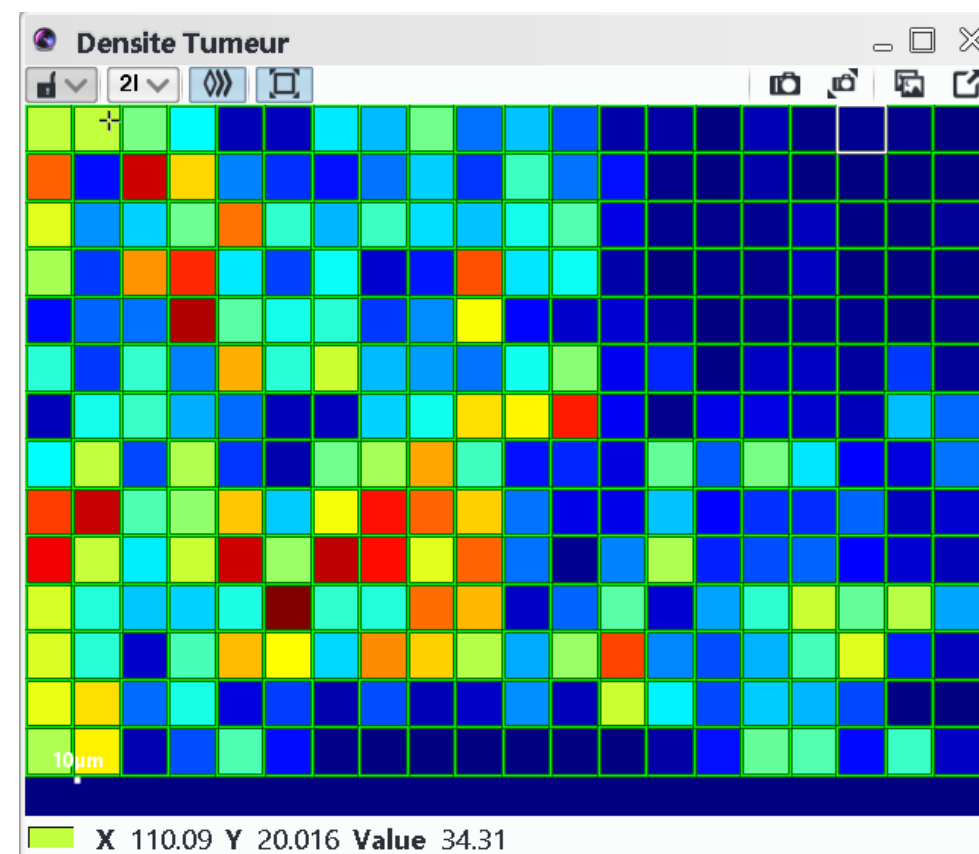
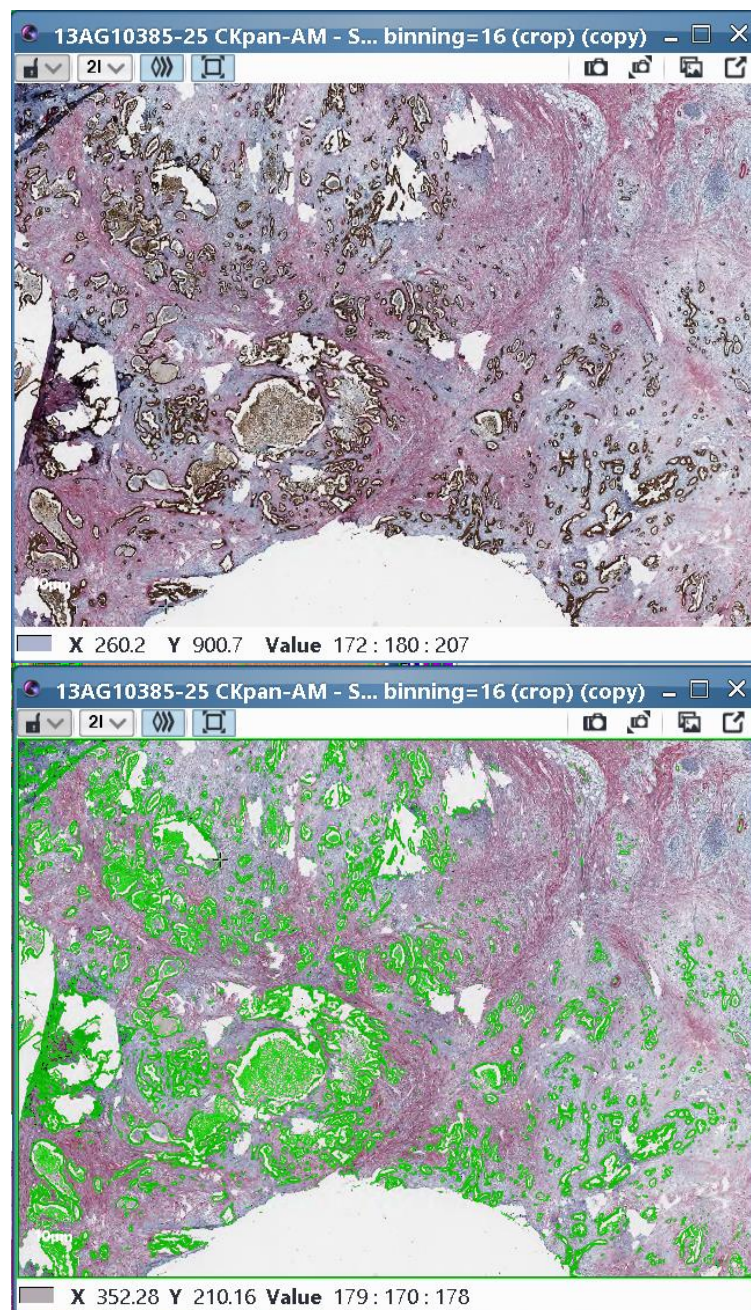


Deconv FastRed/Fastblue Inversée sous FIJI pour les entrées marron '(tumeur) et rouge (Fibro)



Segmentation Tumeur

Carte Densité Tumeur= nb pixel tumeur dans
patch/taille du patch

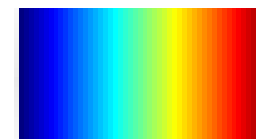
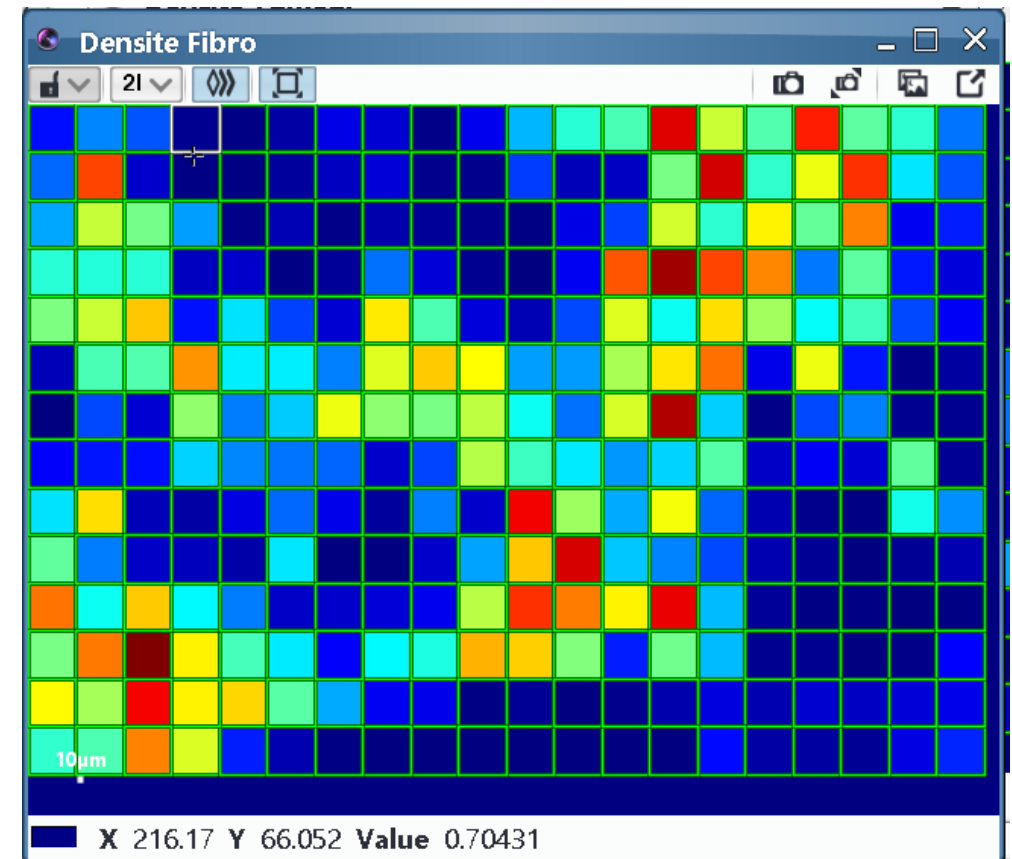
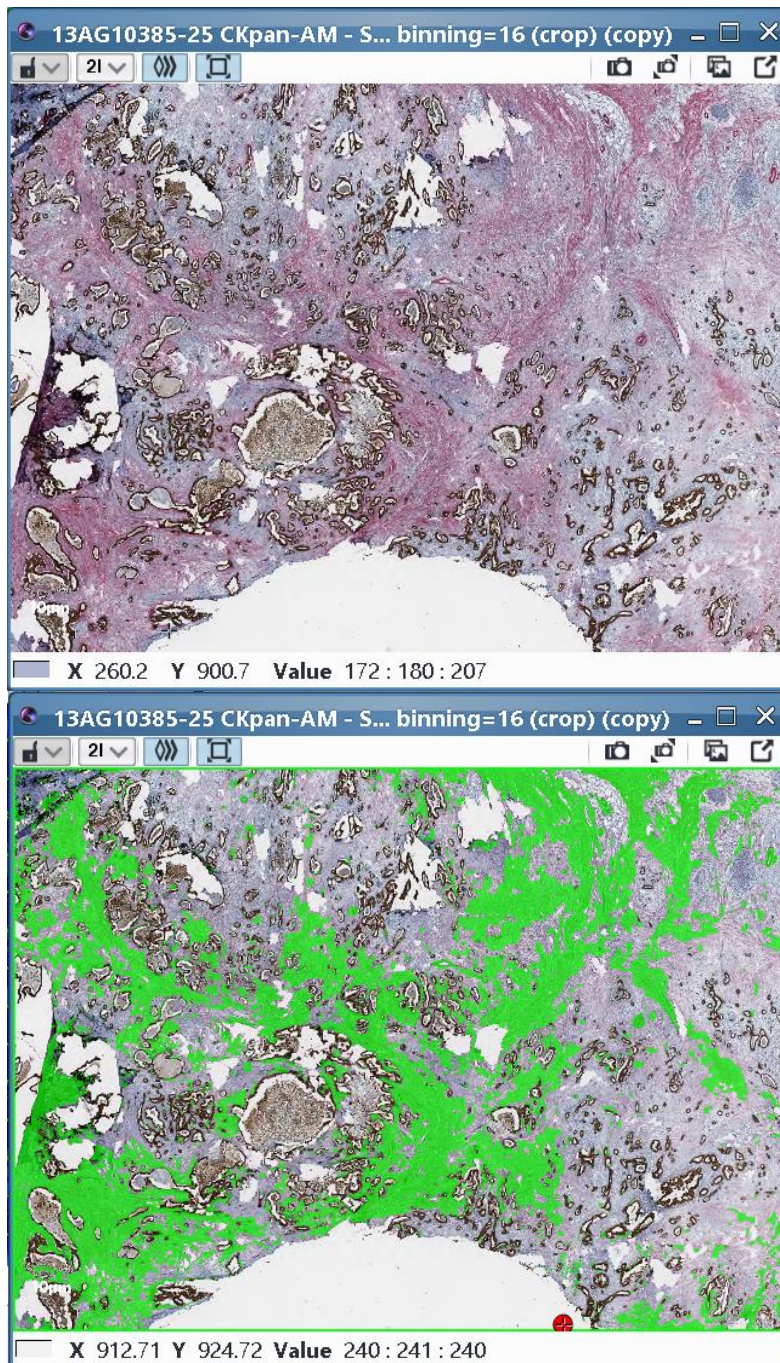


min

max

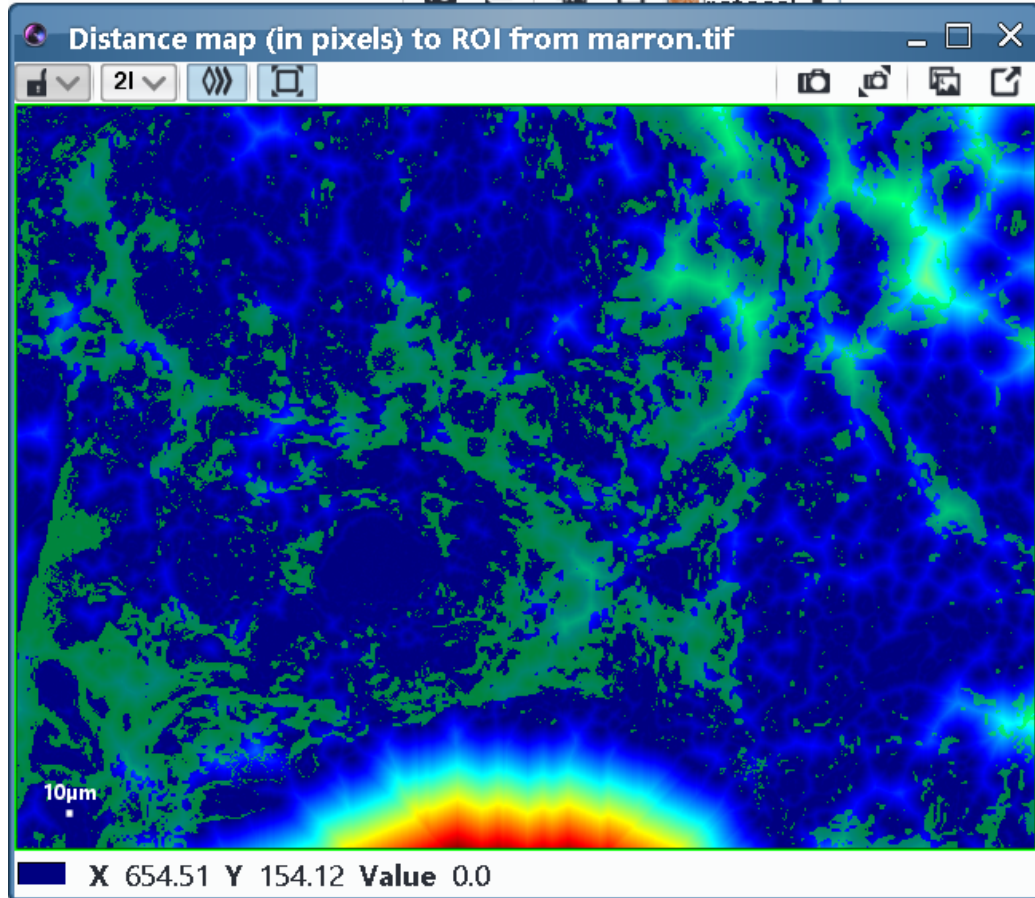
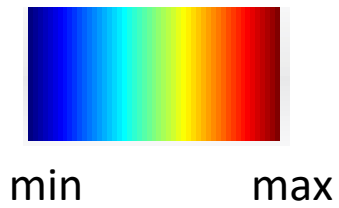
Segmentation Fibro

Carte Densité Fibro = nb pixel fibro dans patch/taille du patch

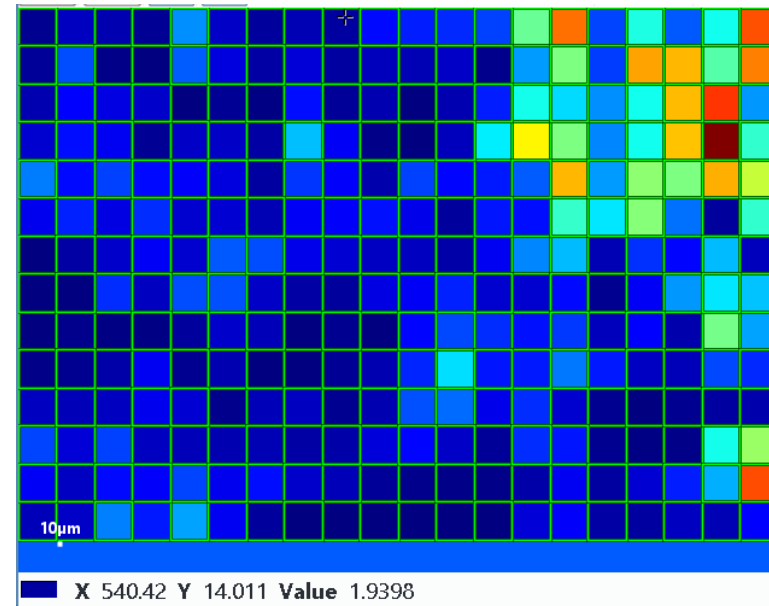


min

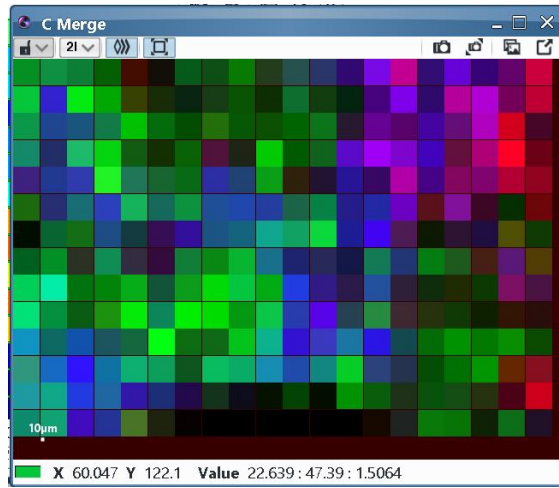
max



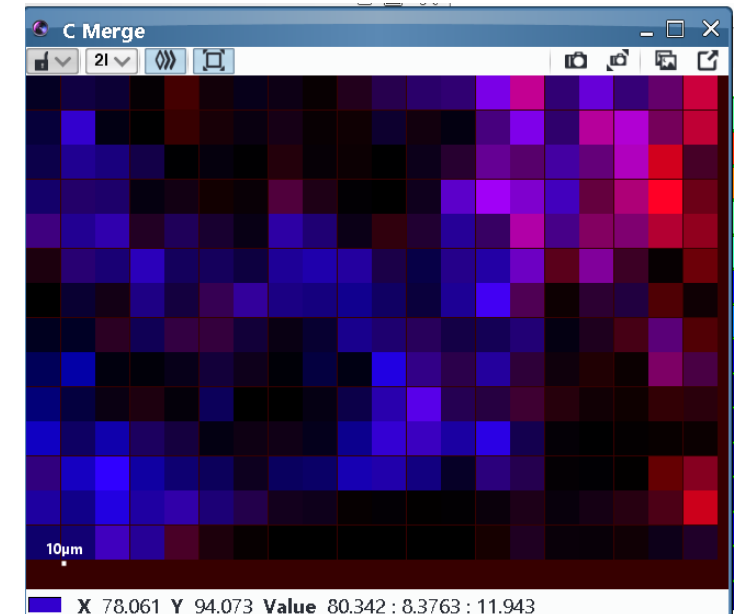
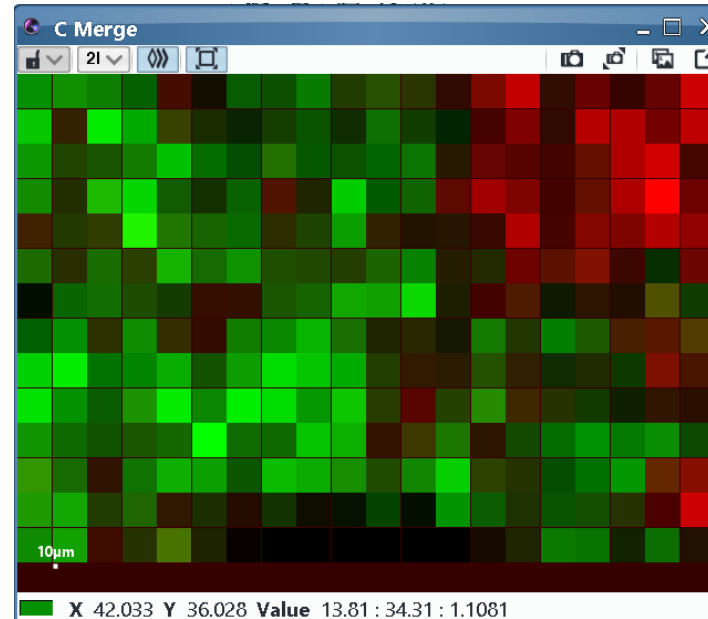
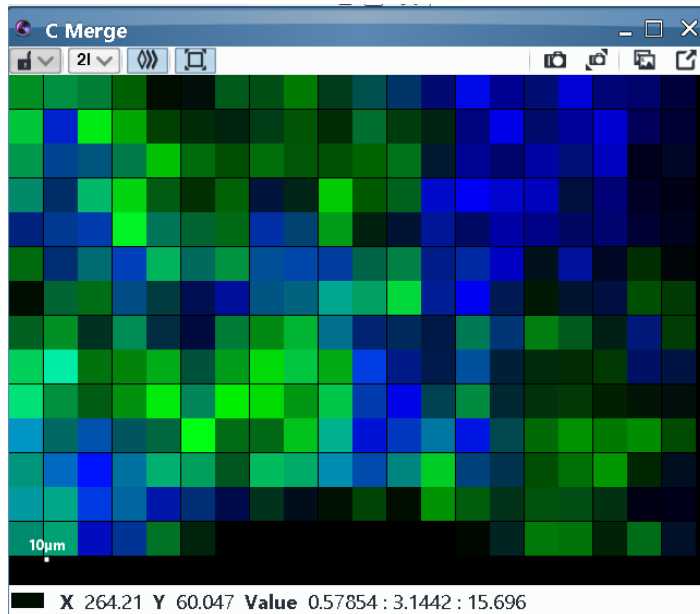
- Distance map aux tumeurs avec superposition des zones fibro (bleu plus proche, rouge plus loin)
- Sur cette image, il semble effectivement y avoir une correlationn entre la distance aux tumeurs et la présence de fibro (suit les zones bleu plus claires, donc plus distantes de tumeurs)



Carte des distances moyennes dans les zones fibro



- Merge de carte des **distances moyennes de fibro à tumeur (représentée en Rouge)**, **carte densité tumeur (représentée en vert)** et **carte densité fibro en bleu** (pour des patch de 500 micrometres)
- Anticorrelation distance des fibro et densité tumeurs: normal par définition.
- Anticorrelation entre fibro et tumeur



rouge.tif_results.xls

FICHIER ACCUEIL INSERTION MISE EN PAGE FORMULES DONNÉES RÉVISION AFFICHAGE

Coller

Police

Alignement

A1 ROI

	A	B	C	D	E	F	G	H	I
1	ROI	Bin Centra	Normalized	Count					
2	0	0	13,24585	38802					
3	0	2,585859	0	0					
4	0	5,171717	0	0					
5	0	7,757576	5,520982	16173					
6	0	10,34343	2,2172	6495					
7	0	12,92929	0	0					
8	0	15,51515	2,957974	8665					
9	0	18,10101	2,574956	7543					
10	0	20,68687	0	0					
11	0	23,27273	3,471736	10170					
12	0	25,85859	1,711631	5014					
13	0	28,44444	0	0					
14	0	31,0303	3,434868	10062					
15	0	33,61616	1,014211	2971					
16	0	36,20202	1,140518	3341					
17	0	38,78788	2,567788	7522					
18	0	41,37374	1,281504	3754					
19	0	43,9596	1,780246	5215					
20	0	46,54545	1,953321	5722					
21	0	49,13131	0,871177	2552					
22	0	51,71717	1,879244	5505					
23	0	54,30303	1,667594	4885					
24	0	56,88889	1,21562	3561					
25	0	59,47475	1,288252	4067					

resultat resultatFibroOnly

Fichier de sortie

ROI (0 = l'ensemble de l'image)

Puis par paxth (comme numéroté)

Valeur centrale de la classe

(distance en pixel)

Normalized count= pourcentage de
pixel à cette distance

Count = valeur absolue de pixel à
cette distance

Feuille 1: dans l'ensemble du block
ou de l'image

Feuille 2: uniquement les pixels
colorés fibroblastes

**BUT: Comparer statistiquement les
histogrammes.**