

Martin Mareš, Tomáš Valla

Druhé
vydání

Průvodce labyrintem algoritmů



PRŮVODCE LABYRINTEM ALGORITMŮ

Martin Mareš, Tomáš Valla

Vydavatel:

CZ.NIC, z. s. p. o.

Milešovská 5, 130 00 Praha 3

Edice CZ.NIC

www.nic.cz

2. vydání, Praha 2022.

Zapracována errata 2025-03-18.

Kniha vyšla jako 28. publikace v Edici CZ.NIC.

ISBN 978-80-88168-66-9

© 2017, 2022 Martin Mareš, Tomáš Valla

Toto autorské dílo podléhá licenci Creative Commons BY-ND 4.0

(<http://creativecommons.org/licenses/by-nd/4.0/>).

Dílo však může být překládáno a následně šířeno v písemné či elektronické formě, na území kteréhokoliv státu, za předpokladu, že nedojde ke změně díla a i nadále zůstane zachováno označení autora a prvního vydavatele díla, sdružení CZ.NIC, z. s. p. o. Překlad může být šířen pod licencí CC BY-ND 4.0.

ISBN 978-80-88168-66-9

— Martin Mareš, Tomáš Valla

Průvodce labyrintem algoritmů

— Edice CZ.NIC

Předmluva vydavatele

Vážení čtenáři,

dostává se vám do rukou druhé, rozšířené vydání knihy Průvodce labyrintem algoritmů. Již samotný fakt, že vzniklo druhé vydání, ukazuje, že kniha je „živá“, nachází si své nové čtenáře, kteří poskytují hodnotnou zpětnou vazbu autorům. To je dáno i faktem, že se kniha stala svým způsobem učebnicí pro související předmět, kteří oba autoři přednášejí.

Jako vydavatele nás těší, že za pět let od svého vzniku se tato kniha stala třetí nejprodávanější knihou z naší edice CZ.NIC, čítající již přes dvacet titulů. Počet stažení elektronické verze této knihy přesahující 20 000 ukazuje, že i v on-line prostoru je o knihu zájem.

Jak již zmínil kolega Ondřej Filip v předmluvě k prvnímu vydání, znalost efektivních algoritmů a datových struktur je bezpochyby jedním z klíčových znaků skutečného programátora. V této oblasti osobně neznám povolanější autoritu, než je náš společný spolužák Martin Mareš. Společně s Tomášem Vallou vytvořili ideální autorskou dvojici, umožňující zkombinovat zkušenosti z jejich přednášek hned na dvou vysokých školách.

Přeji druhému vydání minimálně stejně úspěšnou cestu k vám, jeho čtenářům, jako mělo vydání první.

Jaromír Talíř, CZ.NIC

Praha, 15. srpna 2022

— Předmluva vydavatele

Předmluva autorů

Předmluva autorů

Každý, kdo se pokusí napsat složitější počítačový program, brzy zjistí, že více než na detailech konkrétního programovacího jazyka záleží na tom, jak řešení komplikované úlohy vyjádřit pomocí řady elementárních kroků srozumitelných počítači.

Tomuto vyjádření se obvykle říká *algoritmus* a právě tím, jak algoritmy navrhovat a analyzovat, se bude zabývat celá tato kniha. Napsali jsme ji pro každého, kdo už umí trochu programovat v jakémkoliv jazyce a chtěl by se naučit algoritmicky myslet. Hodit se může jak studentovi informatiky, tak zkušenému programátorovi z praxe.

Kniha vychází z mnoha let našich přednášek: Martinových na Matematicko-fyzikální fakultě Univerzity Karlovy a Tomášových na Fakultě informačních technologií Českého vysokého učení technického. Kniha pokrývá obsah obou přednášek, ale často se snaží vám čtenářům ukázat i něco navíc – naznačit, jak rozvíjováný příběh pokračuje.

Jelikož se k analýze algoritmů obvykle používají matematické prostředky, předpokládáme, že čtenáři jsou zběhlí ve středoškolské matematice (logaritmy, exponenciály, jednoduchá kombinatorika) a základech vysokoškolské (jednoduchá lineární algebra a matematická analýza, teorie grafů). Většinou se snažíme vystačit si s co nejjednodušším aparátem, případně čtenáře odkázat na vhodný zdroj, ze kterého se lze aparát doučit. Upozorňujeme, že oproti středoškolským zvyklostem považujeme nulu za přirozené číslo a místo desetinné čárky píšeme tečku.

Algoritmy nezapisujeme v žádném konkrétním programovacím jazyce, nýbrž v takzvaném *pseudokódu* – abstraktním zápisu, který je přijemně srozumitelný člověku, ale také se dá s minimem úsilí převést do libovolného programovacího jazyka. Na začátku knihy píšeme pseudokódy velmi detailně, později se stávají abstraktnějšími, protože čtenář už dávno pochopil základní obraty a nemá smysl je znovu podrobně rozepisovat.

Nedílnou součástí výkladu jsou cvičení v závěru většiny oddílů. Ponoukají čtenáře k tomu, aby nad myšlenkami z daného oddílu uvažoval a pokusil se je použít k řešení dalších úloh. Pokud si nebudete vědět rady, u některých cvičení najdete odkaz [N číslo] na návod v zadní části knihy. Občas je na konci kapitoly ještě jeden oddíl s dalšími úlohami na procvičení látky z celé kapitoly.

Některá cvičení a oddíly knihy jsou označeny jednou nebo dvěma hvězdičkami. To znamená, že se v nich nachází pokročilejší a často také o něco obtížnější materiál. Při prvním čtení je doporučujeme přeskakovat, později si je užijete mnohem více. Mimo jiné proto, že se v nich mohou hodit znalosti z následujících kapitol.

Na konci knihy najeznete rejstřík, který také obsahuje přehled používaného matematického značení. Jednopísmenné značky jsou zařazeny pod příslušnými písmeny, ostatní symboly na začátku rejstříku.

Dodejme ještě, že do každé odborné knihy se přes všechnu snahu autorů vloudí pár chyb. Pokud na nějakou narazíte, dejte nám prosím vědět na adresu pruvodce@ucw.cz, at ji můžeme v příštím vydání opravit. Seznam všech nalezených chyb budeme udržovat na webové stránce <http://pruvodce.ucw.cz/>. Tamtéž najdete elektronickou verzi celé knihy.

O druhém vydání

Rádi jsme po pěti letech od prvního vydání využili příležitost knihu „oprášit“ a aktualizovat. Přibyly především datové struktury pro práci s řetězci (suffixová pole a stromy), heuristiky pro hledání cest (algoritmus A* a potenciálové redukce) a randomizované vyhledávací stromy. Na konec knihy jsme doplnili úvod do teorie grafů pro čtenáře, kteří se s grafy dosud nepotkali.

Kromě toho jsme na mnoha místech výklad zjednodušili na základě připomínek od našich studentů i kolegů využívajících knihu při výuce. Děkujeme za ně! Také přibylo mnoho dalších cvičení a nápověd.

Druhé vydání zachovává číslování kapitol a oddílů, všechny nové oddíly jsou přidány na konec příslušné kapitoly. Naopak čísla cvičení zachována nebyla – preferovali jsme udržet související cvičení u sebe.

Doporučená literatura

Rádi bychom zmínili několik knih, jež nás při přednášení a psaní inspirovaly, a doporučili je všem čtenářům, kteří by se rádi o algoritmech dozvěděli více. Mnohá téma zmíněná v naší knize pokrývá monumentální dílo *Introduction to Algorithms* [2] od Cormena a spol. Učebnice *Algorithms* [3] od Dasgupta a spol. je méně encyklopédická, ale daleko bližší našemu způsobu uvažování – je psaná neformálně, a přitom přesně. Podobně kniha *Algorithm Design* [6] od Jona Kleinberga a Évy Tardos, která se výrazně více věnuje randomizovaným algoritmům a partiím na pomezí teorie složitosti. Zajímavé implementační triky se lze naučit z knihy *Competitive Programmer's Handbook* [7] od Antti Laaksonena.

Českých knih o algoritmech existuje pomalu. Pomineme-li překlady, jsou první a donedávna i poslední učebnicí algoritmizace *Algoritmy a programovací techniky* [11] od Töpfera. Oproti naší knize se daleko více věnují programátorskému řemeslu a výklad algoritmů ilustruje detailní implementací v Pascalu.

Kdo se chce věnovat řešení algoritmických úloh, najde rozsáhlý archiv na webových stránkách <http://ksp.mff.cuni.cz/> Korespondenčního semináře z programování MFF UK a <http://mo.mff.cuni.cz/> Matematické olympiády kategorie P. Dalším zajímavým zdrojem úloh je Skienův *The Algorithm Design Manual* [10].

Partie kombinatoriky a teorie grafů používané při analýze algoritmů pokrývají vynikající Kapitoly z diskrétní matematiky [9] od Matouška a Nešetřila. Aplikacemi grafů v infor-

matice se zabývá také kniha Jiřího Demela [4]. Pokročilejší kombinatorice a asymptotické analýze se věnuje Concrete Mathematics [5] od Grahama, Knutha a Patashnika.

Poděkování

Rádi bychom poděkovali kolegům, kteří si obětavě přečetli mnoho pracovních verzí knihy a přispěli svými radami, připomínkami, opravami a cvičeními. Díky patří Tomáši Galenčiakové, Janu Hricovi, Radku Huškovi, Martinu Kouteckému, Vladanu Majerechovi, Jiřímu Matouškovi, Janu Musílkovi, Ondřeji Suchém a Pavlu Töpferovi.

Uvažovat, přednášet a psát o algoritmech nás naučila především léta organizování Korepondenčního semináře z programování a semináře Introduction to problem solving. Z úloh KSP také pochází část našich cvičení. Za inspiraci děkujeme všem minulým i současným organizátörům KSP a IPS, zejména pak Meggy Machové, Zdeňku Dvořákovi, Ondrovi Hlavatému, Karry Hořenovské, Danovi Královi, Jirkovi Kalvodovi, Vaškovi Končickému, Martinu Krulišovi, Marii Matějkové, Michalu Pokornému, Jirkovi Setničkovi, Milanu Strakovi, Jirkovi Škrobánkovi, Vaškovi Šraierovi, Filipu Štědronskému, Michalu Vanerovi a Pavlu Veselému.

Díky patří též studentům, kteří pořizovali zápisu z našich prvních přednášek, sloužící jako inspirace k této knize. Byli to: Kateřina Böhmová, Lucia Banáková, Rudolf Barczi, Peter Bašista, Jakub Břečka, Roman Cinkais, Ján Černý, Michal Demín, Jiří Fajfr, Martin Franců, František Haško, Lukáš Hermann, Ondřej Hoferek, Tomáš Hubík, Josef Chludil, Martin Chytíl, Jindřich Ivánek, Karel Jakubec, Petr Jankovský, František Kačmarík, Kamil Kaščák, Matej Klaučo, Pavel Klavík, Tereza Klimošová, Vojtěch Kolomičenko, Michal Kozák, Karel Král, Radoslav Krivák, Vincent Kríž, Vladimír Kudelas, Jiří Kunčar, Martin Kupec, Jiří Machálek, Luboš Magic, Bohdan Maslowski, Štěpán Masojídek, Jakub Melka, Jozef Menda, Petr Musil, Jan Návrat, Gábor Ocsovszky, Martin Petr, Oto Petřík, Martin Polák, Markéta Popelová, Daniel Remiš, Dušan Renát, Pavol Rohár, Miroslav Řezáč, Luděk Slinták, Michal Staša, Pavel Taufer, Ondřej Tichý, Radek Tupec, Vojtěch Tůma, Barbora Urbancová, Michal Vachna, Karel Vandas, Radim Vansa, Jan Volec a Jan Záloha.

Za mapu části Vinoře na obrázku 5.2 a automapu z oddílu 6.5 vděčíme projektu Openstreetmap. Pro vykreslení jsme použili experimentální mapový renderer Leo.

V neposlední řadě děkujeme našim rodinám, které se smířily s tím, že tátové tráví večery a noci nad knihou. A také Katedře aplikované matematiky MFF UK a Katedře teoretické informatiky FIT ČVUT za příjemné a velmi inspirující pracovní prostředí.

Přejeme vám příjemné čtení

Martin Mareš
Tomáš Valla

— Předmluva autorů

Obsah

Předmluva vydavatele	7
Předmluva autorů	11
Obsah	17
1 Příklady na úvod	23
1.1 Úsek s největším součtem	23
1.2 Binární vyhledávání	26
1.3 Euklidův algoritmus	29
1.4 Fibonacciho čísla a rychlé umocňování	33
2 Časová a prostorová složitost	39
2.1 Jak fungují počítače uvnitř	39
2.2 Rychlosť konkrétního výpočtu	42
2.3 Složitost algoritmu	46
2.4 Asymptotická notace	50
2.5 Výpočetní model RAM	52
3 Třídění	61
3.1 Základní třídicí algoritmy	61
3.2 Třídění sléváním	64
3.3 Dolní odhad složitosti třídění	68
3.4 Příhrádkové třídění	72
3.5 Přehled třídicích algoritmů	78
4 Datové struktury	81
4.1 Rozhraní datových struktur	81
4.2 Haldy	84
4.3 Písmenkové stromy	91
4.4 Prefixové součty	94
4.5 Intervalové stromy	98
5 Základní grafové algoritmy	107
5.1 Několik grafů úvodem	107
5.2 Prohledávání do šířky	110
5.3 Reprezentace grafů	112
5.4 Komponenty souvislosti	115
5.5 Vrstvy a vzdálenosti	116
5.6 Prohledávání do hloubky	119
5.7 Mosty a artikulace	123
5.8 Acyklické orientované grafy	127

— Obsah

5.9* Silná souvislost a její komponenty	130
5.10* Silná souvislost podruhé: Tarjanův algoritmus	134
5.11 Další cvičení	137
6 Nejkratší cesty	143
6.1 Ohodnocené grafy a vzdálenost	143
6.2 Dijkstrův algoritmus	146
6.3 Relaxační algoritmy	149
6.4 Matice vzdáleností a Floydův-Warshallův algoritmus	154
6.5* Heuristiky a potenciálová redukce	156
6.6 Další cvičení	163
7 Minimální kostry	167
7.1 Od městečka ke kostře	167
7.2 Jarníkův algoritmus a řezy	168
7.3 Borůvkův algoritmus	173
7.4 Kruskalův algoritmus a Union-Find	174
7.5* Kompresce cest	179
7.6 Další cvičení	182
8 Vyhledávací stromy	185
8.1 Binární vyhledávací stromy	185
8.2 Hloubkové vyvážení: AVL stromy	191
8.3 Více klíčů ve vrcholech: (a,b)-stromy	198
8.4* Červeno-černé stromy	206
8.5 Další cvičení	215
9 Amortizace	219
9.1 Nafukovací pole	219
9.2 Binární počítadlo	222
9.3 Potenciálová metoda	224
9.4 Líné vyvažování stromů	228
9.5* Splay stromy	230
10 Rozděl a panuj	243
10.1 Hanojské věže	243
10.2 Třídění sléváním – Mergesort	245
10.3 Násobení čísel – Karacubův algoritmus	248
10.4 Kuchařková věta o složitosti rekurzivních algoritmů	253
10.5 Násobení matic – Strassenův algoritmus	255
10.6 Hledání k-tého nejmenšího prvku – Quickselect	257

10.7 Ještě jednou třídění – Quicksort	259
10.8 k-tý nejmenší prvek v lineárním čase	262
10.9 Další cvičení	265
11 Randomizace	269
11.1 Pravděpodobnostní algoritmy	269
11.2 Náhodný výběr pivota	272
11.3 Hešování s přihrádkami	276
11.4 Hešování s otevřenou adresací	278
11.5* Univerzální hešování	281
11.6 Treapy a náhodné vyhledávací stromy	289
12 Dynamické programování	299
12.1 Fibonacciho čísla podruhé	299
12.2 Vybrané podposloupnosti	302
12.3 Editační vzdálenost	306
12.4 Optimální vyhledávací stromy	310
13 Textové algoritmy	319
13.1 Řetězce a abecedy	319
13.2 Knuthův-Morrisův-Prattův algoritmus	320
13.3 Více řetězců najednou: algoritmus Aho-Corasicková	324
13.4 Rabinův-Karpův algoritmus	330
13.5* Suffixová pole	332
13.6* Konstrukce suffixového pole	336
13.7* Suffixové stromy	342
13.8 Další cvičení	346
14 Toky v sítích	351
14.1 Definice toku	351
14.2 Fordův-Fulkersonův algoritmus	353
14.3 Největší párování v bipartitních grafech	359
14.4 Dinicův algoritmus	361
14.5 Goldbergův algoritmus	368
14.6* Vylepšení Goldbergova algoritmu	374
14.7 Další cvičení	377
15 Paralelní algoritmy	381
15.1 Hradlové sítě	381
15.2 Sčítání a násobení binárních čísel	386
15.3 Třídicí sítě	392

16 Geometrické algoritmy	401
16.1 Konvexní obal	401
16.2 Průsečíky úseček	406
16.3 Voroného diagramy	409
16.4 Lokalizace bodu	414
16.5* Rychlejší algoritmus na konvexní obal	418
16.6 Další cvičení	419
17 Fourierova transformace	423
17.1 Polynomy a jejich násobení	423
17.2 Intermezzo o komplexních číslech	427
17.3 Rychlá Fourierova transformace	430
17.4* Spektrální rozklad	433
17.5* Další varianty FFT	438
18 Pokročilé haldy	443
18.1 Binomiální haldy	443
18.2 Operace s binomiální haldou	447
18.3 Líná binomiální halda	451
18.4 Fibonacciho haldy	455
19 Těžké problémy	465
19.1 Problémy a převody	465
19.2 Příklady převodů	468
19.3 NP-úplné problémy	476
19.4* Důkaz Cookovy věty	482
19.5 Co si počít s těžkým problémem	485
19.6 Aproximační algoritmy	489
A Základy teorie grafů	497
A.1 Základní pojmy a vlastnosti	497
A.2 Orientované grafy a multigrafy	502
A.3 Stromy	504
A.4 Míra souvislosti grafů	506
A.5 Rovinné grafy	508
Návod k cvičením	513
Rejstřík	521
Literatura	537

1 Příklady na úvod

1 Příklady na úvod

Tématem této knihy má být návrh a analýza algoritmů. Měli bychom tedy nejdříve říci, co to algoritmus je. Formální definice je překvapivě obtížná. Nejspíš se shodneme na tom, že je to nějaký formální postup, jak něco provést, a že by měl být tak podrobný, aby byl srozumitelný i počítači. Jenže detaily už vůbec nejsou tak zřejmé. Proto s pořádným zavedením pojmu ještě kapitolu počkáme a zatím se podíváme na několik konkrétních příkladů algoritmů.

1.1 Úsek s největším součtem

Náš první příklad se bude týkat posloupností. Máme zadanou nějakou posloupnost celých čísel x_1, \dots, x_n a chceme v ní nalézt *úsek* (tím myslíme souvislou podposloupnost), jehož součet je největší možný. Takovému úseku budeme říkat *nejbohatší*. Jako výstup nám postačí hodnota součtu, nebude nutné ohlásit přesnou polohu úseku.

Nejprve si rozmyslíme triviální případy: Kdyby všechna zadaná čísla byla kladná, měla by evidentně maximální součet celá vstupní posloupnost. Pokud by naopak byla všechna x_i záporná, nejbohatší by byl prázdný úsek, který má nulový součet; všechny ostatní úseky totiž mají součet záporný.

Obecný případ bude komplikovanější: například v posloupnosti

$$1, -2, 4, 5, -1, -5, 2, 7$$

najdeme dva úseky kladných čísel se součtem 9 (totiž 4, 5 a 2, 7), ale dokonce se hodí spojit je přes záporná čísla $-1, -5$ do jediného úseku se součtem 12. Naopak hodnotu -2 se použít nevyplácí, jelikož přes ní je dosažitelná pouze počáteční jednička, takže bychom si o 1 pohoršili.

Nejpřímočařejší možný algoritmus by téměř doslově kopíroval zadání: Vyzkoušel by všechny možnosti, kde může úsek začínat a končit, pro každou z nich by spočítal součet prvků v úseku a pak našel z těchto součtů maximum.

Algoritmus MAXSOUČET1

Vstup: Posloupnost $X = x_1, \dots, x_n$ uložená v poli

1. $m \leftarrow 0$ \triangleleft zatím jsme potkali jen prázdný úsek
2. Pro $i = 1, \dots, n$ opakujeme: \triangleleft i je začátek úseku
3. Pro $j = i, \dots, n$ opakujeme: \triangleleft j je konec úseku
4. $s \leftarrow 0$ \triangleleft součet úseku

5. Pro $k = i, \dots, j$ opakujeme:
 6. $s \leftarrow s + x_k$
 7. $m \leftarrow \max(m, s)$

Výstup: Součet m nejbohatšího úseku v X

Pojďme alespoň zhruba odhadnout, jak rychlý tento postup je. Prozkoumáme řádově n^2 dvojic (*začátek, konec*) a pro každou z nich strávíme řádově n kroků počítáním součtu. To dohromady dává řádově n^3 kroků, což už pro $n = 1\,000$ budou miliardy. Zkusme příjít na rychlejší způsob.

Podívejme se, čím náš první algoritmus tráví nejvíce času. Jistě počítáním součtů. Například sčítá jak úsek x_i, \dots, x_j , tak x_i, \dots, x_{j+1} , aniž by využil toho, že druhý součet je prostě o x_{j+1} vyšší než ten první. Nabízí se zvolit pevný začátek úseku i a pak zkoušet všechny možné konce j od nejlevějšího k nejpravějšímu. Každý další součet pak dovedeme triviálně spočítat z předchozího. Pro jedno i tedy provedeme řádově n kroků, celkově pak řádově n^2 .

Algoritmus MAXSOUČET2

Vstup: Posloupnost $X = x_1, \dots, x_n$ uložená v poli

1. $m \leftarrow 0$ \triangleleft zatím jsme potkali jen prázdný úsek
 2. Pro $i = 1, \dots, n$ opakujeme: \triangleleft i je začátek úseku
 3. $s \leftarrow 0$ \triangleleft součet úseku
 4. Pro $j = i, \dots, n$ opakujeme: \triangleleft j je konec úseku
 5. $s \leftarrow s + x_j$
 6. $m \leftarrow \max(m, s)$

Výstup: Součet m nejbohatšího úseku v X

Myšlenka průběžného přepočítávání se ale dá využít i lépe, totiž na celou úlohu. Uvažujme, jak se změní výsledek, když ke vstupu x_1, \dots, x_n přidáme ještě x_{n+1} . Všechny úseky původního vstupu zůstanou zachovány a navíc vzniknou nové úseky tvaru x_i, \dots, x_{n+1} . Chceme tedy ověřit, zda součet některého z nových *koncových* úseků nepřekročil dosavadní maximum.

Stačí s maximem porovnat součet nejbohatšího z koncových úseků. Ten také neumíme najít v konstantním čase, ale pojďme tutéž myšlenku použít ještě jednou. Jak se změní koncové úseky po přidání x_n ? Všem stávajícím koncovým úsekům stoupne součet o x_n a navíc vznikne nový koncový úsek obsahující samotné x_n . Maximální součet je proto roven buď předchozímu maximálnímu součtu plus x_n , nebo samotnému x_n – podle toho, co je větší.

Označíme-li si tedy k maximální součet koncového úseku, přidáním nového prvku se tato hodnota změní na $\max(k + x_n, x_n) = x_n + \max(k, 0)$. Jinými slovy: počítáme průběžné součty, ale pokud součet klesne pod nulu, tak ho vynulujeme. Hledaný maximální součet m je pak maximem ze všech průběžných součtů. Tímto principem se řídí náš třetí algoritmus:

Algoritmus MAXSOUČET3

Vstup: Posloupnost $X = x_1, \dots, x_n$ uložená v poli

1. $m \leftarrow 0$ \triangleleft prázdný úsek je tu vždy
2. $k \leftarrow 0$ \triangleleft maximální součet koncového úseku
3. Pro i od 1 do n opakujeme:
 4. $k \leftarrow \max(k, 0) + x_i$
 5. $m \leftarrow \max(m, k)$

Výstup: Součet m nejbohatšího úseku v X

V každém průchodu cyklem potřebujeme na přepočítání proměnných k a m pouze konstantně mnoho operací. Celkem jich tedy algoritmus provede řádově n , tedy lineárně s velikostí vstupu. Hodnoty ze vstupu navíc potřebuje jen jednou, takže je může číst postupně a vystačí si tudíž s konstantním množstvím paměti.

Dodejme ještě, že úvaha typu „jak se změní výstup, když na konec vstupu přidáme další prvek?“ je poměrně častá. Vysloužila si proto zvláštní jméno, algoritmům tohoto druhu se říká *inkrementální*. Ještě se s nimi několikrát potkáme.

Cvičení

1. Upravte algoritmus MAXSOUČET3, aby oznamil nejen maximální součet, ale také polohu příslušného úseku.
2. Na vstupu je text složený z písmen české abecedy a mezer. Vymyslete algoritmus, který najde nejdelší úsek textu, v němž se žádné písmeno neopakuje.
3. Najděte v českém textu nejkratší úsek, který obsahuje všechna písmena abecedy. Malá a velká písmena nerozlišujte.
- 4.* Úsek posloupnosti je *k-hladký* (pro $k \geq 0$), pokud se každé dva jeho prvky liší nejvýše o k . Popište co nejfektivnější algoritmus pro hledání nejdelšího *k-hladkého* úseku.
5. Jak spočítat kombinaciční číslo $\binom{n}{k}$? Výpočtu přímo podle definice brání potenciálně obrovské mezivýsledky (až $n!$), které se nevejdou do celočíselné proměnné. Navrhnete algoritmus, který si vystačí s čísly omezenými n -násobkem výsledku. [N95]

1.2 Binární vyhledávání

Jak se hledá slovo ve slovníku? Jistě můžeme slovníkem listovat stránku po stránce a pečlivě zkoumat slovo po slovu. Jsme-li dostatečně trpěliví, hledané slovo nakonec najdeme, nebo slovník skončí a můžeme si být jistí, že slovo neobsahoval.

Listování slovníkem může být dobrá zábava na dlouhé zimní večery (nebo spíš na celou polární noc), ale obvykle hledáme jinak: otevřeme slovník někde uprostřed, podíváme se, jak blízko jsme k hledanému slovu, a na základě toho nadále aplikujeme stejný postup buďto v levé, anebo pravé části rozvěřeného slovníku.

Nyní se tento postup pokusíme popsat precizně. Získáme tak algoritmus, kterému se říká *binární vyhledávání* nebo také *hledání půlením intervalu*. Na vstupu dostaneme nějakou uspořádanou posloupnost $x_1 \leq x_2 \leq \dots \leq x_n$ a hledaný prvek y .

Postupujeme takto: pamatujeme si interval x_ℓ, \dots, x_r , ve kterém se prvek může nacházet. Na počátku je $\ell = 1$ a $r = n$. V každém kroku vybereme prvek ležící uprostřed (nebo přibližně uprostřed, pokud je prvků sudý počet). Ten bude sloužit jako mezník oddělující levou polovinu od pravé. Pokud se mezník rovná hledanému y , můžeme hned úspěšně skončit. Pokud je menší než y , znamená to, že y se může nacházet jen napravo od něj – všechny prvky nalevo jsou menší než mezník, tím pádem i menší než y . A pokud je naopak mezník větší než y , víme, že y se může nacházet pouze v levé polovině.

Postupně tedy interval $[\ell, r]$ zmenšujeme na polovinu, čtvrtinu, atd., až se dostaneme do stavu, kdy prohledávaný úsek pole má velikost jednoho prvku, nebo je dokonce prázdný. Pak už se snadno přesvědčíme, zda jsme hledaný prvek našli.

V pseudokódu náš algoritmus vypadá následovně.

Algoritmus BINSEARCH (hledání půlením intervalu)

Vstup: Uspořádaná posloupnost $x_1 \leq \dots \leq x_n$, hledaný prvek y

1. $\ell \leftarrow 1, r \leftarrow n$ ▷ x_ℓ, \dots, x_r tvorí prohledávaný úsek pole
2. Dokud je $\ell \leq r$:
 3. $s \leftarrow \lfloor (\ell + r) / 2 \rfloor$ ▷ střed prohledávaného úseku
 4. Pokud je $y = x_s$: vrátíme s a skončíme.
 5. Pokud je $y > x_s$:
 6. $\ell \leftarrow s + 1$ ▷ přesouváme se napravo
 7. Jinak:
 8. $r \leftarrow s - 1$ ▷ přesouváme se nalevo
 9. Vrátíme 0. ▷ nenašli jsme

Výstup: Index hledaného prvku, případně 0, pokud prvek v poli není

Pokusme se poctivě dokázat, že algoritmus funguje. Především nahlédneme, že výpočet se vždy zastaví: v každém průchodu cyklem zmenšíme prohledávaný úsek alespoň o 1. Korektnost pak plyne z toho, že kdykoliv oblast zmenšíme, odstraníme z ní jen prvky, které jsou zaručeně různé od y . Jakmile tedy algoritmus skončí, buďto jsme y našli, nebo jsme naopak vyloučili všechny možnosti, kde by mohlo být.

Nyní ukážeme, že binární vyhledávání je mnohem rychlejší než probrání všech prvků.

Věta: Při hledání v posloupnosti délky n provede algoritmus BINSEARCH nejvýše $\log_2 n$ průchodů cyklem.

Důkaz: Stačí nahlédnout, že v každém průchodu cyklem se velikost prohledávaného úseku zmenší alespoň dvakrát. Proto po k průchodech úsek obsahuje nejvýše $n/2^k$ prvků, takže pro $k > \log_2 n$ je úsek nutně prázdný. \square

Na závěr dodejme, že prvky naší posloupnosti vůbec nemusí být čísla: stačí, aby to byly libovolné objekty, které jsme schopni mezi sebou porovnávat. Třeba slova ve slovníku. V oddílu 3.3 navíc dokážeme, že logaritmický počet porovnání je nejlepší možný.

Dvojice se zadáným součtem

Podívejme se ještě na jeden příbuzný problém. Opět dostaneme na vstupu nějakou uspořádanou posloupnost $x_1 \leq x_2 \leq \dots \leq x_n$ a číslo s . Tentokrát ovšem nehledáme jeden prvek, nýbrž dva (ne nutně různé), jejichž součet je s .

Řešení „hrubou silou“ by zkoušelo sečist všechny dvojice $x_i + x_j$, ale těch je řádově n^2 . Pokud ovšem zvolíme nějaké x_i , víme, že x_j musí být rovno $s - x_i$. Můžeme tedy vyzkoušet všechna x_i a pokaždé půlením intervalu hledat $s - x_i$. Každé vyhledávání spotřebuje řádově $\log_2 n$ kroků, celkově jich tedy bude řádově $n \cdot \log_2 n$.

To je mnohem lepší, ale ještě ne optimální. Představme si, že k x_1 hledáme $s - x_1$. Tentokrát ale nebudem hledat binárně, nýbrž překně prvek po prvku od konce pole. Dokud jsou prvky větší, přeskakujeme je. Jakmile narazíme na prvek menší, víme, že už se můžeme zastavit, protože dál už budou jen samé menší.

Pozici, kde jsme skončili, si zapamatujeme. Máme tedy nějaké j takové, že $x_j < s - x_1 < x_{j+1}$. (Pokud protestujete, že x_{j+1} může ležet mimo posloupnost, představte si za koncem posloupnosti ještě $+\infty$.)

Nyní přejdeme na x_2 a hledáme $s - x_2$. Jelikož $x_2 \geq x_1$, musí být $s - x_2 \leq s - x_1$. Všechna čísla, která byla větší než $s - x_1$ jsou tedy také větší než $s - x_2$, takže v nich nemá smysl hledat znova. Proto můžeme pokračovat od zapamatované pozice j dále doleva. Pak si zase zapamatujeme, kde jsme skončili, což se bude hodit pro x_3 , a tak dále.

Existuje hezčí způsob, jak formulovat totéž. Říká se mu *metoda dvou jezdců*. Máme dva indexy: levý a pravý. Levý index i popisuje, které x_i zrovna zkoušíme jako první člen dvojice: začíná na pozici 1 a pohybuje se doprava. Pravý index j ukazuje na místo, kde jsme se zastavili při hledání $s - x_i$: začíná na pozici n a postupuje doleva.

Kdykoliv je $x_j > s - x_i$, posuneme j doleva (pokračujeme v hledání $s - x_i$). Je-li naopak $x_j < s - x_i$, posuneme i doprava ($s - x_i$ se v posloupnosti určitě nenachází, zkoušíme další x_i). Takto pokračujeme, dokud buďto neobjevíme hledanou dvojici, nebo se jezdci nesetkají – tehdy dvojice zaručeně neexistuje.

Algoritmus DVOJICESESOUČTEM

Vstup: Uspořádaná posloupnost $x_1 \leq \dots \leq x_n$, hledaný součet s

1. $i \leftarrow 1, j \leftarrow n$
2. Dokud $i \leq j$:
 3. Je-li $x_i + x_j = s$:
 4. Vráťme jako výsledek dvojici (i, j) .
 5. Jinak je-li $x_i + x_j < s$: \triangleleft totéž jako $x_i < s - x_j$
 6. $i \leftarrow i + 1$
 7. Jinak:
 8. $j \leftarrow j - 1$
 9. Ohlásíme neúspěch.

Výstup: Indexy i a j , pro něž je $x_i + x_j = s$, nebo neúspěch

Snadno nahlédneme, že cyklus proběhne nejvýše n -krát. Vzdálenost jezdců $j - i$ se totiž při každém průchodu cyklem sníží o 1. Po maximálně n krocích se proto jezdci potkají.

Překonali jsme tedy rychlosť opakování binárního vyhledávání. Povedlo se nám to díky tomu, že mezi hledanými prvky existoval nějaký vztah: konkrétně každý prvek byl menší nebo roven předchozímu.

Cvičení

1. Rozmyslete si, jak se bude chovat algoritmus binárního vyhledávání, pokud se bude hledaný prvek v posloupnosti nacházet vícekrát. Algoritmus upravte, aby vždy vracel první výskyt hledaného prvku (ne jen libovolný).
2. Upravte binární vyhledávání, aby v případě, kdy hledaný prvek v posloupnosti není, nahlásilo nejbližší větší prvek.
- 3.* *Nekonečné vyhledávání:* Popište algoritmus, který v nekonečné posloupnosti $x_1 < x_2 < \dots$ najde pozici i takovou, že $x_i \leq y < x_{i+1}$. Počet kroků hledání by neměl přesáhnout řádově $\log_2 i$.

4. *Lokální minimum:* Je dána posloupnost $+\infty = x_0, x_1, \dots, x_n, x_{n+1} = +\infty$. O prvku x_i řekneme, že je lokálním minimem, pokud $x_{i-1} \geq x_i \leq x_{i+1}$. Navrhněte co nejrychlejší algoritmus, který nějaké lokální minimum najde.
5. *Součet úseku:* Je dána posloupnost x_1, \dots, x_n kladných čísel a číslo s . Hledáme i a j taková, že $x_i + \dots + x_j = s$. Navrhněte co nejefektivnější algoritmus. [N65]
- 6.* Jak se změní úloha z předchozího cvičení, pokud povolíme i záporná čísla?
7. *Implicitní vstup:* Posloupnost, v níž binárně hledáme, nemusí být nutně celá uložená v paměti. Stačí, když se tak dokážeme dostatečně přesvědčivě tvářit: kdykoliv se algoritmus zeptá na hodnotu nějakého prvku, rychle ho vyrobíme. Zkuste tímto způsobem spočítat *celočíselnou odmocninu* z čísla x . To je největší y takové, že $y^2 \leq x$.
8. *První díra:* Na vstupu jsme dostali rostoucí posloupnost přirozených čísel. Chceme najít nejmenší přirozené číslo, které v ní chybí. Vymyslete, jak k tomu přesvědčit binární vyhledávání.
- 9.* Opět hledáme nejmenší chybějící číslo, ale tentokrát na vstupu dostaneme neusporeádanou posloupnost navzájem různých přirozených čísel. Posloupnost nesmíme měnit a kromě ní máme k dispozici jenom konstantně mnoho paměti. [N12]
10. *Monotónní predikáty:* Na předchozích několik cvičení se můžeme dívat trochu obecněji. Mějme nějakou vlastnost φ , kterou všechna přirozená čísla od 0 do nějaké hranice k mají a žádná větší nemají. Popište, jak binárním vyhledáváním zjistit, kde se nachází tato hranice.
11. *Rovnoměrná data:* Mějme pole délky n . Na každé pozici se může vyskytovat libovolné celé číslo z rozsahu 1 až k . Čísla vybíráme rovnoměrně náhodně (všechny hodnoty mají stejnou pravděpodobnost). Následně pole setřídíme a budeme v něm chtít vyhledávat. Zkuste upravit binární vyhledávání, aby pro tyto vstupy fungovalo v průměru rychleji. [N91]
- 12.* Kolik porovnání provede algoritmus z předchozího cvičení v průměru?
- 13.* Může se stát, že výše uvedený algoritmus nedostane pěkná data. Můžeme mu nějak pomoci, aby nebyl ani v takovém případě o mnoho horší než binární vyhledávání? [N38]

1.3 Euklidův algoritmus

Pro další příklad se vypravíme do starověké Alexandrie. Tam žil ve 3. století před naším letopočtem filosof Euklides (Εὐκλείδης) a stvořil jeden z nejstarších algoritmů.⁽¹⁾ Ten slouží k výpočtu největšího společného dělitele a používá se dodnes.

Značení: Největšího společného dělitele celých kladných čísel x a y budeme značit $\gcd(x, y)$ podle anglického Greatest Common Divisor.

Nejprve si všimneme několika zajímavých vlastností funkce \gcd .

Lemma G: Pro všechna celá kladná čísla x a y platí:

1. $\gcd(x, x) = x$,
2. $\gcd(x, y) = \gcd(y, x)$,
3. $\gcd(x, y) = \gcd(x - y, y)$ pro $x > y$.

Důkaz: První dvě vlastnosti jsou zřejmé z definice. Třetí dokážeme v silnější podobě: ukážeme, že dvojice (x, y) a $(x - y, y)$ sdílejí množinu všech společných dělitelů, tedy i největšího z nich.

Pokud nějaké d je společným dělitelem čísel x a y , musí platit $x = dx'$ a $y = dy'$ pro vhodné x' a y' . Nyní stačí rozepsat $x - y = dx' - dy' = d(x' - y')$ a hned je jasné, že d dělí i $x - y$. Naopak pokud d dělí jak $x - y$, tak y , musí existovat čísla t' a y' taková, že $x - y = dt'$ a $y = dy'$. Zapíšeme tedy x jako $(x - y) + y$, což je rovno $dt' + dy' = d(t' + y')$, a to je dělitelné d . \square

Díky lemmatu můžeme \gcd počítat tak, že opakováně odečítáme menší číslo od většího. Jakmile se obě čísla vyrovnanají, jsou rovna největšímu společnému děliteli. Algoritmus nyní zapíšeme v pseudokódu.

Algoritmus Odčítací EUKLIDES

Vstup: Celá kladná čísla x a y

1. $a \leftarrow x, b \leftarrow y$
2. Dokud $a \neq b$, opakujeme:
 3. Pokud $a > b$:
 4. $a \leftarrow a - b$
 5. Jinak:

⁽¹⁾ Tehdy se tomu ovšem tak neříkalo. Pojem *algoritmu* je novodobý, byl zaveden až začátkem 20. století při studiu „mechanické“ řešitelnosti matematických úloh. Název je poctou perskému matematikovi al-Chorézmímu, jenž žil cca 1100 let po Euklidovi a v pozdějších překladech jeho díla mu jméno polatinštili na Algoritmi.

6. $b \leftarrow b - a$

Výstup: Největší společný dělitel $a = \gcd(x, y)$

Nyní bychom měli dokázat, že algoritmus funguje. Důkaz rozdělíme na dvě části:

Lemma Z: Algoritmus se vždy zastaví.

Důkaz: Sledujme, jak se vyvíjí součet $a + b$. Na počátku výpočtu je roven $x + y$, každým průchodem cyklem se sníží alespoň o 1. Přitom zůstává stále nezáporný, takže průchodu nastane nejvýše $x + y$. \square

Lemma S: Pokud se algoritmus zastaví, vydá správný výsledek.

Důkaz: Dokážeme následující *invariant*, neboli tvrzení, které platí po celou dobu výpočtu:

Invariant: $\gcd(a, b) = \gcd(x, y)$.

Důkaz: Obvyklý způsob důkazu invariantů je indukce podle počtu kroků výpočtu. Na počátku je $a = x$ a $b = y$, takže invariant jistě platí. V každém průchodu cyklem se pak díky vlastnostem 2 a 3 z lemmatu **G** platnost invariantu zachovává. \square

Z invariantu plyne, že na konci výpočtu je $\gcd(a, a) = \gcd(x, y)$. Zároveň díky vlastnosti 1 z lemmatu **G** platí $\gcd(a, a) = a$. \square

Víme tedy, že algoritmus je funkční. To bohužel neznamená, že je použitelný: například pro $x = 1\,000\,000$ a $y = 2$ vytváře odčítá y od x , až po 499 999 krocích vítězoslavně ohláší, že největší společný dělitel je roven 2.

Stačí si ale všimnout, že opakováním odčítání b od a dostaneme zbytek po dělení čísla a číslem b . Jen si musíme dát pozor, že pro a dělitelné b se zastavíme až na nule. To odpovídá tomu, že algoritmus provede ještě jedno odečtení navíc, takže skončí, až když se jedno z čísel vynuluje. Nahrazením odčítání za dělení se zbytkem získáme následující algoritmus. Když se v současnosti hovoří o Euklidově algoritmu, obvykle se myslí tento.

Algoritmus EUKLIDES

Vstup: Celá kladná čísla x a y

1. $a \leftarrow x, b \leftarrow y$
2. Opakujeme:
 3. Pokud $a < b$, prohodíme a s b .
 4. Pokud $b = 0$, vyskočíme z cyklu.
 5. $a \leftarrow a \bmod b$

\triangleleft zbytek po dělení

Výstup: Největší společný dělitel $a = \gcd(x, y)$

Správnost je zřejmá: výpočet nového algoritmu odpovídá výpočtu algoritmu předchozího, jen občas provedeme několik původních kroků najednou. Zajímavé ovšem je, že na první pohled nenápadnou úpravou jsme algoritmus podstatně zrychlili:

Lemma R: Euklidův algoritmus provede nejvýše $\log_2 x + \log_2 y + 1$ průchodů cyklem.

Důkaz: Vývoj výpočtu budeme sledovat prostřednictvím součinu ab :

Tvrzení: Součin ab po každém průchodu cyklem klesne alespoň dvakrát.

Důkaz: Kroky 3 a 4 součin ab nemění. Ve zbývajícím kroku 5 platí $a \geq b$ a b se evidentně nezmění. Ukážeme, že a klesne alespoň dvakrát, takže ab také. Rozebereme dva případy:

- $b \leq a/2$. Tehdy platí $a \bmod b < b \leq a/2$.
- $b > a/2$. Pak je $a \bmod b = a - b < a - (a/2) = a/2$. □

Na počátku výpočtu je $ab = xy$ a díky právě dokázanému tvrzení po k průchodech cyklem musí platit $ab \leq xy/2^k$. Kromě posledního neúplného průchodu cyklem ovšem ab nikdy neklesne pod 1, takže k může být nejvýše $\log_2 xy = \log_2 x + \log_2 y$. □

Shrnutím všeho, co jsme o algoritmu zjistili, získáme následující větu:

Věta: Euklidův algoritmus vypočte největšího společného dělitele čísel x a y . Provede přitom nejvýše $c \cdot (\log_2 x + \log_2 y + 1)$ aritmetických operací, kde c je konstanta.

Cvičení

1. Největšího společného dělitele bychom také mohli počítat pomocí prvočíselného rozkladu čísel x a y . Rozmyslete si, jak by se to dělalo a proč je to pro velká čísla velmi nepraktické.
2. V kroku 3 algoritmu EUKLIDES není potřeba porovnávat. Nahlédněte, že pokud bychom a s b prohodili pokaždé, vyjde také správný výsledek, jen nás to bude v nejhůřím případě stát o jeden průchod cyklem navíc.
3. Dokažte, že počet průchodů cyklem je nejvýše $2 \log_2 \min(x, y) + 2$.
4. Pro každé x a y existují celá čísla α a β taková, že $\gcd(x, y) = \alpha x + \beta y$. Těmto číslům se říká *Bézoutovy koeficienty*. Upravte Euklidův algoritmus, aby je vypočetl.
5. Pomocí předchozího cvičení můžeme řešit *lineární kongruence*. Pro daná a a n chceme najít x , aby platilo $ax \bmod n = 1$. To znamená, že ax a 1 se liší o násobek n , tedy $ax + ny = 1$ pro nějaké y . Pokud je $\gcd(a, n) = 1$, pak x a y jsou Bézoutovy koeficienty, které to dosvědčí. Je-li $\gcd(a, n) \neq 1$, nemůže mít rovnice řešení, protože levá strana

je vždy dělitelná tímto gcd, zatímco pravá nikoliv. Jak najít řešení obecnější rovnice $ax \bmod n = b$?

6. Nabízí se otázka, není-li logaritmický odhad počtu operací z naší věty příliš velkorysý. Abyste na ni odpověděli, najděte funkci f , která roste nejvýše exponenciálně a při výpočtu $\gcd(f(n), f(n+1))$ nastane právě n průchodů cyklem. [N70]
7. Binární algoritmus na výpočet gcd funguje takto: Pokud x i y jsou sudá, pak $\gcd(x, y) = 2 \gcd(x/2, y/2)$. Je-li x sudé a y liché, pak $\gcd(x, y) = \gcd(x/2, y)$. Jsou-li obě lichá, odečteme menší od většího. Zastavíme se, až bude $x = y$. Dokažte, že tento algoritmus funguje a že provede nejvýše $c \cdot (\log_2 x + \log_2 y)$ kroků pro vhodnou konstantu c .
- 8.* Mějme permutaci π na množině $\{1, \dots, n\}$. Definujme její mocninu následovně: $\pi^0(x) = x$, $\pi^{i+1}(x) = \pi(\pi^i(x))$. Najděte nejmenší $k > 0$ takové, že $\pi^k = \pi^0$. [N42]

1.4 Fibonacciho čísla a rychlé umocňování

Dovolíme si ještě jednu historickou exkurzi, tentokrát do Pisy, kde na začátku 13. století žil jistý Leonardo řečený Fibonacci.⁽²⁾ Příštím generacím zanechal zejména svou posloupnost.

Definice: Fibonacciho posloupnost F_0, F_1, F_2, \dots je definována následovně:

$$F_0 = 0, \quad F_1 = 1, \quad F_{n+2} = F_{n+1} + F_n.$$

Příklad: Prvních 11 Fibonacciho čísel zní 0, 1, 1, 2, 3, 5, 8, 13, 21, 34, 55.

Pokud chceme spočítat F_n , můžeme samozřejmě vyjít z definice a postupně sestrojit prvních n členů posloupnosti. To nicméně vyžaduje řádově n operací, takže se nabízí otázka, zda to lze rychleji. V moudrých knihách nalezneme následující větu:

Věta (kouzelná formule): Pro každé $n \geq 0$ platí:

$$F_n = \frac{1}{\sqrt{5}} \cdot \left(\left(\frac{1 + \sqrt{5}}{2} \right)^n - \left(\frac{1 - \sqrt{5}}{2} \right)^n \right).$$

Důkaz: Laskavý, nicméně trpělivý čtenář jej provede indukcí podle n . Jak na kouzelnou formuli přijít, naznačíme v cvičení 3. □

Dobrá, ale jak nám formule pomůže, když pro výpočet n -té mocniny potřebujeme $n - 1$ násobení? Inu nepotřebujeme, následující algoritmus to zvládne rychleji:

⁽²⁾ Což je zkratka z „filius Bonacci“, tedy „syn Bonacciho“.

Algoritmus MOCNINA

Vstup: Reálné číslo x , celé kladné n

1. Pokud $n = 0$, vrátíme výsledek 1.
2. $t \leftarrow \text{MOCNINA}(x, \lfloor n/2 \rfloor)$
3. Pokud n je sudé, vrátíme $t \cdot t$.
4. Jinak vrátíme $t \cdot t \cdot x$.

Výstup: x^n

Lemma: Algoritmus MOCNINA vypočte x^n pomocí nejvýše $2 \log_2 n + 2$ násobení.

Důkaz: Správnost je evidentní z toho, že $x^{2k} = (x^k)^2$ a $x^{2k+1} = x^{2k} \cdot x$. Co se počtu operací týče: Každé rekurzivní volání redukuje n alespoň dvakrát, takže po nejvýše $\log_2 n$ voláních musíme dostat jedničku a po jednom dalším nulu. Hloubka rekurze je tedy $\log_2 n + 1$ a na každě úrovni rekurze spotřebujeme nejvýše 2 násobení. \square

To dává elegantní algoritmus pro výpočet F_n pomocí řádově $\log_2 n$ operací. Jen je bohužel pro praktické počítání nepoužitelný: Zlatý řez $(1 + \sqrt{5})/2 \doteq 1.618\,034$ je iracionální a pro vysoké hodnoty n bychom ho potřebovali znát velice přesně. To neumíme dostatečně rychle. Zkusíme to tedy menší oklikou.

Po Fibonacciho posloupnosti budeme posouvat okénkem, skrz které budou vidět právě dvě čísla. Pokud zrovna vidíme čísla F_n, F_{n+1} , v dalším kroku uvidíme $F_{n+1}, F_{n+2} = F_{n+1} + F_n$. To znamená, že posunutí provede s okénkem nějakou lineární transformaci a každá taková jde zapsat jako násobení maticí. Dostaneme:

$$\begin{pmatrix} 0 & 1 \\ 1 & 1 \end{pmatrix} \cdot \begin{pmatrix} F_n \\ F_{n+1} \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} F_{n+1} \\ F_{n+2} \end{pmatrix}.$$

Levou matici označíme \mathbf{F} a nahlédneme, že násobení okénka n -tou mocninou této matice musí okénko posouvat o n pozic. Tudíž platí:

$$\mathbf{F}^n \cdot \begin{pmatrix} F_0 \\ F_1 \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} F_n \\ F_{n+1} \end{pmatrix}.$$

Nyní stačí využít toho, že násobení matic je asociativní. Proto můžeme n -tou mocninu matice vypočítat obdobou algoritmu MOCNINA a vystačíme si s řádově $\log n$ maticovými násobeními. Jelikož pracujeme s maticemi konstantní velikosti, obnáší každé násobení matic jen konstantní počet operací s čísly. Všechny matice jsou příjemně celočíselné.

Proto platí:

Věta: n -té Fibonacciho číslo lze spočítat pomocí řádově $\log n$ celočíselných aritmetických operací.

Cvičení

1. Naprogramujte funkci MOCNINA nerekurzivně. Může pomoci převést exponent do dvojkové soustavy.
2. Uvažujme obecnou *lineární rekurenci řádu k*: A_0, \dots, A_{k-1} jsou dána pevně, $A_{n+k} = \alpha_1 A_{n+k-1} + \alpha_2 A_{n+k-2} + \dots + \alpha_k A_n$ pro konstanty $\alpha_1, \dots, \alpha_k$. Vymyslete efektivní algoritmus na výpočet A_n , nejlépe pomocí řádově $\log_2 n$ operací.
- 3.* Jak odvordin kouzelnou formuli: Uvažujme množinu všech posloupností, které splňují rekurentní vztah $A_{n+2} = A_{n+1} + A_n$, ale mohou se lišit hodnotami A_0 a A_1 . Tato množina tvoří vektorový prostor, přičemž posloupnosti sčítáme a násobíme skalárem po složkách a roli nulového vektoru hraje posloupnost samých nul. Ukažte, že tento prostor má dimenzi 2 a sestrojte jeho bázi v podobě exponenciálních posloupností tvaru $A_n = \alpha^n$. Fibonacciho posloupnost pak zapište jako lineární kombinaci prvků této báze.
4. Dokažte, že $F_{n+2} \geq \varphi^n$, kde $\varphi = (1 + \sqrt{5})/2 \doteq 1.618\,034$.
- 5.* Algoritmy založené na explicitní formuli pro F_n jsme odmítli, protože potřebovaly počítat s iracionálními čísly. To bylo poněkud ukvapené. Dokažte, že čísla tvaru $a+b\sqrt{5}$, kde $a, b \in \mathbb{Q}$ jsou uzavřená na sčítání, odčítání, násobení i dělení. K výpočtu formule si tedy vystačíme s racionálními čísly, dokonce pouze typu $p/2^q$, kde p a q jsou celá. Odvodte z toho jiný logaritmický algoritmus.
- 6.* *Pro cítitele lineární algebry:* Jelikož matice \mathbf{F} má dvě různá vlastní čísla, můžeme ji diagonalizovat. Platí tedy $\mathbf{F} = \mathbf{S}\Lambda\mathbf{S}^{-1}$ pro nějakou regulární matici \mathbf{S} přechodu mezi bázemi a diagonální matici vlastních čísel Λ . Pak je $\mathbf{F}^n = \mathbf{S}\Lambda^n\mathbf{S}^{-1}$. Odvodte z tohoto vztahu kouzlenou formuli (zlomky s odmocninami jsou vlastní čísla).

2 Časová a prostorová složitost

2 Časová a prostorová složitost

V minulé kapitole jsme zkusili navrhnout algoritmy pro několik jednoduchých úloh. Zjistili jsme přitom, že pro každou úlohu existuje algoritmů více. Všechny fungují, ale jak poznat, který z nich je nejlepší? A co vlastně znamenají pojmy „lepší“ a „horší“? Kritérií kvality může být mnoho. Nás v této knize budou zajímat časové a paměťové nároky programu, tzn. rychlosť výpočtu a velikost potřebné operační paměti počítače.

Jako první srovnávací metoda nás nejspíš napadne srovnávané algoritmy naprogramovat v nějakém programovacím jazyce, spustit je na větší množině testovacích dat a měřit se stopkami v ruce (nebo alespoň s těmi zabudovanými do operačního systému), který z nich je lepší. Takový postup se skutečně v praxi používá, z teoretického hlediska je však nevhodný. Kdybychom chtěli svým kolegům popsat vlastnosti určitého algoritmu, jen steží nám postačí „na mé stroji doběhl do hodiny“. A jak bude fungovat na jiném stroji, s odlišnou architekturou, naprogramovaný v jiném jazyce, pod jiným operačním systémem, pro jinou sadu vstupních dat?

V této kapitole vybudujeme způsob, jak měřit dobu běhu algoritmu a jeho paměťové nároky nezávisle na technických podrobnostech – konkrétním stroji, jazyku, operačním systému. Těmito můram budeme říkat *časová a prostorová složitost* algoritmu.

2.1 Jak fungují počítače uvnitř

Definice pojmu „počítač“ není samozřejmá. V současnosti i v historii bychom jistě našli spoustu strojů, kterým by se tak dalo říkat. Co mají společného? My se přidržíme všeobecně uznávané definice, kterou v roce 1946 vyslovil vynikající matematik John von Neumann.

Von neumannovský počítač se skládá z pěti funkčních jednotek:

- *řídicí jednotka (řadič)* – koordinuje činnost ostatních jednotek a určuje, co mají v kterém okamžiku dělat,
- *aritmeticko-logická jednotka (ALU)* – provádí numerické výpočty, vyhodnocuje podmínky, ... ,
- *operační paměť* – uchovává data a program,
- *vstupní zařízení* – zařízení, odkud se do počítače dostávají data ke zpracování,
- *výstupní zařízení* – do tohoto zařízení zapisuje počítač výsledky své činnosti.

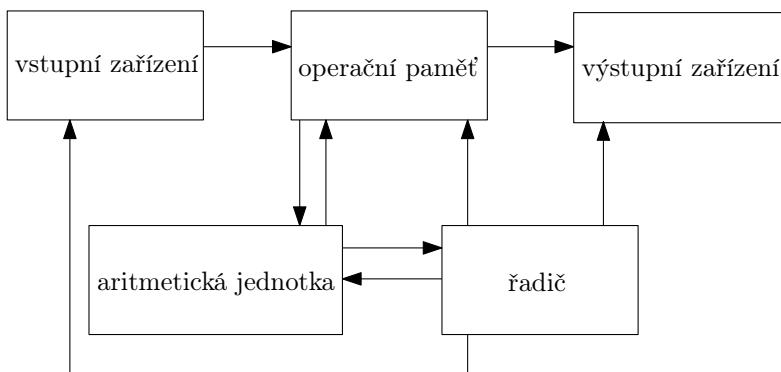
Struktura počítače je nezávislá na zpracovávaných problémech, na řešení problému se musí zvenčí zavést návod na zpracování (program) a musí se uložit do paměti; bez tohoto programu není stroj schopen práce.

— 2.1 Časová a prostorová složitost – Jak fungují počítače uvnitř

Programy, data, mezivýsledky a konečné výsledky se ukládají do téže paměti.⁽¹⁾ Paměť je rozdělená na stejně velké *buňky*, které jsou průběžně očíslované; pomocí čísla buňky (*adresy*) se dá přečíst nebo změnit obsah buňky. V každé buňce je uloženo číslo. Všechna data i instrukce programu kódujeme pomocí čísel. Kódování a dekódování zabezpečují vhodné logické obvody v řídící jednotce.

Po sobě jdoucí instrukce programu se nacházejí v po sobě jdoucích paměťových buňkách. Instrukcemi skoku se dá odklonit od zpracování instrukcí v uloženém pořadí. Existují následující typy instrukcí:

- aritmetické instrukce (sčítání, násobení, ukládání konstant, ...)
- logické instrukce (porovnání, AND, OR, ...)
- instrukce přenosu (z paměti do ALU a opačně, na vstup a výstup)
- podmíněné a nepodmíněné skoky
- ostatní (čekání, zastavení, ...)



Obrázek 2.1: Schéma von Neumannova počítače (po šipkách tečou data a povely)

Přesné specifikaci počítače, tedy způsobu vzájemného propojení jednotek, jejich komunikace a programování, popisu instrukční sady, říkáme *architektura*. Nezabíhaje do detailů fungování běžných osobních počítačů, čili popisu jejich architektury. V každém z nich se však jednotky chovají tak, jak popsal von Neumann. Z našeho hlediska bude nejdůležitější podívat se co se děje, pokud na počítači vytvoříme a spustíme program.

⁽¹⁾ Tím se liší von Neumannova architektura od architektury zvané *harvardská*, jež program a data důsledně odděluje. Výhodou von Neumannova počítače je kromě jednoduchosti i to, že program může modifikovat sám sebe. Výhodou harvardské pak možnost přistupovat k programu i datům současně.

Algoritmus zapíšeme obvykle ve formě vyššího programovacího jazyka. Zde je příklad v jazyce C.

```
#include <stdio.h>

int main(void)
{
    static char s[] = "Hello world\n";
    int i, n = sizeof(s);
    for (i = 0; i < n; i++)
        putchar(s[i]);
    return 0;
}
```

Aby řídicí jednotka mohla program provést, musíme nejdříve spustit *kompilátor* neboli *překladač*. To je nějaký jiný program, který náš program z jazyka C přeloží do takzvaného *strojového kódu*. Tedy do posloupnosti jednoduchých instrukcí kódovaných pomocí čísel, jimž už počítač přímo rozumí. Na rozdíl od původního příkladu, který na všech počítačích s překladačem jazyka C bude vypadat stejně, strojový kód se bude lišit architekturu od architektury, operační systém od operačního systému, dokonce překladač od překladače.

Ukážeme příklad úseku strojového kódu, který vznikl po překladu našeho příkladu v operačním systému Linux na architektuře AMD64. Tato architektura kromě běžné paměti pracuje ještě s *registry* – těch jsou řádově jednotky, také se do nich ukládají čísla a jsou přístupné rychleji než operační paměť. Můžeme si představit, že jsou uložené uvnitř aritmeticko-logické jednotky.

Aby se lidem jednotlivé instrukce lépe četly, mají přiřazeny své symbolické názvy. Tomuto jazyku symbolických instrukcí se říká *assembler*. Kromě symbolických názvů instrukcí dovoluje assembler ještě pro pohodlí pojmenovat adresy a několik dalších užitečných věcí.

```
MAIN:  pushq  %rbx          # uschověj registr RBX na zásobník
        xorl  %ebx, %ebx      # vynuluj registr EBX
LOOP:   movsbl str(%rbx), %edi # ulož do EDI RBX-tý znak řetězce
        incq  %rbx           # zvyš RBX o 1
        call   putchar        # zavolej funkci putchar z knihovny
        cmpq   $13, %rbx       # už máme v RBX napočítáno 13 znaků?
        jne    LOOP           # pokud ne, skoč na LOOP
        xorl   %eax, %eax       # vynuluj EAX: nastav návratový kód 0
        popq   %rbx           # vrát do RBX obsah ze zásobníku
        ret                  # vrát se z podprogramu
STR:    .string "Hello world\n"
```

— 2.2 Časová a prostorová složitost – Rychlosť konkrétního výpočtu

Každá instrukce je zapsána posloupností několika bytů. Věříme, že čtenář si dokáže představit předchozí kód zapsaný v číslech, a ukázku vynecháme.

Programátor píšící programy v assembleru musí být perfektně seznámen s instrukční sadou procesoru, vlastnostmi architektury, technickými detaily služeb operačního systému a mnoha dalšími věcmi.

2.2 Rychlosť konkrétního výpočtu

Dejme tomu, že chceme změřit dobu běhu našeho příkladu „Hello world“ z předchozího oddílu. Spustíme-li ho na svém počítači několikrát, nejspíš naměříme o něco rozdílné časy. Může za to aktivita ostatních procesů, stav operačního systému, obsahy nejrůznějších vyrovnávacích pamětí a desítky dalších věcí. A to ještě ukázkový program neče žádná vstupní data. Co kdyby se doba jeho běhu odvíjela od nich?

Takový přístup se tedy hodí pouze pro testování kvality konkrétního programu na konkrétním hardwaru a konfiguraci. Nezatracujeme ho, velmi často se používá pro testování programů určených k nasazení v těch nejvypjatějších situacích. Ale naším cílem v této kapitole je vyvinout prostředek na měření doby běhu obecně popsaného algoritmu, bez nutnosti naprogramování v konkrétním programovacím jazyce a architektuře. Zatím předpokládejme, že program dostane nějaký konkrétní vstup.

Zapomeňme odtedy na detaily překladu programu do strojového kódu, zapomeňme dokonc na detaily nějakého konkrétního programovacího jazyka. Algoritmy začneme popisovat *pseudokódem*. To znamená, že nebudeme v programech zabíhat do technických detailů konkrétních jazyků či architektury, nicméně s jejich znalostí bude už potom snadné pseudokód do programovacího jazyka přepsat. Operace budeme popisovat slovně, případně matematickou symbolikou.

Nyní spočítáme celkový počet provedených tzv. *elementárních operací*. Tímto pojmem rozumíme především operace scítání, odčítání, násobení, porovnávání; také základní řídicí konstrukce, jako jsou třeba skoky a podmíněné skoky. Zkrátka to, co normální procesor zvládne jednou nebo nejvýše několika instrukcemi. Elementární operací rozhodně není například přesun paměťového bloku z místa na místo, byť ho zapíšeme jediným příkazem, třeba při práci s textovými řetězci.

Čas vykonání jedné elementární operace prohlásíme za jednotkový a zbavíme se tak jakékoli jednotek ve výsledné době běhu algoritmu. V zásadě je za elementární operace možné zvolit libovolnou rozumnou sadu – doba provádění programu se tak změní nejvýše konstanta-krát, na čemž, jak za chvíli uvidíme, zase tolík nezáleží.

Několik příkladů s hvězdičkami

Než pokročíme dále, zkusme určit počet provedených operací u několika jednoduchých algoritmů. Ty si nejprve na úvod přečtou ze vstupu píšem číslo n a pak vypisují hvězdičky. Úkol si navíc zjednodušíme: místo počítání všech operací budeme počítat jen vyspané hvězdičky. Čtenář nechť zkusí nejdříve u každého algoritmu počet hvězdiček spočítat sám, a teprve potom se podívat na náš výpočet.

Algoritmus HVĚZDIČKY1

Vstup: Číslo n

1. Pro $i = 1, \dots, n$ opakujeme:
2. Pro $j = 1, \dots, n$ opakujeme:
3. Vytiskneme *.

V algoritmu 1 vidíme, že vnější cyklus se provede n -krát, vnořený cyklus pokaždé také n -krát, dohromady tedy n^2 vytiskněných hvězdiček.

Algoritmus HVĚZDIČKY2

Vstup: Číslo n

1. Pro $i = 1, \dots, n$ opakujeme:
2. Pro $j = 1, \dots, i$ opakujeme:
3. Vytiskneme *.

Rozepišme, kolikrát se provede vnitřní cyklus v závislosti na i . Pro $i = 1$ se provede jedenkrát, pro $i = 2$ dvakrát, a tak dále, až pro $i = n$ se provede n -krát. Dohromady se vytiskne $1 + 2 + 3 + \dots + n$ hvězdiček, což například pomocí vzorce na součet aritmetické řady sečteme na $n(n+1)/2$.

Algoritmus HVĚZDIČKY3

Vstup: Číslo n

1. Dokud $n \geq 1$, opakujeme:
2. Vytiskneme *.
3. $n \leftarrow \lfloor n/2 \rfloor$

V každé iteraci cyklu se n sníží na polovinu. Provedeme-li cyklus k -krát, sníží se hodnota n na $\lfloor n/2^k \rfloor$, neboli klesá exponenciálně rychle v závislosti na počtu iterací cyklu. Chceme-li určit počet iterací, vyřešíme rovnici $\lfloor n/2^\ell \rfloor = 1$ pro neznámou ℓ . Výsledkem je tedy zhruba dvojkový logaritmus n .

Algoritmus HVĚZDIČKY4

Vstup: Číslo n

1. Dokud je $n > 0$, opakujeme:
2. Je-li n liché:
3. Pro $i = 1, \dots, n$ opakujeme:
4. Vytiskneme *.
5. $n \leftarrow \lfloor n/2 \rfloor$

Zde se již situace začíná komplikovat. V každé iteraci vnějšího cyklu se n sníží na polovinu a vnořený cyklus se provede pouze tehdy, bylo-li předtím n liché.

To, kolikrát se vnořený cyklus provede, tedy nepůjde úplně snadno vyjádřit pouze z velikosti čísla n . Spočítajme, jak vypadá nejdélší možný průběh algoritmu, kdy test na lichost n pokaždé uspěje. Tehdy se vytiskne $h = n + \lfloor n/2 \rfloor + \lfloor n/2^2 \rfloor + \dots + \lfloor n/2^k \rfloor + \dots + 1$ hvězdiček. Protože není na první pohled vidět, kolik h přepsané do tohoto jednoduchého vzorce vyjde, spokojíme se alespoň s horním odhadem hodnoty h .⁽²⁾

Označme symbolem s počet členů v součtu h . Pak můžeme tento součet upravovat takto:

$$h = \sum_{i=0}^s \left\lfloor \frac{n}{2^i} \right\rfloor \leq \sum_{i=0}^s \frac{n}{2^i} = n \cdot \sum_{i=0}^s \frac{1}{2^i} \leq n \cdot \sum_{i=0}^{\infty} \frac{1}{2^i}.$$

Nejprve jsme využili toho, že $\lfloor x \rfloor \leq x$ pro každé x . Poté jsme vytáhli n a přidali do řady další členy až do nekonečna, čímž součet určitě neklesl.

Jak víme z matematické analýzy, *geometrická řada* $\sum_{i=0}^{\infty} q^i$ pro jakékoliv $q \in (-1, 1)$ konverguje a má součet $1/(1 - q)$. V našem případě je $q = 1/2$, takže součet řady je 2. Dostáváme, že počet vytisknutých hvězdiček nebude vyšší než $2n$.

Protože se v této kapitole snažíme vybudovat míru doby běhu algoritmu a nikoli počtu vytisknutých hvězdiček, ukážeme u našich příkladů, že z počtu vytisknutých hvězdiček vyplývá i řádový počet všech provedených operací. V algoritmu 1 na vytisknutí jedné hvězdičky provedeme maximálně čtyři operace: změnu proměnné j , možná ještě změnu proměnné i a testy, zdali neskončil vnitřní či vnější cyklus. V algoritmech 2 a 3 je to velmi podobně – na vytisknutí jedné hvězdičky potřebujeme maximálně čtyři další operace.

Algoritmus 4 v případě, že všechny testy lichosti uspějí, pro tisk hvězdičky provede změnu proměnné i , maximálně jeden test lichosti, maximálně jednu aritmetickou operaci s n

⁽²⁾ Nenechte se mylit – ač na to nevypadá, *odhad* je naprostě exaktní pojem. V matematice to znamená libovolnou nerovnost, která nějakou neznámou veličinu omezuje shora (horní odhad), nebo zdola (odhad dolní).

a podmíněný skok. Co však je-li někdy v průběhu n sudé? Co když test na lichost uspěje pouze jednou nebo dokonce vůbec? (K rozmyšlení: kdy se to může stát?) Může se tedy přihodit, že se vytiskne jen velmi málo hvězdiček (třeba jedna), a algoritmus přesto vykoná velké množství operací. V tomto algoritmu tedy počet operací s počtem hvězdiček nekoresponduje. Čtenáře odkážeme na cvičení 2, aby zjistil přesně, na čem počet vytiskných hvězdiček závisí.

Který algoritmus je lepší?

Pojďme shrnout počty vykonaných kroků (nebo alespoň jejich horní odhady) našich čtyř algoritmů:

HVĚZDIČKY1	$4n^2$
HVĚZDIČKY2	$4n(n+1)/2 = 2n^2 + 2n$
HVĚZDIČKY3	$4 \log_2 n$
HVĚZDIČKY4	$8n$

Jakmile umíme počet kroků popsat dostatečně jednoduchou matematickou funkcí, můžeme předpovědět, jak se algoritmy budou chovat pro různá n , aniž bychom je skutečně spustili.

Představme si, že n je nějaké gigantické číslo, řekněme v řádu bilionů. Nejprve si všimněme, že algoritmus 3 bude nejrychlejší ze všech – i pro tak obrovské n se vykoná pouze několik málo kroků. Algoritmus 4 vykoná kroků řádově biliony. Zato algoritmy 1 a 2 budou mnohem, mnohem pomalejší.

Další postřeh se bude týkat algoritmů 1 a 2. Pro, řekněme, $n = 10^{10}$ vykoná první algoritmus $4 \cdot 10^{20}$ kroků a druhý algoritmus zhruba $2 \cdot 10^{20}$ kroků. Na první pohled se zdá, že je tedy první dvakrát pomalejší než druhý. Zdání ale klame: různé operace, které jsme považovali za elementární, mohou na skutečném počítací odpovídat různým kombinacím strojových instrukcí. A dokonce i jednotlivé strojové instrukce se mohou lišit v rychlosti.

V naší poněkud abstraktní představě o době výpočtu se takto jemné rozdíly ztrácejí. Algoritmy 1 a 2 prostě neumíme porovnat. Přesto můžeme jednoznačně říci, že oba jsou výrazně pomalejší než algoritmy 3 a 4.

Napříště tedy budeme multiplikativní konstanty v počtech operací velkoryse přehlížet. Beztak jsou strojově závislé a chování algoritmu pro velká n nijak zásadně neovlivňují. Podobně si můžeme všimnout, že ve výrazu $2n^2 + 2n$ je pro velká n člen $2n^2$ obrovský oproti $2n$, takže $2n$ můžeme klidně vynechat.

Doby výpočtu našich ukázkových algoritmů tedy můžeme popsat ještě jednoduššími funkcemi n^2 , n^2 , $\log_2 n$ a n , aniž bychom přišli o cokoliv zásadního.

Cvičení

1. Určete počet vytiskných hvězdiček u algoritmu HvĚZDIČKY3 naprosto přesně, jednoduchým vzorcem.
- 2.* Na čem u algoritmu HvĚZDIČKY4 závisí počet vytiskných hvězdiček? Najděte přesný vzorec, případně co nejtěsnější dolní a horní odhad.

2.3 Složitost algoritmu

Časová složitost

Už jsme se naučili, jak stanovit dobu běhu algoritmu pro konkrétní vstup. Dokonce jsme v příkladech s hvězdičkami uměli dobu běhu vyjádřit jako funkci vstupu. Málodky to půjde tak snadno: vstup bývá mnohem složitější než jedno jediné číslo. Přesto obvykle bude platit, že pro „větší“ vstupy program poběží pomaleji než pro ty „menší“.

Pořídíme si proto nějakou *míru velikosti vstupu* a čas budeme vyjadřovat v závislosti na ní. Pokud program pro různé vstupy též velikosti běží různě dlouho, uvážíme ten nejpomalejší případ – vždy je dobré být připraveni na nejhorší. Tím dostaneme funkci, které se říká *časová složitost* algoritmu.

Zastavme se na chvíli u toho, co si představit pod velikostí vstupu. Pokud je vstupem posloupnost čísel, obvykle za velikost považujeme jejich počet. Podobně za velikost řetězce znaků prohlásíme počet znaků. Tento přístup ale selže třeba pro Euklidův algoritmus z oddílu 1.3 – ten na vstupu pokaždé dostává dvě čísla a běží různě dlouho v závislosti na jejich hodnotách. Tehdy je přirozené považovat za velikost vstupu maximum ze zadaných čísel.

Vyzbrojeni předchozími poznatkami, popíšeme „kuchařku“, jak určit časovou složitost daného algoritmu. Ještě to nebude poctivá matematická definice, tu si necháme na příští oddíl, ale pro téměř všechny algoritmy z této knížky poslouží stejně dobře.

1. Ujasníme si, jak se měří velikost vstupu.
2. Určíme maximální možný počet $f(n)$ elementárních operací algoritmu provedených na vstupu o velikosti n . Pokud neumíme určit počet operací přesně, najdeme alespoň co nejlepší horní odhad.
3. Ve výsledné formuli $f(n)$, která je součtem několika členů, ponecháme pouze nejrychleji rostoucí člen a ty ostatní zanedbáme, tj. vypustíme.
4. Seškrťáme *multiplikativní konstanty* – tedy ty, kterými se zbytek funkce násobí. Ale jen ty! Nikoli ostatní čísla ve vzorci.

Jak bychom podle naší kuchařky postupovali u algoritmu HVĚZDIČKY2? Už jsme spočetli, že se vykoná nejvýše $2n^2 + 2n$ elementárních operací. Škrtneme člen $2n$ a zbude nám $2n^2$. Na závěr škrtneme multiplikativní konstantu 2. Pozor, dvojka v exponentu není multiplikativní konstanta.

Funkci $g(n)$, která zbude, nazveme *asymptotickou* časovou složitostí algoritmu a tento fakt označíme výrokem „algoritmus má časovou složitost $\mathcal{O}(g(n))$ “. Naše ukázkové algoritmy tudíž mají po řadě časovou složitost $\mathcal{O}(n^2)$, $\mathcal{O}(n^2)$, $\mathcal{O}(\log n)$ a $\mathcal{O}(n)$.

Zde necht si čtenář povšimne, že jsme ve výrazu $\mathcal{O}(\log n)$ vynechali základ logaritmu. Jednak je v informatické literatuře zvykem, že log bez uvedení základu je dvojkový (takové jsou nejčastější). Mnohem důležitější ale je, že logaritmy o různých základech se liší pouze konstanta-krát a konstanty přeci zanedbáváme (viz cvičení 3).

Běžné složitostní funkce

Složitosti algoritmů mohou být velmi komplikované funkce. Nejčastěji se však setkáváme s algoritmy, které mají jednu z následujících složitostí. Složitosti $\mathcal{O}(n)$ říkáme *lineární*, $\mathcal{O}(n^2)$ *kvadratická*, $\mathcal{O}(n^3)$ *kubická*, $\mathcal{O}(\log n)$ *logaritmická*, $\mathcal{O}(2^n)$ *exponenciální* a $\mathcal{O}(1)$ *konstantní* (provede se pouze konstantně mnoho kroků).

Jak zásadní roli hraje časová složitost algoritmu, je poznat z následující tabulky růstu funkcí (obrázek 2.2).

Funkce	$n = 10$	$n = 100$	$n = 1000$	$n = 10\,000$
$\log n$	1	2	3	4
n	10	100	1000	10 000
$n \log n$	10	200	3000	40 000
n^2	100	10 000	10^6	10^8
n^3	1000	10^6	10^9	10^{12}
2^n	1024	$\approx 10^{31}$	$\approx 10^{310}$	$\approx 10^{3100}$

Obrázek 2.2: Chování různých funkcí

Zkusme do další tabulky (obrázek 2.3) zaznamenat odhad, jak dlouho by algoritmy s uvedenými časovými složitostmi běžely na současném počítači typu PC. Obvyklé PC (v roce 2022) vykoná okolo 10^9 instrukcí za sekundu. Algoritmus s logaritmickou složitostí doběhne v řádu nanosekund pro jakkoliv velký vstup. I ten s lineární složitostí je ještě příjemně rychlý a můžeme čekat, že bude použitelný i pro opravdu velké vstupy. Zato kubický algoritmus se pro $n = 10\,000$ rádně zadýchá a my se na výsledek načekáme přes čtvrt hodiny.

To ale nic není proti exponenciálnímu algoritmu: pro n rovné postupně 10, 20, 30, 40, 50 poběží cca $1\ \mu s$, 1 ms, 1 s, 18 min a 13 dní. Pro $n = 100$ se už výsledku nedočkáme – až Země zanikne a hvězdy vyhasnou, program bude stále počítat a počítat.

<i>Složitost</i>	$n = 10$	$n = 100$	$n = 1000$	$n = 10\,000$
$\log n$	1 ns	2 ns	3 ns	4 ns
n	10 ns	100 ns	1 μs	10 μs
$n \log n$	10 ns	200 ns	3 μs	40 μs
n^2	100 ns	10 μs	1 ms	0.1 s
n^3	1 μs	1 ms	1 s	16.7 min
2^n	1 μs	10^{24} let	10^{303} let	10^{3093} let

Obrázek 2.3: Přibližné doby běhu programů s různými složitostmi

Znalec trhu s hardwarem by samozřejmě mohl namítnout, že vývoj počítačů jde kupředu tak rychle, že každé dva roky se jejich výkon zdvojnásobí (tomu se říká Mooreův zákon). Jenže algoritmus se složitostí $\mathcal{O}(2^n)$ na dvakrát rychlejším počítači zpracuje ve stejném čase pouze o jedničku větší vstup. Budeme-li trpělivě čekat 20 let, získáme tisíckrát rychlejší počítač, takže zpracujeme o 10 větší vstup.

Proto se zpravidla snažíme exponenciálním algoritmům vyhýbat a uchylujeme se k nim, pouze pokud nemáme jinou možnost. Naproti tomu *polynomiální* algoritmy, tedy ty se složitostmi $\mathcal{O}(n^k)$ pro pevná konstantní k , můžeme chápát jako efektivní. I mezi nimi samozřejmě budeme rozlišovat a snažit se o co nejmenší stupeň polynomu.

Prostorová složitost

Velmi podobně jako časová složitost se dá zavést tzv. *prostorová složitost* (někdy též *paměťová složitost*), která měří paměťové nároky algoritmu. K tomu musíme spočítat, kolik nejvíce tzv. elementárních paměťových buněk bude v daném algoritmu v každém okamžiku použito. V běžných programovacích jazycích (jako jsou například C nebo Rust) za elementární buňku můžeme považovat například proměnnou typu `int`, `float`, `byte`, či ukazatel, naopak elementární velikost rozhodně nemají pole či textové řetězce.

Opět vyjádříme množství spotřebovaných paměťových buněk funkcí $f(n)$ v závislosti na velikosti vstupu n , pokud to neumíme přesně, tak alespoň co nejlepším horním odhadem, aplikujeme čtyřbodovou kuchařku a výsledek zapíšeme pomocí notace $\mathcal{O}(g(n))$. V našich čtyřech příkladech je tedy všude prostorová složitost $\mathcal{O}(1)$, neboť vždy používáme pouze konstantní množství celočíselných proměnných.

Průměrná složitost

Doposud jsme uvažovali takzvanou složitost v nejhorším případě: zajímalo nás, jak nejdéle může algoritmus počítat, dostane-li vstup dané velikosti. Někdy se ale stává, že výpočet obvykle dobře rychle, pouze existuje několik málo anomálních vstupů, na nichž je pomalý. Tehdy může být praktičtější počítat *průměrnou složitost* (někdy se také říká složitost v průměrném případě). Funkce popisující tuto složitost je definována jako aritmetický průměr časových (prostorových) nároků algoritmů přes všechny vstupy dané velikosti.

Alternativně můžeme průměrnou složitost definovat pomocí teorie pravděpodobnosti. Představíme si, že budeme vstup volit náhodně ze všech vstupů dané velikosti. Potom střední hodnota časových (prostorových) nároků programu bude právě průměrná časová (prostorová) složitost.

Pravděpodobnostní analýzu algoritmů prozkoumáme v kapitole 11 a poskytne nám mnoho zajímavých výsledků.

Složitost problému

Vedle složitosti algoritmu (resp. programu) zavádíme také pojem *složitost problému*. Představíme si, že pro daný problém P známe algoritmus, který ho řeší s časovou složitostí $s(n)$, a zároveň umíme dokázat, že neexistuje algoritmus, který by problém P řešil s lepší časovou složitostí než $s(n)$. Potom dává smysl říci, že *složitost problému* P je $s(n)$.

Stanovit složitost nějakého problému je obvykle velice obtížný úkol. Často se musíme spokojit pouze s hornímezí složitosti problému, odvozenou typicky popisem a analýzou vhodného algoritmu, a dolnímezí složitosti problému, odvozenou typicky nějakým matematickým argumentem.

Koncept je hezky vidět například na problému třídění prvků: dostaneme n prvků, které umíme pouze porovnávat a přesouvat, a máme je přerovnat do rostoucí posloupnosti. Ten-to problém je dobře prostudován: jeho složitost je řádově $n \log n$. To znamená, že existuje algoritmus schopný seřadit n prvků v čase $\mathcal{O}(n \log n)$ a zároveň neexistuje asymptoticky rychlejší algoritmus. Toto tvrzení precizně formulujeme a dokážeme v oddílu 3.3.

Cvičení

1. Jaká je složitost následujícího (pseudo)kódu vzhledem k n ?
 1. Opakujeme, dokud $n > 0$:
 2. Je-li n liché, položíme $n \leftarrow n - 1$.
 3. Jinak položíme $n \leftarrow \lfloor n/2 \rfloor$.

2. Stanovte časovou a prostorovou složitost všech algoritmů z kapitoly 1.
3. Dokažte, že $\log_a n$ a $\log_b n$ se liší pouze konstanta-krát, přičemž konstanta závisí na a a b , ale nikoliv na n .

2.4 Asymptotická notace

Matematicky založený čtenář jistě cítí, že popis „zjednodušování“ funkcí v naší čtyřbodové kuchařce je poněkud vágní a žádá si exaktní definice. Pojdme se do nich pustit.

Definice: Nechť $f, g : \mathbb{N} \rightarrow \mathbb{R}$ jsou dvě funkce. Řekneme, že funkce $f(n)$ je třídy $\mathcal{O}(g(n))$, jestliže existuje taková kladná reálná konstanta c , že pro skoro všechna n platí $f(n) \leq cg(n)$. Skoro všemi n se myslí, že nerovnost může selhat pro konečně mnoho výjimek, tedy že existuje nějaké přirozené n_0 takové, že nerovnost platí pro všechna $n \geq n_0$. Funkci $g(n)$ se pak říká *asymptotický horní odhad* funkce $f(n)$.⁽³⁾

Jinými slovy, dostatečně velký násobek funkce $g(n)$ shora omezuje funkci $f(n)$. Konečně mnoho výjimek se hodí tehdy, má-li funkce $g(n)$ několik počátečních funkčních hodnot nulových či dokonce záporných, takže je nemůžeme „přebít“ jakkoliv vysokou konstantou c .

Poněkud formálněji bychom se na zápis $\mathcal{O}(g)$ mohli dívat jako na množinu všech funkcí f , které splňují uvedenou definici. Pak můžeme místo „funkce f je třídy $\mathcal{O}(g)$ “ psát prostě $f \in \mathcal{O}(g)$. Navíc nám to umožní elegantně zapisovat i různé vztahy typu $\mathcal{O}(n) \subseteq \mathcal{O}(n^2)$.

Ve většině informatické literatury se ovšem s \mathcal{O} -čkovou notací zachází mnohem nepořádněji: často se píše „ f je $\mathcal{O}(g)$ “, nebo dokonce $f = \mathcal{O}(g)$. I my si občas takové zjednodušení dovolíme. Stále ale mějme na paměti, že se nejedná o žádnou rovnost, nýbrž o nerovnost (horní odhad).

Zbývá nahlédnout, že instrukce naší čtyřbodové „kuchařky“ jsou důsledky právě vyslovené definice. Čtvrtý bod nás nabádá ke škrtání multiplikativních konstant, což definice \mathcal{O} přímo dovoluje. Třetí bod můžeme formálně popsát takto:

Lemma: Nechť $f(n) = f_1(n) + f_2(n)$ a $f_1(n) \in \mathcal{O}(f_2(n))$. Pak $f(n) \in \mathcal{O}(f_2(n))$.

Důkaz: Z předpokladu víme, že $f_1(n) \leq cf_2(n)$ platí skoro všude pro vhodnou konstantu c . Proto je také skoro všude $f_1(n) + f_2(n) \leq (1+c) \cdot f_2(n)$, což se jistě vejde do $\mathcal{O}(f_2(n))$. \square

⁽³⁾ Proč se tomuto odhadu říká asymptotický? V matematické analýze se zkoumá asymptota funkce, což je přímka, jejíž vzdálenost od dané funkce se s rostoucím argumentem zmenšuje a v nekonečnu se dotýkají. Podobně my zde zkoumáme chování funkce pro n blížící se k nekonečnu.

Pozor na to, že vyjádření složitosti pomocí \mathcal{O} může být příliš hrubé. Kvadratická funkce $2n^2 + 3n + 1$ je totiž třídy $\mathcal{O}(n^2)$, ale podle uvedené definice patří také do třídy $\mathcal{O}(n^3)$, $\mathcal{O}(n^4)$, atd. Proto se nám bude hodit také obdobné značení pro asymptotický dolní odhad a „asymptotickou rovnost“.

Definice: Mějme dvě funkce $f, g : \mathbb{N} \rightarrow \mathbb{R}$. Řekneme, že funkce $f(n)$ je třídy $\Omega(g(n))$, jestliže existuje taková kladná reálná konstanta c , že $f(n) \geq cg(n)$ pro skoro všechna n . Tomu se říká *asymptotický dolní odhad*.

Definice: Řekneme, že funkce $f(n)$ je třídy $\Theta(g(n))$, jestliže $f(n)$ je jak třídy $\mathcal{O}(g(n))$, tak třídy $\Omega(g(n))$.

Symboly Ω a Θ mohou opět značit i příslušné množiny funkcí. Pak jistě platí $\Theta(g) = \mathcal{O}(g) \cap \Omega(g)$.

Příklad: O našich ukázkových algoritmech 1, 2, 3, 4 můžeme říci, že mají složitosti po řadě $\Theta(n^2)$, $\Theta(n^2)$, $\Theta(\log n)$ a $\Theta(n)$.

Při skutečném srovnávání algoritmů by tedy bylo lepší zapisovat složitost pomocí Θ , nikoliv podle \mathcal{O} . To by zajisté poskytlo úplnější informaci o chování funkce. Ne vždy se nám to ale povede: analýzou algoritmu mnohdy dostaváme pouze horní odhad počtu provedených instrukcí nebo potřebných paměťových míst. Například se nám může stát, že v algoritmu je několik podmínek a nedovedeme určit, které z jejich možných kombinací mohou nastat současně. Raději tedy předpokládáme, že nastanou všechny, čímž dostaneme horní odhad.

Budeme proto nadále vyjadřovat složitost algoritmů převážně pomocí symbolu \mathcal{O} . Při tom však budeme usilovat o to, aby byl náš odhad asymptotické složitosti co nejlepší.

Nakonec zavedeme symbol o , kterým budeme vyjadřovat, že jedna funkce roste asymptoticky pomaleji než druhá. Tedy chápeme-li \mathcal{O} jako neostrou nerovnost, pak o je ostrá.

Definice: Řekneme, že funkce $f(n)$ je třídy $o(g(n))$, jestliže pro každou konstantu $c > 0$ platí, že $f(n) \leq cg(n)$ pro skoro všechna n .

Cvičení

1. Nalezněte co nejvíce asymptotických vztahů mezi těmito funkcemi: $n, \log n, \log \log n, \sqrt{n}, n^{\log n}, 2^n, n^{3/2}, n!, n^n$.
2. Nahlédněte, že $f(n) \in \Theta(g(n))$ by se dalo ekvivalentně definovat tak, že pro vhodné konstanty $c_1, c_2 > 0$ platí $c_1 g(n) \leq f(n) \leq c_2 g(n)$ pro skoro všechna n .
3. Dokažte, že $\mathcal{O}(f(n) + g(n)) = \mathcal{O}(\max(f(n), g(n)))$ pro $f, g \geq 0$.
4. Dokažte, že $n \log n \notin \mathcal{O}(n)$.

5. Dokažte, že $\log n \in \mathcal{O}(n^\varepsilon)$ pro každé $\varepsilon > 0$.
6. Najděte co nejlepší asymptotický odhad funkce $\log_n(n!)$.
7. Najděte funkce f a g takové, že neplatí ani $f \in \mathcal{O}(g)$, ani $g \in \mathcal{O}(f)$.
8. Nechť f a g jsou funkce a $g(n) > 0$ pro skoro všechna n . Dokažte, že $f \in o(g)$ právě tehdy, když $\lim_{n \rightarrow \infty} f(n)/g(n) = 0$.
9. Najděte funkce f a g takové, že neplatí ani $f \in o(g)$, ani $f \in \Omega(g)$.

2.5 Výpočetní model RAM

Matematicky založený jedinec stále nemůže být plně spokojen. Doposud jsme totiž odbývali přesné určení toho, co můžeme v algoritmu považovat za elementární operace a elementární paměťové buňky. Naši snahou bude vyhnout se obtížně řešitelným otázkám u věcí jako například reprezentace reálných čísel a zacházení s nimi. Situaci vyřešíme šalamounsky – definujeme vlastní teoretický stroj, který bude mít přesně definované chování, přesně definovaný čas provádění instrukcí a přesně definovaný rozsah a vlastnosti paměťové buňky. Potom dává dobrý smysl měřit časovou a paměťovou náročnost naprogramovaného algoritmu naprostoto přesně – nezdržují nás vedlejší efekty reálných počítačů a operačních systémů.

Jedním z mnoha teoretických modelů je tzv. *Random Access Machine*, neboli RAM.⁽⁴⁾ RAM není jeden pevný model, nýbrž spíše rodina podobných strojů, které sdílejí určité společné vlastnosti.

Paměť RAMu tvoří pole celočíselných buněk adresovatelné celými čísly. Každá buňka pojme jedno celé číslo. Bystrý čtenář se nyní otáže: „To jako neomezeně velké číslo?“ Problematiku omezení kapacity buňky rozebereme níže.

Program je konečná posloupnost sekvenčně prováděných instrukcí dvou typů: aritmetických a řídicích.

Aritmetické instrukce mají obvykle dva vstupní argumenty a jeden výstupní argument. Argumenty mohou být buďto přímé konstanty (s výjimkou výstupního argumentu), přímo adresovaná paměťová buňka (zadaná číslem) nebo nepřímo adresovaná paměťová buňka (její adresa je uložena v přímo adresované buňce).

⁽⁴⁾ Název lze přeložit do češtiny jako „stroj s náhodným přístupem“. Méně otrocký a výstižnější překlad by mohl znít „stroj s přímým přístupem do paměti“, což je však zase příliš dlouhé a kostrbaté, strojí tedy budeme říkat prostě RAM. Pozor, hrozí zmatení zkratek s *Random Access Memory*, čili běžným názvem operační paměti počítače typu PC.

Rídicí instrukce zahrnují skoky (na konkrétní instrukci programu), podmíněné skoky (například když se dva argumenty instrukce rovnají) a instrukci zastavení programu.

Na začátku výpočtu obsahuje paměť v určených buňkách vstup a obsah ostatních buněk je nedefinován. Potom je program sekvenčně prováděn, instrukci za instrukcí. Po zastavení programu je obsah smluvených míst v paměti interpretován jako výstup programu.

Zmiňme také, že existují „ještě teoretičtější“ výpočetní modely, jejichž zástupcem je tzv. Turingův stroj.

Konkrétní model RAMu

V našem popisu strojů z rodiny RAM jsme vynechali mnoho podstatných detailů. Například přesný čas vykonávání jednotlivých instrukcí, povolený rozsah čísel v jedné paměťové buňce, prostorovou složitost jedné buňky, přesné vymezení instrukční sady, zejména aritmetických operací.

V tomto oddílu přesně definujeme jeden konkrétní model RAMu. Popíšeme tedy paměť, zacházení s programem a výpočtem, instrukční sadu a chování stroje.

Procesor v každém kroku provede právě jednu instrukci. Typická instrukce přečeťte jeden nebo dva operandy z paměti, něco s nimi spočítá a výsledek opět uloží do paměti. Operandem instrukce může být:

- *literál* – konstanta zakódovaná přímo v instrukci. Literály zapisujeme jako čísla v desítkové soustavě.
- *přímo adresovaná buňka* – číslo uložené v paměťové buňce, jejíž adresa je zakódovaná v instrukci. Zapisujeme jako `[adresa]`, kde *adresa* je libovolné celé číslo.
- *nepřímo adresovaná buňka* – číslo uložené v buňce, jejíž adresa je v přímo adresované buňce. Píšeme `[[adresa]]`.

Operandy tedy mohou být například `42`, `[16]`, `[-3]` nebo `[[16]]`, ale nikoliv `[[[5]]]` ani `[3*[5]]`. Svůj výsledek může instrukce uložit do přímo či nepřímo adresované paměťové buňky.

Vstup a výstup stroj dostává a předává většinou v paměťových buňkách s nezápornými indexy, buňky se zápornými indexy se obvykle používají pro pomocná data a proměnné. Prvních 26 buněk se zápornými indexy, tj. `[-1]` až `[-26]` má pro snazší použití přiřazený přezdívek A, B, až Z a říkáme jim *registry*. Jejich hodnoty lze libovolně číst a zapisovat a používat pro indexaci paměti, lze tedy psát např. `[A]`, ale nikoliv `[[A]]`. Registry lze použít například jako úložiště často užívaných pomocných proměnných.

Nyní vyjmenujeme instrukce stroje. *X*, *Y* a *Z* vždy představují některý z výše uvedených výrazů pro přístup do paměti či registrů, *Y* a *Z* mohou být navíc i konstanty.

- Aritmetické instrukce:

- Přiřazení: $X := Y$
- Negace: $X := -Y$
- Sčítání: $X := Y + Z$
- Odčítání: $X := Y - Z$
- Násobení: $X := Y * Z$
- Celočíselné dělení: $X := Y / Z$
Číslo Z musí být nenulové. Zaokrouhlujeme vždy k nule, takže $(-1) / 3 = 0 = -(1 / 3)$.
- Zbytek po celočíselném dělení: $X := Y \% Z$
Číslo Z musí být kladné. Dodržujeme, že $(Y / Z) * Z + (Y \% Z) = Y$, takže $(-1) \% 3 = -1$.

- Logické instrukce:

- Bitová konjunkce (AND): $X := Y \& Z$
 i -tý bit výsledku je 1 právě tehdy, když jsou jedničkové i -té bity obou operandů.
Například $12 \& 5 = (1100)_2 \& (0101)_2 = (0100)_2 = 4$.
- Bitová disjunkce (OR): $X := Y \mid Z$
 i -tý bit výsledku je 1, pokud je jedničkový i -tý bit aspoň jednoho operandu.
Například $12 \mid 5 = (1100)_2 \mid (0101)_2 = (1101)_2 = 13$.
- Bitová nonekvivalence (XOR): $X := Y \hat{\wedge} Z$
 i -tý bit výsledku je 1, pokud je jedničkový i -tý bit právě jednoho operandu.
Například $12 \hat{\wedge} 5 = (1100)_2 \hat{\wedge} (0101)_2 = (1001)_2 = 9$.
- Bitový posun doleva: $X := Y \ll Z$
Doplňení Z nul na konec binárního zápisu čísla Y . Například $11 \ll 3 = (1011)_2 \ll 3 = (1011000)_2 = 88$.
- Bitový posun doprava: $X := Y \gg Z$
Smazání posledních Z bitů binárního zápisu čísla Y . Například $11 \gg 2 = (1011)_2 \gg 2 = (10)_2 = 2$.

- Řídící instrukce:

- Ukončení výpočtu: **halt**
- Nepodmíněný skok: **goto label**, kde *label* je návští, které se definuje napsáním *label*: před instrukcí.
- Podmíněný příkaz: **if podmínka then instrukce**, přičemž *instrukce* je libovolná instrukce kromě podmíněného příkazu a *podmínka* je jeden z následujících logických výrazů:

- Test rovnosti: $Y = Z$
- Negace testu rovnosti: $Y \neq Z$
- Test ostré nerovnosti: $Y < Z$, případně $Y > Z$
- Test neostré nerovnosti: $Y \leq Z$, případně $Y \geq Z$

Doba provádění podmíněného příkazu nezávisí na splnění jeho podmínky a je stejná jako doba provádění libovolné jiné instrukce. Doba běhu programu, kterou používáme v naší definici časové složitosti, je tedy rovna celkovému počtu provedených instrukcí.

S měřením spotřebované paměti musíme být trochu opatrnejší, protože program by mohl využít malé množství buněk rozprostřených po obrovském prostoru. Budeme tedy měřit rozdíl mezi nejvyšším a nejnižším použitym indexem paměti.

Časovou a paměťovou složitost pak definujeme zavedeným způsobem jako maximum ze spotřeby času a paměti přes všechny vstupy dané velikosti. Roli velikosti vstupu obvykle hraje počet paměťových buněk obsahujících vstup.

Upozorňujeme, že do časové složitosti nepočítáme dobu potřebnou na načtení vstupu – podle naší konvence je vstup při zahájení výpočtu už přítomen v paměti. Můžeme tedy studovat i algoritmy s lepší než lineární časovou složitostí, například binární vyhledávání z oddílu 1.2. Pokud navíc program do vstupu nebude zapisovat, nebude pamět zabranou vstupem ani počítat do spotřebovaného prostoru. Podobně pro výstup, pokud ho program jenom zapisuje a dál neče.

Příklad programu pro RAM

Pro ilustraci přepíšeme algoritmus HVĚZDIČKY2 z předchozích oddílů co nejvěrněji do programu pro náš RAM. Připomeňme tento algoritmus:

Algoritmus HVĚZDIČKY2

Vstup: Číslo n

1. Pro $i = 1, \dots, n$ opakujeme:
2. Pro $j = 1, \dots, i$ opakujeme:
3. Vytiskneme *.

Zadání pro RAM formulujeme takto: V buňce [0] je uloženo číslo n . Výstup je tvořen posloupností buněk počínaje [1], ve kterých je v každé zapsána jednička (namísto hvězdičky jako v původním programu).

```
I := 1  
Z := 1  
VNEJSI: if I > [0] then halt
```

```
J := 1
VNITRNI: if J > I then goto DALSI
[Z] := 1
Z := Z + 1
J := J + 1
goto VNITRNI
DALSI: I := I + 1
goto VNEJSI
```

Registry I a J odpovídají stejnojmenným proměnným algoritmu, registr Z ukazuje na buňku paměti, kam zapíšeme příští hvězdičku.

Omezení kapacity paměťové buňky

Nás model má zatím jednu výrazně nereálnou vlastnost – neomezenou kapacitu paměťové buňky. Toho lze využít k nejrůznějším trikům. Ponechme například čtenáři k rozmyšlení, jak veškerá data programu uložit do konstantně mnoha paměťových buněk (cvičení 2 a 3) a pomocí této „komprese“ programy absurdně zrychllovat (cvičení 9).

Proto upravíme stroj tak, abychom na jednu stranu neomezili kapacitu buňky příliš, ale na druhou stranu kompenzovali nepřirozené výhody plynoucí z její neomezenosti. Možností je mnoho, ukážeme jich tedy několik, ke každé dodáme, jaké jsou její výhody a nevýhody, a na závěr zvolíme tu, kterou budeme používat v celé knize.

Přiblížení první. Omezíme kapacitu paměťové buňky pevnou konstantou, řekněme na 64 bitů. Tím jistě odpadnou problémy s neomezenou kapacitou, lze si také představit, že aritmetické instrukce pracující s 64-bitovými čísly lze hardwarově realizovat v jednotkovém čase. Aritmetiku čísel delších než 64 bitů lze řešit funkčemi na práci s dlouhými čísly rozloženými do více paměťových buněk. Zásadní nevýhoda však spočívá v tom, že jsme omezili i adresy paměťových buněk. Každý program proto může použít pouze konstantní množství paměti: 2^{64} buněk. Současné počítače typu PC to tak sice skutečně mají, nicméně z teoretického hlediska je takový stroj nevyhovující, protože umožňuje zpracovávat pouze konstantně velké vstupy.

Přiblížení druhé. Abychom mohli adresovat libovolně velký vstup, potřebujeme čísla o alespoň $\log n$ bitech, kde n je velikost vstupu. Omezíme tedy velikost čísla v jedné paměťové buňce na $k \cdot \log n$ bitů, kde k je libovolná konstanta. Hodnota čísla pak musí být menší než $2^{k \cdot \log n} = (2^{\log n})^k = n^k$. Jinými slovy, hodnoty čísel jsme omezili nějakým polynomem ve velikosti vstupu.

Tento model odstraňuje spoustu nevýhod předchozího: většina zákeřných triků využívajících kombinaci neomezené kapacity buňky a jednotkové ceny instrukce k nepřirozeně rychlému počítání na něm neuspěje. Model má jedno omezení – pokud je velikost čísla

v buňce nejvýše polynomiální, znamená to, že nemůžeme použít exponenciálně či více paměťových buněk, protože jich tolik zkrátka nenaadresujeme. Nemůžeme tedy na tomto stroji používat algoritmy s exponenciální paměťovou složitostí. Ty jsou sice málokdy praktické, ale například v oddílu 19.5 se nám budou hodit.

Přiblížení třetí. Abychom neomezili množství paměti, potřebujeme povolit libovolně velká čísla. Vzdejme se tedy naopak předpokladu, že všechny instrukce trvají stejně dlouho. Zavedeme *logaritmickou cenu instrukce*. To znamená, že jedna instrukce potrvá tolik jednotek času, kolik je součet velikostí všech čísel, s nimiž pracuje, měřený v bitech. To zahrnuje operandy, výsledek i adresy použitých buněk paměti. Cena se nazývá logaritmická proto, že počet bitů čísla je úměrný logaritmu čísla. Tedy například instrukce $[5] := 3*8$ bude mít cenu $2 + 4 + 5 + 3 = 14$ jednotek času, protože čísla 3 a 8 mají 2 a 4 bity, výsledek 24 zabere 5 bitů a ukládá se na adresu 5 zapsanou 3-bitovým číslem.

Je sice stále možné uložit veškerá data programu do konstantně mnoha buněk, ale instrukce s takovými čísly pracují výrazně pomaleji. V tom spočívá i nevýhoda modelu. I jednoduché algoritmy, které původně měly evidentně lineární časovou složitost, najednou poběží pomaleji – například vypsání n hvězdiček potrvá $\Theta(n \log n)$, jelikož i obyčejné zvýšení řídicí proměnné cyklu zabere čas $\Theta(\log n)$. To je poněkud nepohodlné a skutečné počítače se tak nechovají.

Přiblížení čtvrté. Pokusme se o kompromis mezi předchozími dvěma modely. Zavedeme *poměrnou logaritmickou cenu instrukce*. To bude logaritmická cena vydělená logaritmem velikosti vstupu a zaokrouhlená nahoru (pokud je vstup prázdný, dělíme jedničkou). Dokud tedy budeme pracovat s polynomiálně velkými čísly (tedy o řádově logaritmickém počtu bitů), poměr bude shora omezen konstantou a budeme si moci představovat, že všechny instrukce mají konstantní ceny. Jakmile začneme pracovat s většími čísly, cena instrukcí odpovídajícím způsobem poroste.

Poměrné logaritmické ceny se tedy chovají intuitivně, neomezují adresovatelný prostor a odstraňují paradoxy původního modelu. Všechny algoritmy v této knize tedy budeme analyzovat v tomto modelu. Navíc použijeme podobný model i pro měření spotřebované paměti: jedna buňka paměti zabere tolik prostoru, kolik je počet bitů potřebných na reprezentaci její adresy a hodnoty, relativně k logaritmu velikosti vstupu. Započítáme všechny buňky mezi minimální a maximální adresou, na níž program přistoupil.

Naše teoretická práce je nyní u konce. Máme přesnou definici teoretického stroje RAM, pro který je přesně definována časová a prostorová složitost programů na něm běžících. Můžeme se pustit do analýzy konkrétních algoritmů.

Cvičení

1. Naprogramujte na RAMu zbývající algoritmy z oddílu 2.2 a z úvodní kapitoly.

2. Mějme RAM s neomezenou velikostí čísel. Vymyslete, jak zakódovat libovolné množství celých čísel c_1, \dots, c_n do jednoho celého čísla C tak, aby se jednotlivá čísla c_i dala jednoznačně dekódovat.
3. Navrhněte postup, jak v případě neomezené kapacity paměťové buňky pozměnit libovolný program na RAMu tak, aby používal jen konstantně mnoho paměťových buněk. Program můžete libovolně zpomalit. Kolik nejméně buněk je potřeba?
4. Spočítejte přesně počet provedených instrukcí v algoritmu HVĚZDIČKY2 naprogramovaném na RAMu. Vyjádřete jej jako funkci proměnné n .
5. Pokračujme v předchozím cvičení: jaká bude přesná doba běhu programu, zavedeme-li logaritmickou, případně poměrnou logaritmickou cenu instrukce?
6. Rozmyslete si, jak do instrukcí RAMu překládat konstrukce známé z vyšších programovacích jazyků: podmínky, cykly, volání podprogramů s lokálními proměnnými a rekurzí.
7. Vymyslete, jak na RAMu prohodit obsah dvou paměťových buněk, aniž byste použili jakoukoliv jinou buňku.
- 8* Vymyslete, jak na RAMu v konstantním čase otestovat, zda je číslo mocninou dvojký.
9. Mějme RAM s jednotkovou cenou instrukce a neomezenou velikostí čísel. Ukažte, jak v čase $\mathcal{O}(n)$ zakódovat vektor n přirozených čísel tak, abyste z kódů uměli v konstantním čase vypočítat skalární součin dvou vektorů. Z toho odvodte algoritmus pro násobení matic $n \times n$ v čase $\mathcal{O}(n^2)$.
10. *Interaktivní RAM:* Na naší verzi RAMu dostanou všechny programy hned na začátku celý vstup, pak nějakou dobu počítají a nakonec vydají celý výstup. Někdy se hodí dostávat vstup po částech a průběžně na něj reagovat. Navrhněte rozšíření RAMu, které to umožní.
11. *Registrní stroj* je ještě jednodušší model výpočtu. Disponuje konečným počtem registrů, každý je schopen pojmut jedno přirozené číslo. Má tři instrukce: `inc` pro zvýšení hodnoty registru o 1, `dec` pro snížení o 1 (snížením nuly vyjde opět nula) a `jmp eq` pro skok, pokud se hodnoty dvou registrů rovnají. Vymyslete, jak na registrním stroji naprogramovat vynulování registru, zkopírování hodnoty z jednoho registru do druhého a základní aritmetické operace.
- 12* Mějme program pro RAM, jehož vstupem a výstupem je konstantně mnoho čísel (z cvičení 3 víme, že libovolný vstup lze takto zakódovat). Ukažte, jak takový program přeložit na program pro registrní stroj, který počítá totéž. Časová složitost se překladem může libovolně zhoršit.

3 Třídění

3 Třídění

Vyhledávání ve velkém množství dat je každodenním chlebem programátora. Hledání bývá snazší, pokud si data vhodně uspořádáme. Seřadíme-li například pole n čísel podle velikosti, algoritmus binárního vyhledávání z oddílu 1.2 v nich dokáže hledat v čase $\Theta(\log n)$. V této kapitole prozkoumáme různé způsoby, jak data efektivně *seřadit* neboli *setřídit*.⁽¹⁾

Obvykle budeme pracovat v takzvaném *porovnávacím modelu*. V paměti stroje RAM dostaneme posloupnost n prvků a_1, \dots, a_n . Mimo to dostaneme *komparátor* – funkci, která pro libovolné dva prvky a_i a a_j odpoví, je-li $a_i < a_j$, $a_i > a_j$ nebo $a_i = a_j$. Úkolem algoritmu je přerovnat prvky v paměti do nějakého pořadí $b_1 \leq b_2 \leq \dots \leq b_n$. S prvky nebudeme provádět nic jiného, než je porovnávat a přesouvat. Budeme předpokládat, že jedno porovnání i přesunutí stihne provést v konstantním čase.

Čtenář znalý knihovních funkcí populárních programovacích jazyků si jistě vzpomene, že jedním z argumentů funkce pro třídění bývá typicky takovýto komparátor. My budeme pro názornost zápisu předpokládat, že třídíme čísla a komparátor se jmenuje prostě „<“. Stále se ale budeme hlídat, abychom nepoužili jiné operace než ty povolené.

U třídicích algoritmů nás kromě časové složitosti budou zajímat i následující vlastnosti:

Definice: Třídicí algoritmus je *stabilní*, pokud kdykoliv jsou si prvky p_i a p_j rovny, tak jejich vzájemné pořadí na výstupu se shoduje s jejich pořadím na vstupu. Tedy pokud je $p_i = p_j$ pro $i < j$, pak se p_i ve výstupu objeví před p_j .

Definice: Algoritmus třídí prvky *na místě*, pokud prvky neopouštějí paměťové buňky, v nichž byly zadány, s možnou výjimkou konstantně mnoha tzv. pracovních buněk. Kromě toho může algoritmus ukládat libovolné množství číselných proměnných (indexy prvků, parametry funkcí apod.), které prohlásíme za *pomocnou paměť* algoritmu.

Postupně ukážeme, že třídit lze v čase $\Theta(n \log n)$, a to na místě. Stabilní třídění zvládneme stejně rychle, ale už budeme potřebovat pomocnou paměť. Také dokážeme, že v porovnávacím modelu nemůže rychlejší třídicí algoritmus existovat. Ovšem pokud si dovolíme provádět s prvky i další operace, nalezneme efektivnější algoritmy.

3.1 Základní třídicí algoritmy

Nejjednodušší třídicí algoritmy patří do skupiny tzv. *přímých metod*. Všechny mají několik společných rysů: Jsou krátké, jednoduché a třídí na místě. Za tyto příjemné vlastnosti

⁽¹⁾ Striktně vzato, termín *řazení* je správnější. Data totiž nerozdělujeme do nějakých tříd, nýbrž je uspořádáváme, tedy řadíme, dle určitého kritéria. Ovšem pojmenování třídění je mezi českými informatiky natolik zařízený, že je bláhové chtít na tom cokoliv měnit.

— 3.1 Třídění – Základní třídicí algoritmy

zaplatíme kvadratickou časovou složitostí $\Theta(n^2)$. Přímé metody jsou proto použitelné jen tehdy, není-li tříděných dat příliš mnoho.

Selectsort – třídění výběrem

Třídění přímým výběrem (*Selectsort*) je založeno na opakovaném vybírání nejmenšího prvku. Pole rozdělme na dvě části: V první budeme postupně stavět setříděnou posloupnost a v druhé nám budou zbývat dosud nesetříděné prvky. V každém kroku nalezneme nejmenší ze zbývajících prvků a přesuneme jej na začátek druhé (a tedy i na konec první) části. Následně zvětšíme setříděnou část o 1, čímž oficiálně potvrďme členství právě nalezeného minima v konstruované posloupnosti a zajistíme, aby se při dalším hledání již s tímto prvkem nepočítalo.

Algoritmus SELECTSORT (třídění přímým výběrem)

Vstup: Pole $P[1 \dots n]$

1. Pro $i = 1, \dots, n - 1$:
2. $m \leftarrow i$ $\triangleq m$ bude index nejmenšího dosud nalezeného prvku
3. Pro $j = i + 1, \dots, n$:
4. Pokud je $P[j] < P[m]$: $m \leftarrow j$
5. Prohodíme prvky $P[i]$ a $P[m]$. \triangleq pokud $i = m$, nic se nestane

Výstup: Setříděné pole P

V i -tému průchodu vnějším cyklem hledáme minimum z $n - i + 1$ čísel, na což potřebujeme čas $\Theta(n - i + 1)$. Ve všech průchodech dohromady tedy spotřebujeme čas $\Theta(n + (n - 1) + \dots + 3 + 2) = \Theta(n \cdot (n - 1)/2) = \Theta(n^2)$.

Bubblesort – bublinkové třídění

Další z rodiny přímých algoritmů je *bublinkové třídění* (*Bubblesort*). Jeho základem je myšlenka nechat stoupat větší prvky v poli podobně, jako stoupají bublinky v limonádě.

V algoritmu budeme opakovaně procházet celé pole. Jeden průchod postupně porovná všechny dvojice sousedních prvků $P[i]$ a $P[i + 1]$. Pokud dvojice nemí správně uspořádaná (tedy $P[i] > P[i + 1]$), prvky prohodíme. V opačném případě necháme dvojici na pokoji. Menší prvky se nám tak posunou blíže k začátku pole, zatímco větší prvky „bublají“ na jeho konec. Pokaždé, když pole projdeme celé, začneme znova od začátku. Tyto průchody opakujeme, dokud dochází k prohazování prvků. V okamžiku, kdy výměny ustanou, je pole setříděné.

Algoritmus BUBBLE SORT (bublinkové třídění)

Vstup: Pole $P[1 \dots n]$

1. $pokračuj \leftarrow 1$ \triangleq má proběhnout další průchod?

2. Dokud je $pokračuj = 1$:
3. $pokračuj \leftarrow 0$
4. Pro $i = 1, \dots, n - 1$:
5. Pokud je $P[i] > P[i + 1]$:
6. Prohodíme prvky $P[i]$ a $P[i + 1]$.
7. $pokračuj \leftarrow 1$

Výstup: Setříděné pole P

Jeden průchod vnitřním cyklem (kroky 4 až 7) jde přes všechny prvky pole, takže má určitě složitost $\Theta(n)$. Není ovšem na první pohled zřejmé, kolik průchodů bude potřeba vykonat. To nahlédneme následovně:

Lemma: Po k -tém průchodu vnějším cyklem je na správných místech k největších prvků.

Důkaz: Indukcí podle k . V prvním průchodu se největší prvek dostane na samý konec pole. Na začátku k -tého průchodu je podle indukčního předpokladu na správných místech $k - 1$ největších prvků. Během k -tého průchodu tyto prvky na svých místech zůstanou, takže průchod pracuje pouze s prvky na prvních $n - k$ pozicích. Mezi nimi správně najde maximum a přesune ho na konec. Toto maximum je právě k -tý největší prvek. Tím je indukční krok hotov. \square

Cvičení

1. Nahlédněte, že v k -tém průchodu Bubblesortu stačí zkoumat prvky na pozicích $1, \dots, n - k + 1$. Změní se touto úpravou časová složitost?
2. Na jakých datech provede Bubblesort pouze jeden průchod? Na jakých právě dva průchody? Kolik přesně průchodů vykoná nad sestupně uspořádaným vstupem?
3. Všimněme si, že Bubblesort může provádět spoustu zbytečných porovnání. Například když bude první polovina pole setříděná a až druhá rozřázená, Bubblesort bude stejně vždy procházet první polovinu, i když v ní nebude nic prohazovat. Navrhněte možná vylepšení, abyste eliminovali co nejvíce zbytečných porovnání.
4. Určete průměrnou časovou složitost Bubblesortu (v průměru přes všechny možné permutace prvků na vstupu).
5. *Insertsort* neboli třídění přímým vkládáním funguje takto: Udržujeme dvě části pole – na začátku leží setříděné prvky a v druhé části pak zbývající nesetříděné. V každém kroku vezmeme jeden prvek z nesetříděné části a vložíme jej na správné místo v části setříděné. Dopracujte detaily algoritmu a analyzujte jeho složitost.
6. Jakou složitost mají Selectsort, Bubblesort a Insertsort v nejlepším případě?

— 3.2 Třídění – Třídění sléváním

7. Předpokládejme na chvíli, že by počítač, na kterém běží naše programy, uměl provést operaci posunutí celého úseku pole o 1 prvek na libovolnou stranu v konstantním čase. Řekli bychom například, že chceme prvky na pozicích 42 až 54 posunout o 1 doprava (tj. na pozice 43 až 55), a počítač by to uměl provést v jednom kroku. Zkuste za těchto podmínek upravit Insertsort, aby pracoval s časovou složitostí $\Theta(n \log n)$.
8. Určete, jakou složitost bude mít Insertsort, pokud víme, že se setříděním každý prvek posune nejvýše o k pozic. Záleží na způsobu, jakým hledáme místo k zatřídění prvku?
9. Dokažte, že za stejných podmínek jako v předchozím cvičení provede Bubblesort nejvýše k průchodů. Pokud vám to dělá potíže, ukažte alespoň, že stačí $\mathcal{O}(k)$ průchodů.
- 10.* Navrhnete pro úlohu z cvičení 8 efektivnější algoritmus. Můžete se inspirovat třeba Heapsortem z oddílu 4.2.
11. Upravte třídicí algoritmy z tohoto oddílu, aby byly stabilní.
12. *Třídění palačinek:* Vymyslete, jak setřídit posloupnost pomocí obracení prefixů – pokaždé vezmeme prvních k prvků pro nějaké k a zapíšeme je v opačném pořadí. Kolik obrácení je potřeba?

3.2 Třídění sléváním

Nyní představíme třídicí algoritmus s časovou složitostí $\Theta(n \log n)$. Na vstupu je dána n -prvková posloupnost a_0, \dots, a_{n-1} v poli. Pro jednoduchost nejprve předpokládejme, že n je mocnina dvojkdy.

Základní myšlenka algoritmu je tato: Pole rozdělíme do tzv. *běhů* o délce mocniny dvou – souvislých úseků, které už jsou vzestupně setříděny. Na začátku budou všechny běhy jednoprvkové. Poté budeme dohromady slévat vždy dva sousední běhy do jediného setříděného běhu o dvojnásobné délce, který bude ležet na místě obou vstupních běhů. To znamená, že v i -té iteraci budou mít běhy délku 2^i prvků a jejich počet bude $n/2^i$. V poslední iteraci bude posloupnost sestávat z jediného běhu, a bude tudíž setříděná.

Algoritmus MERGESORT1

Vstup: Posloupnost a_0, \dots, a_{n-1} k setřídění

1. $b \leftarrow 1$ ▷ aktuální délka běhu
2. Dokud $b < n$:
3. Pro $i = 0, 2b, 4b, 6b, \dots, n - 2b$:
4. $X \leftarrow (a_i, \dots, a_{i+b-1})$ ▷ začátky sudých běhů
5. $Y \leftarrow (a_{i+b}, \dots, a_{i+2b-1})$ ▷ sudý běh
6. $a \leftarrow X + Y$ ▷ následující lichý běh

6. $(a_i, \dots, a_{i+2b-1}) \leftarrow \text{MERGE}(X, Y)$
7. $b \leftarrow 2b$

Výstup: Setříděná posloupnost a_0, \dots, a_{n-1}

Procedura MERGE se stará o samotné slévání. To zařídíme snadno: Pokud chceme slít posloupnosti $x_1 \leq x_2 \leq \dots \leq x_m$ a $y_1 \leq y_2 \leq \dots \leq y_n$, bude výsledná posloupnost začínat menším z prvků x_1 a y_1 . Tento prvek z příslušné vstupní posloupnosti přesuneme na výstup a pokračujeme stejným způsobem. Pokud to byl (řekněme) prvek x_1 , zbývá nám slít x_2, \dots, x_m s y_1, \dots, y_n . Dalším prvkem výstupu tedy bude minimum z x_2 a y_1 . To opět přesuneme a tak dále, než se bud x nebo y vyprázdní.

Procedura MERGE (slévání)

Vstup: Běhy x_1, \dots, x_m a y_1, \dots, y_n

1. $i \leftarrow 1, j \leftarrow 1$ \triangleleft zbývá slít x_i, \dots, x_m a y_j, \dots, y_n
2. $k \leftarrow 1$ \triangleleft výsledek se objeví v z_k, \dots, z_{m+n}
3. Dokud $i \leq m$ a $j \leq n$, opakujeme:
 4. Je-li $x_i \leq y_j$, přesuneme prvek z x : $z_k \leftarrow x_i, i \leftarrow i + 1$.
 5. Jinak přesouváme z y : $z_k \leftarrow y_j, j \leftarrow j + 1$.
 6. $k \leftarrow k + 1$
 7. Je-li $i \leq m$, zkopírujeme zbylé x : $z_k, \dots, z_{m+n} \leftarrow x_i, \dots, x_m$.
 8. Je-li $j \leq n$, zkopírujeme zbylé y : $z_k, \dots, z_{m+n} \leftarrow y_j, \dots, y_n$.

Výstup: Běh z_1, \dots, z_{m+n}

Nyní odvodíme asymptotickou složitost algoritmu MERGESORT. Začneme funkcí MERGE: ta pouze přesouvá prvky a každý přesune právě jednou. Její časová složitost je tedy $\Theta(n + m)$, v i -té iteraci proto na slít dvou běhů spotřebuje čas $\Theta(2^i)$. V rámci jedné iterace se volá MERGE řádově $n/2^i$ -krát, což dává celkem $\Theta(n)$ operací na iteraci. Protože se algoritmus zastaví, když $2^i = n$, počet iterací bude $\Theta(\log n)$, což dává celkovou časovou složitost $\Theta(n \log n)$.

Mergesort bohužel neumí třídit na místo: při slévání musí být zdrojové běhy uloženy jinde než cílový běh. Proto potřebujeme pomocnou paměť velikosti $\mathcal{O}(n)$, například v podobě pomocného pole stejné velikosti jako vstupní pole.

Nyní doplníme, co si počít, když počet prvků není mocninou dvojkdy. Porád budeme velikost běhů zvyšovat po mocninách dvojky, ale připustíme, že poslední z běhů může být menší a že celkový počet běhů může být lichý. Proto bude platit, že v i -té iteraci činí počet běhů $\lceil n/2^i \rceil$, takže po $\Theta(\log n)$ iteracích se algoritmus zastaví. Implementace je jednoduchá, jak je ostatně vidět z následujícího pseudokódu.

— 3.2 Třídění – Třídění sléváním

Algoritmus MERGESORT (třídění sléváním)

Vstup: Posloupnost a_1, \dots, a_n k setřídění

1. $b \leftarrow 1$ ▷ aktuální délka běhu
2. Dokud $b < n$: ▷ zbývají aspoň dva běhy
3. $i \leftarrow 1, j \leftarrow b + 1$ ▷ začátek aktuálního sudého a lichého běhu
4. Dokud $j \leq n$: ▷ ještě zbývá nějaká dvojice běhu
5. $k \leftarrow \min(j + b - 1, n)$ ▷ konec lichého běhu
6. $X \leftarrow (a_i, \dots, a_{j-1})$ ▷ sudý běh
7. $Y \leftarrow (a_j, \dots, a_k)$ ▷ lichý běh
8. $(a_i, \dots, a_k) \leftarrow \text{MERGE}(X, Y)$
9. $i \leftarrow i + 2b, j \leftarrow j + 2b$ ▷ posuneme se na další dvojici
10. $b \leftarrow 2b$

Výstup: Setříděná posloupnost a_1, \dots, a_n

Dodejme, že Mergesort také můžeme formulovat jako elegantní rekurzivní algoritmus. S tímto přístupem se setkáme v kapitole 10.

Třídění ve vnější paměti

Někdy potřebujeme zpracovávat data tak rozsáhlá, že se celá nevejdou do operační paměti našeho počítače. Ukládáme je proto do souborů na disku. Pak obvykle mluvíme o uložení dat ve *vnější paměti*, zatímco operační paměti říkáme *vnitřní*.

Libovolný algoritmus sice můžeme upravit, aby pracoval s daty na disku, ale často to bude neefektivní. Disky se totiž chovají výrazně jinak než operační paměť. Jednak jsou na nich data organizovaná po blocích o velikosti jednotek kilobytů a vždy čteme nebo zapisujeme celý blok. Důležitější ovšem je, že zatímco čtení po sobě jdoucích bloků je velmi rychlé, skok na vzdálené místo trvá mnohem déle.

Pro představu: dnešní disky sekvenčně čtou desítky až stovky megabytů za sekundu, ale skok na náhodné místo zabere průměrně jednotky milisekund. Jeden skok tedy trvá rádově stejně dlouho jako přečtení 100 kilobytů dat. (Dodejme, že polovodičové solid-state disky jsou mnohem rychlejší, ale zejména při zápisu se chovají obdobně.)

Základem rychlých algoritmů ve vnější paměti je tedy zpracovávat data sekvenčně. Obvykle chceme pracovat s konstantním počtem souborů a pokaždé je budět přečíst, nebo zapsat od začátku do konce. Tomu se říká *proudový model zpracování dat*.

Pro třídění v proudovém modelu se také hodí Mergesort. V každé iteraci pracujeme se třemi soubory: hlavním H a dvěma pracovními X a Y . Na začátku iterace jsou všechny běhy v hlavním souboru. Pak čteme běhy z H a zapisujeme je střídavě do X a Y . V každém

pracovním souboru tedy skončí polovina běhů. Pak se pustíme do slévání. Vždy sléváme jeden běh z X a jeden z Y a výsledek ukládáme zpět do H .

Stejně jako u původního Mergesortu se s každou iterací zmenšuje počet běhů na polovinu, takže iterací proběhne $\Theta(\log n)$. Jedna iterace sekvenčně přečte a zapíše 3 soubory o celkové délce $2n$ prvků. Celý algoritmus má opět složitost $\Theta(n \log n)$ a provede $\Theta(\log n)$ sekvenčních průchodů přes soubory velikosti $\Theta(n)$.

Vnitřní paměti jsme využili jen konstantní množství. Bylo by ale škoda nechat ji ležet ladem. Raději na začátku výpočtu data *předtřídíme* – rozdělíme je na části velké jako naše vnitřní paměť, každou část setřídíme ve vnitřní paměti a zapíšeme na disk jako jeden dlouhý běh. Vnější Mergesort tedy místo s n běhy začne s n/M , kde M je velikost vnitřní paměti. Počet iterací vnějšího třídění proto klesne na $\Theta(\log(n/M))$.

Cvičení

1. Navrhněte algoritmus pro efektivní třídění dat uložených v jednosměrném spojovém seznamu. Algoritmus smí používat pouze $\mathcal{O}(1)$ buněk pomocné paměti a jednotlivé položky seznamu smí pouze přepojovat, nikoliv kopírovat na jiné místo v paměti.
2. Je Mergesort stabilní? Pokud ne, uměli byste ho upravit, aby stabilní byl?
- 3.* *Knížky v knihovně:* Mějme posloupnost, která vznikla ze setříděné tím, že jsme přesunuli k prvků. Navrhněte algoritmus, který ji co nejrychleji dotřídí. Pozor na to, že k předem neznáme. Můžete nicméně předpokládat, že k je mnohem menší než délka posloupnosti.
4. *Pišvejcova čísla* říkejme číslům tvaru $2^i 3^j 5^k$. Vymyslete, jak co nejrychleji vygenerovat prvních n Pišvejcových čísel.
- 5.** *Mergesort na místě:* Na naší verzi Mergesortu je nešikovné, že potřebuje lineární množství pomocné paměti, neboť neumíme slévat na místě. Jde to i lépe: paměťové nároky procedury MERGE lze srazit až na konstantu při zachování lineární časové složitosti. Je to ale docela složité (a v praxi se to kvůli vysokým konstantám nevyplatí), tak zkuste přijít na slévání v lineárním čase a pomocné paměti velikosti $\mathcal{O}(\sqrt{n})$. Existuje i verze, která slévá současně na místě a stabilně. [N68]
6. *Mergesort ve vnější paměti* ještě trochu vylepšíme. Všimneme si, že i -tá iterace slévá běhy do jednoho souboru a $(i+1)$ -ní iterace je hned zase čte a rozhazuje do dvou souborů. To lze spojit: navrhněte slévání tak, že bude slévat dva soubory a výsledek rovnou rozhadzovat do dalších dvou. Jak se zmenší celkový počet přečtených/zapsaných souborů?

— 3.3 Třídění – Dolní odhad složitosti třídění

7. **Účetnictví:** Na disku máme velké množství záznamů „převeď x_i peněz z účtu a_i na účet b_i “. Spočítejte pro každý účet, jak se celkově změní jeho zůstatek. Záznamů, ale i účtů je tolik, že se všechny nevejdou do vnitřní paměti.

3.3 Dolní odhad složitosti třídění

Jak už jsme zmínili v úvodu kapitoly, nabízí se otázka, zda je možné třídit v čase rychlejším než $\Theta(n \log n)$. Nyní dokážeme, že odpověď je negativní, ale budeme k tomu potřebovat dva předpoklady:

- Algoritmus pracuje v porovnávacím modelu, smí tedy tříděné prvky pouze vzájemně porovnávat a přesouvat (přiřazovat).
- Algoritmus je deterministický – každý krok je jednoznačně určen výsledky kroků předchozích (algoritmus tedy nepoužívá žádný zdroj náhody).

Vyhledávání

Nejprve dokážeme jednoduší výsledek pro vyhledávání. Budeme se snažit ukázat, že binární vyhledávání je optimální (asymptoticky, tedy až na multiplikativní konstantu). Připomeňme, že jeho časová složitost je $\mathcal{O}(\log n)$. Zjistíme, že každý algoritmus potřebuje $\Omega(\log n)$ porovnání, tedy musí celkově provést $\Omega(\log n)$ operací.

Věta (o složitosti vyhledávání): Každý deterministický algoritmus v porovnávacím modelu, který nalezne zadaný prvek v n -prvkové uspořádané posloupnosti, použije v nejhorším případě $\Omega(\log n)$ porovnání.

Myšlenka důkazu: Porovná-li algoritmus nějaká dvě čísla x a y , dozví se jeden ze tří možných výsledků: $x < y$, $x > y$, $x = y$. Navíc nastane-li rovnost, výpočet skončí, takže všechna porovnání kromě posledního dávají jenom dva možné výsledky. Jedním porovnáním tedy získáme jeden bit informace. Žádná jiná operace nám o vztahu hledaného čísla s prvky posloupnosti nic neřekne.

Výstupem vyhledávacího algoritmu je pozice hledaného prvku v posloupnosti; to je číslo od 1 do n , na jehož určení je potřeba $\log_2 n$ bitů. Abychom ho určili, musíme tedy porovnat alespoň $(\log_2 n)$ -krát. \square

V této úvaze nicméně spoléháme na intuitivní představu o množství informace – poctivou teorii informace jsme nevybudovali. Větu proto dokážeme formálněji zkoumáním možných průběhů algoritmu.

Důkaz: Zvolíme pevné n a vstupní posloupnost $1, \dots, n$. Budeme zkoumat, jak se výpočet algoritmu vyvíjí pro jednotlivá hledaná čísla $x = 1, \dots, n$. Pokud ukážeme, že je potřeba

provést $\Omega(\log n)$ porovnání pro vstupy tohoto speciálního typu, tím spíš to bude platit v nejhorším případě.

Spustíme algoritmus. Zpočátku jeho výpočet nezávisí na x (zatím jsme neprovědli jediné porovnání), takže první porovnání, které provede, bude vždy stejné. Pokud je to porovnání typu $a_i < a_j$, dopadne také vždy stejně. Až první porovnání typu $a_i < x$ může pro různá x dopadnout různě.

Pro každý z možných výsledků porovnání ale algoritmus pokračuje deterministicky, takže je opět jasné, jaké další porovnání provede. A tak dále, až se algoritmus rozhodne zastavit a vydat výsledek.

Možné průběhy výpočtu tedy můžeme popsat takzvaným *rozhodovacím stromem*. V každém vnitřním vrcholu tohoto stromu je jedno porovnání typu $x < a_i$. Vrchol má tři syny, kteří odpovídají možným výsledkům tohoto porovnání (menší, větší, rovno). Může se stát, že některé z výsledků nemohou nastat, protože by byly ve sporu s dříve provedenými porovnániami. V takovém případě příslušného syna vynecháme.

V listech rozhodovacího stromu jsou jednotlivé výsledky algoritmu: některé listy odpovídají nahlášení výskytu na nějaké pozici, v jiných odpovídáme, že prvek nebyl nalezen.

Rozhodovací strom je tedy ternární strom (vrcholy mají nejvýše 3 syny) s alespoň n listy. Použijeme následující lemma:

Lemma T: Ternární strom hloubky k má nejvýše 3^k listů.

Důkaz: Uvažme ternární strom hloubky k s maximálním počtem listů. V takovém stromu budou všechny listy určitě ležet na poslední hladině (kdyby neležely, můžeme pod některý list na vyšší hladině přidat další tři vrcholy a získat tak „listnatější“ strom stejné hloubky). Jelikož na i -té hladině je nejvýše 3^i vrcholů, všech listů je nejvýše 3^k . \square

Strom má proto hloubku alespoň $\log_3 n$, takže v něm existuje cesta z kořene do listu, která obsahuje alespoň $\log_3 n$ vrcholů. Tudíž existuje vstup, na němž algoritmus provede alespoň logaritmicky mnoho porovnání. \square

Třídění

Nyní použijeme podobnou metodu pro odhad složitosti třídění. Opět budeme předpokládat speciální typ vstupů, totiž permutace množiny $\{1, \dots, n\}$. Různé permutace je přítom potřeba třídit různými posloupnostmi prohození, takže algoritmus musí správně rozpoznat, o kterou permutaci se jedná.

I zde funguje intuitivní úvaha o množství informace: jelikož jsou všechny prvky na vstupu různé, jedním porovnáním získáme nejvýše 1 bit informace. Všech permutací je $n!$, takže potřebujeme získat $\log_2(n!)$ bitů. Zbytek zařídí následující lemma:

Lemma F: $n! \geq n^{n/2}$.

Důkaz: Je $n! = \sqrt{(n!)^2} = \sqrt{1 \cdot n \cdot 2 \cdot (n-1) \cdots n \cdot 1}$, což můžeme také zapsat jako $\sqrt{1 \cdot n} \cdot \sqrt{2 \cdot (n-1)} \cdots \sqrt{n \cdot 1}$. Přitom pro každé $1 \leq k \leq n$ je $k(n+1-k) = kn+k-k^2 = n + (k-1)n + k(1-k) = n + (k-1)(n-k) \geq n$. Proto je každá z odmocnin větší nebo rovna $n^{1/2}$ a $n! \geq (n^{1/2})^n = n^{n/2}$. \square

Počet potřebných bitů, a tím pádem i potřebných porovnání, tedy musí být $\log_2(n!) \geq \log_2(n^{n/2}) = (n/2) \cdot \log_2 n = \Omega(n \log n)$. Nyní totéž precizněji...

Věta (o složitosti třídění): Každý deterministický algoritmus v porovnávacím modelu, který třídí n -prvkovou posloupnost, použije v nejhorším případě $\Omega(n \log n)$ porovnání.

Důkaz: Jak už jsme naznačili, budeme uvažovat vstupy a_1, \dots, a_n , které jsou permutacemi množiny $\{1, \dots, n\}$. Stačí nám najít jeden „těžký“ vstup, pokud ho najdeme mezi permutacemi, úkol jsme splnili.

Mějme nějaký třídicí algoritmus. Upravíme ho tak, aby nejprve prováděl všechna porovnaní, a teprve pak prvky přesouval. Můžeme si například pro každou pozici v poli pamatovat, kolikátý z prvků a_i na ni zrovna je. Průběžné prohazování bude pouze měnit tyto pomocné údaje a skutečná prohození provedeme až na konci.

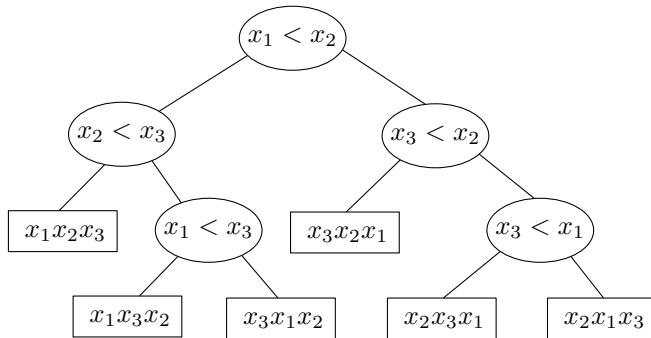
Nyní sestrojíme rozhodovací strom popisující všechny možné průběhy algoritmu. Ve vnitřních vrcholech budou porovnání typu $a_i < a_j$ se třemi možnými výsledky. Opět vynecháme výsledky, které jsou ve sporu s předchozími porovnáními. V listech stromu algoritmus provede nějaká prohození a zastaví se.

Pro různé vstupní permutace musí výpočet skončit v různých listech (dvě permutace nelze setřídit toutéž posloupností přesunů prvků). Listů je tedy alespoň $n!$, takže podle lemmatu T musí strom hloubku alespoň $\log_3(n!)$, což je podle lemmatu F $\Omega(n \log n)$. Proto musí existovat vstup, na němž se provede $\Omega(n \log n)$ porovnání. \square

Dokázali jsme tedy, že algoritmus Mergesort je optimální (až na multiplikativní konstantu). Brzy ale uvidíme, že oprostíme-li se od porovnávacího modelu, lze v některých případech třídit rychleji.

Cvičení

1. Jsou dány rovnoramenné váhy a 3 různě těžké kuličky. Ukažte, že je není možné usporádat dle hmotnosti na méně než 3 vážení. Co se změní, pokud je cílem pouze najít nejtěžší kuličku?



Obrázek 3.1: Příklad rozhodovacího stromu pro 3 různé prvky

2. Jsou dány rovnoramenné váhy a 12 kuliček, z nichž právě jedna je těžší než ostatní. Na misku lze dát i více kuliček naráz. Navrhněte, jak na 3 vážení najít těžší kuličku. Dokažte, že na 2 vážení to není možné.
3. Jsou dány rovnoramenné váhy a 12 kuliček, z nichž právě jedna je jiná než ostatní, nevíme však zda je lehká nebo těžší. Na misku lze dát i více kuliček naráz. Navrhněte, jak na 3 vážení najít tuto jinou kuličku a zjistit, jestli je lehká nebo těžší. Dokažte, že na 2 vážení to nejde.
4. Stejná úloha jako předchozí, avšak s 13 kuličkami. Dokažte, že stále stačí 3 vážení, pokud slevíme z požadavku zjistit, zda je odlišná kulička lehká nebo těžší.
5. Řešte cvičení 2 obecně pro n kuliček a navrhněte algoritmus používající co nejmenší počet vážení. Dokažte, že tento počet je optimální.
- 6.* Řešte cvičení 3 obecně pro n kuliček. Uměli byste dokázat, že váš algoritmus je optimální?
7. Uvažme verzi komparátoru, který rozlišuje pouze $a_i \leq a_j$ a $a_i > a_j$. Projděte algoritmy a důkazy vět v této kapitole a modifikujte je pro tento model.
8. *Průměrná složitost:* Dokažte, že $\Omega(\log n)$ resp. $\Omega(n \log n)$ porovnání je potřeba nejen v nejhorsím případě, ale i v průměru přes všechny možné vstupy. V případě vyhledávání průměrujeme přes všechna možná hledaná x , u třídění přes všechny permutace.
9. *Matice:* Mějme matici A tvaru $n \times n$, v níž jsou uložena celá čísla a navíc každý řádek i sloupec tvoří rostoucí posloupnost. Jak najít i, j takové, že $A_{i,j} = i + j$? Pokud existuje více řešení, stačí vypsat jedno. Čas na načtení matice do paměti nepočítáme. [N81]

— 3.4 Třídění – Přihrádkové třídění

- 10.* Dokažte, že vaše řešení předchozí úlohy je asymptoticky nejrychlejší možné.
11. *Minimum a maximum:* Chceme najít jak minimum, tak maximum z n prvků. Ukažte, jak to udělat pomocí $1.5n + \mathcal{O}(1)$ porovnání.

3.4 Přihrádkové třídění

Dosud jsme se snažili navrhovat třídící algoritmy tak, aby si poradily s libovolným typem dat. Proto jsme prvky posloupnosti byli ochotni pouze porovnávat. Nyní se zaměříme na konkrétní druhy dat, například celá kladná čísla z předem daného intervalu.

Counting sort - třídění počítáním

Představme si, že třídíme n celých čísel vybraných z množiny $\{1, \dots, r\}$ pro nepříliš velké r . Jak vypadá setříděná posloupnost? Nejdřív v ní jsou nějaké jedničky, pak dvojky, atd. Stačí tedy zjistit, kolik má být kterých, čili spočítat, kolikrát se každé číslo od 1 do r na vstupu vyskytuje. Tomuto primitivnímu, ale překvapivě účinnému algoritmu se říká třídění počítáním neboli *Counting sort*.

Algoritmus COUNTINGSORT (třídění počítáním)

Vstup: Posloupnost $x_1, \dots, x_n \in \{1, \dots, r\}$

1. Pro $i = 1, \dots, r$: ▷ inicializujeme počítadla
2. $p_i \leftarrow 0$
3. Pro $i = 1, \dots, n$: ▷ p_j bude počet výskytů čísla j
4. $p_{x_i} \leftarrow p_{x_i} + 1$
5. $j \leftarrow 1$ ▷ pozice ve výstupu
6. Pro $i = 1, \dots, r$: ▷ zapisujeme výstup
7. Opakujeme p_i -krát:
 8. $v_j \leftarrow i$
 9. $j \leftarrow j + 1$

Výstup: Setříděná posloupnost v_1, \dots, v_n

Inicializace počítadel v krocích 1 a 2 trvá $\Theta(r)$, počítání výskytů v dalších dvou krocích $\Theta(n)$. V krocích 6 až 9 znova zapíšeme všech n prvků a navíc musíme jednou sáhnout na každou (i prázdnou) přihrádku. Časová složitost celého algoritmu tedy činí $\Theta(n + r)$.

Vstup a výstup mohou být uloženy v tomtéž poli, takže pracovní prostor algoritmu tvoří pouze r počítadel, tedy $\Theta(r)$ buněk paměti.

Bucketsort - přihrádkové třídění

Counting sort nám nepomůže, pokud místo celých čísel třídíme nějaké složitější záznamy, které kromě celočíselného klíče, podle nějž třídíme, obsahují navíc nějaká další data. Tehdy můžeme použít podobný algoritmus, kterému se říká *přihrádkové třídění (Bucketsort)*.⁽²⁾ Místo počítadel si pořídíme pole r přihrádek P_1, \dots, P_r . V i -té přihrádce se bude nacházet seznam záznamů s klíčem i .

Algoritmus nejprve projde všechny záznamy a rozmístí je do přihrádek podle klíčů. Poté postupně projde přihrádky od P_1 do P_r a vypíše jejich obsah.

Algoritmus BUCKET SORT (přihrádkové třídění)

Vstup: Prvky x_1, \dots, x_n s klíči $k_1, \dots, k_n \in \{1, \dots, r\}$

1. Inicializujeme přihrádky: $P_1, \dots, P_r \leftarrow \emptyset$
2. Pro $i = 1, \dots, n$:
3. Vložíme x_i do P_{k_i} .
4. Vytvoříme prázdný seznam S .
5. Pro $j = 1, \dots, r$:
6. Na konec seznamu S připojíme obsah P_j .

Výstup: Setříděný seznam S

Rozbor časové složitosti proběhne podobně jako u předchozího algoritmu: inicializace stojí $\Theta(r)$, rozmištování do přihrádek $\Theta(n)$, procházení přihrádek $\Theta(r)$ a vypisování všech přihrádek dohromady $\Theta(n)$. Celkem tedy $\Theta(n + r)$.

V paměti máme uložené všechny přihrádky, jedna zabere konstantní prostor na hlavičku seznamu a pak konstantní na každý záznam. To celkem činí $\Theta(n + r)$ buněk paměti.

Bucketsort dokonce může třídit stabilně. K tomu stačí, abychom v každé přihrádce dodrželi vzájemné pořadí prvků. Nové záznamy tedy budeme přidávat na konec seznamu.

Lexikografický Bucketsort

Nyní uvažme případ, kdy klíče nejsou malá celá čísla, nýbrž uspořádané k -tice takových čísel. Úkolem je seřadit tyto k -tice *lexikograficky (slovníkově)*: nejprve podle první souřadnice, v případě shody podle druhé, a tak dále.

Praktičtější je postupovat opačně: nejprve k -tice setřídit podle poslední souřadnice, pak je stabilně setřídit podle předposlední, ... až nakonec podle první. Díky stabilitě získáme lexikografické pořadí. Stačí tedy k -krát aplikovat předchozí algoritmus přihrádkového třídění.

⁽²⁾ To bychom mohli přeložit jako „kbelíkové třídění“.

Algoritmus LEXBUCKETSORT

Vstup: Posloupnost k -tic $x_1, \dots, x_n \in \{1, \dots, r\}^k$

1. $S \leftarrow x_1, \dots, x_n$
2. Pro $i = k, k-1, \dots, 1$:
3. Setřídíme S BUCKETSORTem podle i -té souřadnice.

Výstup: Lexikograficky setříděná posloupnost S

Zadaná posloupnost: 173, 753, 273, 351, 171, 172, 069

Po 1. průchodu: 351, 171, 172, 173, 753, 273, 069

Po 2. průchodu: 351, 753, 069, 171, 172, 173, 273

Po 3. průchodu: 069, 171, 172, 173, 351, 753

Obrázek 3.2: Příklad lexikografického přihrádkového třídění trojic

Nyní dokážeme korektnost tohoto algoritmu. Pro přehlednost budeme písmenem ℓ značit, v kolikátém průchodu cyklem jsme. Bude tedy $\ell = k - i + 1$.

Lemma: Po ℓ -tém průchodu cyklem jsou prvky uspořádány lexikograficky podle i -té až k -té souřadnice.

Důkaz: Indukcí podle ℓ :

- Pro $\ell = 1$ jsou prvky uspořádány podle poslední souřadnice.
- Po ℓ průchodech již máme prvky setříděny lexikograficky podle i -té až k -té souřadnice. Spouštíme $(\ell+1)$ -ní průchod, tj. budeme třídit podle $(i-1)$ -ní souřadnice. Protože Bucketsort třídí stabilně, zůstanou prvky se stejnou $(i-1)$ -ní souřadnicí vůči sobě seřazeny tak, jak byly seřazeny na vstupu. Z indukčního předpokladu tam však byly seřazeny lexikograficky podle i -té až k -té souřadnice. Tudíž po $(\ell+1)$ -ním průchodu jsou prvky seřazeny podle $(i-1)$ -ní až k -té souřadnice. \square

Časová složitost je k -násobkem složitosti Bucketsortu, tedy $\Theta(k \cdot (n+r))$. Paměti spotřebujeme $\Theta(nk+r)$: první člen je paměť zabraná samotnými záznamy, druhý paměť potřebná na uložení pole přihrádek.

Radixsort

Přihrádkové třídění pro klíče z rozsahu $1, \dots, r$ není efektivní, pokud r je řádově větší než počet záznamů. Tehdy totiž časové složitosti vévodí čas potřebný na inicializaci a procházení přihrádek. Můžeme si ale pomocí následovně.

Čísla zapíšeme v soustavě o vhodném základu z . Z každého čísla se tak stane k -tice cifer z rozsahu $0, \dots, z-1$, kde $k = \lfloor \log_z r \rfloor + 1$. Tyto k -tice pak stačí setřídit lexikograficky,

což zvládneme k -průchodovým přihrádkovým tříděním v čase $\Theta((\log_z r) \cdot (n + z)) = \Theta(\frac{\log r}{\log z} \cdot (n + z))$.

Jak zvolit základ z ? Pokud bychom si vybrali konstantní (třeba pokaždé čísla zapisovali v desítkové soustavě), časová složitost by vyšla $\Theta(\log r \cdot n)$. To není moc zajímavé, jelikož pro navzájem různé klíče máme $r \geq n$, takže jsme nepřekonali složitost porovnávacích algoritmů.

Užitečnější je zvolit $z \in \Theta(n)$. Pak dosáhneme složitosti $\Theta(\frac{\log r}{\log n} \cdot n)$. Pokud by čísla na vstupu byla polynomiálně velká vzhledem k n , tedy $r \leq n^\alpha$ pro nějaké pevné α , byl by $\log r \leq \alpha \log n$, takže časová složitost by vyšla lineární. Polynomiálně velká celá čísla jde tedy třídit v lineárním čase (a také lineárním prostoru).

Tomuto algoritmu se říká *číslicové třídění* neboli *Radixsort*.⁽³⁾

Třídění řetězců

Myšlenku víceprůchodového přihrádkového třídění použijeme ještě k řazení řetězců znaků. Chceme je uspořádat lexikograficky – to definujeme stejně jako pro k -tice, jen navíc musíme říci, že pokud při porovnávání jeden řetězec skončí dřív než druhý, ten kratší bude menší.

Na vstupu jsme tedy dostali nějakých n řetězců r_1, \dots, r_n délka po řadě ℓ_1, \dots, ℓ_n . Navíc označme $\ell = \max_i \ell_i$ délku nejdélšího řetězce a $s = \sum_i (\ell_i + 1)$ celkovou velikost vstupu (+1 kvůli uložení délky řetězce – musíme umět uložit i prázdný řetězec). Budeme předpokládat, že znaky abecedy máme očíslované od 1 do nějakého r .

Kdyby všechny řetězce byly stejně dlouhé, stačilo by je třídit jako k -tice. To by mělo složitost $\Theta(\ell n) = \Theta(s)$, tedy lineární v celkové velikosti vstupu.

S různě dlouhými řetězci bychom se mohli vypořádat tak, že bychom všechny doplnili mezerami na stejnou délku (mezerou myslíme nějaký znak, který je menší než všechny ostatní znaky). Složitost algoritmu bude nadále $\Theta(\ell n)$, ale to v některých případech může být i kvadratické ve velikosti vstupu. Uvažme třeba případ s t řetězci délky 1 a jedním délkou t . To je celkem $n = t + 1$ řetězců o celkové délce $s = 2t - 1$. Třídění ovšem zabere čas $\Theta(\ell n) = \Theta(t^2) = \Theta(s^2)$.

Okamžitě vidíme, kde se většina času tráví: přidáváme ohromné množství mezer a pak ve většině průchodů většinu řetězců házíme do přihrádky odpovídající mezeře. Zkusme algoritmus vylepšit, aby mezery přidával jen pomyslně a řetězce, které jsou příliš krátké, v počátečních průchodech vůbec neuvažoval.

⁽³⁾ *Radix* je latinsky kořen, ale zde se tím myslí základ poziční číselné soustavy.

— 3.4 Třídění – Přihrádkové třídění

Začneme tím, že řetězce roztrídíme Bucketsortem do přihrádek (množin) P_j podle délky. V j -té přihrádce tedy skončí řetězce délky j . Při tom také spočítáme ℓ .

Pak budeme provádět ℓ průchodů přihrádkového třídění pro $i = \ell, \ell - 1, \dots, 1$. Během nich budeme udržovat seznam Z tak, aby na konci průchodu pro konkrétní i obsahoval všechny řetězce s délkou alespoň i , a to seřazené podle i -tého až posledního znaku. Na konci posledního průchodu tedy budou v Z všechny řetězce seřazené lexikograficky podle všech znaků.

Zbývá popsat, jak jeden průchod pracuje. Použijeme přihrádky indexované znaky abecedy (Q_1 až Q_r) a budeme do nich rozhadzovat řetězce podle jejich i -tého znaku. Nejprve rozházíme řetězce délky i z množiny P_i a pak přidáváme všechny, které zůstaly v seznamu Z z předchozího průchodu – kratší řetězce se tak dostaly před delší, jak má být. Nakonec všechny přihrádky vysbíráme a řetězce naskládáme do nového seznamu Z . Indukcí můžeme nahlédnout, že seznam Z splňuje požadované vlastnosti.

Ještě dodejme, že řetězce do přihrádek nebudeme kopírovat celé, znak po znaku. Postačí ukládat ukazatele a samotné řetězce nechávat netknuté ve vstupní paměti.

Algoritmus TŘÍDĚNÍ ŘETĚZCŮ

Vstup: Řetězce r_1, \dots, r_n délek ℓ_1, \dots, ℓ_n nad abecedou $\{1, \dots, r\}$

1. $\ell \leftarrow \max(\ell_1, \ell_2, \dots, \ell_n)$ \triangleleft maximální délka
2. Pro $i \leftarrow 1, \dots, \ell$: \triangleleft rozdělíme podle délky
3. $P_i \leftarrow \emptyset$
4. Pro $i \leftarrow 1, \dots, n$ opakujeme:
5. Na konec P_{ℓ_i} přidáme řetězec r_i .
6. $Z \leftarrow \emptyset$ \triangleleft výsledek předchozího průchodu
7. Pro $i \leftarrow \ell, \ell - 1, \dots, 1$: \triangleleft průchody pro jednotlivé délky
8. Pro $j \leftarrow 1, \dots, r$: \triangleleft inicializace přihrádek
9. $Q_j \leftarrow \emptyset$
10. Pro řetězce u z přihrádky P_i : \triangleleft nové, kratší řetězce
11. Na konec $Q_{u[i]}$ přidáme řetězec u .
12. Pro řetězce v ze seznamu Z : \triangleleft řetězce z minulého průchodu
13. Na konec $Q_{v[i]}$ přidáme řetězec v .
14. $Z \leftarrow \emptyset$ \triangleleft vysbíráme přihrádky
15. Pro $j \leftarrow 1, \dots, r$:
16. Pro řetězce w z přihrádky Q_j :
17. Na konec seznamu Z přidáme řetězec w .

Výstup: Setříděný seznam řetězců Z

Ještě stanovíme časovou složitost. Seřazení řetězců podle délky potrvá $\Theta(n + \ell)$. Průchod pro dané i spotřebuje r kroků na práci s přihrádkami a sáhne na ty řetězce, které mají délku alespoň i , tedy mají na pozici i nějaký znak.

V součtu přes všechn ℓ průchodu tedy trvá práce s přihrádkami $\Theta(\ell r)$ a práce s řetězci $\Theta(\sum_i \ell_i) = \Theta(s)$ – každé sáhnutí na řetězec můžeme naúčtovat jednomu z jeho znaků.

Celý algoritmus proto běží v čase $\Theta(n + \ell r + s)$. Pokud je abeceda konstantně velká a vstup neobsahuje prázdné řetězce, můžeme tuto funkci zjednodušit na $\Theta(s)$. Algoritmus je tedy lineární ve velikosti vstupu.

Paměti spotřebujeme $\Theta(n + s)$ na řetězce a $\Theta(\ell + r)$ na přihrádky. To můžeme podobně zjednodušit na $\Theta(s)$.

Cvičení

1. *Rekurzivní Bucket sort:* Lexikografické třídění k -tic by se také dalo provést metodou Rozděl a panuj z kapitoly 10: nejprve záznamy rozdělit do přihrádek podle první souřadnice a pak každou přihrádku rekurzivně setřídit podle zbývajících $k - 1$ souřadnic. Jakou časovou a prostorovou složitost by měl takový algoritmus?
2. *Bucket sort v poli:* V implementaci Bucket sortu může být nešikovné ukládat přihrádky jako spojové seznamy, protože spotřebujeme hodně paměti na ukazatele. Upravte Bucket sort, aby si vystačil se vstupním polem, výstupním polem a jedním nebo několika r -prvkovými poli. [N93]
3. Může se někdy v Radixsortu vyplnit zvolit základ soustavy řádově větší než počet čísel? [N5]
4. *Třídění floatů:* Uvažujme čísla typu *floating point* zadaná ve tvaru $m \cdot 2^e$, kde m je celočíselná *mantisa*, e celočíselný *exponent* a platí $2^{24} \leq m < 2^{25}$, $-128 \leq e < 128$. Ověrte, že tato čísla lze ukládat do 32 bitů paměti. Rozmyslete si, jaký rozsah a přesnost mají. Navrhněte co nejrychlejší algoritmus na jejich třídění. [N118]
- 5.* *Velké abecedy:* Algoritmus TŘÍDĚNÍŘETĚZCŮ není efektivní pro velké abecedy, protože tráví příliš mnoho času přeskakováním prázdných přihrádek. Pokuste se předem předpočítat, ve kterém průchodu budou potřeba které přihrádky. Dosáhněte složitosti $\mathcal{O}(r + s)$. [N2]
- 6.** *Dírou* v množině $\{x_1, \dots, x_n\} \subset \mathbb{Z}$ nazveme dvojici (x_i, x_j) takovou, že $x_i < x_j$ a žádné jiné x_k neleží v intervalu $[x_i, x_j]$. Chceme nalézt největší z děr (s maximálním $x_j - x_i$). Setříděním množiny to jde snadno, ale existuje i lineární algoritmus založený na šikovném dělení do přihrádek. Zkuste na něj přijít. [N4]

3.5 Přehled třídicích algoritmů

Na závěr uvedeme přehlednou tabulku se souhrnem informací o jednotlivých třídicích algoritmech. Přidáme do ní i několik algoritmů, které představíme až v budoucích kapitolách. U všech algoritmů uvádíme číslo oddílu, kde jsou vyloženy.

Poznámky k tabulce:

- Quicksort má časovou složitost $\Theta(n \log n)$ pouze v průměru. Můžeme ale říci, že porovnáváme průměrné časové složitosti, protože u ostatních algoritmů vyjdou stejně jako jejich časové složitosti v nejhorším případě.
- Mergesort jde implementovat s konstantní pomocnou pamětí za cenu konstantního zpomalení, ovšem konstanta je neprakticky velká. Dále viz cvičení 3.2.5.
- Quicksort se dá naprogramovat stabilně, ale potřebuje lineárně pomocné paměti.
- Multiplikativní konstanta u Heapsortu není příliš příznivá a v běžných situacích tento algoritmus na celé čáře prohrává s efektivnějším Quicksortem.

<i>algoritmus</i>	<i>čas</i>	<i>pomocná paměť</i>	<i>stabilní</i>
Insertsort (3.1)	$\Theta(n^2)$	$\Theta(1)$	+
Bubblesort (3.1)	$\Theta(n^2)$	$\Theta(1)$	+
Mergesort (3.2, 10.2)	$\Theta(n \log n)$	$\Theta(n)$	+
Heapsort (4.2)	$\Theta(n \log n)$	$\Theta(1)$	-
Quicksort (10.7, 11.2)	$\Theta(n \log n)$	$\Theta(\log n)$	-
Bucketsort (3.4)	$\Theta(n + r)$	$\Theta(n + r)$	+
Bucketsort pro k -tice (3.4)	$\Theta(k \cdot (n + r))$	$\Theta(n + r)$	+
Radixsort (3.4)	$\Theta(n \log_n r)$	$\Theta(n)$	+
Bucketsort pro řetězce (3.4)	$\Theta(s)$	$\Theta(s)$	+

Obrázek 3.3: Přehled třídicích algoritmů
(n je počet prvků, r rozsah klíčů, s délka vstupu)

Cvičení

1. Navrhněte algoritmus na zjištění, jestli se v zadané n -prvkové posloupnosti opakují některé prvky.
- 2.* Dokažte, že problém z předchozí úlohy vyžaduje v porovnávacím modelu čas alespoň $\Theta(n \log n)$. [N35]
3. Je dána posloupnost čísel. Najděte nejdelší úsek, v němž se žádné číslo neopakuje. (To je podobné cvičení 1.1.2, ale zde nemí omezen rozsah prvků.)

4 Datové struktury

4 Datové struktury

V algoritmech potřebujeme zacházet s různými druhy dat – posloupnostmi, množinami, grafy, … Často se nabízí více způsobů, jak tato data uložit do paměti počítače. Jednotlivé způsoby se mohou lišit spotřebou paměti, ale také rychlostí různých operací s daty. Vhodný způsob tedy volíme podle toho, jaké operace využívá konkrétní algoritmus a jak často je provádí.

Otázky tohoto druhu se přitom opakují. Proto je zkoumáme obecně, což vede ke studiu datových struktur. V této kapitole se podíváme na ty nejběžnější z nich.

4.1 Rozhraní datových struktur

Nejprve si rozmyslíme, co od datové struktury očekáváme. Z pohledu programu má struktura jasné rozhraní: reprezentuje nějaký druh dat a umí s ním provádět určité operace. Uvnitř datové struktury pak volíme konkrétní uložení dat v paměti a algoritmy pro provádění jednotlivých operací. Z toho pak plyne prostorová složitost struktury a časová složitost operací.

Fronta a zásobník

Jednoduchým příkladem je *fronta*. Ta si pamatuje posloupnost prvků a umí s ní provádět tyto operace:

ENQUEUE(x)	přidá na konec fronty prvek x
DEQUEUE	odebere prvek ze začátku fronty, případně oznámí, že fronta je prázdná

Pokud frontu implementujeme jako spojový seznam, zvládneme obě operace v konstantním čase a vystačíme si s pamětí lineární v počtu prvků.

Nejbližším příbuzným fronty je *zásobník* – ten si také pamatuje posloupnost a dovede přidávat nové prvky na konec, ale odebírá je z téhož konce. Operaci přidání se obvykle říká PUSH, operaci odebrání POP.

Prioritní fronta

Zajímavější je „fronta s předbíháním“, zvaná též *prioritní fronta*. Každý prvek má přiřazenou číselnou *prioritu* a na řadu vždy přijde prvek s nejvyšší prioritou. Operace vypadají následovně:

ENQUEUE(x, p)	přidá do fronty prvek x s prioritou p
DEQUEUE	naleze prvek s nejvyšší prioritou a odebere ho (pokud je takových prvků více, vybere libovolný z nich)

Prioritní frontu lze reprezentovat polem nebo seznamem, ale nalezení maxima z priorit bude pomalé – v n -prvkové frontě $\Theta(n)$. V oddílu 4.2 zavedeme *haldu*, s níž dosáhneme časové složitosti $\mathcal{O}(\log n)$ u obou operací.

Množina a slovník

Množina obsahuje konečný počet prvků vybraných z nějakého *univerza*. Pod univerzem si můžete představit třeba celá čísla, ale nemusíme se omezovat jen na ně. Obecně budeme předpokládat, že prvky univerza je možné v konstantním čase přiřazovat a porovnávat na rovnost a „je menší než“.

Množina nabízí následující operace:

$\text{MEMBER}(x)$	zjistí, zda x leží v množině (někdy též $\text{FIND}(x)$)
$\text{INSERT}(x)$	vloží x do množiny (pokud tam už bylo, nestane se nic)
$\text{DELETE}(x)$	odebere x z množiny (pokud tam nebylo, nestane se nic)

Zobecněním množiny je *slovník*. Ten si pamatuje konečnou množinu *klíčů* a každému z nich přiřazuje *hodnotu* (to může být prvek nějakého dalšího univerza, nebo třeba ukazatel najinou datovou strukturu). Slovník je tedy konečná množina dvojic (*klíč, hodnota*), v níž se neopakují klíče. Typické slovníkové operace jsou tyto:

$\text{GET}(x)$	zjistí, jaká hodnota je přiřazena klíči x (pokud nějaká)
$\text{SET}(x, y)$	přiřadí klíči x hodnotu y ; pokud už nějaká dvojice s klíčem x existovala, tak ji nahradí
$\text{DELETE}(x)$	smaže dvojici s klíčem x (pokud existovala)

Někdy nás také zajímá vzájemné pořadí prvků – tehdy definujeme *uspořádanou množinu*, která má navíc tyto operace:

MIN	vrátí nejmenší hodnotu v množině
MAX	vrátí největší hodnotu v množině
$\text{PRED}(x)$	vrátí největší prvek menší než x , nebo řekne, že takový není
$\text{SUCC}(x)$	vrátí nejmenší prvek větší než x , nebo řekne, že takový není

Obdobně můžeme zavést uspořádané slovníky.

Množinu nebo slovník můžeme reprezentovat pomocí pole. Má to ale své nevýhody: Především potřebujeme dopředu znát horní mez počtu prvků množiny, případně si pořídit „nafukovací“ pole (viz oddíl 9.1). Mimo to se s polem pracuje pomalu: množinové operace musí pokaždé projít všechny prvky, což trvá $\Theta(n)$.

Hledání můžeme zrychlit *uspořádáním* (setříděním) pole. Pak může MEMBER binárně vyhledávat v logaritmickém čase, ovšem vkládání i mazání zůstanou lineární.

Použijeme-li *spojový seznam*, všechny operace budou lineární. Uspořádáním seznamu si nepomůžeme, protože v seznamu nelze hledat binárně.

Můžeme trochu podvádět a upravit rozhraní. Kdybychom slíbili, že INSERT nikdy nezavoláme na prvek, který už v množině leží, mohli bychom nový prvek vždy přidat na konec pole či seznamu. Podobně kdyby DELETE dostal místo klíče ukazatel na už nalezený prvek, mohli bychom mazat v konstantním čase (cvičení 2).

Později vybudujeme vyhledávací stromy (kapitola 8) a hešovací tabulky (oddíl 11.3), které budou mnohem efektivnější. Abyste věděli, na co se těsit, prozradíme už teď složitosti jednotlivých operací:

	INSERT	DELETE	MEMBER	MIN	PRED
pole	$\Theta(1)^*$	$\Theta(n)$	$\Theta(n)$	$\Theta(n)$	$\Theta(n)$
uspořádané pole	$\Theta(n)$	$\Theta(n)$	$\Theta(\log n)$	$\Theta(1)$	$\Theta(\log n)$
spojový seznam	$\Theta(1)^*$	$\Theta(n)$	$\Theta(n)$	$\Theta(n)$	$\Theta(n)$
uspořádaný seznam	$\Theta(n)$	$\Theta(n)$	$\Theta(n)$	$\Theta(1)$	$\Theta(n)$
vyhledávací strom	$\Theta(\log n)$	$\Theta(\log n)$	$\Theta(\log n)$	$\Theta(\log n)$	$\Theta(\log n)$
hešovací tabulka	$\Theta(1)^\dagger$	$\Theta(1)^\dagger$	$\Theta(1)^\dagger$	$\Theta(n)$	$\Theta(n)$

Operace MAX a SUCC jsou stejně rychlé jako MIN a PRED. Složitosti označené hvězdičkou platí jen tehdy, slíbíme-li, že se prvek v množině dosud nenachází; v opačném případě je potřeba předem provést MEMBER. Složitosti označené křížkem jsou průměrné hodnoty. U polí předpokládáme, že dopředu známe horní odhad velikosti množiny.

Cvičení

1. Navrhněte reprezentaci fronty v poli, která bude pracovat v konstantním čase. Můžete předpokládat, že předem znáte horní odhad počtu prvků ve frontě.
2. Při mazání z pole vznikne díra, kterou je potřeba zaplnit. Jak to udělat v konstantním čase?
3. Množiny čísel můžeme reprezentovat uspořádanými seznamy. Ukažte, jak v této reprezentaci počítat průnik a sjednocení množin v lineárním čase.
- 4.* Na uspořádané množině můžeme také definovat operaci INDEX(i), která najde i -tý nejmenší prvek. K ní inverzní je operace RANK(x), jež spočítá počet prvků množiny menších než x . Rozmyslete si, jakou složitost tyto dvě operace mají v různých reprezentacích množin.

4.2 Haldy

Jednou z nejjednodušších datových struktur je *halda* (anglicky *heap*), přesněji řečeno *minimová binární halda*. Co taková halda umí? Pamatuje si množinu prvků opatřených klíči a v nejjednodušší variantě nabízí tyto operace:

INSERT(x)	vloží prvek x do množiny
MIN(x)	najde prvek s nejmenším klíčem (pokud je takových více, pak libovolný z nich)
EXTRACTMIN(x) odebere prvek s nejmenším klíčem a vrátí ho jako výsledek	

Klíč přiřazený prvku x budeme značit $k(x)$. Klíče si můžeme představovat jako celá čísla, ale obecně to mohou být prvky libovolného univerza. Jako obvykle budeme předpokládat, že klíče lze přiřazovat a porovnávat v konstantním čase.

Haldu často používáme jako prioritní frontu, pak roli klíče hraje priorita.

Definice: Strom nazveme *binární*, pokud je zakořeněný a každý vrchol má nejvýše dva syny, u nichž rozlišujeme, který je levý a který pravý. Vrcholy rozdělíme podle vzdálenosti od kořene do *hladin*: v nulté hladině leží kořen, v první jeho synové atd.

Definice: *Minimová binární halda* je datová struktura tvaru binárního stromu, v jehož každém vrcholu je uložen jeden prvek. Přitom platí:

1. *Tvar haldy*: Všechny hladiny kromě poslední jsou plně obsazeny. Poslední hladina je zaplněna zleva.
2. *Haldové uspořádání*: Je-li v vrchol a s jeho syn, platí $k(v) \leq k(s)$.

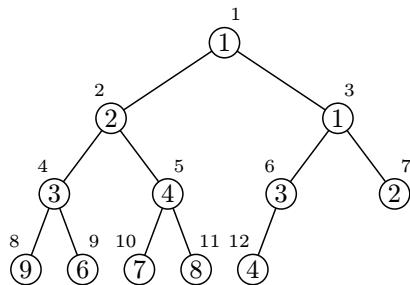
Pozorování: Vydáme-li se z kořene dolů po libovolné cestě, klíče nemohou klesat. Proto se v kořeni stromu musí nacházet jeden z minimálních prvků (těch s nejmenším klíčem; kdykoliv budeme mluvit o porovnávání prvků, myslíme tím podle klíčů).

Podotýkáme ještě, že haldové uspořádání popisuje pouze „svislé“ vztahy. Například o relaci mezi levým a pravým synem téhož vrcholu pranic neříká.

Lemma: Halda s n prvky má $\lfloor \log_2 n \rfloor + 1$ hladin.

Důkaz: Nejprve spočítáme, kolik vrcholů obsahuje binární strom o h úplně plných hladinách: $2^0 + 2^1 + 2^2 + \dots + 2^{h-1} = 2^h - 1$. Pokud tedy do haldy přidáváme vrcholy po hladinách, nová hladina přibude pokaždé, když počet vrcholů dosáhne mocniny dvojkdy. \square

Haldu jsme sice definovali jako strom, ale díky svému pravidelnému tvaru může být v paměti počítače uložena mnohem jednodušším způsobem. Vrcholy stromu očíslovujeme *indexy*



Obrázek 4.1: Halda a její očíslování

$1, \dots, n$. Číslovat budeme po hladinách shora dolů, každou hladinu zleva doprava. V tomto pořadí můžeme vrcholy uložit do pole a pracovat s nimi jako se stromem. Platí totiž:

Pozorování: Má-li vrchol index i , pak jeho levý syn má index $2i$ a pravý syn $2i + 1$. Je-li $i > 1$, otec vrcholu i má index $\lfloor i/2 \rfloor$, přičemž $i \bmod 2$ nám řekne, zda je k otci připojen levou, nebo pravou hranou.

Zatím budeme předpokládat, že dopředu víme, kolik prvků budeme do haldy vkládat, a podle toho zvolíme velikost pole. Později (v oddílu 9.1) ukážeme, jak lze haldu podle potřeby zmenšovat a zvětšovat.

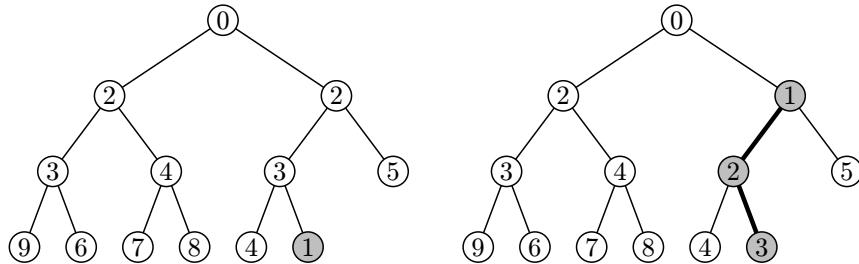
Dodejme ještě, že obdobně můžeme zavést *maximovou haldu*, která používá opačné uspořádání, takže namísto minima umí rychle najít maximum. Všechno, co v této kapitole ukážeme pro minimovou haldu, platí analogicky i pro tu maximovou. Jiné než binární haldy pak potkáme v kapitole 18.

Vkládání

Prázdnou nebo jednoprvkovou haldu vytvoříme triviálně. Uvažujme nyní, jak do haldy přidat další prvek.

Podmínka na tvar haldy nám dovoluje přidat nový list na konec poslední hladiny. Pokud by tato hladina byla plná, můžeme založit novou s jediným listem úplně vlevo. Tím dostaneme strom správného tvaru, ale na hraně mezi novým listem ℓ a jeho otcem o jsme mohli porušit uspořádání, pokud $k(\ell) < k(o)$.

V takovém případě list s otcem prohodíme. Tím jsme chybu opravili, ale mohli jsme způsobit další chybu o hladinu výš. Tu vyřešíme dalším prohozením a tak dále. Nově přidaný prvek bude tedy „vybublávat“ nahoru, potenciálně až do kořene.



Obrázek 4.2: Vkládání do haldy: začátek a konec

Zbývá se přesvědčit, že kdykoliv jsme prohodili otce se synem, nemohli jsme ukázat vztah mezi otcem a jeho druhým synem. To proto, že otec se prohozením zmenšil.

Nyní vkládání zapíšeme v pseudokódu. Budeme předpokládat, že halda je uložena v poli, takže na všechny vrcholy se budeme odkazovat indexy. Prvek na indexu i označíme $p(i)$ a jeho klíč $k(i)$, v proměnné n si budeme pamatovat momentální velikost haldy.

Procedura HEAPINSERT (vkládání do haldy)

Vstup: Nový prvek p s klíčem k

1. $n \leftarrow n + 1$
2. $p(n) \leftarrow p$, $k(n) \leftarrow k$
3. BUBBLEUP(n)

Procedura BUBBLEUP(i)

Vstup: Index i vrcholu se změněným klíčem

1. Dokud $i > 1$:
2. $o \leftarrow \lfloor i/2 \rfloor$ \triangleleft otec vrcholu i
3. Je-li $k(o) \leq k(i)$, vyskočíme z cyklu.
4. Prohodíme $p(i)$ s $p(o)$ a $k(i)$ s $k(o)$.
5. $i \leftarrow o$

Časovou složitost odhadneme snadno: na každé hladině stromu strávíme nejvýše konstantní čas a hladin je logaritmický počet. Operace INSERT tedy trvá $\mathcal{O}(\log n)$.

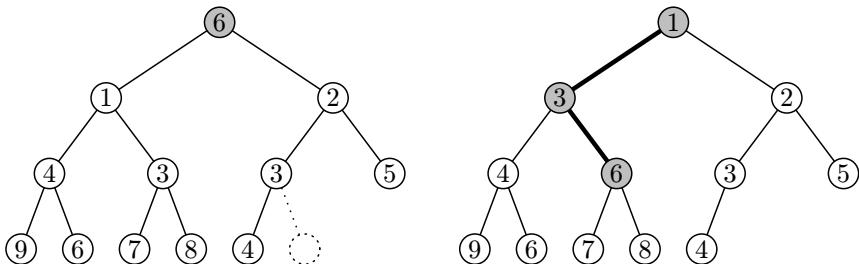
Hledání a mazání minima

Operace nalezení minima (MIN) je triviální, stačí se podívat do kořene haldy, tedy na index 1. Zajímavější bude, když se nám zachce provést EXTRACTMIN čili minimum odebrat. Kořen stromu přímo odstranit nemůžeme. Axiom o tvaru haldy nám nicméně dovoluje

bez trestně smazat nejpravější vrchol na nejnižší hladině. Smažeme tedy ten a prvek, který tam byl uložený, přesuneme do kořene.

Opět jsme v situaci, kdy strom má správný tvar, ale může mít pokažené uspořádání. Konkrétně se mohlo stát, že nový prvek v kořeni je větší než některý z jeho synů, možná dokonce než oba. V takovém případě prohodíme s menším z obou synů. Tím jsme opravili vztahy mezi kořenem a jeho syny, ale mohli jsme způsobit obdobný problém o hladinu níže. Pokračujeme tedy stejným způsobem a „zabubláváme“ nově vložený prvek hlouběji, potenciálně až do listu.

Takto trávíme čas $\mathcal{O}(1)$ na každou hladinu, celkem tedy $\mathcal{O}(\log n)$.



Obrázek 4.3: Mazání z haldy: začátek a konec

Procedura HEAPEXTRACTMIN (mazání minima z haldy)

1. $p \leftarrow p(1)$, $k \leftarrow k(1)$
2. $p(1) \leftarrow p(n)$, $k(1) \leftarrow k(n)$
3. $n \leftarrow n - 1$
4. BUBBLEDOWN(1)

Výstup: Prvek p s minimálním klíčem k

Procedura BUBBLEDOWN(i)

Vstup: Index i vrcholu se změněným klíčem

1. Dokud $2i \leq n$: \triangleleft vrchol i má nějaké syny
2. $s \leftarrow 2i$
3. Pokud $s + 1 \leq n$ a $k(s + 1) < k(s)$:
4. $s \leftarrow s + 1$
5. Pokud $k(i) < k(s)$, vyskočíme z cyklu.
6. Prohodíme $p(i)$ s $p(s)$ a $k(i)$ s $k(s)$.
7. $i \leftarrow s$

Úprava klíče

Doplňme ještě jednu operaci, která se nám bude časem hodit. Budeme jí říkat DECREASE a bude mít za úkol snížit klíč prvku, jenž v haldě už je.

Tvar kvůli tomu měnit nemusíme, ale co se stane s uspořádáním? Směrem dolů jsme ho pokazit nemohli, směrem nahoru ano. Jsme tedy ve stejné situaci jako při INSERTU, takže stačí zavolat proceduru BUBBLEUP, aby uspořádání opravila. To stihneme v logaritmickém čase.

Je tu ale jeden zádrhel: musíme vědět, kde se prvek v haldě nachází. Podle klíče vyhledávat neumíme, ovšem můžeme haldu naučit, aby nás informovala, kdykoliv se změní poloha nějakého prvku.

Obdobně můžeme implementovat zvýšení klíče (INCREASE). Uspořádání se tentokrát bude kazit směrem dolů, takže ho budeme opravovat bubláním v tomto směru.

Všimněte si, že INSERT můžeme také popsat jako přidání listu s hodnotou $+\infty$ a následný DECREASE. Podobně EXTRACTMIN odpovídá smazání listu a INCREASE kořene.

Složitost haldových operací shrneme následující větou:

Věta: V binární haldě o n prvcích trvají operace INSERT, EXTRACTMIN, INCREASE a DECREASE čas $\mathcal{O}(\log n)$. Operace MIN trvá $\mathcal{O}(1)$.

Konstrukce haldy

Pomocí haldy můžeme třídit: vytvoříme prázdnou haldu, do ní INSERTujeme tříděné prvky a pak je pomocí EXTRACTMIN vytahujeme od nejmenšího po největší. Jelikož provedeme $2n$ operací s nejvýše n -prvkovou haldou, má tento třídicí algoritmus časovou složitost $\mathcal{O}(n \log n)$.

Samotné vytvoření n -prvkové haldy lze dokonce stihnout v čase $\mathcal{O}(n)$. Provedeme to následovně: Nejprve prvky rozmístíme do vrcholů binárního stromu v libovolném pořadí – pokud máme strom uložený v poli, nemuseli jsme pro to udělat vůbec nic, prostě jenom začneme pozice v poli chápát jako indexy ve stromu.

Pak budeme opravovat uspořádání od nejnižší hladiny až k té nejvyšší, tedy v pořadí klešajících indexů. Kdykoliv zpracováváme nějaký vrchol, využijeme toho, že celý podstrom pod ním je už uspořádaný korektně, takže na opravu vztahů mezi novým vrcholem a jeho syny stačí provést bublání dolů. Pseudokód je mile jednoduchý:

Procedura MAKEHEAP (konstrukce haldy)

Vstup: Posloupnost prvků x_1, \dots, x_n s klíči k_1, \dots, k_n

1. Prvky uložíme do pole tak, že $x(i) = x_i$ a $k(i) = k_i$.

2. Pro $i = \lfloor n/2 \rfloor, \dots, 1$:
3. $\text{BUBBLEDOWN}(i)$

Výstup: Halda

Věta: Operace MAKEHEAP má časovou složitost $\mathcal{O}(n)$.

Důkaz: Nechť strom má h hladin očíslovaných od 0 (kořen) do $h - 1$ (listy). Bez újmy na obecnosti budeme předpokládat, že všechny hladiny jsou úplně plné, takže $n = 2^h - 1$.

Zprvu se zdá, že provádíme n bublání, která trvají logaritmicky dlouho, takže jimi strávíme čas $\Theta(n \log n)$. Podíváme-li se pozorněji, všimneme si, že například na hladině $h - 2$ leží přibližně $n/4$ prvků, ale každý z nich bubláme nejvýše o hladinu níže. Intuitivně většina vrcholů leží ve spodní části stromu, kde s nimi máme málo práce. Nyní to řekneme exaktněji.

Jedno BUBBLEDOWN na i -té hladině trvá $\mathcal{O}(h - 1 - i)$. Pokud to sečteme přes všech 2^i vrcholů hladiny a poté přes všechny hladiny, dostaneme (až na konstantu z \mathcal{O}):

$$\sum_{i=0}^{h-1} 2^i \cdot (h - 1 - i) = \sum_{j=0}^{h-1} 2^{h-1-j} \cdot j = \sum_{j=0}^{h-1} \frac{2^{h-1}}{2^j} \cdot j \leq n \cdot \sum_{j=0}^{h-1} \frac{j}{2^j} \leq n \cdot \sum_{j=0}^{\infty} \frac{j}{2^j}.$$

Podle podílového kritéria konvergence řad poslední suma konverguje, takže předposlední suma je shora omezena konstantou. \square

Poznámka: Argument s konvergencí řady zaručuje existenci konstanty, ale její hodnota by mohla být absurdně vysoká. Pochybnosti zaplašíme sečtením řady. Jde to provést hezkým trikem – místo nekonečné řady budeme sčítat nekonečnou matici:

$$\begin{pmatrix} 1/2 & & & \\ 1/4 & 1/4 & & \\ 1/8 & 1/8 & 1/8 & \\ \vdots & \vdots & \vdots & \ddots \end{pmatrix}$$

Sčítáme-li její prvky po řádcích, vyjde hledaná suma $\sum_j j/2^j$. Nyní budeme sčítat po sloupcích: první sloupec tvoří geometrickou řadu s kvocientem $1/2$, a tedy součtem 1 (to je mimochodem hezky vidět z binárního zápisu: $0.1 + 0.01 + 0.001 + \dots = 0.111\dots = 1$). Druhý sloupec má poloviční součet, třetí čtvrtinový, atd. Součet součtů sloupců je tudíž $1 + 1/2 + 1/4 + \dots = 2$.

Třídění haldou – Heapsort

Již jsme přišli na to, že pomocí haldy lze třídit. Potřebovali jsme na to ovšem lineární pomocnou paměť na uložení haldy. Nyní ukážeme elegantnější a úspornější algoritmus, kterému se obvykle říká Heapsort.

Vstup dostaneme v poli. Z tohoto pole vytvoříme operací MAKEHEAP *maximovou* haldu. Pak budeme opakovaně mazat maximum. Halda se bude postupně zmenšovat a uvolněné místo v poli budeme zaplňovat setříděnými prvky.

Obecně po k -tém kroku bude na indexech $1, \dots, n-k$ uložena halda a na $n-k+1, \dots, n$ bude ležet posledních k prvků setříděné posloupnosti. V dalším kroku se tedy maximum haldy přesune na pozici $n-k$ a hranice mezi haldou a setříděnou posloupností se posune o 1 doleva.

Algoritmus HEAPSORT (třídění haldou)

Vstup: Pole x_1, \dots, x_n

1. Pro $i = \lfloor n/2 \rfloor, \dots, 1$: ▷ vytvoříme z pole maximovou haldu
2. HsBUBLEDOWN(n, i)
3. Pro $i = n, \dots, 2$:
4. Prohodíme x_1 s x_i . ▷ maximum se dostane na správné místo
5. HsBUBLEDOWN($i - 1, 1$) ▷ opravíme haldu

Výstup: Setříděné pole x_1, \dots, x_n

Bublací procedura funguje podobně jako BUBLEDOWN, jen používá opačné uspořádání a nerozlišuje prvky od jejich klíčů.

Procedura HsBUBLEDOWN(m, i)

Vstup: Aktuální velikost haldy m , index vrcholu i

1. Dokud $2i \leq m$:
2. $s \leftarrow 2i$
3. Pokud $s + 1 \leq m$ a $x_{s+1} > x_s$:
4. $s \leftarrow s + 1$
5. Pokud $x_i > x_s$, vyskočíme z cyklu.
6. Prohodíme x_i a x_s .
7. $i \leftarrow s$

Věta: Algoritmus HEAPSORT setřídí n prvků v čase $\mathcal{O}(n \log n)$.

Důkaz: Celkem provedeme $\mathcal{O}(n)$ volání procedury HsBUBLEDOWN. V každém okamžiku je v haldě nejvýše n prvků, takže jedno bublání trvá $\mathcal{O}(\log n)$. □

Z toho, že umíme pomocí haldy třídit, také plynne, že časová složitost haldových operací je nejlepší možná. K formulaci tohoto tvrzení se nám hodí „ostré“ asymptotické porovnání funkcí pomocí malého o :

Věta: Mějme datovou strukturu s operacemi **INSERT** a **EXTRACTMIN**, která prvky pouze porovnává a přiřazuje. Nemůže se stát, že by obě operace měly na n -prvkové haldě složitost $o(\log n)$.

Důkaz: Pomocí n volání **INSERT** a n volání **EXTRACTMIN** lze setřídit n -prvkovou posloupnost. Kdyby obě operace měly složitost $o(\log n)$, trvalo by třídění $o(\log 1 + \dots + \log n) \subseteq o(n \log n)$. To je ovšem ve sporu s větou z oddílu 3.3, podle níž má každý třídicí algoritmus v porovnávacím modelu složitost $\Omega(n \log n)$.

Úvaha o sečtení složitostí v o si zaslouží podrobnější vysvětlení: Pro každé $c > 0$ zabere operace s i -prvkovou haldou čas nejvýše $c \log i$, takže všech n **INSERT**ů a n **EXTRACTMIN**ů trvá dohromady nejvýše $2c \cdot (\log 1 + \dots + \log n)$. Jen pozor na to, že malé o dovoluje konečně mnoho výjimek, takže počáteční členy mohou být větší než čekáme. Pro dost velké n nicméně budou menší než $\log n$, takže se celý součet stále vejde do $o(n \log n)$. \square

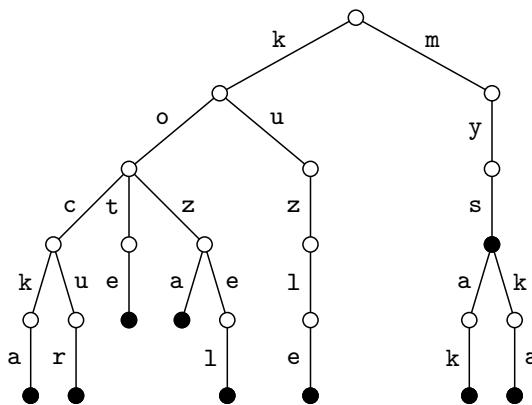
Cvičení

1. Prioritní fronta se někdy definuje tak, že prvky se stejnou prioritou vrací v pořadí, v jakém byly do fronty vloženy. Ukažte, jak takovou frontu realizovat pomocí haldy. Dosáhněte časové složitosti $\mathcal{O}(\log n)$ na operaci.
2. Navrhněte operaci **DELETE**, která z haldy smaže prvek zadáný jeho indexem.
- 3.* Dokažte, že vyhledávání prvku v haldě podle klíče vyžaduje čas $\Theta(n)$. [N23]
4. Definujme d -regulární haldu jako d -ární strom, který splňuje stejné axiomy o tvaru a uspořádání jako binární halda (binární tedy znamená totéž co 2-regulární). Ukažte, že d -ární strom má hloubku $\mathcal{O}(\log_d n)$ a lze ho také kódovat do pole. Dokažte, že haldové operace bublající nahoru trvají $\mathcal{O}(\log_d n)$ a ty bublající dolů $\mathcal{O}(d \log_d n)$. Zvýšením d tedy můžeme zrychlit **INSERT** a **DECREASE** za cenu zpomalení **EXTRACTMIN** a **INCREASE**. To se bude hodit v Dijkstrovo algoritmu, viz cvičení 6.2.3.
5. V rozboru operace **MAKEHEAP** jsme přehazovali pořadí sčítání v nekonečném součtu. To obecně nemusí být ekvivalentní úprava. Využijte poznatků z matematické analýzy, abyste dokázali, že v tomto případě se není čeho bát.
- 6.* Vymyslete algoritmus, který v haldě nalezne k -tý nejmenší prvek v čase $\mathcal{O}(k \log k)$.

4.3 Písmenkové stromy

Další jednoduchou datovou strukturou je *písmenkový strom* neboli *trie*.⁽¹⁾ Slouží k uložení *slovníku* nejen podle naší definice z oddílu 4.1, ale i v běžném smyslu tohoto slova. Pamatuje si množinu *slov* – řetězců složených ze znaků nějaké pevné konečné abecedy – a každému slovu může přiřadit nějakou hodnotu (třeba překlad slova do kočkovštiny).

Trie má tvar zakořeněného stromu. Z každého vrcholu vedou hrany označené navzájem různými znaky abecedy. V kořeni odpovídají prvnímu písmenu slova, o patro níž druhému, a tak dále.



Obrázek 4.4: Písmenkový strom pro slova *kocka*, *kocur*, *kote*, *koza*, *kozel*, *kuzle*, *mys*, *mysak*, *myska*

Vrcholům můžeme přiřadit řetězce tak, že přečteme všechny znaky na cestě z kořene do daného vrcholu. Kořen bude odpovídat prázdnému řetězci, čím hlouběji půjdeme, tím delší budou řetězce. Vrcholy odpovídající slovům slovníku označíme a uložíme do nich hodnoty přiřazené klíčům. Všimněte si, že označené mohou být i vnitřní vrcholy, je-li jeden klíč pokračováním jiného.

Každý vrchol si tedy bude pamatovat pole ukazatelů na syny (jako indexy slouží znaky abecedy), dále jednobitovou značku, zda se jedná o slovo ve slovníku, a případně hodnotu přiřazenou tomuto slovu. Je-li abeceda konstantně velká, celý vrchol zabere konstantní prostor. Pro větší abecedu můžeme pole nahradit některou z množinových datových struktur z příštích kapitol.

⁽¹⁾ Zvláštní název, že? Vznikl zkřížením slov *tree* (strom) a *retrieval* (vyhledávání). Navzdory angličtině se u nás vyslovuje „trie“ a skloňuje podle vzoru růže.

Vyhledávání (operace MEMBER) bude probíhat takto: Začneme v kořeni a budeme následovat hrany podle jednotlivých písmen hledaného slova. Pokud budou všechny existovat, stačí se podívat, jestli vrchol, do kterého jsme došli, obsahuje značku. Chceme-li kdykoliv jít po neexistující hraně, ihned odpovíme, že se slovo ve slovníku nenachází. Časová složitost hledání je lineární s délkou hledaného slova. Všimněte si, že na rozdíl od jiných datových struktur složitost nezávisí na tom, v jak velkém slovníku hledáme.

Při přidávání slova (operace INSERT) se nové slovo pokusíme vyhledat. Kdykoliv při tom bude nějaká hrana chybět, vytvoříme ji a necháme ji ukazovat na nový list. Vrchol, do kterého nakonec dojdeme, opatříme značkou. Časová složitost je zřejmě lineární s délkou přidávaného slova.

Při mazání (operace DELETE) bychom slovo vyhledat a pouze z jeho koncového vrcholu odstranit značku. Tím by se nám ale mohly začít hromadit větve, které už nevedou do žádných označených vrcholů, a tedy jsou zbytečné. Proto mazání naprogramujeme rekurzivně: nejprve budeme procházet stromem dolů a hledat slovo, pak smažeme značku a budeme se vracet do kořene. Kdykoliv přitom narazíme na vrchol, který nemá ani značku, ani syny, smažeme ho. I zde vše stihneme v lineárním čase s délkou slova.

Vytvořili jsme tedy datovou strukturu pro reprezentaci slovníku řetězců, která zvládne operace MEMBER, INSERT a DELETE v lineárním čase s počtem znaků operandu. Jelikož stále platí, že všechny vrcholy stromu odpovídají prefixům (začátkům) slov ve slovníku, spotřebujeme prostor nejvýše lineární se součtem délek slovníkových slov.

Cvičení

1. Zkuste v písmenkovém stromu na obrázku vyhledat slova **kocka**, **kot** a **myval**. Pak přidejte **kot** a **kure** a nakonec smažte **myska**, **mysak** a **mys**.
2. Vymyslete, jak pomocí písmenkového stromu setřídit posloupnost řetězců v čase lineárním vzhledem k součtu jejich délek. Porovnejte s algoritmem přihrádkového třídění z oddílu 3.4.
3. Je dán text rozdelený na slova. Chceme vypsat frekvenční slovník, tedy tabulku všech slov setříděných podle počtu výskytů.
4. Vymyslete, jak pomocí písmenkového stromu reprezentovat množinu celých čísel z rozsahu 1 až ℓ . Jak bude složitost operací záviset na ℓ a na velikosti množiny?
5. Navrhněte datovou strukturu pro básníky, která si bude pamatovat slovník a bude umět hledat rýmy. Tedy pro libovolné zadанé slovo najde jiné slovo ve slovníku, které má se zadáným co nejdelší společný suffix.
- 6.* Upravte datovou strukturu z předchozího cvičení, aby v případě, že nejlepších rýmů je více, vypsala lexikograficky nejmenší z nich.

7. Jak reprezentovat slovník, abyste uměli rychle vyhledávat všechny přesmyčky zadaného slova?
8. *Komprese trie:* Písmenkové stromy často obsahují dlouhé nevětvící se cesty. Tyto cesty můžeme komprimovat: nahradit jedinou hranou, která bude namísto jednoho písmene popsána celým řetězcem. Nadále bude platit, že všechny hrany vycházející z jednoho vrcholu se liší v prvních písmenech. Dokažte, že komprimovaná trie pro množinu n slov má nejvýše $\mathcal{O}(n)$ vrcholů. Upravte operace MEMBER, INSERT a DELETE, aby fungovaly v komprimované trii. S touto strukturou se ještě setkáme v oddílu 13.7.

4.4 Prefixové součty

Nyní se budeme zabývat datovými strukturami pro *intervalové operace*. Obecně se tím myslí struktury, které si pamatují nějakou posloupnost prvků x_1, \dots, x_n a dovedou efektivně zacházet se souvislými podposloupnostmi typu x_i, x_{i+1}, \dots, x_j . Tém se obvykle říká *úseky* nebo také *intervaly* (anglicky *range*).

Začneme elementárním příkladem: Dostaneme posloupnost a chceme umět odpovídat na dotazy typu „Jaký je součet daného úseku?“. K tomu se hodí spočítat takzvané prefixové součty:

Definice: *Prefixové součty* pro posloupnost x_1, \dots, x_n tvoří posloupnost p_1, \dots, p_n , kde $p_i = x_1 + \dots + x_i$. Obvykle se hodí položit $p_0 = 0$ jako součet prázdného prefixu.

Všechny prefixové součty si dovedeme pořídit v čase $\Theta(n)$, jelikož $p_0 = 0$ a $p_{i+1} = p_i + x_{i+1}$. Jakmile je máme, hravě spočítáme součet obecného úseku $x_i + \dots + x_j$: můžeme ho totiž vyjádřit jako rozdíl dvou prefixových součtů $p_j - p_{i-1}$.

Naše datová struktura tedy spotřebuje čas $\Theta(n)$ na inicializaci a pak dokáže v čase $\Theta(1)$ odpovídat na dotazy. Prvky posloupnosti nicméně neumí měnit – snadno si rozmyslíme, že změna prvku x_1 způsobí změnu všech prefixových součtů. Takovým strukturám se říká *statické*, na rozdíl od *dynamických*, jako je třeba halda.

Rozklad na bloky

Existuje řada technik, jimiž lze ze statické datové struktury vyrobit dynamickou. Jednu snadnou metodu si nyní ukážeme. V zájmu zjednodušení notace posuneme indexy tak, aby posloupnost začínala okresem x_0 .

Vstup rozdělíme na bloky velikosti b (konkrétní hodnotu b zvolíme později). První blok bude tvořen okresem x_0, \dots, x_{b-1} , druhý okresem x_b, \dots, x_{2b-1} , atd. Celkem tedy vznikne n/b bloků. Pakliže n není dělitelné b , doplníme posloupnost nulami na celý počet bloků.

Libovolný zadáný úsek se buďto celý vejde do jednoho bloku, nebo ho můžeme rozdělit na konec (suffix) jednoho bloku, nějaký počet celých bloků a začátek (prefix) dalšího bloku. Libovolná z těchto částí přitom může být prázdná.



Obrázek 4.5: Rozklad na bloky pro $n = 30$, $b = 6$ a dva dotazy

Pořídíme si tedy dva druhy struktur:

- *Lokální* struktury $L_1, \dots, L_{n/b}$ budou vyřizovat dotazy uvnitř bloku. K tomu nám stačí spočítat pro každý blok prefixové součty.
 - *Globální* struktura G bude naopak pracovat s celými bloky. Budou to prefixové součty pro posloupnost, která vznikne nahrazením každého bloku jediným číslem – jeho součtem.

Inicializaci těchto struktur zvládneme v lineárním čase: Každou z n/b lokálních struktur vytvoříme v čase $\Theta(b)$. Pak spočteme $\Theta(n/b)$ součtu bloků, každý v čase $\Theta(b)$ – nebo se na ně můžeme zeptat lokálních struktur. Nakonec vyrobíme globální strukturu v čase $\Theta(n/b)$. Všechno dohromady trvá $\Theta(n/b \cdot b) = \Theta(n)$.

Každý dotaz na součet úseku nyní můžeme přeložit na nejvýše dva dotazy na lokální struktury a nejvýše jeden dotaz na globální strukturu. Všechny struktury přitom vydají odpověď v konstantním čase.

Procedura SOUČETÚSEKU(i, j)

Vstup: Začátek úseku i , konec úseku j

- Pokud $j < i$, úsek je prázdný, takže položíme $s \leftarrow 0$ a skončíme.
 - $z \leftarrow \lfloor i/b \rfloor$, $k \leftarrow \lfloor j/b \rfloor$ \triangleleft ve kterém bloku úsek začíná a kde končí
 - Pokud $z = k$: \triangleleft celý úsek leží v jednom bloku
 - $s \leftarrow \text{LOKÁLNÍDOTAZ}(L_z, i \bmod b, j \bmod b)$
 - Jinak:
 - $s_1 \leftarrow \text{LOKÁLNÍDOTAZ}(L_z, i \bmod b, b - 1)$
 - $s_2 \leftarrow \text{GLOBÁLNÍDOTAZ}(G, z + 1, k - 1)$
 - $s_3 \leftarrow \text{LOKÁLNÍDOTAZ}(L_k, 0, j \bmod b)$
 - $s \leftarrow s_1 + s_2 + s_3$

Výstup: Součet úseků s

Nyní se podívejme, co způsobí změna jednoho prvku posloupnosti. Především musíme aktualizovat příslušnou lokální strukturu, což trvá $\Theta(b)$. Pak změnit jeden součet bloku a přepočítat globální strukturu. To zabere čas $\Theta(n/b)$.

Celkem nás tedy změna prvku stojí $\Theta(b + n/b)$. Využijeme toho, že parametr b jsme si mohli zvolit jakkoliv, takže ho nastavíme tak, abychom výraz $b + n/b$ minimalizovali. S rostoucím b první člen roste a druhý klesá. Jelikož součet se asymptoticky chová stejně jako maximum, výraz bude nejmenší, pokud se b a n/b vyrovnají. Zvolíme tedy $b = \lfloor \sqrt{n} \rfloor$ a dostaneme časovou složitost $\Theta(\sqrt{n})$.

Věta: Bloková struktura pro součty úseků se inicializuje v čase $\Theta(n)$, na dotazy odpovídá v čase $\Theta(1)$ a po změně jednoho prvku ji lze aktualizovat v čase $\Theta(\sqrt{n})$.

Odmocninový čas na změnu není optimální, ale princip rozkladu na bloky je užitečné znát a v příštím oddílu nás dovede k mnohem rychlejší struktuře.

Intervalová minima

Pokud se místo součtů budeme ptát na minima úseků, překvapivě dostaneme velmi odlišný problém. Pokusíme-li se použít osvědčený trik a předpočítat prefixová minima, tvrdě narazíme: minimum obecného úseku nelze získat z prefixových minim – například v posloupnosti $\{1, 9, 4, 7, 2\}$ jsou všechna prefixová minima rovna 1.

Opět nám pomůže rozklad na bloky. Lokální struktury si nebudou nic předpočítávat a dotazy budou vyřizovat otrockým projitím celého bloku v čase $\Theta(b)$. Globální struktura si bude pamatovat pouze n/b minim jednotlivých bloků, dotazy bude vyřizovat též otrocky v čase $\Theta(n/b)$.

Inicializaci struktury evidentně zvládneme v lineárním čase. Libovolný dotaz rozdělíme na konstantně mnoho dotazů na lokální a globální struktury, což dohromady potrvá $\Theta(b + n/b)$. Po změně prvku stačí přepočítat minimum jednoho bloku v čase $\Theta(b)$. Použijeme-li osvědčenou volbu $b = \sqrt{n}$, dosáhneme složitosti $\Theta(\sqrt{n})$ pro dotazy i modifikace.

Pro zvěřavého čtenáře dodáváme, že existuje i statická struktura s lineárním časem na předvýpočet a konstantním na minimový dotaz. Je ovšem o něco obtížnější, takže zájemce odkazujeme na kapitolu o dekompozici stromů v knize Krajinou grafových algoritmů [8]. Jednu z technik, které se k tomu hodí, si můžete vyzkoušet v cvičení 12.

Cvičení

1. Vyřešte úlohu o úseku s maximálním součtem z úvodní kapitoly pomocí prefixových součtů. [N8]
2. Je dána posloupnost přirozených čísel a číslo s . Chceme zjistit, zda existuje úsek posloupnosti, jehož součet je přesně s . Jak se úloha změní, pokud dovolíme i záporná čísla?

3. Vymyslete algoritmus, který v posloupnosti celých čísel najde úsek se součtem co nejbližším danému číslu.
4. V posloupnosti celých čísel najděte nejdelší *vyvážený* úsek, tedy takový, v němž je stejně kladných čísel jako záporných.
- 5.* Mějme posloupnost červených, zelených a modrých prvků. Opět hledáme nejdelší vyvážený úsek, tedy takový, v němž jsou všechny barvy zastoupeny stejným počtem prvků. Co se změní, je-li barev více?
6. Navrhněte dvojrozměrnou analogii prefixových součtů: Pro matici $m \times n$ předpočítejte v čase $\mathcal{O}(mn)$ údaje, pomocí nichž půjde v konstantním čase vypočítat součet hodnot v libovolné souvislé obdélníkové podmatici. [N52]
- 7.* Jak by vypadaly prefixové součty pro d -rozměrnou matici?
- 8.* Pro ctitele algebry: Myšlenka skládání úseků z prefixů fungovala pro součty, ale selhala pro minima. V čem se tyto dva případy liší? Uvažujme nějakou binární operaci \oplus , již chceme vyhodnocovat pro úseky: $x_i \oplus x_{i+1} \oplus \dots \oplus x_j$. Co musí operace \oplus splňovat, aby bylo možné použít prefixové součty? Jaké vlastnosti jsou potřeba pro blokovou strukturu?
9. K odmocninové časové složitosti aktualizací nám pomohlo zavedení dvojúrovňové struktury. Ukažte, jak pomocí tří úrovní dosáhnout času $\mathcal{O}(n^{1/3})$ na aktualizaci a $\mathcal{O}(1)$ na dotaz.
- 10.* Vyřešte předchozí cvičení pro obecný počet úrovní. Jaký počet je optimální?
11. *Vajíčka:* Na kraji města stojí n -patrový panelák, jehož obyvatelé se baví házením vajíček na chodník před domem. Ideální vajíčko se při hodu z p -tého nebo vyššího patra rozbití; pokud ho hodíme z nižšího, zůstane v původním stavu. Jak na co nejméně pokusů zjistit, kolik je p , pokud máme jenom 2 vajíčka? Jak to dopadne pro neomezený počet vajíček? A jak pro 3?
12. Jak náročný předvýpočet je potřeba, abychom uměli minima úseků počítat v konstantním čase? V čase $\mathcal{O}(n^2)$ je to triviální, ukažte, že stačí $\mathcal{O}(n \log n)$. Hodí se přepočítat minima úseků tvaru x_i, \dots, x_{i+2^j-1} pro všechna i a j .
- 13.* V matici tvaru $R \times S$ najděte podmatici tvaru $r \times s$, jejíž medián je maximální možný. [N59]
14. Mějme šachovnici $R \times S$ políček a na ní n obdélníků zadaných levým horním a pravým dolním políčkem. Spočítejte pro každé políčko šachovnice, v kolika obdélnících leží.

15. *Nulová podmatice:* V nula-jedničkové matici $R \times S$ najděte nějakou souvislou podmatici velikosti $r \times s$ obsahující samé nuly.
- 16.* *Největší nulová podmatice:* V nula-jedničkové matici $R \times S$ najděte podmatici ze samých nul, která má co nejvíce políček. Existuje řešení v čase $\Theta(RS)$. [N67]

4.5 Intervalové stromy

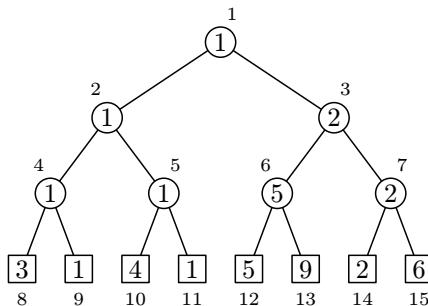
Rozklad posloupnosti na bloky, který jsme zavedli v minulém oddílu, lze elegantně zobecnit. Posloupnost budeme dělit na poloviny, ty zase na poloviny, a tak dále, až dojdeme k jednotlivým prvkům. Pro každou část tohoto rozkladu si přitom budeme udržovat něco předpočítaného.

Tato úvaha vede k takzvaným intervalovým stromům, které dovedou v logaritmickém čase jak vyhodnocovat intervalové dotazy, tak měnit prvky. Nadefinujeme je pro výpočet minim, ale pochopitelně by mohly počítat i součty či jiné operace.

Značení: V celém oddílu pracujeme s posloupností x_0, \dots, x_{n-1} celých čísel. Bez újmy na obecnosti budeme předpokládat, že n je mocnina dvojky. Interval $\langle i, j \rangle$ obsahuje prvky x_i, \dots, x_{j-1} (pozor, x_j už v intervalu neleží!). Pro $i \geq j$ to je prázdný interval.

Definice: *Intervalový strom* pro posloupnost x_0, \dots, x_{n-1} je binární strom s následujícími vlastnostmi:

1. Všechny listy leží na stejně hladině a obsahují zleva doprava prvky x_0, \dots, x_{n-1} .
2. Každý vnitřní vrchol má dva syny a pamatuje si minimum ze všech listů ležících pod ním.



Obrázek 4.6: Intervalový strom a jeho očíslování

Pozorování: Stejně jako haldu, i intervalový strom můžeme uložit do pole po hladinách. Na indexech 1 až $n-1$ budou ležet vnitřní vrcholy, na indexech n až $2n-1$ listy s prvky x_0 až x_{n-1} . Strom budeme reprezentovat polem S , jehož prvky budou bud členy posloupnosti nebo minima podstromů.

Ještě si všimneme, že podstromy přirozeně odpovídají intervalům v posloupnosti. Pod kořenem leží celá posloupnost, pod syny kořene poloviny posloupnosti, pod jejich syny čtvrtiny, atd. Obecně očíslujeme-li hladiny od 0 (kořen) po $h = \log n$ (listy), bude na k -té hladině ležet 2^k vrcholů. Ty odpovídají *kanonickým intervalům* tvaru $\langle i, i + 2^{h-k} \rangle$ pro i dělitelné 2^{h-k} .

Statický intervalový strom můžeme vytvořit v lineárním čase: zadanou posloupnost zkopírujeme do listů a pak zdola nahoru přepočítáváme minima ve vnitřních vrcholech: každý vnitřní vrchol obdrží minimum z hodnot svých synů. Strávíme tím konstantní čas na vrchol, celkem tedy $\mathcal{O}(n + n/2 + n/4 + \dots + 1) = \mathcal{O}(n)$.

Intervalový dotaz a jeho rozklad

Nyní se zabývejme vyhodnocováním dotazu na minimum intervalu. Zadaný interval rozdělíme na $\mathcal{O}(\log n)$ disjunktních kanonických intervalů. Jejich minima si strom pamatuje, takže stačí vydat jako výsledek minimum z těchto minim.

Příslušné kanonické intervaly můžeme najít třeba rekurzivním prohledáním stromu. Začneme v kořeni. Kdykoliv stojíme v nějakém vrcholu, podíváme se, v jakém vztahu je hledaný interval $\langle i, j \rangle$ s kanonickým intervalom $\langle a, b \rangle$ přiřazeným aktuálnímu vrcholu. Mohou nastat čtyři možnosti:

- $\langle i, j \rangle$ a $\langle a, b \rangle$ se shodují: $\langle i, j \rangle$ je kanonický, takže jsme hotovi.
- $\langle i, j \rangle$ leží celý v levé polovině $\langle a, b \rangle$: tehdy se rekurzivně zavoláme na levý podstrom a hledáme v něm stejný interval $\langle i, j \rangle$.
- $\langle i, j \rangle$ leží celý v pravé polovině $\langle a, b \rangle$: obdobně, ale jdeme doprava.
- $\langle i, j \rangle$ prochází přes střed s intervalu $\langle a, b \rangle$: dotaz $\langle i, j \rangle$ rozdělíme na $\langle i, s \rangle$ a $\langle s, j \rangle$. První z nich vyhodnotíme rekurzivně v levém podstromu, druhý v pravém.

Nyní tuto myšlenku zapíšeme v pseudokódu. Na vrcholy se budeme odkazovat pomocí jejich indexů v poli S . Chceme-li rozložit na kanonické intervaly daný interval $\langle i, j \rangle$, zavoláme $\text{INTCANON}(1, \langle 0, n \rangle, \langle i, j \rangle)$.

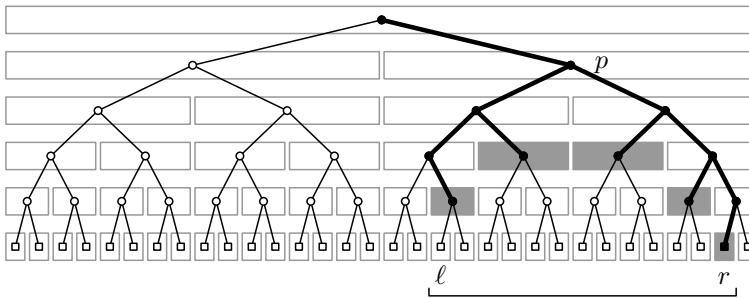
Procedura $\text{INTCANON}(v, \langle a, b \rangle, \langle i, j \rangle)$ (rozklad na kanonické intervaly)

Vstup: Index vrcholu v , který odpovídá intervalu $\langle a, b \rangle$; dotaz $\langle i, j \rangle$

1. Pokud $a = i$ a $b = j$, nahlásíme vrchol v a skončíme. \triangleleft přesná shoda

2. $s \leftarrow (a + b)/2$ \triangleleft střed intervalu $\langle a, b \rangle$
3. Pokud $j \leq s$, zavoláme $\text{INTCANON}(2v, \langle a, s \rangle, \langle i, j \rangle)$. \triangleleft vlevo
4. Jinak je-li $i \geq s$, zavoláme $\text{INTCANON}(2v + 1, \langle s, b \rangle, \langle i, j \rangle)$. \triangleleft vpravo
5. Ve všech ostatních případech: \triangleleft dotaz přes střed
6. Zavoláme $\text{INTCANON}(2v, \langle a, s \rangle, \langle i, s \rangle)$.
7. Zavoláme $\text{INTCANON}(2v + 1, \langle s, b \rangle, \langle s, j \rangle)$.

Výstup: Rozklad intervalu $\langle i, j \rangle$ na kanonické intervaly



Obrázek 4.7: Rozklad dotazu na kanonické intervaly

Lemma: Procedura INTCANON rozloží dotaz na nejvýše $2 \log_2 n$ disjunktních kanonických intervalů a stráví tím čas $\Theta(\log n)$.

Důkaz: Situaci sledujme na obrázku 4.7. Nechť dostaneme dotaz $\langle i, j \rangle$. Označme ℓ a r první a poslední list ležící v tomto intervalu (tyto listy odpovídají prvkům x_i a x_{j-1}). Nechť p je nejhlubší společný předek listů ℓ a r .

Procedura prochází od kořene po cestě do p , protože do té doby platí, že dotaz leží buďto celý nalevo, nebo celý napravo. Ve vrcholu p se dotaz rozdělí na dva podintervaly.

Levý podinterval zpracováváme cestou z p do ℓ . Kdykoliv cesta odbočuje doleva, pravý syn leží celý uvnitř dotazu. Kdykoliv odbočuje doprava, levý syn leží celý venku. Taktéž dojdeme buď až do ℓ , nebo dříve zjistíme, že podinterval je kanonický. Na každé z $\log n$ hladin různých od kořene přitom strávíme konstantní čas a vybereme nejvýše jeden kanonický interval.

Pravý podinterval zpracováváme analogicky cestou z p do r . Sečtením přes všechny hladiny získáme kýžené tvrzení. □

Rozklad zdola nahoru

Ukážeme ještě jeden způsob, jak dotaz rozkládat na kanonické intervaly. Tentokrát bude založen na procházení hladin stromu od nejnižší k nejvyšší. Dotaz přitom budeme postupně zmenšovat „ukusováním“ kanonických intervalů z jednoho či druhého okraje. V každém okamžiku výpočtu si budeme pamatovat souvislý úsek vrcholů $\langle a, b \rangle$ na aktuální hladině, které dohromady pokrývají aktuální dotaz.

Na počátku dostaneme dotaz $\langle i, j \rangle$ a přeložíme ho na úsek listů $\langle n+i, n+j \rangle$. Kdykoliv pak na nějaké hladině zpracováváme úsek $\langle a, b \rangle$, nejprve se podíváme, zda jsou a i b sudá. Pokud ano, úsek $\langle a, b \rangle$ pokrývá stejný interval, jako úsek $\langle a/2, b/2 \rangle$ o hladinu výš, takže se můžeme na vyšší hladinu rovnou přesunout. Je-li a liché, ukousneme kanonický interval vrcholu a a zbude nám úsek $\langle a+1, b \rangle$. Podobně je-li b liché, ukousneme interval vrcholu $b-1$ a snížíme b o 1. Takto umíme všechny případy převést na sudé a i b , a tím pádem na úsek o hladinu výš.

Zastavíme se v okamžiku, kdy dostaneme prázdný úsek, což je nejpozději tehdy, když se pokusíme vystoupit z kořene nahoru.

Procedura INT CANON2(i, j) (rozklad na kanonické intervaly zdola nahoru)

Vstup: Dotaz $\langle i, j \rangle$

1. $a \leftarrow i+n, b \leftarrow j+n$ \triangleleft indexy listů
2. Dokud $a < b$:
 3. Je-li a liché, nahlásíme vrchol a a položíme $a \leftarrow a+1$.
 4. Je-li b liché, položíme $b \leftarrow b-1$ a nahlásíme vrchol b .
 5. $a \leftarrow a/2, b \leftarrow b/2$

Výstup: Rozklad intervalu $\langle i, j \rangle$ na kanonické intervaly

Během výpočtu projdeme $\log_2 n + 1$ hladin, na každé nahlásíme nejvýše 2 vrcholy. Pokud si navíc uvědomíme, že nahlášení kořene vylučuje nahlášení kteréhokoliv jiného vrcholu, vyjde nám opět nejvýše $2 \log_2 n$ kanonických intervalů.

Aktualizace prvku

Od statického intervalového stromu je jen krůček k dynamickému. Co se stane, změníme-li nějaký prvek posloupnosti? Upravíme hodnotu v příslušném listu stromu a pak musíme přepočítat všechny kanonické intervaly, v nichž daný prvek leží. Ty odpovídají vrcholům ležícím na cestě z upraveného listu do kořene stromu.

Stačí tedy změnit list, vystoupat z něj do kořene a cestou všem vnitřním vrcholům přepočítat hodnotu jako minimum ze synů. To stihнемe v čase $\Theta(\log n)$. Program je přímočarý:

Procedura INTUPDATE(i, x) (aktualizace prvku v intervalovém stromu)

Vstup: Pozice i v posloupnosti, nová hodnota x

1. $a \leftarrow n + i$ \triangleleft index listu
2. $S[a] \leftarrow x$
3. Dokud $a > 1$:
4. $a \leftarrow \lfloor a/2 \rfloor$
5. $S[a] \leftarrow \min(S[2a], S[2a + 1])$

Aktualizace intervalu a líné vyhodnocování*

Nejen dotazy, ale i aktualizace mohou pracovat s intervalem. Naučíme náš strom pro výpočet minim operaci INCRANGE(i, j, δ), která ke všem prvkům v intervalu $\langle i, j \rangle$ přičte δ . Nemůžeme to samozřejmě udělat přímo – to by trvalo příliš dlouho. Použijeme proto trik, kterému se říká *líné vyhodnocování operací*.

Zadaný interval $\langle i, j \rangle$ nejprve rozložíme na kanonické intervaly. Pro každý z nich pak prostě zapíšeme do příslušného vrcholu stromu instrukci „někdy později zvýš všechny hodnoty v tomto podstromu o δ “.

Až později nějaká další operace na instrukci narazí, pokusí se ji vykonat. Udělá to ovšem líně: Místo aby pracně zvýšila všechny hodnoty v podstromu, jenom předá svou instrukci oběma svým synům, aby ji časem vykonali. Pokud budeme strom procházet vždy shora dolů, bude platit, že v části stromu, do níž jsme se dostali, jsou už všechny instrukce provedené. Zkratka a dobré, šikovný šéf všechnu práci předává svým podřízeným.

Budeme si proto pro každý vrchol v pamatovat nejen minimum $S[v]$, ale také nějaké číslo $\Delta[v]$, o které mají být zvětšené všechny hodnoty v podstromu: jak prvky v listech, tak všechna minima ve vnitřních vrcholech.

Proceduru pro operaci INCRANGE založíme na osvědčeném průchodu shora dolů v proceduře INTCANON. Místo hlášení kanonických intervalů do nich budeme rozmisťovat instrukce. Navíc potřebujeme aktualizovat minima ve vrcholech ležících mezi kořenem a těmito kanonickými intervaly. To snadno zařídíme při návratech z rekurze. Pro zvýšení intervalu $\langle i, j \rangle$ o δ budeme volat INTINCRANGE($1, \langle 0, n \rangle, \langle i, j \rangle, \delta$).

Procedura INTINCRANGE($v, \langle a, b \rangle, \langle i, j \rangle, \delta$) (aktualizace intervalu)

Vstup: Stojíme ve vrcholu v pro interval $\langle a, b \rangle$ a přičítáme δ k $\langle i, j \rangle$

1. Pokud $a = i$ a $b = j$: \triangleleft už máme kanonický interval
2. Položíme $\Delta[v] \leftarrow \Delta[v] + \delta$ a skončíme.
3. $s \leftarrow (a + b)/2$ \triangleleft střed intervalu $\langle a, b \rangle$
4. Pokud $j \leq s$, zavoláme INTINCRANGE($2v, \langle a, s \rangle, \langle i, j \rangle, \delta$).

5. Jinak je-li $i \geq s$, zavoláme $\text{INTINC RANGE}(2v + 1, \langle s, b \rangle, \langle i, j \rangle, \delta)$.
 6. Ve všech ostatních případech: \lhd dotaz přes střed
 7. Zavoláme $\text{INTINC RANGE}(2v, \langle a, s \rangle, \langle i, s \rangle, \delta)$.
 8. Zavoláme $\text{INTINC RANGE}(2v + 1, \langle s, b \rangle, \langle s, j \rangle, \delta)$.
 9. $S[v] \leftarrow \min(S[2v] + \Delta[2v], S[2v + 1] + \Delta[2v + 1])$

Procedura běží v čase $\Theta(\log n)$, protože projde přesně tutéž část stromu jako procedura INTCANON a v každém vrcholu stráví konstantní čas.

Všechny ostatní operace odvodíme z procházení shora dolů a upravíme je tak, aby v každém navštíveném vrcholu volaly následující proceduru. Ta se postará o líné vyhodnocování instrukcí a zabezpečí, aby v navštívené části stromu žádné instrukce nezbývaly.

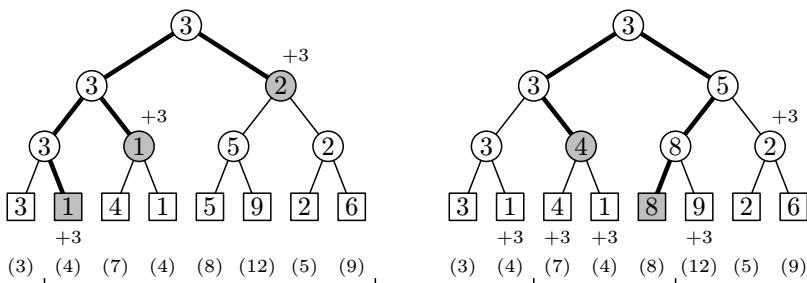
Procedura INTLAZYEVAL(v) (líné vyhodnocování)

Vstup: Index vrcholu v

1. $\delta \leftarrow \Delta[v]$, $\Delta[v] \leftarrow 0$
 2. $S[v] \leftarrow S[v] + \delta$
 3. Pokud $v < n$: \triangleleft předáváme synům
 4. $\Delta[2v] \leftarrow \Delta[2v] + \delta$
 5. $\Delta[2v+1] \leftarrow \Delta[2v+1] + \delta$

Každou operaci jsme opět zpomalili konstanta-krát, takže složitost zůstává logaritmická.

Vše si můžete prohlédnout na obrázku 4.8. Začneme stromem z obrázku 4.6. Pak při- čteme 3 k intervalu $\langle 1, 8 \rangle$ a získáme levý strom (u vrcholů jsou napsané instrukce $\Delta[v]$, v závorkách pod listy skutečné hodnoty posloupnosti). Nakonec položíme dotaz $\langle 2, 5 \rangle$, čímž se instrukce částečně vyhodnotí a vznikne pravý strom.



Obrázek 4.8: Líné výhodnocování operací

Cvičení

1. Naučte intervalový strom zjistit *druhý nejmenší* prvek v zadaném intervalu.
2. Naučte intervalový strom zjistit nejbližší prvek, který leží napravo od zadaného listu a obsahuje větší hodnotu.
3. Upravte intervalový strom, aby hranice intervalů nebyla čísla $1, \dots, n$, nýbrž prvky nějaké obecné posloupnosti $h_1 < \dots < h_n$ zadané při inicializaci struktury.
4. Naprogramujte funkci INTCANON nerekurzivně. Nejprve se vydejte z kořene do společného předka p a pak paralelně procházejte levou i pravou cestu do krajů intervalu. Může se hodit, že bratr vrcholu v má index v XOR 1.
5. *Jeřáb* se skládá z n rámén spojených kluby. Pro jednoduchost si ho představíme jako lomenou čáru v rovině. První úsečka je fixní, každá další je připojena kloubem na svou předchůdkyni. Koncový bod poslední úsečky hraje roli háku. Navrhněte datovou strukturu, která si bude pamatovat stav jeřábu a bude nabízet operace „otoč i -tým kloubem o úhel α “ a „zjisti aktuální pozici háku“.
6. Ukládáme-li intervalový strom do pole, potřebujeme předem vědět, jak velké pole si pořídit. Ukažte, jak se bez tohoto předpokladu obejít. Může se hodit technika nafukovacího pole z oddlu 9.1.
- 7.* Naučte intervalový strom operaci SETRANGE(i, j, x), která všechny prvky v intervalu $\langle i, j \rangle$ nastaví na x . Líným vyhodnocováním dosáhněte složitosti $\mathcal{O}(\log n)$.
- 8.* Vratte se k cvičení 4.4.10 a všimněte si, že je-li n mocnina dvojkdy a zvolíte-li počet úrovní rovný $\log_2 n$, stane se z příhrádkové struktury intervalový strom.
- 9.* *Závorky*: Navrhněte datovou strukturu, která si bude pamatovat posloupnost n levých a pravých závorek a bude umět v čase $\mathcal{O}(\log n)$ otočit jednu závorku a rozhodnout, zda je zrovna posloupnost správně uzávorkovaná.

5 Základní grafové algoritmy

5 Základní grafové algoritmy

Teorie grafů nám dává elegantní nástroj k popisu situací ze skutečného i matematického světa. Díky tomu dovedeme různé praktické problémy překládat na otázky týkající se grafů. To je zajímavé i samo o sobě, ale jak uvidíme v této kapitole, často díky tomu můžeme snadno přijít k rychlému algoritmu.

Čtenáře, který se dosud s teorií grafů nesetkal, odkazujeme na dodatek A, kde uvádíme základní pojmy a tvrzení o grafech. Ostatním čtenářům toliko připomeneme obvyklé značení:

Definice:

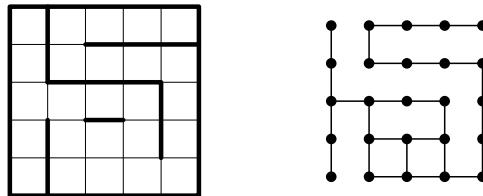
- G je graf, se kterým pracujeme (orientovaný nebo neorientovaný).
- V je množina vrcholů tohoto grafu, E množina jeho hran.
- n značí počet vrcholů, m počet hran.
- uv označuje hranu z vrcholu u do vrcholu v . Pokud pracujeme s orientovaným grafem, je to formálně uspořádaná dvojice (u, v) ; v neorientovaném grafu je to dvouprvková množina $\{u, v\}$.
- *Následníci* vrcholu v budou vrcholy, do kterých z v vede hrana. Analogicky z *předchůdců* vede hrana do v . V neorientovaném grafu tyto pojmy splývají. Předchůdcům a následníkům dohromady říkáme *sousedé* vrcholu v .
- *Stupeň* $\deg(v)$ vrcholu v udává počet jeho sousedů, *vstupní stupeň* $\deg^{\text{in}}(v)$ resp. *výstupní stupeň* $\deg^{\text{out}}(v)$ udává počet předchůdců resp. následníků vrcholu v .
- Někdy budeme uvažovat též *multigrafy*, v nichž mohou být dva vrcholy spojeny více paralelními hranami, případně mohou existovat *smyčky* spojující vrchol s ním samým.

5.1 Několik grafů úvodem

Pojďme se nejprve podívat, jak se dají praktické problémy modelovat pomocí grafů.

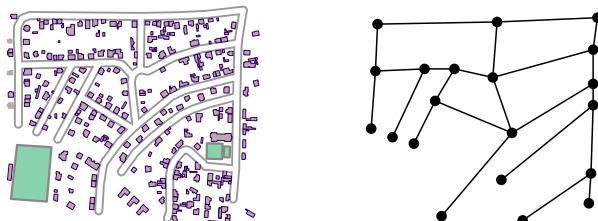
Bludiště na čtverečkovém papíře: vrcholy jsou čtverečky, hranou jsou spojené sousední čtverečky, které nejsou oddělené zdí. Je přirozené ptát se na *komponenty souvislosti* bludiště, což jsou různé „místnosti“, mezi nimiž nelze přejít (alespoň bez prokopání nějaké zdi). Pokud jsou dva čtverečky v téže místnosti, chceme mezi nimi hledat *nejkratší cestu*.

Mapa města je podobná bludišti: vrcholy odpovídají křížovatkám, hrany ulicím mezi nimi. Hrany se hodí *ohodnotit* délkami ulic nebo časy potřebnými na průjezd; pak nás



Obrázek 5.1: Bludiště a jeho graf

opět zajímají nejkratší cesty. Když městečko zapadá sněhem, *minimální kostra* grafu nám řekne, které silnice chceme prohrnout jako první. *Mosty* a *artikulace* (hrany resp. vrcholy, po jejichž odebrání se graf rozpadne) mají také svůj přirozený význam. Pokud jsou ve městě jednosměrky, budeme uvažovat o orientovaném grafu.



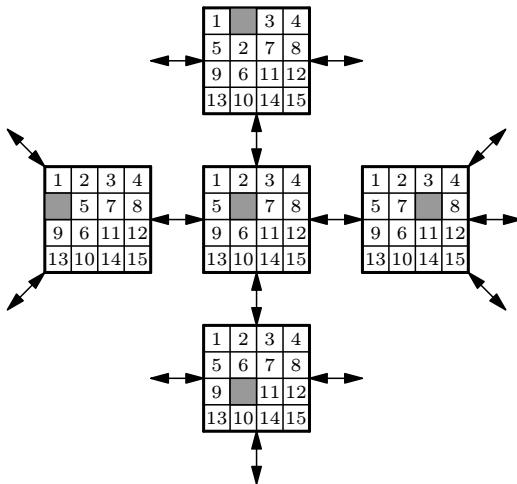
Obrázek 5.2: Mapa a její graf

Hlavolam „patnáctka“: v krabičce velikosti 4×4 je 15 očíslovaných jednotkových čtverečků a jedna jednotková díra. Jedním tahem smíme do díry přesunout libovolný čtvereček, který s ní sousedí; matematik by spíš řekl, že můžeme díru prohodit se sousedícím čtverečkem.

Opět se hodí graf: vrcholy jsou *konfigurace* (možná rozmístění čtverečků a díry v krabičce) a hrany popisují, mezi kterými konfiguracemi jde přejít jedním tahem. Tato konstrukce funguje i pro další hlavolamy a hry a obvykle se jí říká *stavový prostor* hry. Obecně vznikne orientovaný graf, ale zrovna u patnáctky ke každému možnému tahu existuje i tah opačný.

Šeherezádino číslo 1 001 je zajímavé například tím, že je nejmenším násobkem sedmi, jehož desítkový zápis sestává pouze z nul a jedniček. Co kdybychom obecně hledali nejmenší násobek nějakého čísla k tvořený jen nulami a jedničkami?

Zatím vyřešíme jednodušší otázku: spokojíme se s libovolným násobkem, ne tedy nutně nejmenším. Představme si, že takové číslo vytváříme postupným připisováním číslic.



Obrázek 5.3: Část stavového grafu patnáctky

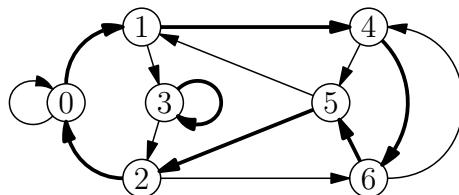
Začneme jedničkou. Kdykoliv pak máme nějaké číslo x , umíme z něj vytvořit čísla $x\mathbf{0} = 10x$ a $x\mathbf{1} = 10x + 1$. Všímejme si zbytků po dělení číslem k :

$$(x\mathbf{0}) \bmod k = (10x) \bmod k = (10 \cdot (x \bmod k)) \bmod k,$$

$$(x\mathbf{1}) \bmod k = (10x + 1) \bmod k = (10 \cdot (x \bmod k) + 1) \bmod k.$$

Ejhle: nový zbytek je jednoznačně určen předchozím zbytkem.

V řeči zbytků tedy začínáme s jedničkou a chceme ji pomocí uvedených dvou pravidel postupně přetrasformovat na nulu. To je přeci grafový problém: vrcholy jsou zbytky 0 až $k - 1$, orientované hrany odpovídají našim pravidlům a hledáme cestu z vrcholu 1 do vrcholu 0.



Obrázek 5.4: Graf zbytků pro $k = 7$. Tenké čáry připisují 0, tučné 1.

Cvičení

1. Kolik nejvýše vrcholů a hran má graf, kterým jsme popsali bludiště z $n \times n$ čtverečků? A kolik nejméně?
2. Kolik vrcholů a hran má graf patnáctky? Vejde se do paměti vašeho počítače? Jak by to dopadlo pro menší verzi hlavolamu v krabičce 3×3 ?
- 3.* Kolik má graf patnáctky komponent souvislosti?
4. Kolik vrcholů a hran má graf Šeherezádina problému pro dané k ?
- 5.* Dokažte, že Šeherezádin problém je pro každé $k > 0$ řešitelný.
- 6.* Jakému grafovému problému by odpovídalo hledání nejmenšího čísla z nul a jedniček dělitelného k ? Pokud vás napadla nejkratší cesta, ještě chvíli přemýšlejte.

5.2 Prohledávání do šířky

Základním stavebním kamenem většiny grafových algoritmů je nějaký způsob *prohledávání grafu*. Tím myslíme postupné procházení grafu po hranách od určitého počátečního vrcholu. Možných způsobů prohledávání je víc, zatím ukážeme ten nejjednodušší: *prohledávání do šířky*. Často se mu říká zkratkou *BFS* z anglického *breadth-first search*.

Na vstupu dostaneme konečný orientovaný graf a počáteční vrchol v_0 . Postupně nacházíme následníky vrcholu v_0 , pak následníky těchto následníků, a tak dále, až objevíme všechny vrcholy, do nichž se dá z v_0 dojít po hranách. Obrazně řečeno, do grafu nalijeme vodu a sledujeme, jak postupuje vlna.

Během výpočtu rozlišujeme tři možné *stavy vrcholů*:

- *Nenalezené* – to jsou ty, které jsme na své cestě grafem dosud nepotkali.
- *Otevřené* – o těch už víme, ale ještě jsme neprozkomali hrany, které z nich vedou.
- *Uzavřené* – už jsme prozkoumali i hrany, takže se takovými vrcholy nemusíme nadále zabývat.

Na počátku výpočtu tedy chceme prohlásit v_0 za otevřený a ostatní vrcholy za nenalezené. Pak v_0 uzavřeme a otevřeme všechny jeho následníky. Poté procházíme tyto následníky, uzavíráme je a otevříme jejich dosud nenalezené následníky. A tak dále. Otevřené vrcholy si přitom pamatujeme ve *frontě*, takže pokaždé zavřeme ten z nich, který je otevřený nejdéle.

Následuje zápis algoritmu v pseudokódu. Pomocná pole D a P budou hrát svou roli později (v oddílu 5.5), zatím můžete všechny operace s nimi přeskočit – chod algoritmu evidentně neovlivňují.

Algoritmus BFS (prohledávání do šířky)

Vstup: Graf $G = (V, E)$ a počáteční vrchol $v_0 \in V$

1. Pro všechny vrcholy v :
2. $stav(v) \leftarrow \text{nenalezený}$
3. $D(v) = \emptyset$, $P(v) \leftarrow \emptyset$
4. $stav(v_0) \leftarrow \text{otevřený}$
5. $D(v_0) \leftarrow 0$
6. Založíme frontu Q a vložíme do ní vrchol v_0 .
7. Dokud je fronta Q neprázdná:
8. Odebereme první vrchol z Q a označíme ho v .
9. Pro všechny následníky w vrcholu v :
10. Je-li $stav(w) = \text{nenalezený}$:
11. $stav(w) \leftarrow \text{otevřený}$
12. $D(w) \leftarrow D(v) + 1$, $P(w) \leftarrow v$
13. Přidáme w do fronty Q .
14. $stav(v) \leftarrow \text{uzavřený}$

Nyní dokážeme, že BFS skutečně dělá to, co jsme plánovali.

Lemma: Algoritmus BFS se vždy zastaví.

Důkaz: Vnitřní cyklus je evidentně konečný. V každém průchodu vnějším cyklem uzavřeme jeden otevřený vrchol. Jednou uzavřený vrchol už ale svůj stav nikdy nezmění, takže vnější cyklus proběhne nejvýše tolikrát, kolik je všech vrcholů. \square

Definice: Vrchol v je *dosažitelný* z vrcholu u , pokud v grafu existuje cesta z u do v .

Poznámka: Cesta se obvykle definuje tak, že se na ní nesmí opakovat vrcholy ani hrany. Na dosažitelnosti se samozřejmě nic nezmění, pokud budeme místo cest uvažovat sledy, na nichž je opakování povoleno:

Lemma: Pokud z vrcholu u do vrcholu v vede sled, pak tam vede i cesta.

Důkaz: Ze všech sledů z u do v vybereme ten nejkratší (co do počtu hran) a nahlédneme, že se jedná o cestu. Vskutku: kdyby se v tomto sledu opakoval nějaký vrchol t , mohli bychom část sledu mezi první a poslední návštěvou t „vystříhnout“ a získat tak sled o ještě menším počtu hran. A pokud se neopakují vrcholy, nemohou se opakovat ani hrany. \square

Lemma: Když algoritmus doběhne, vrcholy dosažitelné z v_0 jsou *uzavřené* a všechny ostatní vrcholy *nenelezené*.

Důkaz: Nejprve si uvědomíme, že každý vrchol buďto po celou dobu běhu algoritmu zůstane nenelezený, nebo se nejprve stane otevřeným a později uzavřeným. Formálně bychom to mohli dokázat indukcí podle počtu iterací vnějšího cyklu.

Dále nahlédneme, že kdykoliv nějaký vrchol w otevřeme, musí být dosažitelný z v_0 . Opět indukcí podle počtu iterací: na počátku je otevřený pouze vrchol v_0 sám. Kdykoliv pak otevříme nějaký vrchol w , stalo se tak proto, že do něj vedla hrana z právě uzavřaného vrcholu v . Přitom podle indukčního předpokladu existuje sled z v_0 do v . Prodloužíme-li tento sled o hranu vw , vznikne sled z v_0 do w , takže i w je dosažitelný.

Zbývá dokázat, že se nemohlo stát, že by algoritmus nějaký dosažitelný vrchol neobjevil. Pro spor předpokládejme, že takové „špatné“ vrcholy existují. Vybereme z nich vrchol s , který je k v_0 nejbližší, tedy do kterého vede z v_0 sled o nejmenším možném počtu hran. Jelikož sám v_0 není špatný, musí existovat vrchol p , který je na sledu předposlední (z p do s vede poslední hranu sledu).

Vrchol p také nemůže být špatný, protože jinak bychom si jej vybrali místo s . Tím pádem ho algoritmus nalezl, otevřel a časem i zavřel. Při tomto zavírání ovšem musel prozkoumat všechny sousedy vrcholu p , tedy i vrchol s . Není proto možné, aby s unikl otevření. \square

5.3 Reprezentace grafů

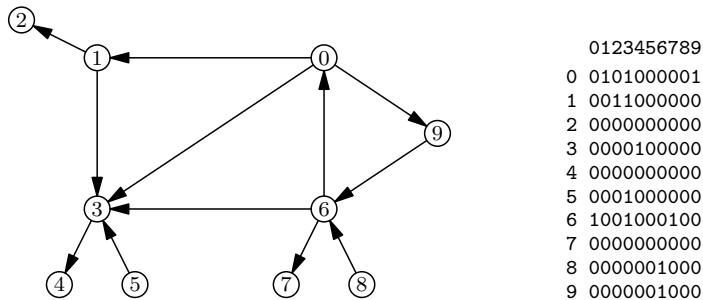
U algoritmu na prohledávání grafu do šírky jsme zatím nerozebrali časovou a paměťovou složitost. Není divu: algoritmus jsme popsali natolik abstraktně, že vůbec není jasné, jak dlouho trvá nalezení všech následníků vrcholu. Nyní tyto detaily doplníme.

Především se musíme rozhodnout, jak grafy reprezentovat v paměti počítače. Obvykle se používají následující způsoby:

Matice sousednosti. Vrcholy očíslovujeme od 1 do n , hrany popíšeme maticí $n \times n$, která má na pozici i, j jedničku, je-li ij hrana, a jinak nulu. Jedničky v i -tého řádku tedy odpovídají následníkům vrcholu i , jedničky v j -tého sloupci předchůdcům vrcholu j . Pro neorientované grafy je matice symetrická.

Výhodou této reprezentace je, že dovedeme v konstantním čase zjistit, zda jsou dva vrcholy spojeny hranou. Vyjmenování hran vedoucích z daného vrcholu trvá $\Theta(n)$. Matice zabere prostor $\Theta(n^2)$.

Lepších parametrů obecně nemůžeme dosáhnout, protože sousedů může být až $n - 1$ a všech hran až řádově n^2 . Často ale pracujeme s *řídkými grafy*, tedy takovými, které



Obrázek 5.5: „Prasátka“ a jeho matice sousednosti

mají méně než kvadraticky hran. Potkáváme je nečekaně často – řídké jsou například všechny rovinné grafy, čili i stromy. Pro ně se bude lépe hodit následující reprezentace.

Seznamy sousedů. Vrcholy opět očíslovujeme od 1 do n . Pro každý vrchol uložíme seznam čísel jeho následníků. Přesněji řečeno, pořídíme si pole S , jehož i -tý prvek bude ukazovat na seznam následníků vrcholu i . V neorientovaném grafu zařadíme hranu ij do seznamů $S[i]$ i $S[j]$.

0: 1, 3, 9	1: 2, 3	2:	3: 4	4:
5: 3	6: 0, 3, 7	7:	8: 6	9: 6

Obrázek 5.6: Seznamy následníků pro prasátkový graf

Vyjmenování hran tentokrát stihneme lineárně s jejich počtem. Celá reprezentace zabírá prostor $\Theta(n + m)$. Ovšem test existence hrany ij se zpomalil: musíme projít všechny následníky vrcholu i .

Často se používají různá rozšíření této reprezentace. Například můžeme přidat seznamy předchůdců, abychom uměli vyjmenovávat i hrany vedoucí *do* daného vrcholu. Také můžeme čísla vrcholů nahradit ukazateli, pole seznamem a získat tak možnost grafu za běhu libovolně upravovat. Pro neorientované grafy se pak hodí, aby byly oba výskyty téže hrany navzájem propojené.

Komprimované seznamy sousedů. Pokud chceme šetřit pamětí, může se hodit zkomprimovat seznamy následníků (či všech sousedů) do polí. Pořídíme si pole $S[1 \dots m]$, ve kterém budou za sebou naskládaní nejdříve všichni následníci vrcholu 1, pak následníci dvojkdy, atd. Navíc založíme „rejstřík“ – pole $R[1 \dots n]$, jehož i -tý prvek ukazuje na prvního následníka vrcholu i v poli S . Pokud navíc dodefinujeme $R[n+1] = m+1$, bude vždy platit, že následníci vrcholu i jsou v S na pozicích $R[i]$ až $R[i+1] - 1$.

i	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
$S[i]$	1	3	9	2	3	4	3	0	3	7	6	6

i	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
$R[i]$	1	4	6	6	7	7	8	11	11	12	13

Obrázek 5.7: Komprimované seznamy následníků pro prasátkový graf

Tím jsme ušetřili ukazatele, což sice asymptotickou paměťovou složitost nezměnilo, ale přesto se to u velkých grafů může hodit. Základní operace jsou řádově stejně rychlé jako před kompresí, ovšem zkomplikovali jsme jakékoli úpravy grafu.

Matice incidence. Často v literatuře narazíme na další maticovou reprezentaci grafů. Jedná se o matici tvaru $n \times m$, jejíž řádky jsou indexovány vrcholy a sloupce hranami. Sloupec, který popisuje hranu ij , má v i -tém řádku hodnotu -1 , v j -tém řádku hodnotu 1 a všude jinde nuly. Pro neorientované grafy se znaménka buďto volí libovolně, nebo jsou obě kladná.

Tato matice hraje pozoruhodnou roli v důkazech různých vět na pomezí teorie grafů a lineární algebry (například Kirchhoffovy věty o počítání koster grafu pomocí determinantů). V algoritmech se ovšem nehodí – je obrovská a všechny základní grafové operace jsou s ní pomalé.

Vraťme se nyní k prohledávání do šírky. Pokud na vstupu dostane graf reprezentovaný seznamy sousedů, o jeho časové složitosti platí:

Lemma: BFS doběhne v čase $\mathcal{O}(n + m)$ a spotřebuje paměť $\Theta(n + m)$.

Důkaz: Inicializace algoritmu (kroky 1 až 6) trvá $\mathcal{O}(n)$. Jelikož každý vrchol uzavřeme nejvýše jednou, vnější cyklus proběhne nejvýše n -krát. Pokaždé spotřebuje konstantní čas na svou režii a navíc konstantní čas na každého nalezeného následníka. Celkem tedy $\mathcal{O}(n + \sum_i d_i)$, kde d_i je počet následníků vrcholu i . Tato suma je rovna počtu hran.

(Také si můžeme představovat, že algoritmus zkoumá vrcholy i hrany, obojí v konstantním čase. Každou hranu přitom prozkoumá v okamžiku, kdy uzavírá vrchol, z nějž tato hrana vede, čili právě jednou.)

Paměť jsme potřebovali na reprezentaci grafu, lineárně velkou frontu a lineárně velká pole. \square

Cvičení

1. Jak reprezentovat multigrafy s násobnými hranami a smyčkami?

2. Jakou časovou složitost by BFS mělo, pokud bychom graf reprezentovali maticí sousednosti?
3. Navrhněte reprezentaci grafu, která bude efektivní pro řídké grafy, a přitom dokáže rychle testovat existenci hrany mezi zadanými vrcholy.
4. Je-li \mathbf{A} matice sousednosti grafu, co popisuje matice \mathbf{A}^2 ? A co \mathbf{A}^k ? (Mocniny matic definujeme takto: $\mathbf{A}^1 = \mathbf{A}$, $\mathbf{A}^{k+1} = \mathbf{A}^k \mathbf{A}$.)
- 5.* Na základě předchozího cvičení vytvořte algoritmus, který pomocí $\mathcal{O}(\log n)$ násobení matic spočítá *matici dosažitelnosti*. To je nula-jedničková matice \mathbf{A}^* , v níž $\mathbf{A}_{ij}^* = 1$ právě tehdy, když i do j vede cesta. Ještě lepší časové složitosti můžete dosáhnout násobením matic pomocí Strassenova algoritmu z oddílu 10.5. [N100]
6. Je-li \mathbf{I} matice incidence grafu, co popisují matice $\mathbf{I}^T \mathbf{I}$ a \mathbf{II}^T ?

5.4 Komponenty souvislosti

Jakmile umíme prohledávat graf, hned dokážeme odpovídat na některé jednoduché otázky. Například umíme snadno zjistit, zda zadaný neorientovaný graf je souvislý: vybereme si libovolný vrchol a spustíme z něj BFS. Pokud jsme navštívili všechny vrcholy, graf je souvislý. V opačném případě jsme prošli celou jednu *komponentu souvislosti*. K nalezení ostatních komponent stačí opakováně vybírat dosud nenavštívený vrchol a spouštět z něj prohledávání.

Následuje pseudokód algoritmu odvozený od BFS a mírně zjednodušený: zbytečně neinicIALIZUJEME vrcholy vícekrát a nerozlišujeme mezi otevřenými a uzavřenými vrcholy. Místo toho udržujeme pole C , které o navštívených vrcholech říká, do které komponenty patří; komponentu přitom identifikujeme nejmenším číslem vrcholu, který v ní leží.

Algoritmus KOMPONENTY

Vstup: Neorientovaný graf $G = (V, E)$

1. Pro všechny vrcholy v položíme $C(v) \leftarrow \text{nedefinováno}$.
2. Pro všechny vrcholy u postupně provádime:
 3. Je-li $C(u)$ nedefinováno: \triangleleft nová komponenta, spustíme BFS
 4. $C(u) \leftarrow u$
 5. Založíme frontu Q a vložíme do ní vrchol u .
 6. Dokud Q není prázdná:
 7. Odebereme první vrchol z Q a označíme ho v .
 8. Pro všechny následníky w vrcholu v :
 9. Pokud $C(w)$ není definováno:

10. $C(w) \leftarrow u$
11. Přidáme w do fronty Q .

Výstup: Pole C přiřazující vrcholům komponenty

Korektnost algoritmu je zřejmá. Pro rozbor složitosti označme n_i a m_i počet vrcholů a hran v i -té nalezené komponentě. Prohledání této komponenty trvá $\Theta(n_i + m_i)$. Kromě toho algoritmus provádí inicializaci a hledá dosud neoznačené vrcholy, což se obojí týká každého vrcholu jen jednou. Celkově tedy spotřebuje čas $\Theta(n + \sum_i (n_i + m_i))$, což je rovno $\Theta(n+m)$, neboť každý vrchol i hrana leží v právě jedné komponentě. Paměti potřebujeme $\Theta(n)$ navíc k reprezentaci grafu.

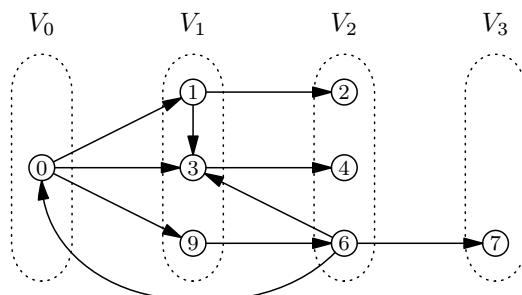
Cvičení

1. Navrhněte algoritmus, který v čase $\mathcal{O}(n + m)$ zjistí, zda zadaný graf je *bipartitní* (viz oddíl A.1). Pomocí algoritmu dokažte, že bipartitní jsou právě grafy bez lichých kružnic.

5.5 Vrstvy a vzdálenosti

Z průběhu prohledávání do šířky lze zjistit spoustu dalších zajímavých informací o grafu. K tomu se budou hodit pomocná pole D a P , jež jsme si už v algoritmu přichystali.

Především můžeme vrcholy rozdělit do *vrstev* podle toho, v jakém pořadí je BFS prochází: ve vrstvě V_0 bude ležet vrchol v_0 a kdykoliv budeme zavírat vrchol z vrstvy V_k , jeho otevírány následníky umístíme do V_{k+1} . Algoritmus má tedy v každém okamžiku ve frontě vrcholy z nějaké vrstvy V_k , které postupně uzavírá, a za nimi přibývají vrcholy tvorící vrstvu V_{k+1} .



Obrázek 5.8: Vrstvy při prohledávání grafu z obr. 5.5 do šířky

Lemma: Je-li vrchol v dosažitelný, pak leží v nějaké vrstvě V_k a číslo $D(v)$ na konci výpočtu je rovno k . Navíc pokud $v \neq v_0$, pak $P(v)$ je nějaký předchůdce vrcholu v ležící ve vrstvě V_{k-1} . Tím pádem $v, P(v), P(P(v)), \dots, v_0$ tvoří cestu z v_0 do v (zapsanou pozpátku).

Důkaz: Vše provedeme indukcí podle počtu kroků algoritmu. Využijeme toho, že $D(v)$ a $P(v)$ se nastavují v okamžiku uzavření vrcholu v a pak už se nikdy nezmění. \square

Čísla vrstev mají ovšem zásadnější význam:

Lemma: Je-li vrchol v dosažitelný z v_0 , pak na konci výpočtu $D(v)$ udává jeho vzdálenost od v_0 , měřenou počtem hran na nejkratší cestě.

Důkaz: Označme $d(v)$ skutečnou vzdálenost z v_0 do v . Z předchozího lemmatu víme, že z v_0 do v existuje cesta délky $D(v)$. Proto $D(v) \geq d(v)$.

Opačnou nerovnost dokážeme sporem: Nechť existují vrcholy, pro které je $D(v) > d(v)$. Takovým budeme opět říkat *špatné vrcholy* a vybereme z nich vrchol s , jehož skutečná vzdálenost $d(s)$ je nejmenší.

Uvážíme nejkratší cestu z v_0 do s a předposlední vrchol p na této cestě. Jelikož $d(p) = d(s) - 1$, musí p být dobrý (viz též cvičení 2), takže $D(p) = d(p)$. Nyní zaostřeme na okamžik, kdy algoritmus zavírá vrchol p . Tehdy musel objevit vrchol s jako následníka. Pokud byl v tomto okamžiku s dosud nenalezený, musel padnout do vrstvy $d(p)+1 = d(s)$, což je spor. Jenže pokud už byl otevřený nebo uzavřený, musel dokonce padnout do nějaké dřívější vrstvy, což je spor tím spíš. \square

Strom prohledávání a klasifikace hran

Vrstvy vypovídají nejen o vrcholech, ale také o hranách grafu. Je-li ij hrana, rozlišíme následující možnosti:

- $D(j) < D(i)$ – hrana vede do některé z minulých vrstev. V okamžiku uzavírání i byl j už uzavřený. Takovým hranám budeme říkat *zpětné*.
- $D(j) = D(i)$ – hrana vede v rámci téže vrstvy. V okamžiku uzavírání i byl j buďto uzavřený, nebo ještě otevřený. Tyto hranы se nazývají *příčné*.
- $D(j) = D(i)+1$ – hrana vede do následující vrstvy (povšimněte si, že nemůže žádnou vrstvu přeskočit, protože by neplatila trojúhelníková nerovnost pro vzdálenost).
 - Pokud při uzavírání i byl j dosud nenalezený, tak jsme j právě otevřeli a nastavili $P(j) = i$. Tehdy budeme hraně ij říkat *stromová* a za chvíli prozradíme, proč.
 - V opačném případě byl j otevřený a hranu prohlásíme za *dopřednou*.

Lemma: Stromové hrany tvoří strom na všech dosažitelných vrcholech, orientovaný směrem od kořene, jímž je vrchol v_0 . Cesta z libovolného vrcholu v do v_0 v tomto stromu je nejkratší cestou z v_0 do v v původním grafu. Proto se tomuto stromu říká *strom nejkratších cest*.

Důkaz: Graf stromových hran musí být strom s kořenem v_0 , protože vzniká z vrcholu v_0 postupným přidáváním listů. Na každé hraně přitom roste číslo vrstvy o 1 a jak už víme, čísla vrstev odpovídají vzdálenostem, takže cesty ve stromu jsou nejkratší. \square

Dodejme ještě, že stromů nejkratších cest může pro jeden graf existovat více (ani nejkratší cesty samotné nejsou jednoznačně určené, pouze vzdálenosti). Každý takový strom je ovšem kostrou prohledávaného grafu.

Pozorování: V neorientovaných grafech BFS potká každou dosažitelnou hranu dvakrát: buďto poprvé jako stromovou a podruhé jako zpětnou, nebo nejdříve jako dopřednou a pak jako zpětnou, anebo v obou případech jako příčnou. Tím pádem nemohou existovat zpětné hrany, které by se vracely o více než jednu vrstvu.

Nyní pojďme vše, co jsme zjistili o algoritmu BFS, shrnout do následující věty:

Věta: Prohledávání do šířky doběhne v čase $\mathcal{O}(n + m)$ a spotřebuje prostor $\Theta(n + m)$. Po skončení výpočtu popisuje pole *stav* dosažitelnost z vrcholu v_0 , pole *D* obsahuje vzdálenosti od vrcholu v_0 a pole *P* kóduje strom nejkratších cest.

Cvičení

1. Upravte BFS tak, aby pro každý dosažitelný vrchol zjistilo, kolik do něj vede nejkratší cestu z počátečního vrcholu. Zachovajte lineární časovou složitost.
2. V důkazu lemmatu o vzdálenostech jsme považovali za samozřejmost, že usekneme-li nejkratší cestu z v_0 do s v nějakém vrcholu p , zbude z ní nejkratší cesta z v_0 do p . Jinými slovy, prefix nejkratší cesty je zase nejkratší cesta. Dokažte formálně, že je to pravda.
3. BFS v každém okamžiku zavírá nejstarší otevřený vrchol. Jak by se chovalo, kdybychom vybírali otevřený vrchol podle nějakého jiného kritéria? Která z dokázaných lemmat by stále platila a která ne?
4. *Kulhavý kůň:* Na jisté šachovnici žil kulhavý kůň. To je zvláštní šachová figurka, která v sudých tazích táhne jako jezdec, v lichých jako pěšec. Vymyslete algoritmus, který z jednoho zadaného políčka dokulhá na druhé na nejmenší možný počet tahů.
5. *Kulhavé autičko:* Mějme mapu Manhattanu – čtverečkový papír, křížení čar odpovídají křižovatkám, úsečky mezi nimi jednotlivým streets a avenues, z nichž některé jsou neprůjezdné kvůli dopravní zácpě. Zrovna se nám v jedné ulici porouchalo auto

a nyní dovede pouze jezdit rovně a odbočovat doprava. Nalezněte nejkratší cestu do servisu (na zadanou křižovatku).

6. *Théseus a Mínótauros:* Hrdina Théseus se vypravil do hlubin labyrintu a snaží se najít poklad. Chodbami labyrintu se ovšem pohybuje hladový Mínótauros a snaží se najít Thésea. Labyrint má tvar čtvercové sítě, jejíž každé políčko je buďto volné prostranství, anebo zeď. Známe mapu labyrintu a počáteční polohy Thésea, Mínóaura a pokladu. Théseus se v jednom tahu pohně na vybrané sousední políčko. Poté se vždy dvakrát pohně o políčko Mínótauros: pokaždé se pokusí zmenšit o 1 rozdíl své a Théseovy x -ové souřadnice, pokud to nejde, pak y -ové, pokud nejde ani to, stojí. Poradte Théseovi, jak má dojít k pokladu a vyhnout se Mínóauroví. [N50]
7. *Vysvobození robotů:* Koupili jste na inzerát dvojici skvělých robotů. Lacino, neboť jsou právě uvězni v bludišti (čtvercová síť s některými políčky blokovanými). Znáte jejich polohy a můžete jim rádiem vysílat povely pro posun o políčko na sever, jih, východ či západ, abyste je dostali na okraj bludiště. Háček je ale v tom, že na každý povel reagují oba roboti. Vymyslete algoritmus, který najde nejkratší posloupnost povelu, jež vysvobodí oba roboty. Dodejme ještě, že robot ignoruje povel, který by způsobil okamžitý náraz do zdi nebo do druhého robota, a že jakmile se robot dostane na okraj, odchytíme ho a další povely neposlouchá.

Poznamenejme, že úloha by byla řešitelná i tehdy, kdybychom počáteční polohy robotů neznali. To je ovšem mnohem obtížnější a potřebná „univerzální posloupnost povelu“ mnohem delší.

5.6 Prohledávání do hloubky

Dalším důležitým algoritmem k procházení grafů je *prohledávání do hloubky*, anglicky *depth-first search* čili *DFS*. Je založeno na podobném principu jako BFS, ale vrcholy zpracovává rekurzivně: kdykoliv narazí na dosud nenalezený vrchol, otevře ho, zavolá se rekurzivně na všechny jeho dosud nenalezené následníky, načež původní vrchol zavře a vrátí se z rekurze.

Algoritmus opět zapíšeme v pseudokódu a rovnou ho doplníme o pomocná pole *in* a *out*. Do nich zaznamenáme, v jakém pořadí jsme vrcholy otevírali a zavírali.

Algoritmus DFS (prohledávání do hloubky)

Vstup: Graf $G = (V, E)$ a počáteční vrchol $v_0 \in V$

1. Pro všechny vrcholy v :
2. $stav(v) \leftarrow \text{nenalezený}$
3. $in(v), out(v) \leftarrow \text{nedefinováno}$

4. $T \leftarrow 0$ \triangleleft globální počítadlo kroků
5. Zavoláme $\text{DFS2}(v_0)$.

Procedura $\text{DFS2}(v)$

1. $\text{stav}(v) \leftarrow \text{otevřený}$
2. $T \leftarrow T + 1$, $\text{in}(v) \leftarrow T$
3. Pro všechny následníky w vrcholu v :
4. Je-li $\text{stav}(w) = \text{nenalezený}$, zavoláme $\text{DFS2}(w)$.
5. $\text{stav}(v) \leftarrow \text{uzavřený}$
6. $T \leftarrow T + 1$, $\text{out}(v) \leftarrow T$

Rozbor algoritmu povedeme podobně jako u BFS.

Lemma: DFS doběhne v čase $\mathcal{O}(n + m)$ a prostoru $\Theta(n + m)$.

Důkaz: Každý vrchol, který nalezneme, přejde nejprve do otevřeného stavu a posléze do uzavřeného, kde už setrvá. Každý vrchol proto uzavíráme nejvýše jednou a projdeme při tom hrany, které z něj vedou. Strávíme tak konstantní čas nad každým vrcholem a každou hranou.

Kromě reprezentace grafu algoritmus potřebuje lineárně velkou paměť na pomocná pole a na zásobník rekurze. \square

Lemma: DFS navštíví právě ty vrcholy, které jsou z v_0 dosažitelné.

Důkaz: Nejprve indukcí podle běhu algoritmu nahlédneme, že každý navštívený vrchol je dosažitelný. Opačnou implikaci zase dokážeme sporem: ze špatných vrcholů (dosažitelných, ale nenavštívených) vybereme ten, který je k v_0 nejbližší, a zvolíme jeho předchůdce na nejkratší cestě. Ten nemůže být špatný, takže byl otevřen, a tím pádem musel být posléze otevřen i náš špatný vrchol. Spor. \square

Prohledávání do hloubky nemá žádnou přímou souvislost se vzdálenostmi v grafu. Přesto pořadí, v němž navštěvuje vrcholy, skýtá mnoho pozoruhodných vlastností. Ty nyní prozkoumáme.

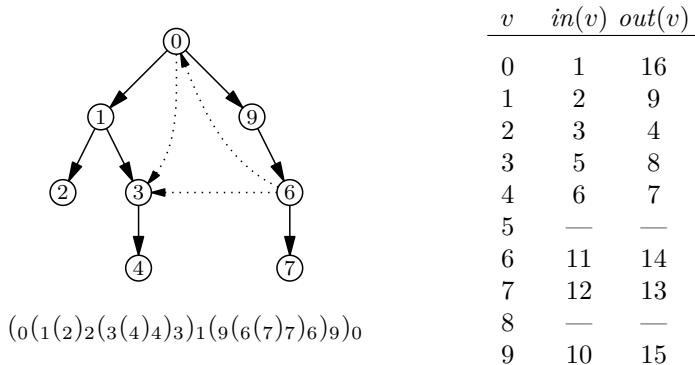
Chod algoritmu můžeme elegantně popsat pomocí řetězce závorek. Kdykoliv vstoupíme do vrcholu, připíšeme k řetězci levou závorku; až budeme tento vrchol opouštět, připíšeme pravou. Z průběhu rekurze je vidět, že jednotlivé páry závorek se nebudou křížit – dostali jsme tedy dobré uzávorkovaný řetězec s n levými a n pravými závorkami. Hodnoty $\text{in}(v)$ a $\text{out}(v)$ nám řeknou, kde v tomto řetězci leží levá a pravá závorka přiřazená vrcholu v .

Každé uzávorkování odpovídá nějakému stromu. V našem případě je to tak zvaný *DFS strom*, který je tvořen hranami z právě uzavíraného vrcholu do jeho nově objevených

následníků (těmi, po kterých jsme se rekursivně volali). Je to tedy strom zakořeněný ve vrcholu v_0 a jeho hrany jsou orientované směrem od kořene. Budeme ho kreslit tak, že hrany vedoucí z každého vrcholu uspořádáme zleva doprava podle toho, jak je DFS postupně objevovalo.

Na průběh DFS se tedy také dá dívat jako na procházení DFS stromu. Vrcholy, které leží na cestě z kořene do aktuálního vrcholu, jsou přesně ty, které už jsme otevřeli, ale zatím nezavřeli. Rekurze je má na zásobníku a v závorkové reprezentaci odpovídají levým závorkám, jež jsme vypsali, ale dosud neuzavřeli pravými. Tyto vrcholy tvoří bájnou Ariadninu nit, po níž se vracíme směrem ke vchodu do bludiště.

Obrázek 5.9 ukazuje, jak vypadá průchod DFS stromem pro „prasátkový“ graf z obrázku 5.5. Začali jsme vrcholem 0 a pokaždé jsme probírali následníky od nejmenšího k největšímu.



Obrázek 5.9: Průběh DFS na prasátkovém grafu

Pozorování: Hranám grafu můžeme přiřadit typy podle toho, v jakém vztahu jsou odpovídající závorky, čili v jaké poloze je hrana vůči DFS stromu. Tomuto přiřazení se obvykle říká *DFS klasifikace hran*. Pro hranu xy rozlišíme tyto možnosti:

- $(x \dots (y \dots)_y \dots)_x$. Tehdy mohou nastat dva případy:
 - Vrchol y byl při uzavírání x nově objeven. Taková hrana leží v DFS stromu, a proto jí říkáme *stromová*.
 - Vrchol y jsme už znali, takže v DFS stromu leží v nějakém podstromu pod vrcholem x . Těmto hranám říkáme *dopředné*.
- $(y \dots (x \dots)_x \dots)_y$ – vrchol y leží na cestě ve stromu z kořene do x a je dosud otevřený. Takové hrany se nazývají *zpětné*.

- $(y \dots)_y \dots (x \dots)_x$ – vrchol y byl už uzavřen a rekurze se z něj vrátila. Ve stromu není ani předkem, ani potomkem vrcholu x , nýbrž leží v nějakém podstromu odpojujícím se doleva od cesty z kořene do x . Těmto hranám říkáme *příčné*.
- $(x \dots)_x \dots (y \dots)_y$ – případ, kdy by vedla hrana z uzavřeného vrcholu x do vrcholu y , který bude otevřen teprve v budoucnosti, nemůže nastat. Před uzavřením x totiž prozkoumáme všechny hrany vedoucí z x a do případných nenalezených vrcholů se rovnou vydáme.

Na obrázku 5.9 jsou stromové hrany nakresleny plnými čarami a ostatní tečkováně. Hrana $(6, 0)$ je zpětná, $(0, 3)$ dopředná a $(6, 3)$ příčná.

V neorientovaných grafech se situace zjednoduší. Každou hranu potkáme dvakrát: buďto poprvé jako stromovou a podruhé jako zpětnou, nebo poprvé jako zpětnou a podruhé jako dopřednou. Příčné hrany se neobjeví (k nim opačné by totiž byly onoho posledního druhu, který se nemůže vyskytnout).

K rozpoznání typu hrany vždy stačí porovnat hodnoty *in* a *out* a případně stavy obou krajních vrcholů. Zvládneme to tedy v konstantním čase.

Shrňme, co jsme v tomto oddílu zjistili:

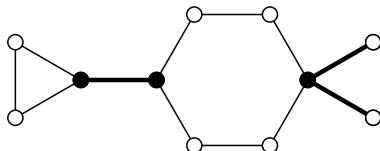
Věta: Prohledávání do hloubky doběhne v čase $\mathcal{O}(n + m)$ a spotřebuje prostor $\Theta(n + m)$. Jeho výsledkem je dosažitelnost z počátečního vrcholu, DFS strom a klasifikace všech hran v dosažitelné části grafu.

Cvičení

1. Jakou časovou složitost by DFS mělo, pokud bychom graf reprezentovali maticí sousednosti?
2. Nabízí se svědná myšlenka, že DFS získáme z BFS nahrazením fronty zásobníkem. To by například znamenalo, že ušetříme většinu analýzy algoritmu a jen se odkázat na obecný prohledávací algoritmus z cvičení 5.5.3. Na čem tento přístup selže?
3. Zkontrolujte, že DFS klasifikace je kompletní, tedy že jsme probrali všechny možné polohy hrany vzhledem ke stromu.
4. Mějme souvislý orientovaný graf. Chceme mazat jeho vrcholy jeden po druhém tak, aby graf zůstal stále souvislý. Jak takové pořadí mazání najít?
5. Může být v orientovaném grafu kružnice složená ze samých zpětných hran? A v neorientovaném?
6. Pro zakořeněný strom chceme spočítat jeho *hloubku* (maximum z délek cest mezi kořenem a listem) a *průměr* (maximum z délek cest mezi dvěma vrcholy).

5.7 Mosty a artikulace

DFS klasifikaci hran lze elegantně použít pro hledání *mostů* a *artikulací* v souvislých neorientovaných grafech. Most se říká hraně, jejímž odstraněním se graf rozpadne na komponenty. Artikulace je vrchol s toutéž vlastností.



Obrázek 5.10: Mosty a artikulace grafu

Mosty

Začneme klasickou charakteristikou mostů:

Lemma: Hrana *není most* právě tehdy, když leží na alespoň jedné kružnici.

Důkaz: Pokud hrana xy není most, musí po jejím odebrání stále existovat nějaká cesta mezi vrcholy x a y . Tato cesta spolu s hranou xy tvoří kružnici v původním grafu.

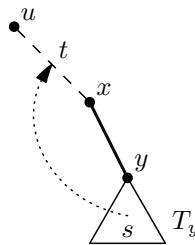
Naopak leží-li xy na nějaké kružnici C , nemůže se odebráním této hrany graf rozpadnout. V libovolném sledu, který používal hranu xy , totiž můžeme tuto hranu nahradit zbytkem kružnice C . \square

Nyní si rozmysleme, které typy hran podle DFS klasifikace mohou být mosty. Jelikož každou hranu potkáme v obou směrech, bude nás zajímat její typ při prvním setkání:

- Stromové hrany mohou, ale nemusí být mosty.
- Zpětné hrany nejsou mosty, protože spolu s cestou ze stromových hran uzavírají kružnici.
- Dopředné ani příčné hranы v neorientovaných grafech nepotkáme.

Stačí tedy umět rozhodnout, zda daná stromová hrana leží na kružnici. Jak by tato kružnice mohla vypadat? Nazveme x a y krajní vrcholy stromové hrany, přičemž x je vyšší z nich (bližší ke kořeni). Označme T_y podstrom DFS stromu tvořený vrcholem y a všemi jeho potomky. Pokud kružnice projde z x do y , právě vstoupila do podstromu T_y a než se vrátí do x , zase musí tento podstrom opustit. To ale může pouze po zpětné hraně: po jediné stromové jsme vešli a dopředné ani příčné neexistují.

Chceme tedy zjistit, zda existuje zpětná hrana vedoucí z podstromu T_y ven, to znamená na stromovou cestu mezi kořenem a x .



Obrázek 5.11: Zpětná hrana st způsobuje, že xy není most

Pro konkrétní zpětnou hranu tuto podmínu ověříme snadno: Je-li st zpětná hrana a s leží v T_y , stačí otestovat, zda t je výše než y , nebo ekvivalentně zda $in(t) < in(y)$ – to je totéž, neboť in na každé stromové cestě shora dolů roste.

Abychom nemuseli pokaždé prohledávat všechny zpětné hrany z podstromu, provedeme jednoduchý předvýpočet: pro každý vrchol v spočítáme $low(v)$, což bude minimum z in všech vrcholů, do nichž se lze dostat z T_v zpětnou hranou. Můžeme si představit, že to říká, jak vysoko lze z podstromu dosáhnout.

Pak už je testování mostů snadné: stromová hrana xy leží na kružnici právě tehdy, když $low(y) < in(y)$.

Předvýpočet hodnot $low(v)$ lze přitom snadno zabudovat do DFS: kdykoliv se z nějakého vrcholu v vracíme, spočítáme minimum z low jeho synů a z in všech vrcholů, do nichž z v vedou zpětné hrany. Lépe je to vidět z následujícího zápisu algoritmu. DFS jsme mírně upravili, aby nepotřebovalo explicitně udržovat stavky vrcholů a vystačilo si s polem in .

Algoritmus MOSTY

Vstup: Souvislý neorientovaný graf $G = (V, E)$

1. $M \leftarrow \emptyset$ \triangleleft seznam dosud nalezených mostů
2. $T \leftarrow 0$ \triangleleft počítadlo kroků
3. Pro všechny vrcholy v nastavíme $in(v) \leftarrow$ nedefinováno.
4. Zvolíme libovolně vrchol $u \in V$.
5. Zavoláme $MOSTY2(u, \text{nedefinováno})$.

Výstup: Seznam mostů M

Procedura MOSTY2(v, p)

Vstup: Kořen podstromu v , jeho otec p

1. $T \leftarrow T + 1$, $in(v) \leftarrow T$

2. $low(v) \leftarrow +\infty$
3. Pro všechny následníky w vrcholu v :
4. Pokud $in(w)$ není definován: \triangleleft hrana vw je stromová
5. Zavoláme MOSTY2(w, v). \triangleleft vw je most
6. Pokud $low(w) \geq in(w)$: \triangleleft vw je most
7. Přidáme hranu vw do seznamu M .
8. $low(v) \leftarrow \min(low(v), low(w))$
9. Jinak je-li $w \neq p$ a $in(w) < in(v)$: \triangleleft zpětná hrana
10. $low(v) \leftarrow \min(low(v), in(w))$

Snadno nahlédneme, že takto upravené DFS stále tráví konstantní čas nad každým vrcholem a hranou, takže běží v čase $\Theta(n+m)$. Paměti zabere $\Theta(n+m)$, neboť oproti DFS ukládá navíc pouze pole low .

Artikulace

I artikulace je možné charakterizovat pomocí kružnic a stromových/zpětných hran, jen je to maličko složitější.

Lemma A: Vrchol v není artikulace právě tehdy, když pro každé dva jeho různé sousedy x a y existuje kružnice, na níž leží hrany vx i vy .

Důkaz: Pokud v není artikulace, pak po odebrání vrcholu v (a tedy i hran vx a vy) musí mezi vrcholy x a y nadále existovat nějaká cesta. Doplňním hran xv a vy k této cestě dostaneme kýženou kružnici.

V opačném směru: Nechť každé dvě hrany incidentní s v leží na společné kružnici. Poté můžeme libovolnou cestu, která spojovala ostatní vrcholy a procházela při tom přes v , upravit na sled, který v nepoužije: pokud cesta do v vstoupila z nějakého vrcholu x a odchází do y , nahradíme hrany xv a vy opačným obloukem příslušné kružnice. Tím pádem graf zůstane po odebrání v souvislý a v není artikulace. \square

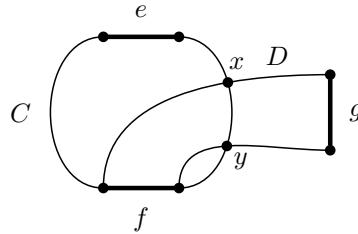
Definice: Zavedeme binární relaci \approx na hranách grafu tak, že hrany e a f jsou v relaci právě tehdy, když $e = f$ nebo e a f leží na společné kružnici.

Lemma E: Relace \approx je ekvivalence.

Důkaz: Reflexivita a symetrie jsou zřejmé z definice, ale potřebujeme ověřit tranzitivitu. Chceme tedy dokázat, že kdykoliv $e \approx f$ a $f \approx g$, pak také $e \approx g$. Víme, že existuje společná kružnice C pro e , f a společná kružnice D pro f a g . Potřebujeme najít kružnici, na níž leží současně e a g . Sledujme obrázek 5.12.

Vydáme se po kružnici D jedním směrem od hrany g , až narazíme na kružnici C (stát se to musí, protože hrana f leží na C i D). Vrchol, kde jsme se zastavili, označme x .

Podobně při cestě opačným směrem získáme vrchol y . Snadno ověříme, že vrcholy x a y musí být různé.



Obrázek 5.12: Situace v důkazu lemmatu E

Hledaná společná kružnice bude vypadat takto: začneme hranou g , pak se vydáme po kružnici D do vrcholu x , z něj po C směrem od vrcholu y ke hraně e , projdeme touto hranou, pokračujeme po C do vrcholu y a pak po D zpět ke hraně g . \square

Ekvivalentním třídám relace \approx se říká *komponenty vrcholové 2-souvislosti* nebo také *bloky*. Pozor na to, že na rozdíl od komponent obyčejné souvislosti to jsou množiny hran, nikoliv vrcholů.

Pozorování: Vrchol v je artikulace právě tehdy, sousedí-li s hranami z alespoň dvou různých bloků.

Nyní povoláme na pomoc DFS klasifikaci. Uvážíme všechny hrany incidentní s nějakým vrcholem v . Nejprve si všimneme, že každá zpětná hrana je v bloku s některou ze stromových hran, takže stačí zkoumat pouze stromové hrany.

Dále nahlédneme, že pokud jsou dvě stromové hrany vedoucí z v dolů v téžem bloku, pak musí v tomto bloku být i stromová hrana z v nahoru. Důvod je nasnadě: podstromy visící pod stromovými hranami nemohou být propojeny přímo (příčné hrany neexistují), takže je musíme nejprve opustit zpětnou hranou a pak se vrátit přes otce vrcholu v .

Zbývá tedy pro každou stromovou hranu mezi v a jeho synem zjistit, zda leží na kružnici se stromovou hranou z v nahoru. K tomu opět použijeme hodnoty *low*: je-li s syn vrcholu v , stačí otestovat, zda $low(s) < in(v)$.

Přímočarým důsledkem je, že má-li kořen DFS stromu více synů, pak je artikulací – hrany do jeho synů nemohou být propojeny ani přímo, ani přes vyšší patra stromu.

Stačí nám proto v algoritmu na hledání mostů vyměnit podmínu porovnávající *low* s *in* a hned hledá artikulace. Časová i paměťová složitost zůstávají lineární s velikostí grafu. Detailní zápis algoritmu ponechme jako cvičení.

Cvičení

1. Dokažte, že pokud se v souvislém grafu na alespoň třech vrcholech nachází most, pak je tam také artikulace. Ukažte, že opačná implikace neplatí.
2. Zapište v pseudokódu nebo naprogramujte algoritmus na hledání artikulací.
3. Definujme relaci \sim na vrcholech tak, že $x \sim y$ právě tehdy, leží-li x a y na nějakém společném cyklu (uzavřeném sledu bez opakování hran). Dokažte, že tato relace je ekvivalence. Jejím ekvivalentním třídám se říká *komponenty hranové 2-souvislosti*, jednotlivé třídy jsou navzájem pospojovány mosty. Upravte algoritmus na hledání mostů, aby graf rozložil na tyto komponenty.
4. *Blokový graf* $\mathcal{B}(G)$ grafu G popisuje vztahy mezi jeho bloky. Má dva typy vrcholů: jedny odpovídají artikulacím, druhé blokům (most považujeme za speciální případ bloku). Hranou spojíme vždy artikulaci se všemi incidentními bloky. Dokažte, že blokový graf je vždy strom, a rozšiřte algoritmus pro hledání artikulací, aby ho sestrojil.
- 5.* *Ušaté lemma* říká, že každý graf bez artikulací je možné postupně sestrojit tak, že vyjdeme z nějaké kružnice a postupně k ní přilepujeme „uší“ – cesty, jejichž krajiní vrcholy už byly sestrojeny, a vnitřní vrcholy ještě ne. Vymyslete algoritmus, jenž pro zadaný graf najde příslušný postup přilepování uší. Jak vypadá analogické tvrzení a algoritmus pro grafy bez mostů?
6. *Náhrdelník* je graf sestávající z kružnic C_1, \dots, C_k libovolných délek, kde každé dvě sousední kružnice C_i a C_{i+1} mají společný právě jeden vrchol a nesousední kružnice jsou disjunktní. Navrhněte algoritmus, který na vstupu dostane graf a dva jeho vrcholy u , v a zjistí, zda u a v je možné propojit náhrdelníkem. Tedy zda v grafu existuje podgraf izomorfní nějakému náhrdelníku C_1, \dots, C_k , v němž $u \in C_1$ a $v \in C_k$. Co kdybychom chtěli najít náhrdelník mezi u a v s nejmenším počtem kružnic?

5.8 Acyklické orientované grafy

Častým případem orientovaných grafů jsou *acyklické orientované grafy* neboli *DAGy* (z anglického *directed acyclic graph*). Pro ně umíme řadu problémů vyřešit efektivněji než pro obecné grafy. Mnohdy k tomu využíváme existenci topologického pořadí vrcholů, které zavedeme v tomto oddílu.

Detekce cyklů

Nejprve malá rozvíčka: Jak poznáme, jestli zadaný orientovaný graf je DAG? K tomu použijeme DFS, které budeme opakovaně spouštět, než prozkoumáme celý graf (buď stejně, jako jsme to dělali při testování souvislosti v oddílu 5.4, nebo trikem z cvičení 1).

Lemma: V grafu existuje cyklus právě tehdy, najde-li DFS alespoň jednu zpětnou hranu.

Důkaz: Pakliže DFS najde nějakou zpětnou hranu xy , doplněním cesty po stromových hranách z y do x vznikne cyklus. Teď naopak dokážeme, že na každém cyklu leží alespoň jedna zpětná hraná. □

Mějme nějaký cyklus a označme x jeho vrchol s nejnižším *outem*. Tím pádem na hraně vedoucí z x do následujícího vrcholu na cyklu roste *out*, což je podle klasifikace možné pouze na zpětné hraně. □

Topologické uspořádání

Důležitou vlastností DAGů je, že jejich vrcholy lze efektivně uspořádat tak, aby všechny hrany vedly po směru tohoto uspořádání. (Nabízí se představa nakreslení vrcholů na přímku tak, že hrany směřují výhradně zleva doprava.)

Definice: Lineární uspořádání \prec na vrcholech grafu nazveme *topologickým uspořádáním vrcholů*, pokud pro každou hranu xy platí, že $x \prec y$.

Věta: Orientovaný graf má topologické uspořádání právě tehdy, je-li to DAG.

Důkaz: Existuje-li v grafu cyklus, brání v existenci topologického uspořádání: pro vrcholy na cyklu by totiž muselo platit $v_1 \prec v_2 \prec \dots \prec v_k \prec v_1$.

Naopak v acyklickém grafu můžeme vždy topologické uspořádání sestrojit. K tomu se bude hodit následující pomocné tvrzení:

Lemma: V každém neprázdném DAGu existuje *zdroj*, což je vrchol, do kterého nevede žádná hrana.

Důkaz: Zvolíme libovolný vrchol v a půjdeme z něj proti směru hran, dokud nenarazíme na zdroj. Tento proces ovšem nemůže pokračovat do nekonečna, protože vrcholů je jen konečně mnoho a kdyby se nějaký zopakoval, našli jsme v DAGu cyklus. □

Pokud je náš DAG prázdný, topologické uspořádání je triviální. V opačném případě našel nezdroj, prohlásíme ho za první vrchol v uspořádání a odstraníme ho včetně všech hrani, které z něj vedou. Tím jsme opět získali DAG a postup můžeme iterovat, dokud zbývají vrcholy. □

Důkaz věty nám rovnou dává algoritmus pro konstrukci topologického uspořádání, s trochu snahy lineární (cvičení 2). My si ovšem všimneme, že takové uspořádání lze přímo vykoukat z průběhu DFS:

Věta: Pořadí, v němž DFS opouští vrcholy, je opačné k topologickému.

Důkaz: Stačí dokázat, že pro každou hranu xy platí $\text{out}(x) > \text{out}(y)$. Z klasifikace hran víme, že je to pravda pro všechny typy hran kromě zpětných. Zpětné hrany se nicméně v DAGu nemohou vyskytovat. \square

Stačí tedy do DFS doplnit, aby kdykoliv opouští vrchol, připojilo ho na začátek seznamu popisujícího uspořádání. Časová i paměťová složitost zůstávají lineární.

Topologická indukce

Ukažme alespoň jednu z mnoha aplikací topologického uspořádání. Dostaneme DAG a nějaký vrchol u a chceme spočítat pro všechny vrcholy, kolik do nich z u vede cest. Označme $c(v)$ hledaný počet cest z u do v .

Nechť v_1, \dots, v_n je topologické pořadí vrcholů a $u = v_k$ pro nějaké k . Tehdy $c(v_1) = c(v_2) = \dots = c(v_{k-1}) = 0$, neboť do téhoto vrcholů se z u nelze dostat. Také jistě platí $c(v_k) = 1$. Dále můžeme pokračovat indukcí:

Předpokládejme, že už známe $c(v_1)$ až $c(v_{\ell-1})$ a chceme zjistit $c(v_\ell)$. Jak vypadají cesty z u do v_ℓ ? Musí se skládat z cesty z u do nějakého předchůdce w vrcholu v_ℓ , na níž je napojena hrana wv_ℓ . Všichni předchůdci ovšem leží v topologickém uspořádání před v_ℓ , takže pro ně známe počty cest z u . Hledané $c(v_\ell)$ je tedy součtem hodnot $c(w)$ přes všechny předchůdce w vrcholu v_ℓ .

Tento výpočet proběhne v čase $\Theta(n + m)$, neboť součty přes předchůdce dohromady projdou po každé hraně právě jednou.

Další aplikace topologické indukce najeznete v cvičeních.

Cvičení

1. Opakování spouštění DFS můžeme nahradit následujícím trikem: přidáme nový vrchol a hrany z tohoto vrcholu do všech ostatních. DFS spuštěné z tohoto „superzdroje“ projde na jedno zavolání celý graf. Nahlédněte, že jsme tím zachovali acykličnost grafu, a všimněte si, že chod tohoto algoritmu je stejný jako chod opakovaného DFS.
2. Ukažte, jak konstrukci topologického uspořádání postupným otrháváním zdrojů provést v čase $\mathcal{O}(n + m)$. [N62]
3. Příklad topologické indukce z tohoto oddílu by šel vyřešit i jednoduchou úpravou DFS, která by hodnoty $c(v)$ počítala rovnou při opouštění vrcholů. Ukažte jak. [N3]
4. Vymyslete, jak pomocí topologické indukce najít v lineárním čase délku nejkratší cesty mezi vrcholy u a v v DAGu s ohodnocenými hranami. Nejkratšími cestami v obecných grafech se budeme zabývat v příští kapitole.

5. Ukažte totéž pro nejdelší cestu, což je problém, který v obecných grafech zatím neumíme řešit v polynomálním čase.
6. Jak spočítat, kolik mezi danými dvěma vrcholy neohodnoceného orientovaného grafu (ne nutně acyklického) vede nejkratších cest? [N36]
7. Kdy je topologické uspořádání grafu určeno jednoznačně?
8. Ukažte, že počet cest v DAGu může s počtem vrcholů růst exponenciálně.
9. *Sekvenční plánování:* Chceme provést řadu činností, které na sobě závisí – například snít k večeři kančí guláš vyžaduje předem ho uvařit, pročež je potřeba kance někdy předtím ulovit. Situaci můžeme popsat grafem: vrcholy odpovídají činnostem, orientované hrany závislostem. Topologické uspořádání grafu pak vyjadřuje možné pořadí postupného provádění činností. Sestavte závislostní graf pro všechno, co potřebujete udělat, když ráno vstáváte, a najděte všechna topologická uspořádání.
10. *Paralelní plánování:* Stavíme dům a podobně jako v předchozím cvičení si sestavíme závislostní graf všech činností. Máme k dispozici dostatek pracovníků, takže zvládneme provádět libovolně mnoho činností současně. Stále ovšem musí být splněny závislosti: dřív, než se do nějaké činnosti pustíme, musí být hotové vše, na čem závisí. Vrcholy grafu ohodnotíme časem potřebným na vykonání činnosti. Spočítejte pro každou činnost, kdy se do ní máme pustit, abyhom dům dostavěli co nejdříve.
11. *Kritické vrcholy:* O vrcholu grafu z předchozího cvičení řekneme, že je kritický, pokud by zpomalení příslušné činnosti způsobilo pozdější dokončení celého domu. Při řízení stavby si proto na takové vrcholy musíme dávat pozor. Vymyslete, jak je všechny najít.
12. *Abecední pořadí:* Dostali jsme slovník tajemného jazyka setříděný lexikograficky. Pokusete se podle slovníku určit, jaké pořadí znaků v abecedě jazyk používá.

5.9* Silná souvislost a její komponenty

Nyní se zamyslíme nad tím, jak rozšířit pojem souvislosti na orientované grafy. Intuitivně můžeme souvislost vnímat dvojím způsobem: Buďto tak, že kdykoliv graf rozdělíme na dvě části, vede mezi nimi alespoň jedna hrana. Anebo chceme, aby mezi každými dvěma vrcholy šlo přejít po cestě. Zatímco pro neorientované grafy tyto vlastnosti splývají, v orientovaných se liší, což vede ke dvěma různým definicím souvislosti:

Definice: Orientovaný graf je *slabě souvislý*, pokud nahrazením orientovaných hran neorientovanými dostaneme souvislý neorientovaný graf.

Definice: Orientovaný graf je *silně souvislý*, jestliže pro každé dva vrcholy x a y existuje orientovaná cesta z x do y , tak opačně.

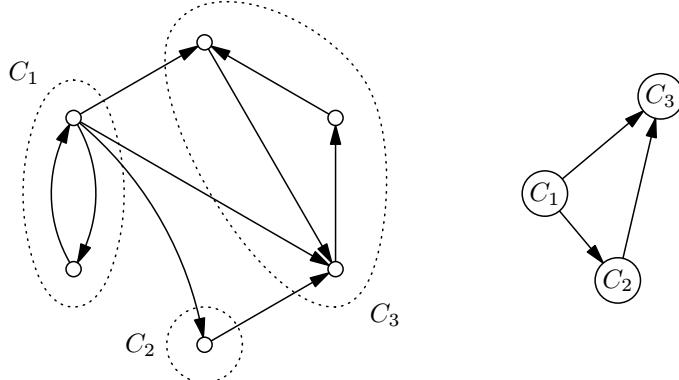
Slabá souvislost je algoritmicky triviální. V tomto oddílu ukážeme, jak lze rychle ověřovat silnou souvislost. Nejprve pomocí vhodné ekvivalence zavedeme její komponenty.

Definice: Bud \leftrightarrow binární relace na vrcholech grafu definovaná tak, že $x \leftrightarrow y$ právě tehdy, existuje-li orientovaná cesta jak z x do y , tak z y do x .

Snadno nahlédneme, že relace \leftrightarrow je ekvivalence (cvičení 1). Ekvivalenční třídy indukují podgrafy, kterým se říká *komponenty silné souvislosti* (v tomto oddílu říkáme prostě *komponenty*). Graf je tedy silně souvislý, pokud má právě jednu komponentu, čili pokud $u \leftrightarrow v$ pro každé dva vrcholy u a v . Vzájemné vztahy komponent můžeme popsat opět grafem:

Definice: Graf komponent $\mathcal{C}(G)$ má za vrcholy komponenty grafu G , z komponenty C_i vede hrana do C_j právě tehdy, když v původním grafu G existuje hrana z nějakého vrcholu $u \in C_i$ do nějakého $v \in C_j$.

Na graf $\mathcal{C}(G)$ se můžeme dívat i tak, že vznikl z G kontrakcí každé komponenty do jednoho vrcholu a odstraněním násobných hran. Proto se mu také někdy říká *kondenzace*.



Obrázek 5.13: Orientovaný graf a jeho graf komponent

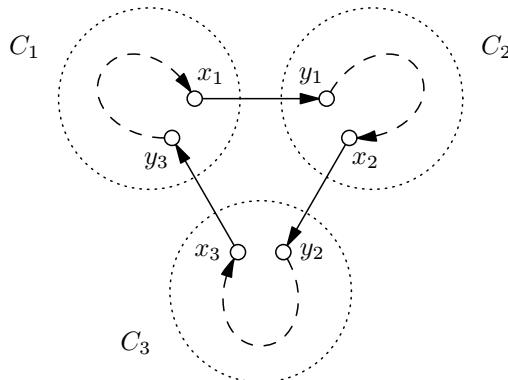
Lemma: Graf komponent $\mathcal{C}(G)$ každého grafu G je acyklický.

Důkaz: Sporem. Nechť C_1, C_2, \dots, C_k tvoří cyklus v $\mathcal{C}(G)$. Podle definice grafu komponent musí existovat vrcholy x_1, \dots, x_k ($x_i \in C_i$) a y_1, \dots, y_k ($y_i \in C_{i+1}$, přičemž indexujeme cyklicky) takové, že $x_i y_i$ jsou hranami grafu G . Situaci sledujme na obrázku 5.14.

Jelikož každá komponenta C_i je silně souvislá, existuje cesta z y_{i-1} do x_i v C_i . Slepéním těchto cest s hranami $x_i y_i$ vznikne cyklus v grafu G tvaru

$$x_1, y_1, \text{cesta v } C_2, x_2, y_2, \text{cesta v } C_3, x_3, \dots, x_k, y_k, \text{cesta v } C_1, x_1.$$

To je ovšem spor s tím, že vrcholy x_i leží v různých komponentách. \square



Obrázek 5.14: K důkazu lemmatu o acyklickosti $\mathcal{C}(G)$

Podle toho, co jsme o acyklických grafech zjistili v minulém oddílu, musí v $\mathcal{C}(G)$ existovat alespoň jeden zdroj (vrchol bez předchůdců) a stok (vrchol bez následníků). Proto vždy existují komponenty s následujícími vlastnostmi:

Definice: Komponenta je *zdrojová*, pokud do ní nevede žádná hrana, a *stoková*, pokud nevede žádná hrana z ní.

Představme si nyní, že jsme našli nějaký vrchol ležící ve stokové komponentě. Spustíme-li z tohoto vrcholu DFS, navštíví právě celou tuto komponentu (ven se dostat nemůže, hrany vedou v protisměru).

Jak ale vrchol ze stokové komponenty najít? Se zdrojovou by to bylo snazší: prohledáme-li graf do hloubky (opakováně, nedostalo-li se na všechny vrcholy), vrchol s maximálním $out(v)$ musí ležet ve zdrojové komponentě (rozmyslete si, proč). Pomůžeme si proto následujícím trikem:

Pozorování: Nechť G^T je graf, který vznikne z G otočením orientace všech hran. Potom G^T má tytéž komponenty jako G a platí $\mathcal{C}(G^T) = (\mathcal{C}(G))^T$. Proto se prohodily zdrojové komponenty se stokovými.

Nabízí se tedy spustit DFS na graf G^T , vybrat v něm vrchol s maximálním *outem* a spustit z něj DFS v grafu G . Tím najdeme jednu stokovou komponentu. Tu můžeme odstranit a postup opakovat.

Je ale zbytečné stokovou komponentu hledat pokaždé znova. Ukážeme, že postačí procházet vrcholy v pořadí klesajících *outů* v G^T . Ty vrcholy, které jsme do nějaké komponenty zařadili, budeme přeskakovat, z ostatních vrcholů budeme spouštět DFS v G a objevovat nové komponenty.

Procházení podle klesajících *outů* už známe – to je osvědčený algoritmus pro topologické uspořádání. Zde ho ovšem používáme na graf, který není DAG. Výsledkem samozřejmě nemůže být topologické uspořádání, protože to pro grafy s cykly neexistuje. Přesto ale výstup algoritmu dává jistý smysl. Následující tvrzení zaručuje, že komponenty grafu budeme navštěvovat v opačném topologickém pořadí:

Lemma: Pokud v $\mathcal{C}(G)$ vede hrana z komponenty C_1 do C_2 , pak

$$\max_{x \in C_1} \text{out}(x) > \max_{y \in C_2} \text{out}(y).$$

Důkaz: Nejprve rozeberme případ, kdy DFS vstoupí do C_1 dříve než do C_2 . Začne tedy zkoumat C_1 , během toho objeví hranu do C_2 , po té projde, načež zpracuje celou komponentu C_2 , než se opět vrátí do C_1 . (Víme totiž, že z C_2 do C_1 nevede žádná orientovaná cesta, takže DFS může zpět přejít pouze návratem z rekurze.) V tomto případě tvrzení platí.

Nebo naopak vstoupí nejdříve do C_2 . Odtamtud nemůže dojít po hranách do C_1 , takže se nejprve vrátí z celé C_2 , než do C_1 poprvé vstoupí. I tehdy tvrzení lemmatu platí. \square

Nyní je vše připraveno a můžeme algoritmus zapsat:

Algoritmus KOMP SILNÉ SOUVISLOSTI

Vstup: Orientovaný graf G

1. Sestrojíme graf G^T s obrácenými hranami.
2. $Z \leftarrow$ prázdný zásobník
3. Pro všechny vrcholy v nastavíme $komp(v) \leftarrow$ nedefinováno.
4. Spouštíme DFS v G^T opakováně, než prozkoumáme všechny vrcholy. Kdykoliv přitom opouštíme vrchol, vložíme ho do Z . Vrcholy v zásobníku jsou tedy setříděné podle $\text{out}(v)$.
5. Postupně odebíráme vrcholy ze zásobníku Z a pro každý vrchol v :
6. Pokud $komp(v) =$ nedefinováno:

7. Spustíme $\text{DFS}(v)$ v G , přičemž vstupujeme pouze do vrcholů s nedefinovanou hodnotou $\text{komp}(\dots)$ a tuto hodnotu přepisujeme na v .

Výstup: Pro každý vrchol v vrátíme identifikátor komponenty $\text{komp}(v)$

Věta: Algoritmus KOMP SILNÉ SOUVISLOSTI rozloží zadaný graf na komponenty silné souvislosti v čase $\Theta(n + m)$ a prostoru $\Theta(n + m)$.

Důkaz: Korektnost algoritmu vyplývá z toho, jak jsme jej odvodili. Všechna volání DFS dohromady navštíví každý vrchol a hranu právě dvakrát, práce se zásobníkem trvá také lineárně dlouho. Paměť kromě reprezentace grafu potřebujeme na pomocná pole a zásobníky (Z a zásobník rekurze), což je celkem lineárně velké. \square

Dodejme ještě, že tento algoritmus objevil v roce 1978 Sambasiva Rao Kosaraju a nezávisle na něm v roce 1981 Micha Sharir.

Cvičení

1. Dokažte, že relace \leftrightarrow z tohoto oddílu je opravdu ekvivalence. [N66]
2. Opakovámu spouštění DFS, dokud není celý graf prohledán, se dá i zde vyhnout přidáním „superzdroje“ jako v cvičení 5.8.1. Co se přitom stane s grafem komponent?
3. V orientovaném grafu jsou některé vrcholy obarvené zeleně. Jak zjistit, jestli existuje cyklus obsahující alespoň jeden zelený vrchol?
- 4.* O orientovaném grafu řekneme, že je *polosouvislý*, pokud mezi každými dvěma vrcholy vede orientovaná cesta alespoň jedním směrem. Navrhněte lineární algoritmus, který polosouvislost grafu rozhoduje. [N105]

5.10* Silná souvislost podruhé: Tarjanův algoritmus

Předvedeme ještě jeden lineární algoritmus na hledání komponent silné souvislosti. Je založen na několika hlubokých pozorováních o vztahu komponent s DFS stromem, jejichž odvození je pracnější. Samotný algoritmus je pak jednodušší a nepotřebuje konstrukci obráceného grafu. Objevil ho Robert Endre Tarjan v roce 1972.

Stejně jako v minulém oddílu budeme používat relaci \leftrightarrow a komponentám silné souvislosti budeme říkat prostě komponenty.

Lemma: Každá komponenta indukuje v DFS stromu slabě souvislý podgraf.

Důkaz: Nechť x a y jsou vrcholy ležící v téže komponentě C . Rozebereme jejich možné polohy v DFS stromu a pokaždé ukážeme, že (neorientovaná) cesta P spojující ve stromu x s y leží celá uvnitř C .

Nejprve uvažme případ, kdy je x „nad“ y , čili z x do y lze dojít po směru stromových hran. Nechť t je libovolný vrchol cesty P . Jistě jde dojít z x do t – stačí následovat cestu P . Ale také z t do x – můžeme dojít po cestě P do y , odkud se už do x dostaneme (x a y jsou přeci oba v C). Takže vrchol t musí také ležet v C .

Pokud y je nad x , postupujeme symetricky.

Zbývá případ, kdy x a y mají nějakého společného předka $p \neq x, y$. Kdyby tento předek ležel v C , máme vyhráno: p se totiž nachází nad x i nad y , takže podle předchozího argumentu leží v C i všechny ostatní vrcholy cesty P .

Pojďme dokázat, že p se nemůže nacházet mimo C . Pozastavíme DFS v okamžiku, kdy už se vrátilo z jednoho z vrcholů x a y (bez újmy na obecnosti x), stojí ve vrcholu p a právě se chystá odejít stromovou hranou směrem k y . Použijeme následující:

Pozorování: Kdykoliv v průběhu DFS vedou z uzavřených vrcholů hrany pouze do uzavřených a otevřených.

Důkaz: Přímo z klasifikace hran. □

Víme, že z x vede orientovaná cesta do y . Přitom x je už uzavřený a y dosud nenalezený. Podle pozorování tato cesta musí projít přes nějaký otevřený vrchol. Ten se ve stromu nutně nachází nad p (neostře), takže přes něj jde z x dojít do p . Ovšem z p lze dojít po stromových hranách do x , takže x a p leží v téže komponentě.

Je za tím jasná intuice: stromová cesta z kořene do p , na níž leží všechny otevřené vrcholy, tvoří přirozenou hranici mezi už uzavřenou částí grafu a dosud neprozkoumaným zbytkem. Cesta z x do y musí tuto hranici někde překročit. □

Víme tedy, že komponenty jsou v DFS stromu souvislé. Stačí umět poznat, které stromové hrany leží na rozhraní komponent. K tomu se hodí „chytit“ každou komponentu za její nejvyšší vrchol:

Definice: Kořenem komponenty nazveme vrchol, v němž do ní DFS poprvé vstoupilo. Tedy ten, jehož *in* je nejmenší.

Pokud odstraníme hrany, za které „visí“ kořeny komponent, DFS strom se rozpadne na jednotlivé komponenty. Ukážeme, jak v okamžiku opouštění libovolného vrcholu v poznat, zda je v kořenem své komponenty. Označíme T_v podstrom DFS stromu obsahující v a všechny jeho potomky.

Lemma: Pokud z T_v vede zpětná hrana ven, není v kořenem komponenty.

Důkaz: Zpětná hrana vede z T_v do nějakého vrcholu p , který leží nad v a má menší *in* než v . Přitom z v se jde dostat do p přes zpětnou hranu a zároveň z p do v po stromové cestě, takže p i v leží v téže komponentě. \square

S příčnými hranami je to složitější, protože mohou vést i do jiných komponent. Zařídíme tedy, aby v okamžiku, kdy opouštíme kořen komponenty, byly již ke komponentě přiřazeny všechny její vrcholy. Pak můžeme použít:

Lemma: Pokud z T_v vede příčná hrana ven do dosud neopuštěné komponenty, pak v není kořenem komponenty.

Důkaz: Vrchol w , který je cílem příčné hrany, má nižší *in* než v a už byl uzavřen. Jeho komponenta ale dosud nebyla opuštěna, takže jejím kořenem musí být některý z otevřených vrcholů. Vrchol v je s touto komponentou obousměrně propojen, tedy v ní také leží, ovšem níže než kořen. \square

Lemma: Pokud nenastane situace podle předchozích dvou lemmat, v je kořenem komponenty.

Důkaz: Kdyby nebyl kořenem, musel by skutečný kořen ležet někde nad v (komponenta je přeci ve stromu souvislá). Z v by do tohoto kořene musela vést cesta, která by někudy musela opustit podstrom T_v . To ale lze pouze zpětnou nebo příčnou hranou. \square

Nyní máme vše připraveno k formulaci algoritmu. Graf budeme procházet do hloubky. Vrcholy, které jsme dosud nezařadili do žádné komponenty, budeme ukládat do pomocného zásobníku. Kdykoliv při návratu z vrcholu zjistíme, že je kořenem komponenty, odstraníme ze zásobníku všechny vrcholy, které leží v DFS stromu pod tímto kořenem, a zařadíme je do nové komponenty.

Pro rozhodování, zda z T_v vede zpětná nebo příčná hrana, budeme používat hodnoty $esc(v)$, které budou fungovat podobně jako $low(v)$ v algoritmu na hledání mostů.

Definice: $esc(v)$ udává minimum z *in* vrcholů, do nichž z podstromu T_v vede buď zpětná hrana, nebo příčná hrana do ještě neuzavřené komponenty.

Následuje zápis algoritmu. Pro zjednodušení implementace si vystačíme s polem *in* a neu-kládáme explicitně ani *out*, ani stav vrcholů. Při aktualizaci pole *esc* nebudeme rozlišovat mezi zpětnými, příčnými a dopřednými hranami – uvědomte si, že to nevadí.

Algoritmus KOMPSSTARJAN

Vstup: Orientovaný graf G

1. Pro všechny vrcholy v nastavíme:

2. $in(v) \leftarrow \text{nedefinováno}$
3. $komp(v) \leftarrow \text{nedefinováno}$
4. $T \leftarrow 0$
5. $Z \leftarrow \text{prázdný zásobník}$
6. Pro všechny vrcholy u :
7. Pokud $in(u)$ není definovaný:
8. Zavoláme KSST(u).

Výstup: Pro každý vrchol v vrátíme identifikátor komponenty $komp(v)$

Procedura KSST(v)

1. $T \leftarrow T + 1, in(v) \leftarrow T$
2. Do zásobníku Z přidáme vrchol v .
3. $esc(v) \leftarrow +\infty$
4. Pro všechny následníky w vrcholu v :
5. Pokud $in(w)$ není definovaný: \triangleleft hrana vw je stromová
6. Zavoláme KSST(w).
7. $esc(v) \leftarrow \min(esc(v), esc(w))$
8. Jinak: \triangleleft zpětná, příčná nebo dopředná hrana
9. Není-li $komp(w)$ definovaná:
10. $esc(v) \leftarrow \min(esc(v), in(w))$ \triangleleft v je kořen komponenty
11. Je-li $esc(v) \geq in(v)$:
12. Opakujeme:
13. Odebereme vrchol ze zásobníku Z a označíme ho t .
14. $komp(t) \leftarrow v$
15. Cyklus ukončíme, pokud $t = v$.

Věta: Tarjanův algoritmus naleze komponenty silné souvislosti v čase $\Theta(n+m)$ a prostoru $\Theta(n+m)$.

Důkaz: Správnost algoritmu plyne z jeho odvození. Časová složitost se od DFS liší pouze obsluhou zásobníku Z . Každý vrchol se do Z dostane právě jednou při svém otevření a pak ho jednou vyjmeme, takže celkem prací se zásobníkem strávíme čas $\mathcal{O}(n)$. Jediná paměť, kterou k DFS potřebujeme navíc, je na zásobníku Z a pole esc , což je obojí velké $\mathcal{O}(n)$. □

5.11 Další cvičení

Najděte algoritmy pro tyto grafové problémy. Pokaždé existuje řešení pracující v lineárním čase vzhledem k velikosti grafu.

1. *Eulerovský tah:* Mějme souvislý neorientovaný graf. Chceme ho nakreslit jedním tahem, tedy nalézt posloupnost na sebe navazujících hran, která obsahuje každou hranu grafu právě jednou. Takovému tahu se říká eulerovský. Pomocí algoritmu dokažte, že eulerovský tah existuje právě tehdy, je-li graf souvislý a má-li nejvýše dva vrcholy lichého stupně.
2. *Vyvážená orientace:* Hranám grafu chceme přiřadit orientace tak, aby z každého vrcholu vycházelo stejně hran, jako do něj vchází. Ukažte, že to lze, kdykoliv všechny vrcholy mají sudé stupně.
3. *Skoro vyvážená orientace:* Pokračujme v předchozím cvičení. Pokud graf obsahuje vrcholy lichého stupně, najděte takovou orientaci, v níž se vstupní a výstupní stupeň každého vrcholu liší nejvýše o 1. [N125]
4. *Šéf agentů:* Podařilo se vám sehnat schéma sítě tajných agentů. Má podobu orientovaného grafu, jehož vrcholy jsou agenti a hrana popisuje, že jeden agent velí druhému. Kdykoliv agent obdrží rozkaz, předá ho všem agentům, kterým velí. Šéfem sítě je libovolný agent, který vydá-li rozkaz, dostanou ho časem všichni ostatní agenti. Vymyslete algoritmus, jež najde šéfa sítě. Umíte najít všechny šéfy?
5. *Asfaltování:* Máme mapu městečka v podobě neorientovaného grafu. Parta asfaltérů umí za jednu směnu vyasfaltovat dvě na sebe navazující ulice. Jak vyasfaltovat každou ulici právě jednou? Jde to pokaždé, když je ulic sudý počet?
6. *Zjednodušení grafu:* Ze zadaného multigrafu chceme odstranit všechny násobné hranы. Mezi každými dvěma vrcholy tedy zbude nejvýše jedna hrana.
7. *Vítěz:* n sportovců sehrálo zápasy každý s každým. Chceme zjistit, zda existuje někdo, kdo vyhrál nad všemi ostatními. Máme-li matici výsledků zápasů již načtenou v paměti, lze to spočítat v čase $\mathcal{O}(n)$.
8. *Slovní žebřík:* Je dán slovník. Sestrojte co nejdélší slovní žebřík, což je posloupnost slov ze slovníku taková, že $(i+1)$ -ní slovo získáme z i -tého smazáním jednoho písmene. V češtině například **zuzavírání**, **uzavírání**, **zavírání**, **zvírání**, **zírání**, **zrání**, **zrní**.
9. *Strážníci:* Mapa městečka má tvar stromu. Na křižovatky chceme rozmístit co nejméně strážníků tak, aby každá ulice byla z alespoň jedné strany hlídaná.

- 10.* *Mafiáni*: Mapa městečka ve tvaru stromu, v některých vrcholech bydlí mafiáni. Chceme do vrcholů rozestavět co nejméně strážníků tak, aby se mafiáni nemohli nepozorovaně domlouvat, tedy aby mezi každými dvěma mafiány stál aspoň jeden strážník. Postavíme-li strážníka do vrcholu s mafiánem, zabráníme mu v kontaktu se všemi ostatními mafiány.
11. *Brtník*: V lese tvaru čtvercové sítě se nachází medvěd, brloh, překážky a několik brtí.⁽¹⁾ Medvěd si právě začal pochutnávat na medu, ale hned si toho všimly včely a začaly se na něj slétat ze všech brtí najednou. Chceme spočítat, jak dlouho ještě může medvěd mlsat, aby ho na cestě do brlohu nezastihly včely. V čase 0 je medvěd na zadaném místě a včely v brtích. Za každou další jednotku času se medvěd posune o jedno políčko a včely se také rozšíří o jedno políčko.
12. *Silně souvislá orientace*: V každém neorientovaném grafu bez mostů je možné hrany zorientovat tak, aby vznikl silně souvislý orientovaný graf. Vymyslete algoritmus, který takovou orientaci najde.
- 13.* *Jednosměrky*: Je dána mapa městečka v podobně neorientovaném grafu. Chceme z co nejvíce ulic udělat jednosměrky, ale stále musí být možné dojet autem odkudkoliv kamkoliv bez porušení předpisů.
- 14.* *Odolná síť*: Počítačovou síť popišeme grafem: vrcholy odpovídají routerům, hrany kabelům mezi nimi. Přirozeně se nám nelíbí mosty: to jsou kabely, jejichž výpadek způsobí nedostupnost některých routerů. Navrhněte, jak do sítě přidat co nejméně kabelů, aby v ní žádné mosty nezbily.
15. *Barvení 6 barvami*: Mějme *rovinný graf*, tedy takový, co se dá nakreslit do roviny bez křížení hran (viz oddíl A.5). Přiřaďte vrcholům čísla z množiny $\{1, \dots, 6\}$ tak, aby žádné dva vrcholy spojené hranou nedostaly stejně číslo. Prozradíme ještě, že každý rovinný graf obsahuje vrchol stupně nejvýše 5. [N28]
- 16.* *Barvení 5 barvami*: Vyřešte předchozí cvičení pro 5 barev. To není v lineárním čase snadné, tak to zkuste v kvadratickém nebo lepším. (Kobarvení každého rovinného grafu dokonce postačí 4 barvy, ale to je mnohem těžší a slavnější problém.) [N78]
17. *Housenka* říkáme grafu, který se skládá z cesty (tělíčko), na jejíž vrcholy je připojeno libovolně mnoho listů (chlupy). Najděte v daném stromu housenku s co nejvíce vrcholy.
18. *Centrum stromu*: Pro vrchol grafu definujme jeho *excentricitu* jako maximum ze vzdáleností do všech ostatních vrcholů. *Centrum* grafu je pak vrchol s nejmenší excentricitou. Ukažte, jak najít centrum stromu. [N84]

⁽¹⁾ Brt je úl lesních včel v dutině stromu. Od toho medvěd brtník.

Na následující problémy už nemusí lineární algoritmy existovat.

19. *Trojúhelníky:* Spočítejte, kolik je v grafu trojúhelníků, tedy trojic vrcholů spojených každý s každým. Přímočaré řešení pracuje v čase $\Theta(n^3)$, lepší složitosti je možné dosáhnout pomocí násobení matic. Pro rovinné grafy existuje lineární algoritmus. [N22]
20. *Čtyřcykly:* Spočítejte, kolik je v grafu kružnic o 4 vrcholech. Dosáhněte stejné složitosti jako v minulém cvičení. Kdyby stačilo zjistit, zda graf obsahuje aspoň jeden čtyřcyklus, stačil by čas $\Theta(n^2)$.
- 21.* *Zeměměřiči:* Jistý pozemek ve tvaru (ne nutně konvexního) n -úhelníku byl zeměměřiči kompletně triangulován (rozdelen na trojúhelníky nekrížícími se úhlopříčkami) a byly pořízeny záznamy o každé triangulační i obvodové úsečce: pro každou víme, která dva vrcholy n -úhelníku spojuje. Bohužel, některé záznamy o triangulačních úsečkách se ztratily, údaje o obvodových úsečkách zůstaly všechny, nicméně se všechny promíchalaly dohromady. Na vstupu je n a seznam dvojic vrcholů, které byly propojeny úsečkou dle podmínek výše. Zjistěte, které úsečky jsou obvodové a které vnitřní. [N13]
- 22.* *Křeček v bludišti:* Máme orientovaný graf, v některých vrcholech jsou oříšky. Chceme najít sled, na kterém leží co nejvíce oříšků. [N55]
- 23.* *Skoro bipartitní graf:* Zjistěte, zda lze z neorientovaného grafu smazat jednu hranu tak, aby se stal bipartitním.
- 24.** *Zesouvání grafu:* Do zadaného orientovaného grafu přidejte co nejméně hran tak, aby se stal silně souvislým. [N87]
25. *Velký útěk:* Prcháme z vrcholu u do vrcholu v , zatímco se nám pod nohama rozpadají hrany. Pro každou hranu e známe čas t_e , kdy zmizí. Proběhnout hranu trvá jednotkový čas. Najděte cestu.
26. *Požadovaná parita:* Pro každý vrchol neorientovaného grafu dostaneme požadavek, zda má jeho stupeň být sudý nebo lichý. Určete, jaké hrany smazat, aby všechny požadavky byly splněny.
- 27.* *Servery:* Mějme DAG. Vrcholy jsou servery, po hranách chodí požadavky. Některé servery požadavky samy vyřizují (nevede z nich žádná hrana). Jiné požadavky přeposílají dvěma dalším serverům – pak z nich vedou právě dvě hrany a pravidelně se střídají, kterou požadavek odejde. Server č. 1 obdržel $M \gg n$ požadavků. Kdo vyřídil poslední z nich?
- 28.* *Izomorfismus stromů:* Chceme zjistit, zda dva stromy jsou izomorfní (viz oddíl A.1). Na rozdíl od izomorfismu obecných grafů to jde v polynomiálním čase. [N110]

6 Nejkratší cesty

6 Nejkratší cesty

Často potřebujeme hledat mezi dvěma vrcholy grafu cestu, která je v nějakém smyslu optimální – typicky nejkratší možná. Už víme, že prohledávání do šířky najde cestu s nejmenším počtem hran. Málokdy jsou ale všechny hrany rovnocenné: silnice mezi městy mají různé délky, po různých vedeních lze přenášet elektřinu s různými ztrátami a podobně.

V této kapitole proto zavedeme grafy s ohodnocenými hranami a odvodíme několik algoritmů pro hledání cesty s nejmenším součtem ohodnocení hran.

6.1 Ohodnocené grafy a vzdálenost

Mějme graf $G = (V, E)$. Pro větší obecnost budeme předpokládat, že je orientovaný. Algoritmy se tím nezkomplikují a neorientované grafy můžeme vždy převést na orientované zdvojením hran.

Každé hraně $e \in E$ přiřadíme její *ohodnocení* neboli *délku*, což bude nějaké reálné číslo $\ell(e)$. Tím vznikne *ohodnocený orientovaný graf* nebo též *síť*. Zatím budeme uvažovat pouze nezáporná ohodnocení, později se zamyslíme nad tím, co by způsobila záporná.

Délku můžeme přirozeně rozšířit i na cesty, či obecněji sledy. Délka $\ell(S)$ sledu S bude prostě součet ohodnocení jeho hran.

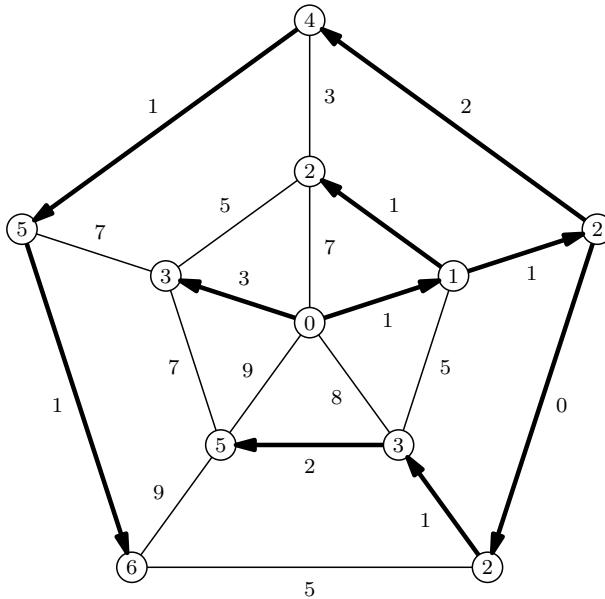
Pro libovolné dva vrcholy u, v definujeme jejich *vzdálenost* $d(u, v)$ jako minimum z délek všech uv -cest (cest z u do v), případně $+\infty$, pokud žádná uv -cesta neexistuje. Toto minimum je vždy dobře definované, protože cest v grafu existuje pouze konečně mnoho. Pozor na to, že v orientovaném grafu se $d(u, v)$ a $d(v, u)$ mohou lišit.

Libovolné uv -cestě, jejíž délka je rovná vzdálenosti $d(u, v)$ budeme říkat *nejkratší cesta*. Nejkratších cest může být obecně více.

Vzdálenost bychom také mohli zavést pomocí nejkratšího sledu. Podobně jako u dosažitelnosti by se nic podstatného nezměnilo, protože sled lze zjednodušit na cestu:

Lemma (o zjednodušování sledů): Pro každý uv -sled existuje uv -cesta stejně nebo menší délky.

Důkaz: Pokud sled není cestou, znamená to, že se v něm opakují vrcholy. Uvažme tedy nějaký vrchol, který se zopakoval. Část sledu mezi prvním a posledním výskytem tohoto vrcholu můžeme „vystrihnout“, čímž získáme uv -sled stejně nebo menší délky. Jelikož ubyla alespoň jedna hrana, opakováním tohoto postupu časem získáme cestu. \square



Obrázek 6.1: Vzdálenosti od středového vrcholu (čísla uvnitř vrcholů) v ohodnoceném neorientovaném grafu. Zvýrazněné hrany tvoří strom nejkratších cest.

Důsledek: Nejkratší sled existuje a má stejnou délku jako nejkratší cesta.

Důkaz: Nejkratší cesta je jedním ze sledů. Pokud by tvrzení neplatilo, musel by existovat nějaký kratší sled. Ten by ovšem šlo zjednodušit na ještě kratší cestu. \square

Důsledek: Pro vzdálenosti platí *trojúhelníková nerovnost*:

$$d(u, v) \leq d(u, w) + d(w, v).$$

Důkaz: Pokud je $d(u, w)$ nebo $d(w, v)$ nekonečná, nerovnost triviálně platí. V opačném případě uvažme spojení nejkratší uw -cesty s nejkratší wv -cestou. To je nějaký uv -sled a ten nemůže být kratší než nejkratší uv -cesta. \square

Naše grafová vzdálenost se tedy chová tak, jak jsme u vzdáleností zvyklí.

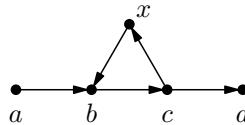
Při prohledávání grafů do šířky se osvědčilo popisovat nejkratší cesty z daného vrcholu v_0 do všech ostatních vrcholů pomocí stromu. Tento přístup funguje i v ohodnocených grafech a nyní ho zavedeme pořádně.

Definice: Strom nejkratších cest z vrcholu v_0 je podgraf zkoumaného grafu, který obsahuje všechny vrcholy dosažitelné z v_0 . Má tvar stromu orientovaného z vrcholu v_0 . Pro libovolný dosažitelný vrchol w platí, že cesta z v_0 do w ve stromu je jednou z nejkratších cest z v_0 do w ve zkoumaném grafu.

Stejně jako nejsou jednoznačně určeny nejkratší cesty, i stromů nejkratších cest může existovat více. Vždy ale existuje alespoň jeden (důkaz ponecháme jako cvičení 6).

Záporné hrany

Ještě si krátce rozmysleme, co by se stalo, kdybychom povolili hrany záporné délky. V následujícím grafu nastavíme všem hranám délku -1 . Nejkratší cesta z a do d vede přes b, c a má délku -3 . Sled $abcxecd$ je ovšem o 3 kratší, protože navíc obešel záporný cyklus bcb . Pokud bychom záporný cyklus obkroužili vícekrát, získávali bychom kratší a kratší sledy. Tedy nejen že nejkratší sled neodpovídá nejkratší cestě, on ani neexistuje.



Podobně neplatí trojúhelníková nerovnost: $d(a, d) = -3$, ale $d(a, x) + d(x, d) = (-3) + (-3) = -6$.

Kdyby ovšem v grafu neexistoval záporný cyklus, sama existence záporných hran by problémy nepůsobila. Snadno ověříme, že lemma o zjednodušování sledů by nadále platilo, a tím pádem i trojúhelníková nerovnost. Grafy se zápornými hranami bez záporných cyklů jsou navíc užitečné (jak uvidíme ve cvičeních). Proto je budeme v některých částech této kapitoly připouštět, ale pokaždé na to výslovně upozorníme.

Cvičení

1. V neorientovaném grafu může roli záporného cyklu hrát dokonce i jediná hrana se záporným ohodnocením. Po ní totiž můžeme chodit střídavě tam a zpět. Nalezněte příklad grafu, kde to způsobí neplatnost trojúhelníkové nerovnosti.
2. Ukažte, jak pro libovolné n sestrojit graf na nejvýše n vrcholech, v němž mezi nějakými dvěma vrcholy existuje $2^{\Omega(n)}$ nejkratších cest.
3. Připomeňte si definici metrického prostoru v matematické analýze. Kdy tvoří množina všech vrcholů spolu s funkcí $d(u, v)$ metrický prostor?
4. Navrhněte algoritmus pro výpočet vzdálenosti $d(u, v)$, který bude postupně počítat čísla $d_i(u, v)$ – nejmenší délka uv -sledu o nejvýše i hranách. Jaké časové složitosti jste dosáhli? Porovnejte ho s ostatními algoritmy z této kapitoly.

5. Dokažte, že pro nejkratší cesty platí takzvaná *prefixová vlastnost*: Necht P je nějaká nejkratší cesta z v_0 do w a t nějaký vrchol na této cestě. Poté úsek (prefix) cesty P z v_0 do t je jednou z nejkratších cest z v_0 do t .
6. Dokažte, že pro libovolný ohodnocený graf a počáteční vrchol v_0 existuje strom nejkratších cest z v_0 . Může se hodit předchozí cvičení. [N14]

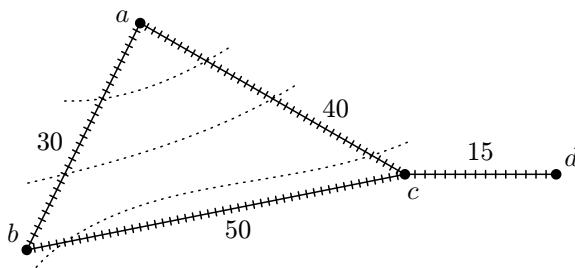
6.2 Dijkstrův algoritmus

Dnes asi nejpoužívanější algoritmus pro hledání nejkratších cest vymyslel v roce 1959 Edsger Dijkstra.⁽¹⁾ Funguje efektivně, kdykoliv jsou všechny hrany ohodnocené nezápornými čísly. Dovede nás k němu následující myšlenkový pokus.

Mějme orientovaný graf, jehož hrany jsou ohodnocené celými kladnými čísly. Každou hranu „podrozdělíme“ – nahradíme ji tolka jednotkovými hranami, kolik činila její délka. Tím vznikne neohodnocený graf, ve kterém můžeme nejkratší cestu nalézt prohledáváním do šířky. Tento algoritmus je funkční, ale sotva efektivní. Označíme-li L maximální délku hrany, podrozdělením vznikne $\mathcal{O}(Lm)$ nových vrcholů a hran.

Sledujme na obrázku 6.2, jak výpočet probíhá. Začneme ve vrcholu a . Vlna prvních 30 kroků prochází vnitřkem hran ab a ac . Pak dorazí do vrcholu b , načež se šíří dál zbytkem hrany ac a novou hranou bc . Za dalších 10 kroků dorazí do c hranou ac , takže pokračuje hranou cd a nyní již zbytečnou hranou bc .

Většinu času tedy trávíme dlouhými úseky výpočtu, uvnitř kterých se prokousáváme stále stejnými podrozdelenými hranami. Co kdybychom každý takový úsek zpracovali na jednou?



Obrázek 6.2: Podrozdelený graf a poloha vlny v časech 10, 20 a 35

⁽¹⁾ Je to holandské jméno, takže ho čteme „dajkstra“.

Pro každý původní vrchol si pořídíme „*budík*“. Jakmile k vrcholu zamíří vlna, nastavíme jeho budík na čas, kdy do něj vlna má dorazit (pokud míří po více hranách najednou, zajímá nás, kdy dorazí poprvé).

Místo toho, abychom krok po kroku simulovali průchod vlny hranami, můžeme zjistit, kdy poprvé zazvoní budík. Tím přeskočíme nudnou část výpočtu a hned se dozvímě, že se vlna zarazila o vrchol. Podíváme se, jaké hrany z tohoto vrcholu vedou, a spočítáme si, kdy po nich vlna dorazí do dalších vrcholů. Podle toho případně přenastavíme další budíky. Opět počkáme, až zazvoní nějaký budík, a pokračujeme stejně.

Ještě by se mohlo stát, že vlna vstoupí do podrozdené hrany z obou konců a obě části se „srazí“ uvnitř hrany. Tehdy můžeme nechat budíky zazvonit, jako by ke srážce nedošlo, a části zastavit až na konci hrany.

Zkusme tuto myšlenku zapsat v pseudokódu. Pro každý vrchol v si budeme pamatovat jeho *ohodnocení* $h(v)$, což bude buďto čas nastavený na příslušném budíku, nebo $+\infty$, pokud budík neběží. Podobně jako při prohledávání grafů do šířky budeme rozlišovat tři druhy vrcholů: *nenalezené*, *otevřené* (to jsou ty, které mají nastavené budíky) a *uzavřené* (jejich budíky už zazvonily). Také si budeme pamatovat předchůdce vrcholů $P(v)$, abychom uměli rekonstruovat nejkratší cesty.

Algoritmus DIJKSTRA (nejkratší cesty v ohodnoceném grafu)

Vstup: Graf G a počáteční vrchol v_0

1. Pro všechny vrcholy v :
2. $stav(v) \leftarrow \text{nenalezený}$
3. $h(v) \leftarrow +\infty$
4. $P(v) \leftarrow \text{nedefinováno}$
5. $stav(v_0) \leftarrow \text{otevřený}$
6. $h(v_0) \leftarrow 0$
7. Dokud existují nějaké otevřené vrcholy:
8. Vybereme otevřený vrchol v , jehož $h(v)$ je nejmenší.
9. Pro všechny následníky w vrcholu v :
10. Pokud $h(w) > h(v) + \ell(v, w)$:
11. $h(w) \leftarrow h(v) + \ell(v, w)$
12. $stav(w) \leftarrow \text{otevřený}$
13. $P(w) \leftarrow v$
14. $stav(v) \leftarrow \text{uzavřený}$

Výstup: Pole vzdáleností h , pole předchůdců P

Z úvah o podrozdělování hran plyne, že Dijkstrův algoritmus dává správné výsledky, kdykoliv jsou délky hran celé kladné. Důkaz správnosti pro obecné délky najdete v následujícím oddílu, ted se zaměříme především na časovou složitost.

Věta: Dijkstrův algoritmus spočte v grafu s nezáporně ohodnocenými hranami vzdáleností od vrcholu v_0 v čase $\mathcal{O}(n^2)$.

Důkaz: Inicializace trvá $\mathcal{O}(n)$. Každý vrchol uzavřeme nejvýše jednou (to jsme zatím nahlédl z analogie s BFS, více viz příští oddíl), takže vnějším cyklem projdeme nejvýše n -krát. Pokaždé hledáme minimum z n ohodnocení vrcholů a procházíme až n následníků. \square

Pokud bychom kromě vzdáleností chtěli vypsat i nejkratší cesty, můžeme je získat ze zamatovaných předchůdců. Chceme-li získat nejkratší cestu z vrcholu v_0 do nějakého w , stačí se podívat na $P(w)$, $P(P(w))$ a tak dále až do v_0 . Tak projdeme pozpátku nějakou cestu z v_0 do w , která má délku $h(w)$, a tedy je nejkratší. Dokonce platí, že předchůdci kódují hrany stromu nejkratších cest: kdykoliv $P(v) = u$, leží hrana uv ve stromu nejkratších cest. Důkaz těchto tvrzení ponecháváme jako cvičení 6.3.7.

Dijkstrův algoritmus s haldou

Složitost $\mathcal{O}(n^2)$ je příznivá, pokud máme co do činění s hustým grafem. V grafech s malým počtem hran je nás odhad zbytečně hrubý: v cyklu přes následníky trávíme čas lineární se stupněm vrcholu, za celou dobu běhu algoritmu tedy pouze $\mathcal{O}(m)$. Stále nás ale brzdí hledání minima v kroku 8.

Proto si pořídíme nějakou datovou strukturu, která umí rychle vyhledávat minimum. Nabízí se například binární halda z oddílu 4.2. Uložíme do ní všechny otevřené vrcholy, jako klíče budou sloužit ohodnocení $h(v)$. V každé iteraci Dijkstrova algoritmu nalezneme minimum pomocí operace EXTRACTMIN. Když v kroku 11 měníme ohodnocení vrcholu, buďto tento vrchol nově otevřáme (takže provedeme INSERT do haldy), nebo již je otevřený (což znamená DECREASE prvku, který již v haldě je). Nesmíme zapomenout, že DECREASE neumí prvek vyhledat, takže si u každého vrcholu budeme průběžně udržovat jeho pozici v haldě.

Věta: Dijkstrův algoritmus s haldou běží v čase $\mathcal{O}(n \cdot T_i + n \cdot T_x + m \cdot T_d)$, kde T_i , T_x a T_d jsou složitosti operací INSERT, EXTRACTMIN a DECREASE.

Důkaz: Operaci INSERT provádíme při otevřání vrcholu, EXTRACTMIN při jeho zavírání. Obojí pro každý vrchol nastane nejvýše jednou. DECREASE voláme, když při zavírání vrcholu v snižujeme hodnotu jeho souseda w . To se pro každou hranu vw stane za celou dobu běhu algoritmu nejvýše jednou. Zbývající operace algoritmu trvají $\mathcal{O}(n + m)$. \square

Důsledek: Dijkstrův algoritmus s binární haldou běží v čase $\mathcal{O}((n + m) \cdot \log n)$.

Důkaz: V haldě není nikdy více než n prvků, takže všechny tři operace pracují v čase $\mathcal{O}(\log n)$. \square

I tento čas lze ještě vylepšit. Některé z možných přístupů prozkoumáme v cvičeních 3 a 4. V kapitole 18 posléze vybudujeme Fibonacciho haldu, která umí DECREASE v konstantním čase, aniž by se asymptoticky zpomalily ostatní operace.

Důsledek: Dijkstrův algoritmus s Fibonacciho haldou běží v čase $\mathcal{O}(m + n \log n)$.

Cvičení

1. Odsimulujte chod Dijkstrova algoritmu na grafu z obrázku 6.1.
2. Uvažujte „spojité BFS“, které bude plynule procházet vnitřkem hran. Pokuste se o formální definici takového algoritmu. Nahleďněte, že diskrétní simulaci tohoto spojitého procesu (která se bude zastavovat ve významných událostech, totiž ve vrcholech) získáme Dijkstrův algoritmus. Podobnou myšlenku potkáme v kapitole 16 o geometrických algoritmech.
- 3.* Dijkstrův algoritmus s haldou provede m operací DECREASE, ale pouze n operací INSERT a EXTRACTMIN. Hodila by se tedy halda, která má DECREASE rychlejší, než za cenu zpomalení ostatních operací. Tuto vlastnost mají například d -regulární haldy z cvičení 4.2.4. Uvažte, jakou hodnotu d zvolit, aby se minimalizovala složitost celého algoritmu?
4. Necht délky hran leží v množině $\{0, \dots, L\}$. Navrhněte datovou strukturu založenou na přihrádkách, s níž Dijkstrův algoritmus poběží v čase $\mathcal{O}(nL + m)$. Pokuste se vystačit s pamětí $\mathcal{O}(n + m + L)$.
5. Na mapě města jsme přiřadili každé silnici čas na průjezd a každé křižovatce průměrnou dobu čekání na semaforech. Jak hledat nejrychlejší cestu?

6.3 Relaxační algoritmy

Na Dijkstrův algoritmus se můžeme dívat trochu obecněji. Získáme tak nejen důkaz jeho správnosti pro necelocíselné délky hran, ale též několik dalších zajímavých algoritmů. Ty budou fungovat i pro grafy se zápornými hranami (stále bez záporných cyklů), které v tomto oddílu dovolíme.

Esencí Dijkstrova algoritmu je, že přiřazuje vrcholům nějaká *ohodnocení* $h(v)$. To jsou nějaká reálná čísla, která popisují, jakým nejkratším sledem se zatím umíme do vrcholu dostat. Tato čísla postupně upravujeme, až se z nich stanou skutečné vzdálenosti od v_0 . Pokusme se tento princip popsát obecně.

Na počátku výpočtu ohodnotíme vrchol v_0 nulou a všechny ostatní vrcholy nekonečnem. Pak opakujeme následující postup: vybereme nějaký vrchol v s konečným ohodnocením a pro všechny jeho následníky w otestujeme, zda se do nich přes v nedovedeme dostat lépe, než jsme zatím dovedli. Této operaci se obvykle říká *relaxace* a odpovídá krokům 9 až 13 Dijkstrova algoritmu.

Jeden vrchol můžeme obecně relaxovat vícekrát, ale nemá smysl dělat to znova, pokud se jeho ohodnocení mezičasem nezměnilo. To ohlídá stav vrcholu: *otevřené* vrcholy je potřeba znova relaxovat, *uzavřené* jsou relaxované a zatím to znova nepotřebují.

Z toho vychází obecný relaxační algoritmus. Ten pokaždé vybere jeden otevřený vrchol, uzavře ho a relaxuje a pokud se tím změní ohodnocení jiných vrcholů, tak je otevře. Na rozdíl od prohledávání do šířky ovšem můžeme jeden vrchol otevřít a uzavřít vícekrát.

Algoritmus RELAXACE

Vstup: Graf G a počáteční vrchol v_0

1. Pro všechny vrcholy v :
2. $\text{stav}(v) \leftarrow \text{nenalezený}$, $h(v) \leftarrow +\infty$, $P(v) \leftarrow \text{nedefinováno}$
3. $\text{stav}(v_0) \leftarrow \text{otevřený}$, $h(v_0) \leftarrow 0$
4. Dokud existují otevřené vrcholy:
5. $v \leftarrow$ nějaký otevřený vrchol
6. Pro všechny následníky w vrcholu v : \triangleleft relaxujeme vrchol v
7. Pokud $h(w) > h(v) + \ell(v, w)$:
8. $h(w) \leftarrow h(v) + \ell(v, w)$
9. $\text{stav}(w) \leftarrow \text{otevřený}$
10. $P(w) \leftarrow v$
11. $\text{stav}(v) \leftarrow \text{uzavřený}$

Výstup: Ohodnocení vrcholů h a pole předchůdců P

Dijkstrův algoritmus je tedy speciálním případem relaxačního algoritmu, v němž vždy vybíráme otevřený vrchol s nejmenším ohodnocením. Prozkoumejme, co o relaxačním algoritmu platí obecně.

Invariant O (ohodnocení): Hodnota $h(v)$ nikdy neroste. Je-li konečná, rovná se délce nějakého sledu z v_0 do v .

Důkaz: Indukcí podle doby běhu algoritmu. Na počátku výpočtu tvrzení určitě platí, protože jediné konečné je $h(v_0) = 0$. Kdykoliv pak algoritmus změní $h(w)$, stane se tak relaxací nějakého vrcholu v , jehož $h(v)$ je konečné. Podle indukčního předpokladu tedy existuje v_0v -sled délky $h(v)$. Jeho rozšířením o hranu vw vznikne v_0w -sled délky $h(v) + \ell(v, w)$, což je přesně hodnota, na níž snižujeme $h(w)$. \square

Lemma D (dosažitelnost): Pokud se výpočet zastaví, uzavřené jsou právě vrcholy dosažitelné z v_0 .

Důkaz: Dokážeme stejně jako obdobnou vlastnost BFS. Jediné, v čem se situace liší, je, že uzavřený vrchol je možné znovu otevřít. To se ovšem, pokud se výpočet zastavil, stane pouze konečně-krát, takže stačí uvážit situaci při posledním uzavření. \square

Lemma V (vzdálenost): Pokud se výpočet zastaví, konečná ohodnocení vrcholů jsou rovna vzdálenostem od v_0 .

Důkaz: Inspirujeme se důkazem obdobné vlastnosti BFS. Vrchol v označíme za špatný, pokud $h(v)$ není rovno $d(v_0, v)$. Jelikož $h(v)$ odpovídá délce nějakého v_0v -sledu, musí být $h(v) > d(v_0, v)$. Pro spor předpokládejme, že existují nějaké špatné vrcholy.

Mezi všemi nejkratšími cestami z v_0 do špatných vrcholů vybereme tu s nejmenším počtem hran. Označíme v poslední vrchol této cesty a p její předposlední vrchol (ten jistě existuje, neboť v_0 je dobrý). Vrchol p musí být dobrý, takže ohodnocení $h(p)$ je rovno $d(v_0, p)$. Podívejme se, kdy p získal tuto hodnotu. Tehdy musel p být otevřený. Později byl tudíž zavřen a relaxován, načež muselo platit $h(v) \leq d(v_0, p) + \ell(p, v) = d(v_0, v)$. Jelikož ohodnocení vrcholů nikdy nerostou, došlo ke sporu. \square

Rozbor Dijkstrova algoritmu

Nyní se vraťme k Dijkstrovu algoritmu. Ukážeme, že nejsou-li v grafu záporné hrany, průběh výpočtu má následující zajímavé vlastnosti.

Invariant M (monotonie): V každém kroku výpočtu platí:

- (1) Kdykoliv je z uzavřený vrchol a o otevřený, platí $h(z) \leq h(o)$.
- (2) Ohodnocení uzavřených vrcholů se nemění.

Důkaz: Obě vlastnosti dokážeme dohromady indukcí podle délky výpočtu. Na počátku výpočtu obě triviálně platí, neboť neexistují žádné uzavřené vrcholy.

V každém dalším kroku vybereme otevřený vrchol v s nejmenším $h(v)$. Tehdy musí platit $h(z) \leq h(v) \leq h(o)$ pro libovolný z uzavřený a o otevřený. Nyní vrchol v relaxujeme: pro každou hranu vw se pokusíme snížit $h(w)$ na hodnotu $h(v) + \ell(v, w) \geq h(v)$.

- Pokud w byl uzavřený, nemůže se jeho hodnota změnit, neboť již před relaxací byla menší nebo rovna $h(v)$. Proto platí (2).
- Pokud w byl otevřený, jeho hodnota se sice může snížit, ale nikdy ne pod $h(v)$, takže ani pod $h(z)$ žádného uzavřeného z .

Nerovnost (1) v obou případech zůstává zachována a neporuší se ani přesunem vrcholu v mezi uzavřené. \square

Věta: Dijkstrův algoritmus na grafu bez záporných hran uzavírá všechny dosažitelné vrcholy v pořadí podle rostoucí vzdálenosti od počátku (každý právě jednou). V okamžiku uzavření je ohodnocení rovno této vzdálenosti a dále se nezmění.

Důkaz: Především z invariantu **M** víme, že žádný vrchol neotevřeme vícekrát, takže ho ani nemůžeme vícekrát uzavřít. Algoritmus proto skončí a podle lemmat **D** a **V** jsou na konci uzavřeny všechny dosažitelné vrcholy a jejich ohodnocení odpovídají vzdálenostem.

Ohodnocení se přitom od okamžiku uzavření vrcholu nezměnilo (opět viz invariant **M**) a tehdy bylo větší nebo rovno ohodnocením předchozích uzavřených vrcholů. Pořadí uzavírání proto skutečně odpovídá vzdálenostem. \square

Vidíme tedy, že naše analogie mezi BFS a Dijkstrovy algoritmem funguje i pro neceločíselné délky hran.

Bellmanův-Fordův algoritmus

Zkusme se ještě zamyslet nad výpočtem vzdáleností v grafech se zápornými hranami. Snadno nahlédneme, že Dijkstrův algoritmus na takových grafech může vrcholy otevřívat opakovaně, ba dokonce může běžet exponenciálně dlouho (cvičení 1).

Relaxace se ovšem není potřeba vzdávat, postačí změnit podmínku pro výběr vrcholu: místo haldy si pořídíme obyčejnou frontu. Jinými slovy, budeme uzavírat nejstarší z otevřených vrcholů. Tomuto algoritmu se podle jeho objevitelů Richarda Ernesta Bellmana a Lesterha Forda Jr. říká Bellmanův-Fordův. V následujících odstavcích prozkoumáme, jak efektivní je.

Definice: Definujeme *fáze výpočtu* následovně: ve fázi F_0 otevřeme počáteční vrchol v_0 , fáze F_{i+1} uzavírá vrcholy otevřené během fáze F_i .

Invariant F (fáze): Pro vrchol v na konci i -té fáze platí, že jeho ohodnocení je shora omezeno délkou nejkratšího v_0v -sledu o nejvýše i hranách.

Důkaz: Tvrzení dokážeme indukcí podle i . Pro $i = 0$ tvrzení platí – jediný vrchol dosažitelný z v_0 sledem nulové délky je v_0 sám; jeho ohodnocení je nulové, ohodnocení ostatních vrcholů nekonečné.

Nyní provedeme indukční krok. Podívejme se na nějaký vrchol v na konci i -té fáze ($i > 0$). Označme S nejkratší v_0v -sled o nejvýše i hranách.

Pokud sled S obsahuje méně než i hran, požadovaná nerovnost platila už na konci předchozí fáze a jelikož ohodnocení vrcholů nerostou, platí nadále.

Obsahuje-li S právě i hran, označme uv jeho poslední hranu a S' podsled z v_0 do u . Podle indukčního předpokladu je na začátku i -té fáze $h(u) \leq \ell(S')$. Na tuto hodnotu muselo

být $h(u)$ nastaveno nejpozději v $(i - 1)$ -ní fázi, čímž byl vrchol u otevřen. Nejpozději v i -té fázi proto musel být uzavřen a relaxován. Na začátku relaxace muselo stále platit $h(u) \leq \ell(S')$ – hodnota $h(u)$ se sice mohla změnit, ale ne zvýšit. Po relaxaci tedy muselo platit $h(v) \leq h(u) + \ell(u, v) \leq \ell(S') + \ell(u, v) = \ell(S)$. \square

Důsledek: Pokud graf neobsahuje záporné cykly, po n -té fázi se algoritmus zastaví.

Důkaz: Po $(n - 1)$ -ní fázi jsou všechna ohodnocení shora omezena délками nejkratších cest, takže se v n -té fázi už nemohou změnit a algoritmus se zastaví. \square

Věta: V grafu bez záporných cyklů nalezne Bellmanův-Fordův algoritmus všechny vzdálenosti z vrcholu v_0 v čase $\mathcal{O}(nm)$.

Důkaz: Podle předchozího důsledku se po n fázích algoritmus zastaví a podle lemmat **D** a **V** vydá správný výsledek. Během jedné fáze přitom relaxuje každý vrchol nejvýše jednou, takže celá fáze dohromady trvá $\mathcal{O}(m)$. \square

Cvičení

1. Ukažte příklad grafu s celočíselně ohodnocenými hranami, na kterém Dijkstrův algoritmus běží exponenciálně dlouho.
2. *Záporné cykly:* Upravte Bellmanův-Fordův algoritmus, aby uměl detekovat záporný cyklus dosažitelný z vrcholu v_0 . Uměli byste tento cyklus vypsat?
3. *Papeho algoritmus* funguje podobně jako Bellmanův-Fordův, pouze místo fronty používá zásobník. Ukažte, že tento algoritmus v nejhorším případě běží exponenciálně dlouho.
4. Uvažujme následující algoritmus: provedeme n fází, v každé z nich postupně relaxujeme všechny vrcholy. Spočte tento algoritmus správné vzdálenosti? Jak si stojí v porovnání s Bellmanovým-Fordovým algoritmem?
5. *Relaxace hran:* První algoritmus vymyšlený Bellmanem relaxoval místo vrcholů hranu. Cyklicky procházel všechny hrany a pro každou hranu uv se pokusil snížit $h(v)$ na $h(u) + \ell(u, v)$. Dokažte, že tento algoritmus také spočítá správné vzdálenosti, a rozeberte jeho složitost. [N57]
- 6.* Dokažte, že v grafu bez záporných cyklů se obecný relaxační algoritmus zastaví, ať už vrchol k uzavření vybíráme libovolně. [N37]
7. Dokažte, že po zastavení obecného relaxačního algoritmu kódují předchůdci $P(v)$ hrany stromu nejkratších cest.
8. Uvažme algoritmus podobný Dijkstrou, který místo vrcholu s minimálním $h(v)$ uzavře vrchol, jehož $h(v)$ se od minima liší o nejvýše δ . Dokažte, že pokud jsou všechny

hrany delší než δ , pak stále platí, že v okamžiku uzavření vrcholu je ohodnocení rovno vzdálenosti a vrchol znovu neotevřeme.

6.4 Matice vzdáleností a Floydův-Warshallův algoritmus

Někdy potřebujeme zjistit vzdálenosti mezi všemi dvojicemi vrcholů, tedy zkonstruovat *matici vzdáleností*. Pokud v grafu nejsou záporné hrany, mohli bychom spustit Dijkstrův algoritmus postupně ze všech vrcholů. To by trvalo $\mathcal{O}(n^3)$, nebo v implementaci s haldou $\mathcal{O}(n \cdot (n+m) \cdot \log n)$.

V této kapitole ukážeme jiný, daleko jednodušší algoritmus založený na dynamickém programování (tuto techniku později rozvineme v kapitole 12). Pochází z roku 1959 od Roberta Floyda a Stephena Warshalla. Matici vzdáleností spočítá v čase $\Theta(n^3)$, dokonce mu ani nevadí záporné hrany.

Definice: Označíme D_{ij}^k délku nejkratší cesty z vrcholu i do vrcholu j , jejíž vnitřní vrcholy leží v množině $\{1, \dots, k\}$. Pokud žádná taková cesta neexistuje, položíme $D_{ij}^k = +\infty$.

Pozorování: Hodnoty D_{ij}^k mají následující vlastnosti:

- D_{ij}^0 nedovoluje používat žádné vnitřní vrcholy, takže je to buďto délka hrany ij , nebo $+\infty$, pokud taková hrana neexistuje.
- D_{ij}^n už vnitřní vrcholy neomezuje, takže je to vzdálenost z i do j .

Algoritmus dostane na vstupu matici D^0 a postupně bude počítat matice D^1, D^2, \dots , až se dopočítá k D^n a vydá ji jako výstup.

Nechť tedy známe D_{ij}^k pro nějaké k a všechna i, j . Chceme spočítat D_{ij}^{k+1} , tedy délku nejkratší cesty z i do j přes $\{1, \dots, k+1\}$. Jak může tato cesta vypadat?

- (1) Budto neobsahuje vrchol $k+1$, v tom případě je stejná, jako nejkratší cesta z i do j přes $\{1, \dots, k\}$. Tehdy $D_{ij}^{k+1} = D_{ij}^k$.
- (2) Anebo vrchol $k+1$ obsahuje. Tehdy se skládá z cesty z i do $k+1$ a cesty z $k+1$ do j . Obě dílčí cesty jdou přes vrcholy $\{1, \dots, k\}$ a obě musí být nejkratší takové (jinak bychom je mohli vyměnit za kratší). Proto $D_{ij}^{k+1} = D_{i,k+1}^k + D_{k+1,j}^k$.

Za D_{ij}^{k+1} si proto zvolíme minimum z těchto dvou variant.

Musíme ale ošetřit jeden potenciální problém: v případě (2) spojujeme dvě cesty, což ovšem nemusí dát cestu, nýbrž sled: některým vrcholem z $\{1, \dots, k\}$ bychom mohli projít

vícekrát. Stačí si ale uvědomit, že kdykoliv by takový sled byl kratší než cesta z varianty (1), znamenalo by to, že se v grafu nachází záporný cyklus. V grafech bez záporných cyklů proto nás vzorec funguje.

Hotový algoritmus vypadá takto:

Algoritmus FLOYDWARSHALL

Vstup: Matice délek hran D^0

1. Pro $k = 0, \dots, n - 1$:
2. Pro $i = 1, \dots, n$:
3. Pro $j = 1, \dots, n$:
4. $D_{ij}^{k+1} \leftarrow \min(D_{ij}^k, D_{i,k+1}^k + D_{k+1,j}^k)$

Výstup: Matice vzdáleností D^n

Časová složitost evidentně činí $\Theta(n^3)$, paměťová bohužel také. Nabízí se využít toho, že vždy potřebujeme pouze matice D^k a D^{k+1} , takže by nám místo trojrozměrného pole stačila dvě dvojrozměrná.

Existuje ovšem elegantnější, byť poněkud drzý trik: použijeme jedinou matici a budeme hodnoty přepisovat na místě. Pak ovšem nerozlišíme, zda právě čteme D_{pq}^k , nebo na jeho místě už je zapsáno D_{pq}^{k+1} . Zajímavé je, že na tom nezáleží:

Lemma: Pro všechna i, j, k platí $D_{k+1,j}^{k+1} = D_{k+1,j}^k$ a $D_{i,k+1}^{k+1} = D_{i,k+1}^k$.

Důkaz: Podle definice se levá a pravá strana každé rovnosti liší jenom tím, zda jsme jako vnitřní vrchol cesty povolili použít vrchol $k+1$. Ten je ale už jednou použit jako počáteční, resp. koncový vrchol cesty, takže se uvnitř tak jako tak neobjeví. \square

Věta: Floydův-Warshallův algoritmus s přepisováním na místě vypočte matici vzdálenosti grafu bez záporných cyklů v čase $\Theta(n^3)$ a prostoru $\Theta(n^2)$.

Cvičení

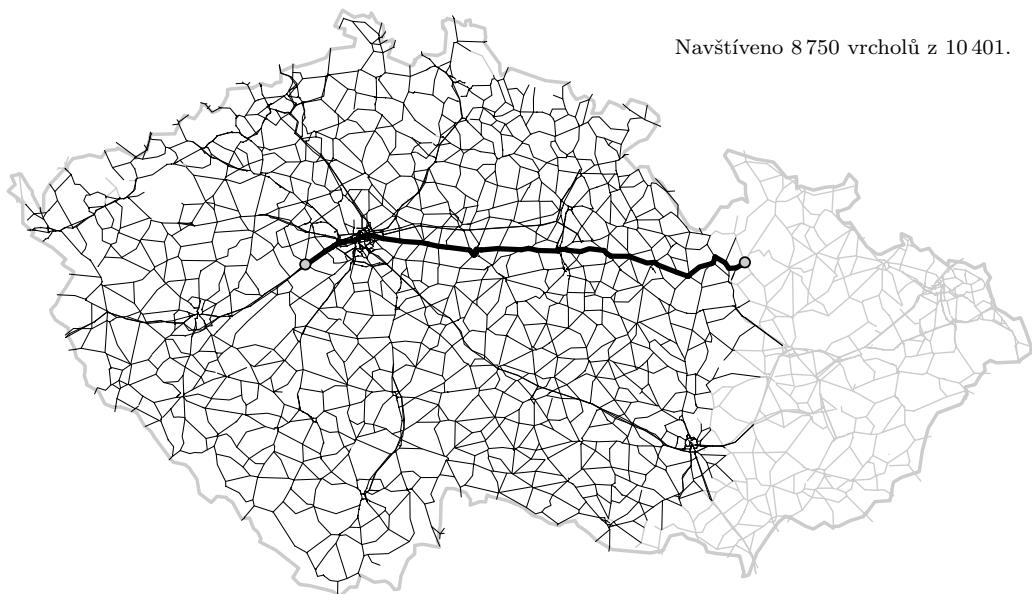
1. Jak z výsledku Floydova-Warshallova algoritmu zjistíme, kudy nejkratší cesta mezi nějakými dvěma vrcholy vede?
2. Upravte Floydův-Warshallův algoritmus, aby pro každý vrchol našel nejkratší kružnici, která jím prochází. Předpokládejte, že v grafu nejsou žádné záporné cykly.
3. Upravte Floydův-Warshallův algoritmus, aby zjistil, zda v grafu existuje záporný cyklus.

6.5* Heuristiky a potenciálová redukce

Tuto kapitolu jsme uvedli otázkou, jak najít nejkratší cestu mezi dvěma vrcholy v ohodnoceném grafu. Ukázali jsme několik algoritmů, ale všechny řeší obecnější problém: nalezení nejkratších cest z počátečního vrcholu do všech cílových. Pojdeme se zamyslet, zda je možné využít znalosti cílového vrcholu k tomu, abychom nemuseli prohledat celý graf.

Překvapivě neznáme žádný algoritmus, který by se prohledání celého grafu vyhnul i v nejhorším případě. Techniky z tohoto oddílu proto patří mezi takzvané *heuristiky* – empirická pravidla, která v obvyklých případech pomohou a v nejhorším případě aspoň neuškodí.

Tímto oddílem nás bude provázet příklady hledání cesty v automapě z obrázku 6.3. Jsou na ní silnice 2. a vyšší třídy v České republice zanesené v Openstreetmap. Hledáme nejkratší (nikoliv nejrychlejší) cestu z Berouna do Šumperka. Pro jednoduchost neuvažujeme jednosměrky ani zákazy odbočení.



Obrázek 6.3: Hledání v mapě Dijkstrovým algoritmem

Použijeme Dijkstrův algoritmus. Jelikož délky silnic nejsou záporné, v okamžiku uzavření vrcholu je jeho ohodnocení rovno vzdálenosti od počátku. Můžeme tedy algoritmus zastavit, jakmile uzavře cílový vrchol.

Jak velkou část grafu prohledáme? Určitě uzavřeme všechny vrcholy, které leží blíž k počátku, než je cíl. Pak také některé ve stejné vzdálenosti jako cíl. Otevření zůstanou některé jejich sousedi. Kdyby vzdálenosti v grafu odpovídaly euklidovské rovině a nejkratší cesta měla délku ℓ , prohledaná oblast by tvořila kruh kolem počátku s poloměrem ℓ . Měla by tedy obsah $\pi\ell^2$. Na naší automapě z obrázku 6.3 prohledaná oblast obsahuje cca 84 % vrcholů.

Obousměrný Dijkstrův algoritmus

Dále můžeme paralelně spustit jeden „dopředný“ Dijkstrův algoritmus z počátku a směrem k cíli z a druhý „zpětný“ proti směru hran z cíle k počátku. Zastavíme se, jakmile první vrchol v uzavřeme v obou směrech. Ale pozor, nejkratší cesta nevede nutně přes v .

Lemma: Pokud jsou všechny délky hran kladné, nejkratší cesta z a do z se najde mezi těmito cestami:

1. *Spojení dopředné a zpětné cesty přes v .* Přesněji spojení nejkratší cesty z a do v nalezené dopředným prohledáváním s nejkratší cestou z v do z nalezenou zpětným prohledáváním.
2. *Spojení dopředné a zpětné cesty hranou.* Přesněji spojení dopředné nejkratší cesty z a do nějakého dopředně uzavřeného vrcholu b , dále hrany z b do nějakého zpětně uzavřeného vrcholu y a zpětné nejkratší cesty z y do z .

Důkaz: Uvažme nějakou nejkratší cestu C z a do z . Nechť b je nejpravější (nejvzdálenější od a) dopředně uzavřený vrchol. Všechny vrcholy mezi a a b musí být také dopředně uzavřené, protože jejich vzdálenost od a je ostře menší – zde se nám hodí, že graf neobsahuje hrany nulové délky. Podobně označíme-li y nejlevější zpětně uzavřený vrchol, budou všechny vrcholy mezi y a z také zpětně uzavřené. Rozebereme několik možností vzájemné polohy b a y :

- $b = y$ – jelikož v byl první obousměrně uzavřený vrchol, musí být $b = y = v$ a nejkratší cesta je prvního typu ze znění lemmatu.
- b je napravo od y – to není možné, jelikož by jak b , tak y mohly být uzavřeny z obou stran. Algoritmus by se proto mohl zastavit někdy dřív.
- b je nalevo od y – pak rozlišíme tyto případy:
 - b a y jsou spojené hranou – nejkratší cesta je tedy druhého typu.
 - mezi b a y leží ještě nějaký vrchol t , který není uzavřený ani z jedné strany. Jelikož dopředné prohledávání už uzavřelo všechny vrcholy bližší než v , musí platit $d(a, t) \geq d(a, v)$. Podobně ze zpětného prohledávání víme, že platí $d(t, z) \geq$

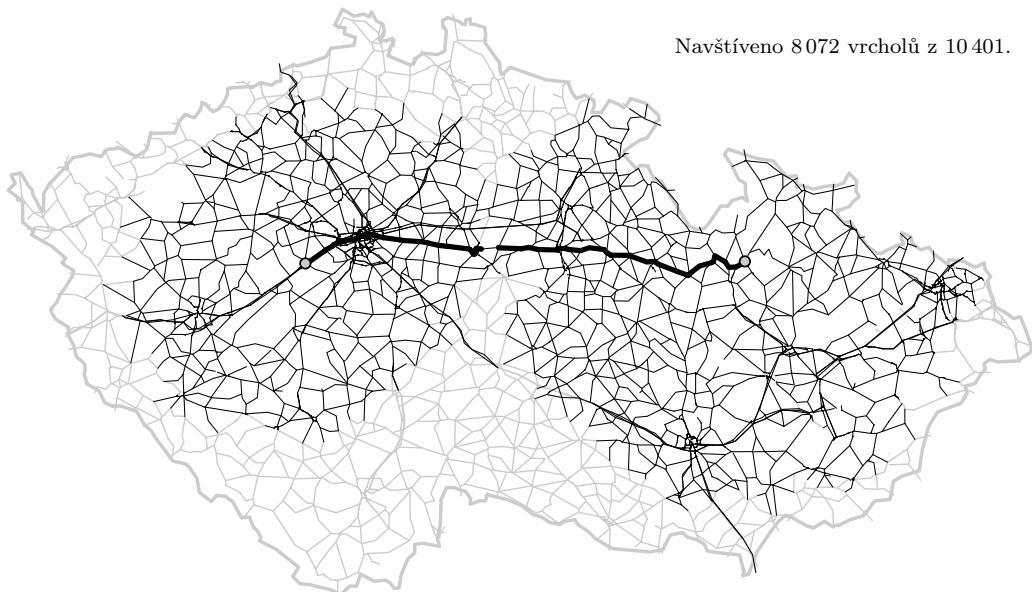
$d(v, z)$. Cesta C je tedy dlouhá $d(a, t) + d(t, z) \geq d(a, v) + d(v, b)$. Pravá strana této nerovnosti je ovšem délka cesty prvního typu.

Mezi cestami uvedených dvou typů se tedy musí vyskytovat alespoň jedna nejkratší. \square

Známe-li výsledky dopředného a zpětného prohledávání, snadno dokážeme probrat všechny cesty obou typů a najít mezi nimi nejkratší. Zabere to lineární čas.

Představovali jsme si, že oba směry prohledávání spouštíme paralelně. Ve skutečnosti je střídáme a můžeme si vybrat, kdy pokračovat v jednom směru a kdy v druhém. Obvykle upřednostňujeme ten směr, ve kterém jsme prohledali méně vrcholů. Jiná možnost je preferovat směr s menším ohodnocením uzavíraného vrcholu.

Jak moc jsme zmenšili prohledávanou oblast? Opět to nejprve odhadneme pro euklidovskou vzdálenost: je-li vzdálenost od a do b rovna ℓ , prohledali jsme sjednocení kruhů se středy v a a z o poloměru $\ell/2$. To je oblast o ploše $2\pi(\ell/2)^2 = \pi\ell^2/2$, čili dvakrát méně než pro jednosměrný Dijkstrův algoritmus. Na obrázku 6.4 vidíme, jak to dopadne pro naši automapu – navštívili jsme cca 78 % vrcholů, což je jen o trochu lepší než jednosměrný algoritmus.



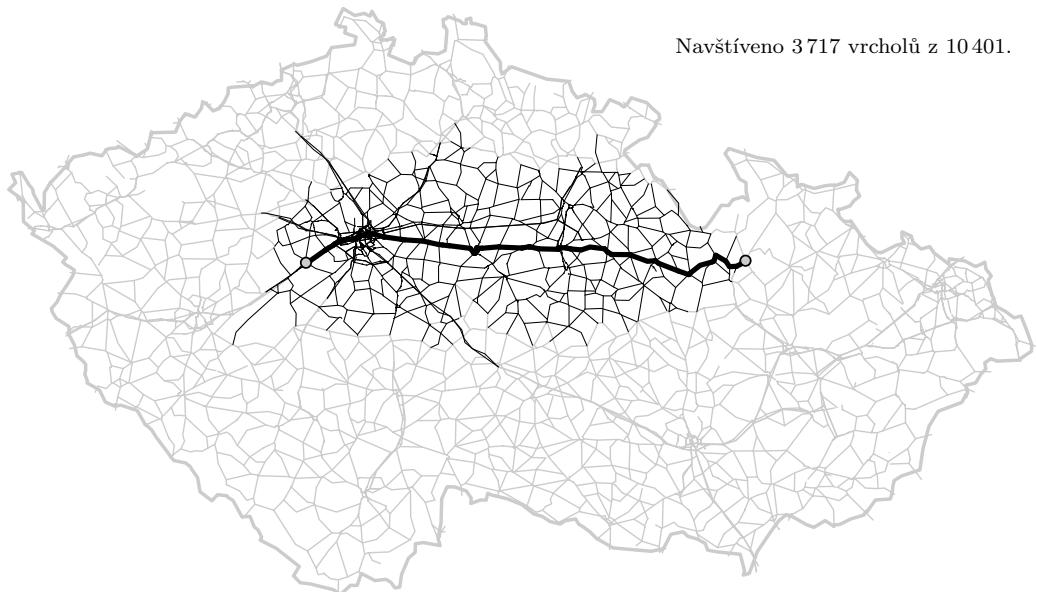
Obrázek 6.4: Hledání v mapě obousměrným Dijkstrovým algoritmem

Algoritmus A* s heuristickou vzdáleností

Hledáme-li cestu v mapě ručně, držíme se přibližného směru k cílovému městu. Jedeme-li z Berouna do Šumperka, nepomůže nám přeci vyrazit z Berouna směrem na západ. Tedy aspoň ne daleko na západ – krátký západní úsek nám může pomoci najet na dálnici, ale dlouhým bychom si zbytečně zajeli.

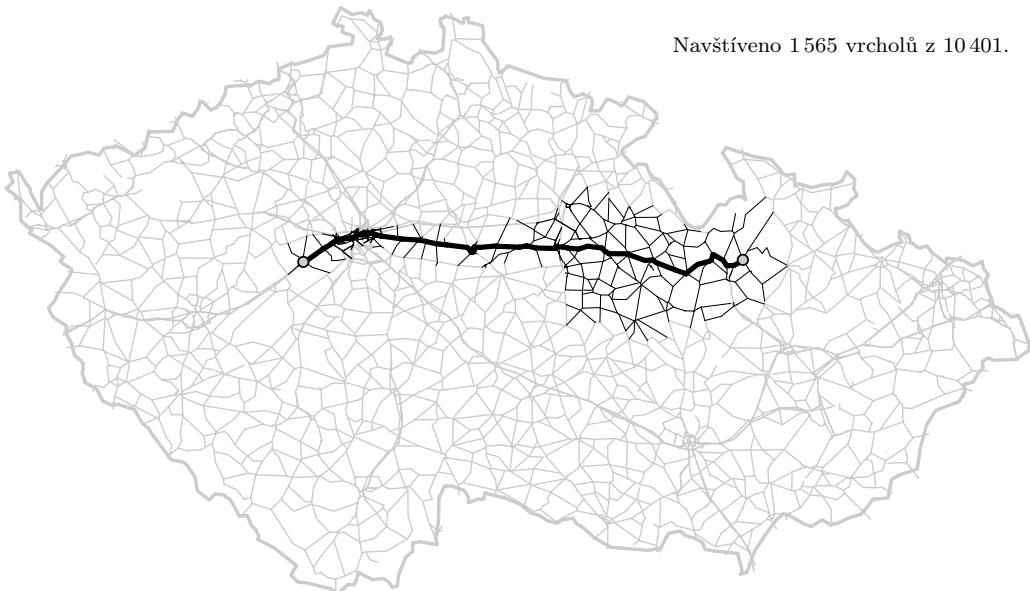
Dijkstrův algoritmus naproti tomu nijak nevyužívá znalosti cílového vrcholu, takže graf prochází všemi směry stejně. Neuměli bychom ho nějak naučit preferovat směr k cíli?

Na této myšlence je založený algoritmus, který pod jménem A* uvedli v roce 1968 Peter Hart, Nils Nilsson a Bertram Raphael.⁽²⁾ Můžeme ho formulovat jako úpravu Dijkstrova algoritmu takovou, že nezavírá vrchol v s nejmenším ohodnocením $h(v)$, nýbrž ten s nejmenším součtem $h(v) + \psi(v)$. Tato $\psi(v)$ je takzvaná *heuristická funkce*, která approximuje vzdálenost do cíle.



Obrázek 6.5: Hledání v mapě algoritmem A*

⁽²⁾ Kde se vzal název A*? Nilsson navrhl algoritmus pro navigaci robotů a nazval ho A1. Raphael ho vylepšil a svou verzi nazval A2. Hart nakonec dokázal, že drobná úprava A2 je optimální pro jistou třídu algoritmů. Nazval ji A*, neboť je nejlepší ze všech A-něco.



Obrázek 6.6: Hledání v mapě obousměrným algoritmem A*

V našem příkladu s automapou zvolíme jako heuristickou funkci vzdálenost do cíle vzdoušnou čarou (vzhledem k rozměrům naší republiky nemusíme počítat se zakřivením Země a použijeme Euklidovskou vzdálenost ve vhodné projekci do roviny). Výsledek vidíme na obrázcích 6.5 a 6.6. Algoritmus A* navštíví 37 % vrcholů, jeho obousměrná verze dokonce pouhých 15 % vrcholů.

A* je překvapivě úspěšný v mnoha úlohách prohledávání grafů a stavových prostorů. Jeho úspěch stojí a padá s volbou vhodné heuristické funkce. Intuitivně je jasné, že pokud tato funkce dobře approximuje vzdálenost do cíle, algoritmus preferuje pokračování v nejkratší cestě před zacházením do zbytečných odboček. Je ale vůbec zaručeno, že A* vždy najde nejkratší cestu? Odpověď na tuto otázkou nám dají potenciálové redukce.

Potenciálová redukce

Odbočme na chvíli k jinému problému: máme orientovaný graf se zápornými hranami, ale bez záporných cyklů. Na takových grafech Dijkstrův algoritmus obecně nefunguje. Nedokázali bychom se záporných hran nějak zbavit? Přičíst ke všem délkám hran totéž kladné číslo nefunguje (cvičení 6.6.1), ale pomůže následující transformace.

Definice: Potenciál v grafu říkáme libovolné funkci z vrcholů do reálných čísel. Pro potenciál φ a hranu uv o délce $\ell(u, v)$ zavedeme redukovanou délku hrany $\ell_\varphi(u, v) = \ell(u, v) + \varphi(u) - \varphi(v)$. Potenciál nazveme přípustný, pokud žádná hrana nemá zápornou redukovanou délku.

Lemma: Nechť C je cesta z vrcholu u do vrcholu v . Pro její redukovanou délku platí $\ell_\varphi(C) = \ell(C) + \varphi(u) - \varphi(v)$.

Důkaz: Označíme $u = x_0, x_1, \dots, x_k = v$ vrcholy na cestě C . Podle definice redukované délky platí:

$$\begin{aligned}\ell_\varphi(C) &= \sum_{i=0}^{k-1} \ell_\varphi(x_i, x_{i+1}) = \sum_{i=0}^{k-1} (\ell(x_i, x_{i+1}) + \varphi(x_i) - \varphi(x_{i+1})) = \\ &= \left(\sum_{i=0}^{k-1} \ell(x_i, x_{i+1}) \right) + \varphi(x_0) - \varphi(x_{k-1}) = \\ &= \ell(C) + \varphi(x_0) - \varphi(x_k) = \ell(C) + \varphi(u) - \varphi(v).\end{aligned}$$

Ve druhé sumě se každé $\varphi(x_i)$ kromě $\varphi(x_0)$ a $\varphi(x_k)$ právě jednou přičetlo a odečetlo. \square

Redukované délky cest jsou tedy obecně jiné než původní. Ovšem ke všem délkám cest mezi u a v se přičetlo totéž číslo, takže zůstává zachováno, které cesty jsou nejkratší. Stačí tedy najít nějaký potenciál, který je přípustný. Redukcí získáme graf bez záporných hran, v němž povedou tytéž nejkratší cesty.

Lemma: Uvažme orientovaný graf G s délkami hran ℓ , v němž nejsou záporné cykly. Nechť G' je graf vytvořený z G přidáním vrcholu s a hran z s do všech původních vrcholů. Novým hranám nastavíme nulovou délku. Pak graf G' také neobsahuje záporné cykly. Označíme-li d' vzdálenosti v G' , tvoří funkce $\varphi(v) = d'(s, v)$ přípustný potenciál v grafu G .

Důkaz: Nejprve dokážeme neexistenci záporných cyklů v G' . Jelikož do nového vrcholu s nevede žádná hrana, nemůže tento vrchol ležet na žádném cyklu. Všechny cykly v G' proto existovaly už v G .

Podmínka přípustnosti potenciálu vyžaduje, aby pro každou hranu uv platilo $\ell_\varphi(u, v) \geq 0$. Podle definice redukovaných délek má tedy platit $\ell(u, v) + \varphi(u) - \varphi(v) \geq 0$. Dosazením zvoleného potenciálu φ získáme $\ell(u, v) + d'(s, u) - d'(s, v) \geq 0$, což upravíme na $d'(s, v) \leq d'(s, u) + \ell(u, v)$. To je ale trojúhelníková nerovnost pro vzdálenost, která v grafech bez záporných cyklů platí. \square

Přípustný potenciál tedy umíme získat jedním spuštěním Bellmanova-Fordova algoritmu na graf G' . Po redukci délek vznikne graf bez záporných hran, na kterém už můžeme

používat rychlejší Dijkstrův algoritmus. To se vyplatí, pokud v jednom grafu potřebujeme hledat nejkratší cesty mezi mnoha dvojicemi vrcholů.

Potenciálové redukce jsou také šikovný nástroj ke zkoumání algoritmu A*. Platí totiž:

Věta: Běh algoritmu A* s heuristickou funkcí ψ odpovídá běhu Dijkstrova algoritmu na grafu s délkami hran redukovanými potenciálem $-\psi$.

Přesněji: Nechť oba algoritmy spustíme současně tak, že v jednom kroku výpočtu každý algoritmus uzavře jeden vrchol; pokud existuje více vrcholů s minimálním ohodnocením, oba algoritmy vyberou stejně (například vrchol s nejmenším číslem). Označíme u počáteční vrchol, $h^*(v)$ aktuální ohodnocení vrcholu v v algoritmu A* a $h(v)$ aktuální ohodnocení v Dijkstrově algoritmu. Pak oba algoritmy uzavírají vrcholy ve stejném pořadí a pro každý vrchol v po celou dobu výpočtu platí $h(v) = h^*(v) - \psi(s) + \psi(v)$.

Důkaz: Důkaz povedeme indukcí podle počtu kroků obou algoritmů. Na počátku je $h^*(s) = h(s)$ nulové a všechna ostatní h^* a h jsou nekonečná, takže tvrzení platí.

V každém dalším kroku A* vybere vrchol v s nejmenším $h^*(v) + \psi(v)$. To je tentýž vrchol, který vybere Dijkstra – podle indukčního předpokladu Dijkstra vybírá nejmenší $h^*(v) - \psi(s) + \psi(v)$, ale $\psi(s)$ přispívá u všech vrcholů stejně. Oba algoritmy tedy uzavřou stejný vrchol v .

Dále uvažujme, co se stane během relaxace hrany vw : Dijkstra se pokusí snížit ohodnocení $h(w)$ o $\delta = h(w) - (h(v) + \ell_{-\psi}(v, w))$ a provede to, pokud $\delta > 0$. Ukážeme, že A* udělá totéž. Dosazením indukčního předpokladu a redukované délky hran do vztahu pro δ získáme:

$$\begin{aligned}\delta &= (h^*(w) - \psi(s) + \psi(w)) - (h^*(v) - \psi(s) + \psi(v)) - (\ell(v, w) - \psi(v) + \psi(w)) \\ &= h^*(w) - \psi(s) + \psi(w) - h^*(v) + \psi(s) - \psi(v) - \ell(v, w) + \psi(v) - \psi(w) \\ &= h^*(w) - (h^*(v) + \ell(v, w)).\end{aligned}$$

A* tedy během relaxace snižuje ohodnocení vrcholů stejně jako Dijkstra. Oba algoritmy proto až na posunutí dané potenciálem počítají totéž. \square

Důsledek: O Dijkstrově algoritmu víme, že funguje, pokud graf neobsahuje záporné hrany. Věta nám tedy říká, že algoritmus A* funguje, pokud $-\psi$ je přípustný potenciál.

Pojďme tuto podmínku ověřit pro naše prohledávání mapy, kde jsme jako heuristiku používali vzdálenost do cíle vzdrušnou čarou. Nechť z je cílový vrchol a $\psi(v) = \varrho(v, z)$ je heuristická funkce, kde $\varrho(v, z)$ značí euklidovskou vzdálenost mezi vrcholy v a z . Potenciál $-\psi$ je přípustný, pokud pro každou hranu uv platí:

$$0 \geq \ell_{-\psi}(u, v) = \ell(u, v) - \psi(u) + \psi(v) = \ell(u, v) - \varrho(u, z) + \varrho(v, z).$$

Tato nerovnost plyne z trojúhelníkové nerovnosti pro euklidovskou vzdálenost, kdykoliv $\ell(u, v) \geq \varrho(u, v)$. To bude jistě splněno, měříme-li euklidovské vzdálenosti na trojrozměrném modelu Země. Pro některé dvojrozměrné projekce by to platit nemuselo, ale v praxi odpovídají hrany natolik krátkým úsekům silnic, že nerovnost spolehlivě platí.

Cvičení

1. Najděte pro obousměrný Dijkstrův algoritmus příklad grafu, kde žádná nejkratší cesta nevede přes vrchol, v němž se obě prohledávání setkala.
2. V příkladu na obrázku 6.4 jsme střídali směry prohledávání podle počtu navštívených vrcholů. Místo setkání obou směrů zjevně vyšlo blíž k Berounu než k Šumperku. Čím je to způsobené?
3. Co se v algoritmu A* stane, pokud jako heuristiku použijeme skutečnou délku nejkratší cesty do cíle?
4. Dokažte, že potenciálová redukce nevytvoří záporný cyklus ani pro nepřípustný potenciál.
5. Porovnejte složitost výpočtu matice vzdáleností Floydovým-Warshallovým algoritmem a opakováním spouštěním Dijkstrova algoritmu na všechny dvojice vrcholů po provedení potenciálové redukce.
6. Co by se mohlo pokazit, kdyby v algoritmu A* s heuristikou ψ nebyl $-\psi$ přípustný potenciál? Dával by algoritmus špatné výsledky? Nebo by byly vždy správné, ale algoritmus by běžel pomaleji?

6.6 Další cvičení

1. Ukažte, že v algoritmech na hledání nejkratší cesty se nelze zbavit záporných hran tak, že ke všem ohodnocením hran přičteme nějaké velké číslo k .
2. Počítáčovou síť popíšeme orientovaným grafem, jehož vrcholy odpovídají routerům a hrany linkám mezi nimi. Pro každou linku známe pravděpodobnost toho, že bude funkční. Pravděpodobnost, že bude funkční nějaká cesta, je dána součinem pravděpodobností jejích hran. Jak pro zadané dva routery najít nejpravděpodobnější cestu mezi nimi?
3. *Kamion:* Mějme mapu města ve tvaru orientovaného grafu. Každou hranu ohodnotíme podle toho, jaký nejvyšší kamion po dané ulici může projet. Po cestě tedy projede maximálně tak vysoký náklad, kolik je minimum z ohodnocení jejích hran. Jak pro zadané dva vrcholy najít cestu, po níž projede co nejvyšší náklad?

4. *Jízdní řád:* V Tramtárii jezdí po železnici samé rychlíky, které nikde po cestě nestaví. V jízdním rádu je pro každý rychlík uvedeno počáteční a cílové nádraží, čas odjezdu a čas příjezdu. Nyní stojíme v čase t na nádraží a a chceme se co nejrychleji dostat na nádraží b . Navrhněte algoritmus, který najde takové spojení.
5. Pokračujeme v předchozím cvičení: Mezi všemi nejrychlejšími spojeními chceme najít takové, v němž je nejméně přestupů.
6. *Směnárna* obchoduje s n měnami (měna číslo 1 je koruna) a vyhlašuje matici kurzů K . Kurz K_{ij} říká, kolik za jednu jednotku i -té měny dostaneme jednotek j -té měny. Vymyslete algoritmus, který zjistí, zda existuje posloupnost směn, která začne s jednou korunou a skončí s více korunami.
7. Vymyslete algoritmus, který naleze všechny hrany, jež leží na alespoň jedné nejkratší cestě.
8. *Kritická hrana* budiž taková, která leží na všech nejkratších cestách. Tedy ta, jejíž prodloužení by ovlivnilo vzdálenost. Navrhněte algoritmus, který najde všechny kritické hrany. [N120]
9. *Mýto:* Silnice v mapě máme ohodnocené dvěma čísly: délkou a mýtem (poplatkem za projetí). Jak najít nejlevnější z nejkratších cest?
- 10.* *Nerovnice:* Sestrojte algoritmus pro řešení dané soustavy lineárních nerovnic tvaru $x_i - x_j \leq c_{ij}$, kde c_{ij} jsou reálné, ne nutně kladné konstanty. [N45]
11. Navrhněte co nejefektivnější algoritmus pro hledání nejkratších cest v grafech, jejichž hrany mají jen K různých délek. Délky samotné mohou být dost velká čísla.
12. Našli jsme nejkratší cestu z u do v . Spočítejte pro každou hranu, o kolik nejvýš se může snížit její ohodnocení, aby nalezená cesta zůstala nejkratší.
- 13.* Vymyslete, jak k tabulce vzdáleností z daného počátečního vrcholu doplnit *certifikát* – dodatečná data, pomocí nichž půjde ověřit, že vzdálenosti jsou vypočtené správně. Ověřující algoritmus musí běžet v čase $\mathcal{O}(n + m)$ a má k dispozici původní graf a certifikát.
14. Je dán orientovaný graf s ohodnocenými hranami. Zjistěte, zda všechny kružnice mají nulový součet.
15. Mějme orientovaný graf s celočíselně ohodnocenými hranami. Sled nazveme *k-hladký*, pokud se ohodnocení každých dvou na sebe navazujících hran liší nejvýše o k . Navrhněte algoritmus, který naleze 3-hladký sled o co nejméně hranách mezi zadanými dvěma vrcholy.

7 Minimální kostry

7 Minimální kostry

Napadl sníh a přikryl perinou celé městečko. Po ulicích lze sotva projít pěšky, natož projet autem. Které ulice prohrneme, aby šlo dojet odkudkoliv kamkoliv, a přitom nám házení sněhu dalo co nejméně práce?

Tato otázka vede na hledání minimální kostry grafu. To je slavný problém, jeden z těch, které stály u pomyslné kolébky teorie grafů. Navíc je pro jeho řešení známo hned několik zajímavých efektivních algoritmů. Jim věnujeme tuto kapitolu.

7.1 Od městečka ke kostře

Představme si mapu zasněženého městečka z našeho úvodního příkladu jako graf. Každou hranu ohodnotíme číslem – to bude vyjadřovat množství práce potřebné na prohrnutí ulice. Hledáme tedy podgraf na všech vrcholech, který bude souvislý a použije hrany o co nejmenším součtu ohodnocení.

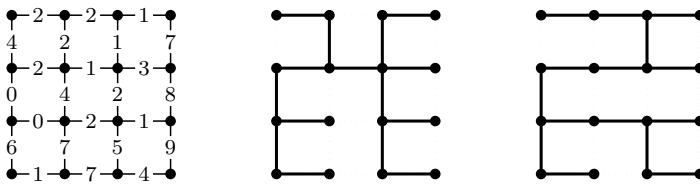
Takový podgraf jistě musí být strom: kdyby se v něm nacházel nějaký cyklus, smažeme libovolnou z hran cyklu. Tím neporušíme souvislost, protože konce hrany jsou nadále propojené zbytkem cyklu. Odstraněním hrany ovšem zlepšíme součet ohodnocení, takže původní podgraf nemohl být optimální. (Zde jsme použili, že odhrnutí sněhu nevyžaduje záporné množství práce, ale to snad není moc troufalé.)

Popišme nyní problém formálně.

Definice:

- Nechť $G = (V, E)$ je souvislý neorientovaný graf a $w: E \rightarrow \mathbb{R}$ váhová funkce, která přiřazuje hranám čísla – jejich váhy.
- n a m nechť jako obvykle značí počet vrcholů a hran grafu G .
- Váhovou funkci můžeme přirozeně rozšířit na podgrafy: Váha $w(H)$ podgrafa $H \subseteq G$ je součet vah jeho hran.
- *Kostra* grafu G je podgraf, který obsahuje všechny vrcholy a je to strom. Kostra je *minimální*, pokud má mezi všemi kostrami nejmenší váhu. Hledáme $w(T)$ kde T je kostra

Jak je vidět z obrázku 7.1, jeden graf může mít více minimálních kostr. Brzy dokážeme, že jsou-li váhy všech hran navzájem různé, minimální kostra už je určena jednoznačně. To značně zjednoduší situaci, takže ve zbytku kapitoly budeme unikátnost vah předpokládat.

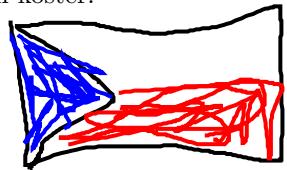


Obrázek 7.1: Graf s vahami a dvě z jeho minimálních koster

Cvičení

1. Rozmyslete si, že předpoklad unikátních vah není na škodu obecnosti. Ukažte, jak pomocí algoritmu, který unikátnost předpokládá, nalézt jednu z minimálních koster grafu s neunikátními vahami.
2. Upravte definici kostry, aby dávala smysl i pro nesouvislé grafy.
3. Dokažte, že mosty v grafu jsou právě ty hrany, které leží v průniku všech koster.
4. Změníme-li váhu jedné hrany, jak se změní minimální kostra?

7.2 Jarníkův algoritmus a řezy



Vůbec nejjednodušší algoritmus pro hledání minimální kostry pochází z roku 1930, kdy ho vymyslel český matematik Vojtěch Jarník. Tehdy se o algoritmy málokdo zajímal, takže myšlenka zapadla a až později byla několikrát znovaobjevena – proto se algoritmu říká též Primův nebo Dijkstrův.

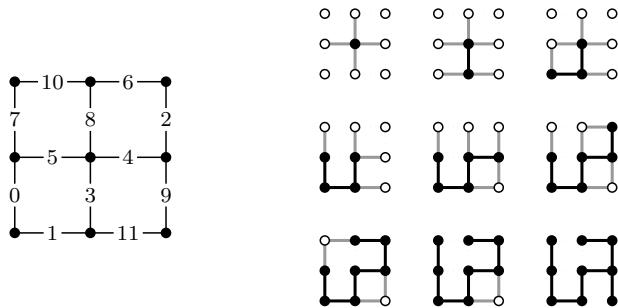
Kostru budeme „pěstovat“ z jednoho vrcholu. Začneme se stromem, který obsahuje libovolný jeden vrchol a žádné hrany. Pak vybereme nejlehčí hranu incidentní s tímto vrcholem. Přidáme ji do stromu a postup opakujeme: v každém dalším kroku přidáváme nejlehčí z hran, které vedou mezi vrcholy stromu a zbytkem grafu. Takto pokračujeme, dokud nevznikne celá kostra.

Algoritmus JARNÍK

Vstup: Souvislý graf s unikátními vahami

1. $v_0 \leftarrow$ libovolný vrchol grafu
2. $T \leftarrow$ strom obsahující vrchol v_0 a žádné hrany
3. Dokud existuje hraná uv taková, že $u \in V(T)$ a $v \notin V(T)$:
4. Nejlehčí takovou hranu přidáme do T .

Výstup: Minimální kostra T



Obrázek 7.2: Příklad výpočtu Jarníkova algoritmu.
Černé vrcholy a hrany už byly přidány do kostry,
mezi šedivými hranami hledáme tu nejlehčí.

Tento přístup je typickým příkladem takzvaného *hladového algoritmu* – v každém okamžiku vybíráme lokálně nejlepší hranu a neohlížíme se na budoucnost.⁽¹⁾ Hladové algoritmy málokdy naleznou optimální řešení, ale zrovna minimální kostra je jedním z řídkých případů, kdy tomu tak je. K důkazu se ovšem budeme muset propracovat.

Správnost

Lemma: Jarníkův algoritmus se po nejvýše n iteracích zastaví a vydá nějakou kostru zadáního grafu.

Důkaz: Graf pěstovaný algoritmem vzniká z jednoho vrcholu postupným přidáváním listů, takže je to v každém okamžiku výpočtu strom. Po nejvýše n iteracích dojdou vrcholy a algoritmus se musí zastavit.

Kdyby nalezený strom neobsahoval všechny vrcholy, musela by díky souvislosti existovat hrana mezi stromem a zbytkem grafu. Tehdy by se ale algoritmus ještě nezastavil. (Všimněte si, že tuto úvahu jsme už potkali v rozboru algoritmů na prohledávání grafu.) \square

Minimalitu kostry bychom mohli dokazovat přímo, ale raději dokážeme trochu obecnější tvrzení o řezech, které se bude hodit i pro další algoritmy.

Definice: Nechť A je nějaká podmnožina vrcholů grafu a B její doplněk. Množině hran, které leží jedním vrcholem v A a druhým v B , budeme říkat **elementární řez** určený množinami A a B .

⁽¹⁾ Proto je možná výstižnější anglický název *greedy algorithm*, čili algoritmus chameťivý, nebo slovenský *pažravý algoritmus*.

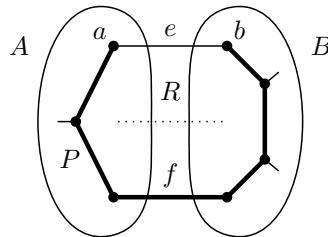
Lemma (řezové): Nechť G je graf opatřený unikátními vahami, R nějaký jeho elementární řez a e nejlehčí hrana tohoto řezu. Pak e leží v každé minimální kostře grafu G .

Důkaz: Dokážeme obměněnou implikaci: pokud nějaká kostra T neobsahuje hranu e , není minimální.

Sledujme situaci na obrázku 7.3. Označme A a B množiny vrcholů, kterými je určen řez R . Hrana e tudíž vede mezi nějakými vrcholy $a \in A$ a $b \in B$. Kostra T musí spojovat vrcholy a a b nějakou cestou P . Tato cesta začíná v množině A a končí v B , takže musí alespoň jednou překročit řez. Nechť f je libovolná hrana, kde se to stalo.

Nyní z kostry T odebereme hranu f . Tím se kostra rozpadne na dva stromy, z nichž jeden obsahuje a a druhý b . Přidáním hrany e stromy opět propojíme a tím získáme jinou kostru T' .

Spočítáme její váhu: $w(T') = w(T) - w(f) + w(e)$. Jelikož hrana e je nejlehčí v řezu, musí platit $w(f) \geq w(e)$. Nerovnost navíc musí být ostrá, neboť vahy jsou unikátní. Proto $w(T') < w(T)$ a T není minimální. \square



Obrázek 7.3: Situace v důkazu řezového lemmatu

Každá hrana vybraná Jarníkovým algoritmem je přitom nejlehčí hranou elementárního řezu mezi vrcholy stromu T a zbytkem grafu. Z řezového lemmatu proto plyne, že kostra nalezená Jarníkovým algoritmem je podgrafem každé minimální kostry. Jelikož všechny kostry daného grafu mají stejný počet hran, znamená to, že nalezená kostra je všem minimálním kostrám rovna. Proto platí:

Věta (o minimální kostře): Souvislý graf s unikátními vahami má právě jednu minimální kostru a Jarníkův algoritmus tuto kostru najde.

Navíc víme, že Jarníkův algoritmus vahy pouze porovnává, takže ihned dostáváme:

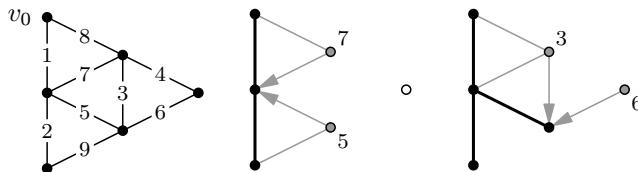
Důsledek: Minimální kostra je jednoznačně určena uspořádáním hran podle vah, na konkrétních hodnotách vah nezáleží.

Implementace

Zbývá rozebrat, jak rychle algoritmus poběží. Už víme, že proběhne nejvýše n iterací. Pokud budeme pokaždé zkoumat všechny hrany, jedna iterace potrvá $\mathcal{O}(m)$, takže celý algoritmus poběží v čase $\mathcal{O}(nm)$.

Opakované vybírání minima navádí k použití haldy. Mohli bychom v haldě uchovávat množinu všech hran řezu (viz cvičení 1), ale existuje elegantnější a rychlejší způsob.

Budeme udržovat *sousední* vrcholy – to jsou ty, které leží mimo strom, ale jsou s ním spojené alespoň jednou hranou. Každému sousedovi s přiřadíme *ohodnocení* $h(s)$. To bude udávat, jakou nejlehčí hranou je soused připojen ke stromu.



Obrázek 7.4: Jeden krok výpočtu v Jarníkově algoritmu s haldou

V každém kroku algoritmu vybereme souseda s nejnižším ohodnocením a připojíme ho ke stromu příslušnou nejlehčí hranou. To je přesně ta hraná, kterou si vybere původní Jarníkův algoritmus. Poté potřebujeme přepočítat sousedy a jejich ohodnocení.

Sledujme obrázek 7.4. Vlevo je nakreslen zadaný graf s vahami. Uprostřed vidíme situaci v průběhu výpočtu: tučné hrany už leží ve stromu, šedivé vrcholy jsou sousední (čísla udávají jejich ohodnocení), šipky ukazují, která hraná řezu je pro daného souseda nejlehčí. V tomto kroku tedy vybereme vrchol s ohodnocením 5, čímž přejdeme do situace nakreslené vpravo.

Pozorování: Pokud ke stromu připojujeme vrchol u , musíme přepočítat sousednost a ohodnocení ostatních vrcholů. Uvažme libovolný vrchol v a rozeberme možné situace:

- Pokud byl v součástí stromu, nemůže se stát sousedním, takže se o něj nemusíme starat.
- Pokud mezi u a v nevede hrana, v okolí vrcholu v se řez nezmění, takže ohodnocení $h(v)$ zůstává stejná.
- Jinak se hrana uv stane hranou řezu. Tehdy:
 - Pakliže v nebyl sousední, stane se sousedním a jeho ohodnocení nastavíme na váhu hrany uv .

- Pokud už sousední byl, bude se do jeho ohodnocení nově započítávat hrana uv , takže $h(v)$ může klesnout.

Stačí tedy projít všechny vrcholy v , do nichž vede z u hrana, a podle potřeby učinit v sousedem nebo snížit jeho ohodnocení.

Na této myšlence je založena následující varianta Jarníkova algoritmu. Kromě ohodnocení vrcholů si budeme pamatovat jejich *stav* (*uvnitř* stromu, *sousední*, případně *úplně mimo*) a u sousedních vrcholů příslušnou nejlehčí hranu. Při inicializaci algoritmu chvíli považujeme počáteční vrchol za souseda, což zjednoduší zápis.

Algoritmus JARNÍK2

Vstup: Souvislý graf s váhovou funkcí w

1. Pro všechny vrcholy v :
 2. $stav(v) \leftarrow mimo$
 3. $h(v) \leftarrow +\infty$
 4. $p(v) \leftarrow nedefinováno$
 5. $v_0 \leftarrow$ libovolný vrchol grafu
 6. $T \leftarrow$ strom obsahující vrchol v_0 a žádné hrany
 7. $stav(v_0) \leftarrow souused$
 8. $h(v_0) \leftarrow 0$
 9. Dokud existují nějaké sousední vrcholy:
 10. Označme u sousední vrchol s nejmenším $h(u)$.
 11. $stav(u) \leftarrow uvnitř$
 12. Přidáme do T hranu $\{u, p(u)\}$, pokud je $p(u)$ definováno.
 13. Pro všechny hrany uv :
 14. Je-li $stav(v) \in \{soused, mimo\}$ a $h(v) > w(uv)$:
 15. $stav(v) \leftarrow souused$
 16. $h(v) \leftarrow w(uv)$
 17. $p(v) \leftarrow u$

Výstup: Minimální kostra T

Všimněte si, že takto upravený Jarníkův algoritmus je velice podobný Dijkstrovy algoritmu na hledání nejkratší cesty. Jediný podstatný rozdíl je ve výpočtu ohodnocení vrcholů.

Platí zde tedy vše, co jsme odvodili o složitosti Dijkstrova algoritmu v oddílu 6.2. Uložíme-li všechna ohodnocení do pole, algoritmus poběží v čase $\Theta(n^2)$. Pokud místo pole použijeme haldu, kostru najdeme v čase $\Theta(m \log n)$, případně s Fibonacciho haldou v $\Theta(m + n \log n)$.

Cvičení

1. V rozboru implementace jsme navrhovali uložit všechny hrany řezu do haldy. Rozmyslete si všechny detailey tak, aby váš algoritmus běžel v čase $\mathcal{O}(m \log n)$.
2. Dokažte správnost Jarníkova algoritmu přímo, bez použití řezového lemmatu. [N82]
3. Dokažte, že Jarníkův algoritmus funguje i pro grafy, jejichž váhy nejsou unikátní. Jak by pro takové grafy vypadalo řezové lemma?

7.3 Borůvkův algoritmus

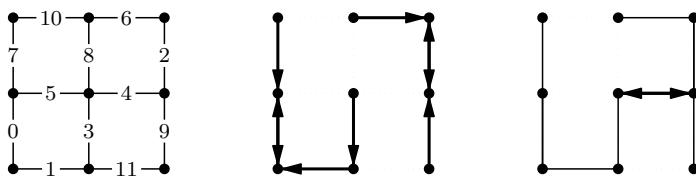
Inspirací Jarníkova algoritmu byl algoritmus ještě starší, objevený v roce 1926 Otakarem Borůvkou, pozdějším profesorem matematiky v Brně. Můžeme se na něj dívat jako na paralelní verzi Jarníkova algoritmu: namísto jednoho stromu jich pěstujeme více a v každé iteraci se každý strom sloučí s tím ze svých sousedů, do kterého vede nejlehčí hrana.

Algoritmus BORŮVKA

Vstup: Souvislý graf s unikátními vahami

1. $T \leftarrow (V, \emptyset)$ \triangleleft začneme triviálním lesem izolovaných vrcholů
2. Dokud T není souvislý:
3. Rozložíme T na komponenty souvislosti T_1, \dots, T_k .
4. Pro každý strom T_i najdeme nejlehčí z hran mezi T_i a zbytkem grafu a označíme ji e_i .
5. Přidáme do T hrany $\{e_1, \dots, e_k\}$.

Výstup: Minimální kostra T



Obrázek 7.5: Příklad výpočtu Borůvkova algoritmu.
Směr šipek ukazuje, který vrchol si vybral kterou hranu.

Správnost dokážeme podobně jako u Jarníkova algoritmu.

Věta: Borůvkův algoritmus se zastaví po nejvýše $\lfloor \log_2 n \rfloor$ iteracích a vydá minimální kostru.

Důkaz: Nejprve si všimneme, že po k iteracích má každý strom lesa T alespoň 2^k vrcholů. To dokážeme indukcí podle k : na počátku ($k = 0$) jsou všechny stromy jednovrcholové. V každé další iteraci se stromy sloučují do větších, každý s alespoň jedním sousedním. Proto se velikosti stromů pokaždé minimálně zdvojnásobí.

Nejpozději po $\lfloor \log_2 n \rfloor$ iteracích už velikost stromů dosáhne počtu všech vrcholů, takže může existovat jen jeden strom a algoritmus se zastaví. (Zde jsme opět použili souvislost grafu, rozmyslete si, jak přesně.)

Zbývá nahlédnout, že nalezená kostra je minimální. Opět použijeme řezové lemma: každá hrana e_i , kterou jsme vybrali, je nejlehčí hranou elementárního řezu mezi stromem T_i a zbytkem grafu. Všechny vybrané hrany tedy leží v jednoznačně určené minimální kostře a je jich správný počet. (Zde jsme potřebovali unikátnost vah, viz cvičení 1.) \square

Ještě si rozmyslíme implementaci. Ukážeme, že každou iteraci lze zvládnout v lineárním čase s velikostí grafu. Rozklad na komponenty provedeme například prohledáním do šířky. Poté projdeme všechny hrany, pro každou se podíváme, které komponenty spojuje, a započítáme ji do průběžného minima obou komponent. Nakonec vybrané hrany přidáme do kostry.

Důsledek: Borůvkův algoritmus nalezně minimální kostru v čase $\mathcal{O}(m \log n)$.

Cvičení

1. Unikátnost vah je u Borůvkova algoritmu důležitá, protože jinak by v kostře mohl vzniknout cyklus. Najděte příklad grafu, kde se to stane. Jak přesně pro takové grafy selže náš důkaz správnosti? Jak algoritmus opravit?
2. Borůvkův algoritmus můžeme upravit, aby každý strom lesa udržoval zkonzolidovaný do jednoho vrcholu. Iterace pak vypadá tak, že si každý vrchol vybere nejlehčí incidentní hranu, tyto hrany zkonzolidujeme a zapamatujeme si, že patří do minimální kostry. Ukažte, jak tento algoritmus implementovat tak, aby běžel v čase $\mathcal{O}(m \log n)$. Jak si poradit s násobnými hranami a smyčkami, které vznikají při kontrakci?
3. Sestrojte graf, na kterém algoritmus z předchozího cvičení potřebuje čas $\Omega(m \log n)$.
- 4.* Ukažte, že pokud algoritmus z cvičení 2 používáme pro rovinné grafy, běží v čase $\Theta(n)$. Opět je potřeba správně ošetřit násobné hrany.

7.4 Kruskalův algoritmus a Union-Find

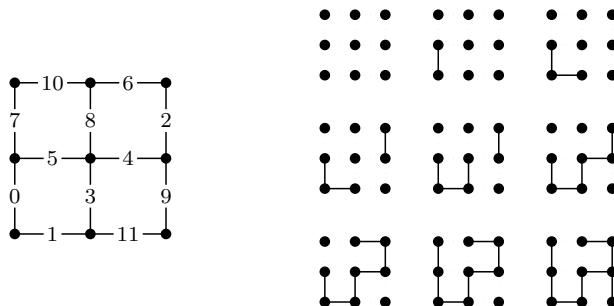
Třetí algoritmus na hledání minimální kostry popsal v roce 1956 Joseph Kruskal. Opět je založen na hladovém přístupu: zkouší přidávat hrany od nejlehčí po nejtěžší a zahazuje ty, které by vytvořily cyklus.

Algoritmus KRUSKAL

Vstup: Souvislý graf s unikátními vahami

1. Uspořádáme hrany podle vah: $w(e_1) < \dots < w(e_m)$.
2. $T \leftarrow (V, \emptyset)$ \triangleleft začneme lesem samých izolovaných vrcholů
3. Pro $i = 1, \dots, m$ opakujeme:
 4. $u, v \leftarrow$ krajní vrcholy hrany e_i
 5. Pokud u a v leží v různých komponentách lesa T :
 6. $T \leftarrow T + e_i$

Výstup: Minimální kostra T



Obrázek 7.6: Příklad výpočtu Kruskalova algoritmu.

Lemma: Kruskalův algoritmus se zastaví a vydá minimální kostru.

Důkaz: Konečnost je zřejmá z omezeného počtu průchodů hlavním cyklem. Nyní ukážeme, že hranu $e = uv$ algoritmus přidá do T právě tehdy, když e leží v minimální kostře.

Pokud algoritmus hranu přidá, stane se tak v okamžiku, kdy se vrcholy u a v nacházejí v nějakých dvou rozdílných stromech T_u a T_v lesa T . Hrana e přitom leží v elementárním řezu oddělujícím strom T_u od zbytku grafu. Navíc mezi hranami tohoto řezu musí být nejlehčí, neboť případnou lehčí hranu by algoritmus potkal dříve a už by stromy spojil. Nyní stačí použít řezové lemma.

Jestliže naopak algoritmus hranu e nepřidá, činí tak proto, že hrana uzavírá cyklus. Ostatní hrany tohoto cyklu algoritmus přidal, takže podle minulého odstavce tyto hrany leží v minimální kostře. Kostra ovšem žádné cykly neobsahuje, takže v ní e určitě neleží. \square

Nyní se zamysleme nad implementací. Třídění hran potrvá $\mathcal{O}(m \log m) \subseteq \mathcal{O}(m \log n^2) = \mathcal{O}(m \log n)$. Zbytek algoritmu potřebuje opakováně testovat, zda hrana spojuje dva různé

stromy. Jistě bychom mohli pokaždé prohledat les do šířky, ale to by trvalo $\mathcal{O}(n)$ na jeden test, celkově tedy $\mathcal{O}(nm)$.

Opakováne prohledávání znamená spoustu zbytečné práce. Les se totiž mezi jednotlivými kroky algoritmu mění pouze nepatrн – buď zůstává stejný, nebo do něj přibude jedna hraná. Neuměli bychom komponenty průběžně přepočítávat? Na to by se hodila následující datová struktura:

Definice: Struktura Union-Find reprezentuje komponenty souvislosti grafu a umí na nich provádět následující operace:

- FIND(u, v) zjistí, zda vrcholy u a v leží v téže komponentě.
- UNION(u, v) přidá hranu uv , čili dvě komponenty spojí do jedné.

V kroku 5 Kruskalova algoritmu tedy provádíme operaci FIND a v kroku 6 UNION. Složitost celého algoritmu proto můžeme vyjádřit následovně:

Věta: Kruskalův algoritmus najde minimální kostru v čase $\mathcal{O}(m \log n + m \cdot T_f(n) + n \cdot T_u(n))$, kde $T_f(n)$ a $T_u(n)$ jsou časové složitosti operací FIND a UNION na grafech s n vrcholy.

Union-Find s polem

Hledejme nyní rychlou implementaci struktury Union-Find. Nejprve zkusíme, kam nás zavede triviální přístup: pořídíme si pole K , které každému vrcholu přiřadí číslo komponenty. Můžeme si ji představovat jako barvu vrcholu.

FIND se podívá na barvy vrcholů a v konstantním čase je porovná. Veškerou práci oddře UNION: při slučování komponent projde všechny vrcholy jedné komponenty a přebarví je.

Procedura FIND(u, v)

1. Odpovíme ANO právě tehdy, když $K(u) = K(v)$.

Procedura UNION(u, v)

1. Pro všechny vrcholy x :
2. Pokud $K(x) = K(u)$:
3. $K(x) \leftarrow K(v)$

FIND proběhne v čase $\mathcal{O}(1)$ a UNION v $\mathcal{O}(n)$, takže celý Kruskalův algoritmus potrvá $\mathcal{O}(m \log n + m + n^2) = \mathcal{O}(m \log n + n^2)$.

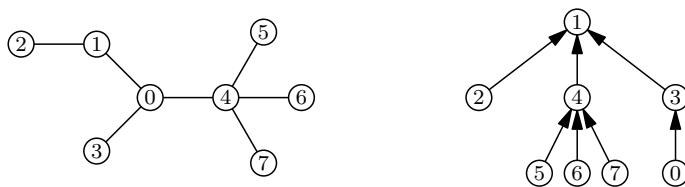
Kvadratická složitost nás sotva uspokojí. Můžeme se pokusit přečislovávání komponent zrychlit (viz cvičení 3), ale místo toho raději změníme reprezentaci struktury.

Union-Find s keříky

Každou komponentu budeme reprezentovat stromem orientovaným směrem do kořene. Tento stromům budeme říkat *keříky*, abychom je odlišili od stromů, s nimiž pracuje Kruskalův algoritmus.

Vrcholy každého keříku budou odpovídat vrcholům příslušné komponenty. Hranы nemusí odpovídat hranám původního grafu, jejich podoba záleží na historii operací s naší datovou strukturou.

Do paměti můžeme keříky ukládat přímočaře: každý vrchol v si bude pamatovat svého otce $P(v)$, případně nějakou speciální hodnotu \emptyset , pokud je kořenem.



Obrázek 7.7: Komponenta a její reprezentace keříkem

Operace FIND vystoupá z každého vrcholu do kořene keříku a porovná kořeny:

Procedura KOŘEN(x)

1. Dokud $P(x) \neq \emptyset$:
2. $x \leftarrow P(x)$
3. Vrátíme kořen x .

Procedura FIND(u, v)

1. Vrátíme ANO právě tehdy, když KOŘEN(u) = KOŘEN(v).

Hledání kořene, a tím pádem i operace FIND trvají lineárně s hloubkou keříku.

Operace UNION sloučí komponenty tak, že mezi kořeny keříků natáhne novou hranu. Může si přitom vybrat, který kořen připojí pod který – obojí bude správně. Ukážeme, že vhodnou volbou udržíme keříky mělké a FIND rychlý.

Uděláme to takto: Do kořene každého keříku uložíme číslo $H(v)$, jež bude říkat, jak je tento keřík hluboký. Na počátku mají všechny keříky hloubku 0. Při slučování keříků připojíme mělký keřík pod kořen toho hlubšího a hloubka se nezmění. Jsou-li oba stejně hluboké, rozhodneme se libovolně a keřík se prohloubí. UNION bude vypadat takto:

Procedura UNION(u, v):

1. $a \leftarrow \text{KOŘEN}(u)$, $b \leftarrow \text{KOŘEN}(v)$
2. Je-li $a = b$, ihned skončíme.
3. Pokud $H(a) < H(b)$:
 4. $P(a) \leftarrow b$
5. Pokud $H(a) > H(b)$:
 6. $P(b) \leftarrow a$
7. Jinak:
 8. $P(b) \leftarrow a$
9. $H(a) \leftarrow H(a) + 1$

Tedž ukážeme, že naše slučovací pravidlo zaručí, že keříky jsou vždy mělké (a zaslouží si svůj název).

Invariant: Keřík hloubky h obsahuje alespoň 2^h vrcholů.

Důkaz: Budeme postupovat indukcí podle počtu operací UNION. Na počátku algoritmu mají všechny keříky hloubku 0 a $2^0 = 1$ vrchol.

Nechť nyní provádíme UNION(u, v) a hloubky obou keříků jsou různé. Připojením mělčího keříku pod kořen toho hlubšího se hloubka nezmění a počet vrcholů neklesne, takže nerovnost stále platí.

Pokud mají oba keříky tutéž hloubku h , víme z indukčního předpokladu, že každý z nich obsahuje minimálně 2^h vrcholů. Jejich sloučením tudíž vznikne keřík hloubky $h+1$ o alespoň $2 \cdot 2^h = 2^{h+1}$ vrcholech. Nerovnost je tedy opět splněna. \square

Důsledek: Hloubky keříků nepřekročí $\log n$.

Důkaz: Strom větší hloubky by podle invariantu obsahoval více než n vrcholů. \square

Věta: Časová složitost operací UNION a FIND v keříkové reprezentaci je $\mathcal{O}(\log n)$.

Důkaz: Hledání kořene keříku zabere čas lineární s jeho hloubkou, tedy $\mathcal{O}(\log n)$. Obě operace datové struktury provedou dvě hledání kořene a $\mathcal{O}(1)$ dalších operací. \square

Důsledek: Kruskalův algoritmus s keříkovou strukturou pro Union-Find najde minimální kostru v čase $\mathcal{O}(m \log n)$.

Cvičení

1. Dokažte správnost Kruskalova algoritmu přímo, bez použití řezového lemmatu. [N63]
2. Fungoval by Kruskalův algoritmus pro neunikátní váhy hran?

3. Datová struktura pro Union-Find s polem by se dala zrychlit tím, že bychom pokaždé přečíslovali tu menší z komponent. Dokažte, že pak je během života struktury každý vrchol přečíslován nejvýše $(\log n)$ -krát. Co z toho plyne pro složitost operací? Nezapomeňte, že je potřeba efektivně zjistit, která z komponent je menší, a vyjměnovat její vrcholy.
4. Jaká posloupnost UNIONů odpovídá obrázku 7.7?
5. Upravíme Kruskalův algoritmus, aby místo třídění všech hran použil haldu. Nejprve operací MAKEHEAP vytvoří haldu se všemi hranami. Pak z ní opakovaně odebírá nejlehčí hranu a zkouší ji přidávat do kostry. Jakmile přidá $n - 1$ hran, zastaví se, protože kostra už je souvislá. Je tento algoritmus rychlejší?

7.5* Komprese cest

Keříkovou datovou strukturu můžeme dále zrychlovat. Kruskalův algoritmus tím sice nezrychlíme, protože nás stejně brzdí třídění hran. Ale co kdybychom hrany dostali už setříděné, nebo jejich váhy byly celočíselné a šlo je třídit přihrádkově? Tehdy můžeme operace s keříky zrychlit ještě jedním trikem: *kompresí cest*.

Kdykoliv hledáme kořen nějakého keříku, trávíme tím čas lineární v délce cesty do kořene. Když už to děláme, zkusme při tom strukturu trochu vylepšit. Všechny vrcholy, přes které jsme prošli, převěsíme rovnou pod kořen. Tím si ušetříme práci v budoucnosti.

Procedura KOŘENSKOMPRESÍ(x)

1. $r \leftarrow \text{KOŘEN}(x)$
2. Dokud $P(x) \neq r$:
 3. $t \leftarrow P(x)$
 4. $P(x) \leftarrow r$
 5. $x \leftarrow t$
6. Vrátíme kořen r .

Pozor na to, že převěšením vrcholů mohla klesnout hloubka keříku. Uložené hloubky, které používáme v UNIONech, tím pádem přestanou souhlasit se skutečností. Místo abychom je přepočítávali, necháme je být a přejmenujeme je. Budeme jim říkat *ranky* a budeme s nimi zacházet úplně stejně, jako jsme předtím zacházeli s hloubkami.⁽²⁾

Podobně jako u původní struktury bude platit následující invariant:

⁽²⁾ Anglický *rank* by se dal do češtiny přeložit jako *hodnost*. V lineární algebře se pojmem hodnosti používá, ale při studiu datových struktur bývá zvykem používat původní anglický termín.

Invariant R: Keřík s kořenem ranku r má hloubku nejvýše r a obsahuje alespoň 2^r vrcholů.

Důkaz: Indukcí podle počtu operací UNION. Komprese cest nemění ani rank kořene, ani počet vrcholů, takže se jí nemusíme zabývat. \square

Ranky jsou tedy stejně jako hloubky nejvýše logaritmické, takže složitost operací v nejhorším případě zůstává $\mathcal{O}(\log n)$. Ukážeme, že průměrná složitost se výrazně snížila. (To je typický příklad takzvané amortizované složitosti, s níž se blíže setkáme v kapitole 9.)

Definice: Věžovou funkci $2 \uparrow k$ definujeme následovně: $2 \uparrow 0 = 1$, $2 \uparrow (k+1) = 2^{2 \uparrow k}$.

Definice: Iterovaný logaritmus $\log^* x$ je inverzí věžové funkce. Udává nejmenší k takové, že $2 \uparrow k \geq x$.

Příklad: Funkce $2 \uparrow k$ roste přímo závratně:

$$\begin{aligned}2 \uparrow 1 &= 2, \\2 \uparrow 2 &= 2^2 = 4 \\2 \uparrow 3 &= 2^4 = 16 \\2 \uparrow 4 &= 2^{16} = 65\,536 \\2 \uparrow 5 &= 2^{65\,536} \approx 10^{19\,728}\end{aligned}$$

Iterovaný logaritmus libovolného „rozumného“ čísla je tedy nejvýše 5.

Věta: Ve struktuře s kompresí cest na n vrcholech trvá provedení $n - 1$ operací UNION a m operací FIND celkově $\mathcal{O}((n + m) \cdot \log^* n)$.

Ve zbytku tohoto oddílu větu dokážeme.

Pro potřeby důkazu budeme uvažovat ranky všech vrcholů, nejen kořenů – každý vrchol si poneše svůj rank z doby, kdy byl naposledy kořenem. Struktura sama se ovšem podle ranků vnitřních vrcholů neřídí a nemusí si je ani pamatovat. Dokažme dva invarianty o rankách vrcholů.

Invariant C: Na každé cestě z vrcholu do kořene příslušného keříku ranky ostře rostou. Jinými slovy rank vrcholu, který není kořen, je menší, než je rank jeho otce.

Důkaz: Pro jednovrcholové keříky tvrzení jistě platí. Dále se keříky mění dvojím způsobem:

Přidání hrany v operaci UNION: Nechť připojíme vrchol b pod a . Cesty do kořene z vrcholů, které původně ležely pod a , zůstanou zachovány, pouze se vrcholu a mohlo zvýšit rank. Cesty z vrcholů pod b se rozšíří o hranu ba , na které rank v každém případě roste.

Komprese cest nahrazuje otce vrcholu jeho vzdálenějším předkem, takže se rank otce může jedině zvýšit. \square

Invariant P: Počet vrcholů ranku r nepřesáhne $n/2^r$.

Důkaz: Kdybychom nekomprimovali cesty, bylo by to snadné: vrchol ranku r by měl alespoň 2^r potomků (dokud je kořenem, plyne to z invariantu **R**; jakmile přestane být, potomci se už nikdy nezmění). Navíc díky invariantu **C** nemá žádný vrchol více předků ranku r , takže v keříku najdeme tolik disjunktních podkeříků velikosti alespoň 2^r , kolik je vrcholů ranku r .

Komprese cest nemůže invariant porušit, jelikož nemění ani ranky, ani rozhodnutí, jak proběhne který UNION. \square

Nyní vrcholy ve struktuře rozdělíme do *skupin* podle ranků: k -tá skupina bude tvořena těmi vrcholy, jejichž rank je od $2 \uparrow (k-1) + 1$ do $2 \uparrow k$. Vrcholy jsou tedy rozdeleny do $1 + \log^* \log n$ skupin (nezapomeňte, že ranky nepřesahují $\log n$). Odhadněme nyní shora počet vrcholů v k -té skupině.

Invariant S: V k -té skupině leží nejvýše $n/(2 \uparrow k)$ vrcholů.

Důkaz: Sečteme odhad $n/2^r$ z invariantu **P** přes všechny ranky ve skupině:

$$\frac{n}{2^{2 \uparrow (k-1)+1}} + \frac{n}{2^{2 \uparrow (k-1)+2}} + \cdots + \frac{n}{2^{2 \uparrow k}} \leq \frac{n}{2^{2 \uparrow (k-1)}} \cdot \sum_{i=1}^{\infty} \frac{1}{2^i} = \frac{n}{2^{2 \uparrow (k-1)}} \cdot 1 = \frac{n}{2 \uparrow k}.$$

\square

Důkaz věty: Operace UNION a FIND potřebují nekonstantní čas pouze na vystoupání po cestě ze zadанého vrcholu do kořene keříku. Čas strávený na této cestě je přímo úměrný počtu hran cesty. Celá cesta je přitom rozpojena a všechny vrcholy ležící na ní jsou přepojeny přímo pod kořen keříku.

Hrany cesty, které spojují vrcholy z různých skupin (takových je $\mathcal{O}(\log^* n)$), naúčtujeme právě prováděné operaci. Celkem jimi tedy strávíme čas $\mathcal{O}((n+m) \cdot \log^* n)$. Zbylé hrany budeme počítat přes celou dobu běhu algoritmu a účtovat je vrcholům.

Uvažme vrchol v v k -té skupině, jehož rodič leží také v k -té skupině. Jelikož hrany na cestách do kořene ostře rostou, každým přepojením vrcholu v rank jeho rodiče vzroste. Proto po nejvýše $2 \uparrow k$ přepojeních se bude rodič vrcholu v nacházet v některé z vyšších skupin. Jelikož rank vrcholu v se už nikdy nezmění, bude hrana z v do jeho otce již navždy hraniční mezi skupinami. Každému vrcholu v k -té skupině tedy naúčtujeme nejvýše $2 \uparrow k$ přepojení a jelikož, jak už víme, jeho skupina obsahuje nejvýše $n/(2 \uparrow k)$ vrcholů, naúčtujeme celé skupině čas $\mathcal{O}(n)$ a všem skupinám dohromady $\mathcal{O}(n \log^* n)$. \square

Dodejme, že komprese cest se ve skutečnosti chová ještě lépe, než jsme dokázali. Správnou funkci, která popisuje rychlosť operácií, není iterovaný logaritmus, ale ještě mnohem pomaleji rostoucí *inverzní Ackermannova funkce*. Rozdíl se nicméně projeví až pro nerealisticky velké vstupy a důkaz příslušné věty je zcela mimo možnosti našeho úvodního textu.

7.6 Další cvičení

1. Vymyslete algoritmus na hledání kostry grafu, v němž jsou váhy hran přirozená čísla od 1 do 5.
- 2.* Rozmyslete si, jak v případě, kdy váhy nejsou unikátní, najít *všechny* minimální kostry. Jelikož koster může být mnoho (pro úplný graf s jednotkovými vahami jich je n^{n-2}), snažte se o co nejlepší složitost v závislosti na velikosti grafu a počtu minimálních koster.
3. Jak hledat minimální kostru za předpokladu, že se určené vrcholy musí stát jejími listy? Jako další listy můžete využívat i neoznačené vrcholy.
- 4.* *Rekonstrukce metriky:* Mějme strom na množině $\{1, \dots, n\}$ s ohodnocenými hranami. Metrika stromu je matice, která na pozici i, j udává vzdálenost mezi vrcholy i a j . Vymyslete algoritmus, jenž sestrojí strom se zadánou metrikou, případně odpoví, že takový strom neexistuje.
- 5.* Známe-li minimální kostru, jak najít druhou nejmenší?
- 6.* Pro každou hranu grafu spočítejte, o kolik lze její váhu zvýšit/snížit, aniž by se změnila minimální kostra.
7. Jiný hladový algoritmus: Je zadána matice necelých čísel. Chceme je zaokrouhlit na celá tak, aby zůstaly zachovány součty řádků i sloupců. [N124]

8 Vyhledávací stromy

8 Vyhledávací stromy

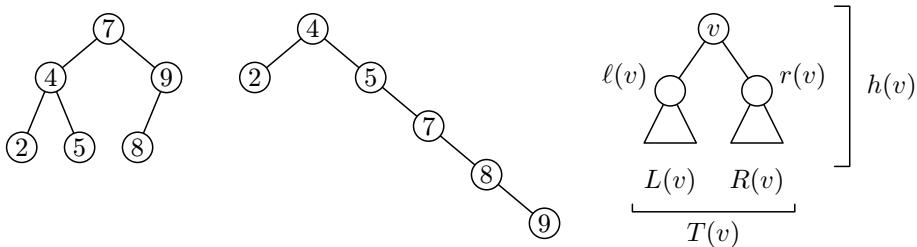
V kapitole 4 jsme se vydali po stopě datových struktur pro efektivní reprezentaci *množin* a *slovníků*. To nás nyní doveče k různým variantám vyhledávacích stromů. Začneme těmi binárními, ale později zjistíme, že se může hodit uvažovat o stromech obecněji.

8.1 Binární vyhledávací stromy

Množinu můžeme uložit do uspořádaného pole. V něm už umíme v logaritmickém čase vyhledávat, ovšem jakákoli změna je pomalá. Pokusíme se proto od pole přejít k obecnější struktuře, která bude „pružnější“. Inspirujeme se popisem binárního vyhledávání pomocí rozhodovacích stromů. Ty už se nám hodily v oddílu 3.3: dokázali jsme pomocí nich, že binární vyhledávání je optimální.

Připomeňme si, jak takový rozhodovací strom sestrojit. Kořen popisuje první porovnání: leží v něm prostřední prvek pole a má dva syny – *levého* a *pravého*. Ti odpovídají dvěma možným výsledkům porovnání: pokud je hledaná hodnota menší, jdeme doleva; pokud větší, tak doprava. Následující vrchol nám řekne, jaké další porovnání máme provést, a tak dále až do doby, kdy budto nastane rovnost (takže jsme našli), nebo se pokusíme přejít do neexistujícího vrcholu (takže hledaná hodnota v poli není).

Pro úspěšné vyhledávání přitom nepotřebujeme, abychom při konstrukci stromu pokaždé vybírali prostřední prvek intervalu. Pokud bychom volili jinak, dostaneme odlišný strom. Pomocí něj také půjde hledat, jen možná pomaleji – to je vidět na následujícím obrázku.



Obrázek 8.1: Dva binární vyhledávací stromy a jejich značení

Co všechno musí strom splňovat, aby se podle něj dalo hledat, přetavíme do následujících definic. Nejprve připomeneme definici binárního stromu z oddílu 4.2:

Definice: Strom nazveme *binární*, pokud je zakořeněný a každý vrchol má nejvýše dva syny, u nichž rozlišujeme, který je levý a který pravý.

Značení: Pro vrchol v binárního stromu T značíme:

- $T(v)$ – podstrom obsahující vrchol v a všechny jeho potomky
- $\ell(v)$ a $r(v)$ – levý a pravý syn vrcholu v
- $L(v)$ a $R(v)$ – levý a pravý podstrom vrcholu v , tedy $T(\ell(v))$ a $T(r(v))$
- $h(v)$ – hloubka stromu $T(v)$, čili maximum z délek cest z v do listů

Pokud vrchol nemá levého syna, položíme $\ell(v) = \emptyset$; podobně pro $r(v)$. Pak se hodí dodefinovat, že $T(\emptyset)$ je prázdný strom a $h(\emptyset) = -1$.

Definice: Binární vyhledávací strom (BVS) je binární strom, jehož každému vrcholu v přiřadíme unikátní klíč $k(v)$ z univerza. Přitom musí pro každý vrchol v platit:

- Kdykoliv $a \in L(v)$, pak $k(a) < k(v)$.
- Kdykoliv $b \in R(v)$, pak $k(b) > k(v)$.

Jinak řečeno, vrchol v odděluje klíče v levém a pravém podstromu.

Základní operace

Pomocí vyhledávacích stromů můžeme přirozeně reprezentovat množiny: klíče uložené ve vrcholech budou odpovídat prvkům množiny. A kdybychom místo množiny chtěli slovník, přidáme do vrcholu hodnotu přiřazenou danému klíči.

Nyní ukážeme, jak provádět jednotlivé množinové operace. Jelikož stromy jsou definované rekurzivně, je přirozené zacházet s nimi rekurzivními funkczemi. Dobře je to vidět na následující funkci, která vypíše všechny prvky množiny.

Procedura BVS`SHOW` (uspořádaný výpis BVS)

Vstup: Kořen BVS v

1. Pokud $v = \emptyset$, jedná se o prázdný strom a hned skončíme.
2. Zavoláme `BVSSHOW($\ell(v)$)`.
3. Vypíšeme klíč uložený ve vrcholu v .
4. Zavoláme `BVSSHOW($r(v)$)`.

Pokaždé tedy projdeme levý podstrom, pak kořen, a nakonec pravý podstrom. To nám dává tak zvané *symetrické pořadí* vrcholů (někdy také *in-order*). Jejich klíče přitom vypisujeme od nejmenšího k největšímu.

Hledání vrcholu s daným klíčem x prochází stromem od kořene a každý vrchol v porovná s x . Pokud je $x < k(v)$, pak se podle definice nemůže x nacházet v pravém podstromu, takže zamíříme doleva. Je-li naopak $x > k(v)$, nic nepokazíme krokem doprava. Časem tedy x najdeme, anebo vyloučíme všechny možnosti, kde by se mohlo nacházet.

Algoritmus formulujeme jako rekurzivní funkci, kterou vždy voláme na kořen nějakého podstromu a vrátí nám nalezený vrchol.

Procedura BvsFIND (hledání v BVS)

Vstup: Kořen BVS v , hledaný klíč x

1. Pokud $v = \emptyset$, vrátíme \emptyset .
2. Pokud $x = k(v)$, vrátíme v .
3. Pokud $x < k(v)$, vrátíme BvsFIND($\ell(v)$, x).
4. Pokud $x > k(v)$, vrátíme BvsFIND($r(v)$, x).

Výstup: Vrchol s klíčem x , anebo \emptyset

Minimum z prvků množiny spočteme snadno: půjdeme stále doleva, dokud je kam. Klíče menší než ten aktuální se totiž mohou nacházet pouze v levém podstromu.

Procedura BvsMIN (minimum v BVS)

Vstup: Kořen BVS v

1. Pokud $\ell(v) = \emptyset$, vrátíme vrchol v .
2. Jinak vrátíme BvsMIN($\ell(v)$).

Výstup: Vrchol obsahující nejmenší klíč

Vkládání nového prvku funguje velmi podobně jako vyhledávání, pouze v okamžiku, kdy by vyhledávací algoritmus měl přejít do neexistujícího vrcholu, připojíme tam nový list. Rozmyslíme si, že to je jediné místo, kde podle definice nový prvek smí ležet. Operaci opět popišeme rekurzivně. Funkce dostane na vstupu kořen (pod)stromu a vrátí nový kořen.

Procedura BvsINSERT (vkládání do BVS)

Vstup: Kořen BVS v , vkládaný klíč x

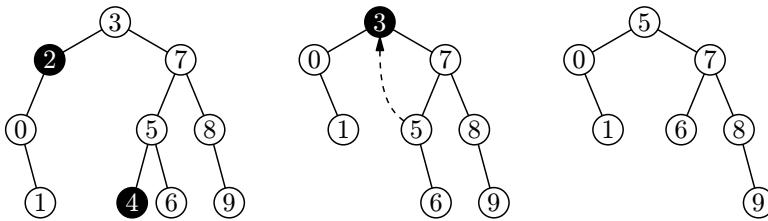
1. Pokud $v = \emptyset$, vytvoříme nový vrchol v s klíčem x a skončíme.
2. Pokud $x < k(v)$, položíme $\ell(v) \leftarrow \text{BvsINSERT}(\ell(v), x)$.
3. Pokud $x > k(v)$, položíme $r(v) \leftarrow \text{BvsINSERT}(r(v), x)$.
4. Pokud $x = k(v)$, klíč x se ve stromu již nachází a není třeba nic měnit.

Výstup: Nový kořen v

Při *mazání* může nastat několik různých případů (viz obrázek 8.2). Nechť v je vrchol, který chceme smazat. Je-li v list, můžeme tento list prostě odstranit, čímž provedeme operaci opačnou k BvsINSERTU. Má-li v právě jednoho syna, postačí v „vystrihnout“, tedy nahradit synem.

Ošemetný je případ se dvěma syny. Tehdy nemůžeme v jen tak smazat, neboť by syny nebylo kam připojit. Proto nalezneme následníka s vrcholu v , což je nejlevější vrchol

v pravém podstromu. Ten má nejvýše jednoho syna, takže smažeme s místo v a jeho hodnotu přesuneme do v . (Kdybychom nechtěli hodnoty přesouvat, také můžeme vrchol s přepojit na místo v .)



Obrázek 8.2: Různé situace při mazání.
Nejprve mažeme vrcholy 2 a 4, poté 3.

Procedura BvsDELETE (mazání z BVS)

Vstup: Kořen BVS v , mazaný klíč x

1. Pokud $v = \emptyset$, vrátíme \emptyset . \triangleleft klíč x ve stromu nebyl
2. Pokud $x < k(v)$, položíme $\ell(v) \leftarrow \text{BvsDELETE}(\ell(v), x)$.
3. Pokud $x > k(v)$, položíme $r(v) \leftarrow \text{BvsDELETE}(r(v), x)$.
4. Pokud $x = k(v)$: \triangleleft chystáme se smazat vrchol v
5. Pokud $\ell(v) = r(v) = \emptyset$, vrátíme \emptyset . \triangleleft byl to list
6. Pokud $\ell(v) = \emptyset$, vrátíme $r(v)$. \triangleleft existoval jen pravý syn
7. Pokud $r(v) = \emptyset$, vrátíme $\ell(v)$. \triangleleft existoval jen levý syn
8. $s \leftarrow \text{BvsMIN}(r(v))$ \triangleleft máme oba syny: nahradíme následníka s
9. $k(v) \leftarrow k(s)$
10. $r(v) \leftarrow \text{BvsDELETE}(r(v), k(s))$
11. Vrátíme v .

Výstup: Nový kořen v

Vyváženosť stromov

Zamysleme se nad složitostí stromových operací pro strom na n vrcholech.

BvsSHOW projde všechny vrcholy a v každém stráví konstantní čas, takže běží v čase $\Theta(n)$. Ostatní operace projdou po nějaké cestě od kořene směrem k listům, a to buďto jednou tam a jednou zpět, nebo (v nejsložitějším případě BvsDELETE) oběma směry dvakrát. Jejich časová složitost v nejhorším případě proto bude $\Theta(hloubka\ stromu)$.

Hloubka ovšem závisí na tom, jak moc je strom „košatý“. V příznivém případě vyjde sympatických $\mathcal{O}(\log n)$, jenže dalšími operacemi může strom degenerovat. Začneme-li třeba

s prázdným stromem a postupně vložíme klíče $1, \dots, n$ v tomto pořadí, vznikne „liána“ hloubky $\Theta(n)$.

Budeme se proto snažit stromy *vyvažovat*, aby jejich hloubka příliš nerostla. Zkusme se opět držet paralely s binárním vyhledáváním.

Definice: Binární vyhledávací strom nazveme *dokonale vyvážený*, pokud pro každý jeho vrchol v platí

$$||L(v)| - |R(v)|| \leq 1.$$

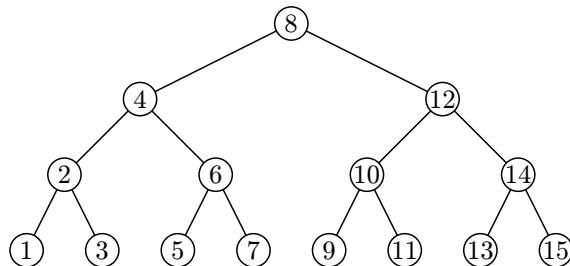
Jinými slovy počet vrcholů levého a pravého podstromu se smí lišit nejvíše o 1.

Pozorování: Dokonale vyvážený strom má hloubku $\lfloor \log_2 n \rfloor$, jelikož na kterékoliv cestě z kořene do listu klesá velikost podstromů s každým krokem alespoň dvakrát.

Dokonale vyvážený strom tedy zaručuje rychlé vyhledávání. Navíc pokud všechny prvky množiny známe předem, můžeme si takový strom snadno pořídit: z uspořádané posloupnosti ho vytvoříme v lineárním čase (cvičení 3). Tím bohužel dobré zprávy končí: ukážeme, že po vložení nebo smazání vrcholu nelze dokonalou vyváženosť obnovit rychle.

Věta: Pro žádnou implementaci operací `INSERT` a `DELETE` udržujících strom dokonale vyvážený nemůže jak `INSERT`, tak `DELETE` trvat $o(n)$.

Důkaz: Nejprve si představíme, jak bude vypadat dokonale vyvážený BVS s klíči $1, \dots, n$, kde $n = 2^k - 1$. Sledujme obrázek 8.3. Tvar stromu je určen jednoznačně: Kořenem musí být prostřední z klíčů (jinak by se levý a pravý podstrom kořene lišily o více než 1 vrchol). Levý a pravý podstrom proto mají právě $(n-1)/2 = 2^{k-1} - 1$ vrcholů, takže jejich kořeny jsou opět určeny jednoznačně a tak dále. Navíc si všimneme, že všechna lichá čísla jsou umístěna v listech stromu.



Obrázek 8.3: Dokonale vyvážený BVS

Nyní na tomto stromu provedeme následující posloupnost operací:

$\text{INSERT}(n+1)$, $\text{DELETE}(1)$, $\text{INSERT}(n+2)$, $\text{DELETE}(2)$, ...

Po provedení i -té dvojice operací bude strom obsahovat hodnoty $i+1, \dots, i+n$. Podle toho, zda je i sudé nebo liché, se budou v listech nacházet buď všechna sudá, nebo všechna lichá čísla. Pokaždé se proto všem vrcholům změní, zda jsou listy, na což je potřeba upravit $\Omega(n)$ ukazatelů. Pro nekonečně mnoho různých n tedy musí INSERT a DELETE dohromady trvat aspoň lineárně, takže jejich složitost nemůže ležet v $o(n)$. \square

Cvičení

1. Rekurze je pro operace s BVS přirozená, ale v některých programovacích jazycích je pomalejší než obyčejný cyklus. Navrhněte, jak operace s BVS naprogramovat nerekurzivně.
2. Místo vrcholu se dvěma syny jsme mazali jeho následníka. Samozřejmě bychom si místo toho mohli vybrat předchůdce. Jak by se algoritmus změnil?
3. Navrhněte algoritmus, který ze setříděného pole vyrobí v lineárním čase dokonale vyvážený BVS.
4. Navrhněte algoritmus, který v lineárním čase zadáný BVS dokonale vyváží.
- 5.** Vyřešte předchozí cvičení tak, aby vám kromě zadáного stromu stačilo konstantní množství paměti. Pokud nevíte jak, zkuste to nejprve s logaritmickou pamětí. [N56]
- 6.* Ukážali jsme, že dokonale vyvážený strom o $2^k - 1$ vrcholech je *úplný* – všech k hladin obsahuje nejvyšší možný počet vrcholů. Dokažte, že ostatní dokonale vyvážené stromy mají podobnou strukturu, jen na poslední hladině mohou některé vrcholy chybět.
7. *Řetězce*: Zatím jsme předpokládali, že klíče je možné porovnávat v konstantním čase. Jak to dopadne, pokud klíče budou třeba řetězce o ℓ znacích? Stanovte složitost vyhledávání a srovnajte ji s hledáním v písmenkovém stromu z oddílu 4.3.
8. *Sjednocení*: Navrhněte algoritmus, který dostane dva BVS T_1, T_2 a sloučí jejich obsah do jediného BVS. Algoritmus by měl pracovat v čase $\mathcal{O}(|T_1| + |T_2|)$.
- 9.* Dokažte, že lineární časová složitost v předchozím cvičení je optimální. Platí to dokonce i tehdy, jsou-li stromy na vstupu dokonale vyvážené a výstup může být jakkoliv nevyvážený.
10. Najděte efektivnější řešení cvičení 8 pro případ, kdy všechny klíče T_1 jsou menší než všechny klíče T_2 . Této operaci se říká JOIN.

11. Navrhněte operaci SPLIT, která dostane BVS T a hodnotu s , a rozdělí strom na dva BVS T_1 a T_2 takové, že hodnoty v T_1 jsou menší než s a hodnoty v T_2 jsou větší než s .
12. Naše tvrzení o náročnosti operací INSERT a DELETE v dokonale vyváženém stromu lze ještě zesílit. Dokažte, že lineární musí být složitost *obou* operací.
13. Ukažte, jak zjistit *následníka* daného vrcholu, tedy vrchol s nejbližší větší hodnotou.
14. Dokažte, že projdeme-li celý strom opakováním hledání následníka, strávíme tím čas $\Theta(n)$.
15. Vymyslete, jak ve stromu najít všechny klíče ležící v intervalu $[a, b]$.
- 16.* *Úsporné stromy:* Obvyklá reprezentace BVS v paměti potřebuje v každém vrcholu 3 ukazatele: na levého syna, na pravého syna a na otce. Ukažte, jak si vystačit se dvěma ukazateli. Původní 3 ukazatele by z těch vašich mělo jít spočítat v konstantním čase. [N102]

8.2 Hloubkové vyvážení: AVL stromy

Zjistili jsme, že dokonale vyvážené stromy nelze efektivně udržovat. Důvodem je, že jejich definice velmi striktně omezuje tvar stromu, takže i vložení jediného klíče může vynutit přebudování celého stromu. Zavedeme proto o trochu slabší podmínu.

Definice: Binární vyhledávací strom nazveme *hloubkově vyvážený*, pokud pro každý jeho vrchol v platí

$$|h(\ell(v)) - h(r(v))| \leq 1.$$

Jinými slovy, hloubka levého a pravého podstromu se vždy liší nejvýše o jedna.

Stromům s hloubkovým vyvážením se říká *AVL stromy*, neboť je vymysleli v roce 1962 ruští matematici Georgij Maximovič Adělson-Velskij a Jevgenij Michailovič Landis. Nyní dokážeme, že AVL stromy mají logaritmickou hloubku.

Tvrzení: AVL strom na n vrcholech má hloubku $\Theta(\log n)$.

Důkaz: Nejprve pro každé $h \geq 0$ stanovíme A_h , což bude minimální možný počet vrcholů v AVL stromu hloubky h , a dokážeme, že tento počet roste s hloubkou exponenciálně.

Pro malá h stačí rozebrat možné případy podle obrázku 8.4.

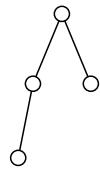
$$A_0 = 1$$

○

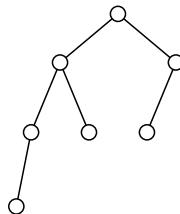
$$A_1 = 2$$



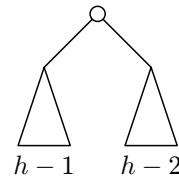
$$A_2 = 4$$



$$A_3 = 7$$



$$A_h = A_{h-1} + A_{h-2} + 1$$



Obrázek 8.4: Minimální AVL stromy pro hloubky 0 až 3 a obecný případ

Pro větší h uvažujme, jak může minimální AVL strom o h hladinách vypadat. Jeho kořen musí mít dva podstromy, jeden z nich hloubky $h - 1$ a druhý hloubky $h - 2$ (kdyby měl také $h - 1$, měl by zbytečně mnoho vrcholů). Oba tyto podstromy musí být minimální AVL stromy dané hloubky. Musí tedy platit $A_h = A_{h-1} + A_{h-2} + 1$.

Tato rekurence připomíná Fibonacciho posloupnost z oddílu 1.4. Vskutku: platí $A_h = F_{h+3} - 1$, kde F_k je k -té Fibonacciho číslo. Z toho bychom mohli získat explicitní vzorec pro A_h , ale pro důkaz našeho tvrzení postačí jednodušší asymptotický odhad.

Dokážeme indukcí, že $A_h \geq 2^{h/2}$. Jistě je $A_0 = 1 \geq 2^{0/2} = 1$ a $A_1 = 2 \geq 2^{1/2} \doteq 1.414$. Indukční krok pak vypadá následovně:

$$A_h = 1 + A_{h-1} + A_{h-2} > 2^{\frac{h-1}{2}} + 2^{\frac{h-2}{2}} = 2^{\frac{h}{2}} \cdot (2^{-\frac{1}{2}} + 2^{-1}) \geq 2^{\frac{h}{2}} \cdot 1.2 > 2^{\frac{h}{2}}.$$

Tím jsme dokázali, že $A_h \geq c^h$ pro konstantu $c = \sqrt{2}$. Proto AVL strom o n vrcholech může mít nejvíše $\log_c n$ hladin – kdyby jich měl více, obsahoval by více než $c^{\log_c n} = n$ vrcholů.

Zbývá dokázat, že logaritmická hloubka je také nutná. K tomu dojdeme podobně: nahlédneme, že největší možný AVL strom hloubky h je úplný binární strom s $2^{h+1} - 1$ vrcholy. Tudíž minimální možná hloubka AVL stromu je $\Omega(\log n)$. \square

Vyvážování rotacemi

Jak budou vypadat operace na AVL stromech? FIND bude totožný. Operace INSERT a DELETE začnou stejně jako u obecného BVS, ale poté ještě ověří, zda strom zůstal hloubkově vyvážený, a případně zasáhnou, aby se vyváženosť obnovila.

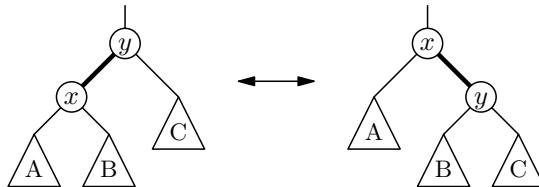
Abychom poznali, kdy je zásah potřeba, budeme v každém vrcholu v udržovat číslo $\delta(v) = h(r(v)) - h(\ell(v))$. To je takzvané **znaménko vrcholu**, které v korektním AVL stromu může nabývat jen těchto hodnot:

- $\delta(v) = 1$ (pravý podstrom je hlubší) – takový vrchol značíme +,
- $\delta(v) = -1$ (levý podstrom hlubší) – značíme -,
- $\delta(v) = 0$ (oba podstromy stejně hluboké) – značíme 0.

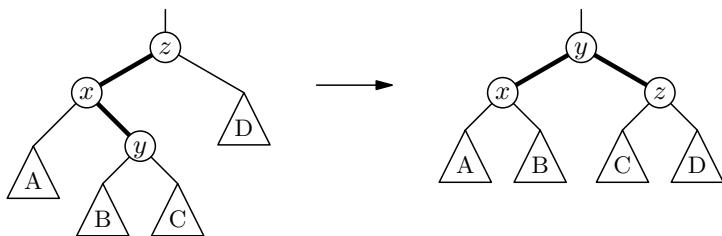
Jakmile narazíme na jiné $\delta(v)$, strom opravíme provedením jedné nebo více rotací.

Rotace je operace, která „otočí“ hranu mezi dvěma vrcholy a přepojí jejich podstromy tak, aby byli i nadále synové vzhledem k otcům správně uspořádáni. To lze provést jediným způsobem, který najdete na obrázku 8.5.

Často také potkáme *dvojitou rotaci* z obrázku 8.6. Tu lze složit ze dvou jednoduchých rotací, ale bývá přehlednější uvažovat o ní vcelku jako o „překořenění“ celé konfigurace za vrchol y .



Obrázek 8.5: Jednoduchá rotace



Obrázek 8.6: Dvojitá rotace

Vkládání do stromu

Nový prvek vložíme jako list se znaménkem 0. Tím se z prázdného podstromu hloubky -1 stal jednovrcholový podstrom hloubky 0, takže může být potřeba přepočítat znaménka na cestě ke kořeni.

Proto se budeme vracet do kořene a propagovat do vyšších pater informaci o tom, že se podstrom prohloubil. (To můžeme elegantně provést během návratu z rekurze v proceduře `BVSINSERT.`)

Ukážeme, jak bude vypadat jeden krok. Nechť do nějakého vrcholu x přišla z jeho syna informace o prohloubení podstromu. Bez újmy na obecnosti se jednalo o levého syna; v opačném případě provedeme vše zrcadlově a prohodíme roli znamének + a -. Rozlišíme několik případů.

Případ 1: Vrchol x měl znaménko +.

- Hloubka levého podstromu se právě vyrovnila s hloubkou pravého, čili znaménko x se změní na 0.
- Hloubka podstromu $T(x)$ se nezměnila, takže propagování informace ukončíme.

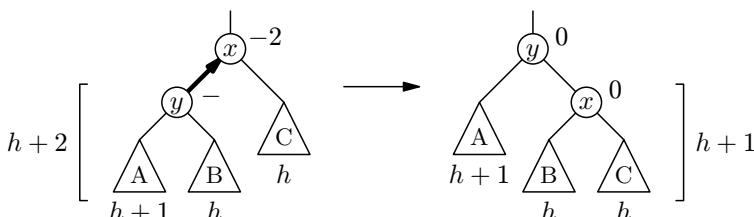
Případ 2: Vrchol x měl znaménko 0.

- Znaménko x se změní na -.
- Hloubka podstromu $T(x)$ vzrostla, takže v propagování musíme pokračovat.

Případ 3: Vrchol x měl znaménko -, tedy teď získá $\delta(v) = -2$. To definice AVL stromu nedovoluje, takže musíme strom vyvážit. Označme y vrchol, z nějž přišla informace o prohloubení, čili levého syna vrcholu x . Rozebereme případy podle jeho znaménka.

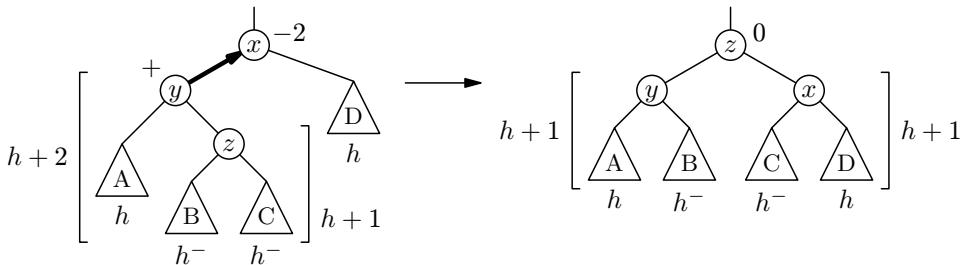
Případ 3a: Vrchol y má znaménko -. Situaci sledujme na obrázku.

- Označíme-li h hloubku podstromu C , podstrom $T(y)$ má hloubku $h+2$, takže podstrom A má hloubku $h+1$ a podstrom B hloubku h .
- Provedeme rotaci hrany xy .
- Tím získá vrchol x znaménko 0, podstrom $T(x)$ hloubku $h+1$, vrchol y znaménko 0 a podstrom $T(y)$ hloubku $h+2$.
- Jelikož před započetím operace `INSERT` měl podstrom $T(x)$ hloubku $h+2$, z pohledu vyšších pater se nic nezměnilo. Propagování tedy zastavíme.



Případ 3b: Vrchol y má znaménko $+$. Sledujme opět obrázek.

- Označíme z pravého syna vrcholu y (uvědomte si, že musí existovat).
- Označíme jednotlivé podstromy tak jako na obrázku a spočítáme jejich hloubky. Referenční hloubku h zvolíme podle podstromu D . Hloubky h^- znamenají „buď h nebo $h - 1$ “.
- Provedeme dvojitou rotaci, která celou konfiguraci překoření za vrchol z .
- Přepočítáme hloubky a znaménka. Vrchol x bude mít znaménko buď $-$ nebo 0 , vrchol y buď 0 nebo $+$, každopádně oba podstromy $T(x)$ a $T(y)$ získají hloubku $h + 1$. Proto vrchol z získá znaménko 0 .
- Před započtením INSERTU činila hloubka celé konfigurace $h + 2$, nyní je také $h + 2$, takže propagování zastavíme.



Případ 3c: Vrchol y má znaménko 0 .

Tento případ je ze všech nejjednodušší – nemůže totiž nikdy nastat. Z vrcholu se znaménkem 0 se informace o prohloubení v žádném z předchozích případů nešíří. A nově přidaný list má sice znaménko 0 , ale jeho otec x nemůže mít nikdy $-$.

Mazání ze stromu

Budeme postupovat obdobně jako u INSERTU: vrchol smažeme podle původního algoritmu BvsDELETE a po cestě zpět do kořene propagujeme informaci o snížení hloubky podstromu. Připomeňme, že pokaždé mažeme list nebo vrchol s jediným synem, takže stačí propagovat od místa smazaného vrcholu nahoru.

Opět popíšeme jeden krok propagování. Nechť do vrcholu x přišla informace o snížení hloubky podstromu, bez újmy na obecnosti z levého syna. Rozlišíme následující případy.

Případ 1: Vrchol x má znaménko $-$.

- Hloubka levého podstromu se právě vyrovnala s hloubkou pravého, znaménko x se mění na 0 .

- Hloubka podstromu $T(x)$ se snížila, takže pokračujeme v propagování.

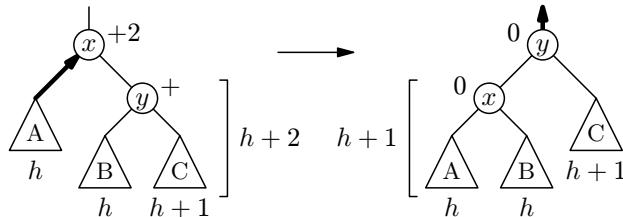
Případ 2: Vrchol x má znaménko 0.

- Znaménko x se změní na +.
- Hloubka podstromu $T(x)$ se nezměnila, takže propagování ukončíme.

Případ 3: Vrchol x má znaménko +. Tehdy se jeho znaménko změní na +2 a musíme vyvažovat. Rozebereme tři případy podle znaménka pravého syna y vrcholu x . (Všimněte si, že na rozdíl od vyvažování po INSERTU to musí být opačný syn než ten, ze kterého přišla informace o změně hloubky.)

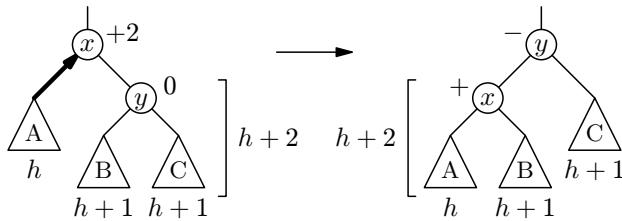
Případ 3a: Vrchol y má také znaménko +.

- Označíme-li h hloubku podstromu A , bude mít $T(y)$ hloubku $h+2$, takže C hloubku $h+1$ a B hloubku h .
- Provedeme rotaci hrany xy .
- Tím vrchol x získá znaménko 0, podstrom $T(x)$ hloubku $h+1$, takže vrchol y dostane také znaménko 0.
- Před započetím DELETE měl podstrom $T(x)$ hloubku $h+3$, teď má $T(y)$ hloubku $h+2$, takže z pohledu vyšších hladin došlo ke snížení hloubky. Proto změnu propagujeme dál.



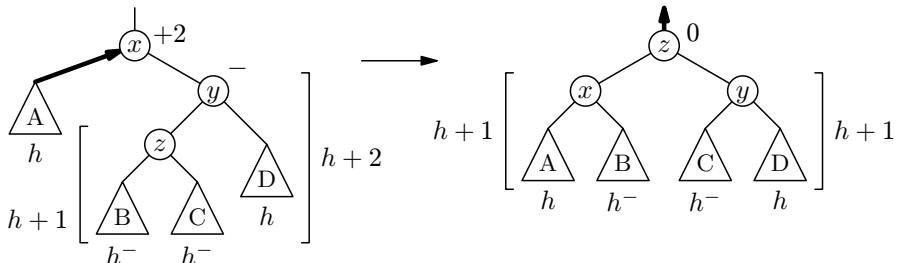
Případ 3b: Vrchol y má znaménko 0.

- Necht h je hloubka podstromu A . Pak $T(y)$ má hloubku $h+2$ a B i C hloubku $h+1$.
- Provedeme rotaci hrany xy .
- Vrchol x získává znaménko +, podstrom $T(x)$ hloubku $h+2$, takže vrchol y obdrží znaménko -.
- Hloubka podstromu $T(x)$ před začátkem DELETE činila $h+3$, nyní má podstrom $T(y)$ hloubku také $h+3$, pročež propagování ukončíme.



Případ 3c: Vrchol y má znaménko $-$.

- Označíme z levého syna vrcholu y .
- Označíme podstromy podle obrázku a spočítáme jejich hloubky. Referenční hloubku h zvolíme opět podle A . Hloubky h^- znamenají „buď h nebo $h - 1$ “.
- Provedeme dvojitou rotaci, která celou konfiguraci překoření za vrchol z .
- Přepočítáme hloubky a znaménka. Vrchol x bude mít znaménko buď 0 nebo $-$, y buď 0 nebo $+$. Podstromy $T(y)$ a $T(x)$ budou každopádně hluboké $h + 1$. Proto vrchol z obdrží znaménko 0.
- Původní hloubka podstromu $T(x)$ před začátkem DELETE činila $h + 3$, nyní hloubka $T(z)$ činí $h + 2$, takže propagujeme dál.



Složitost operací

Dokázali jsme, že hloubka AVL stromu je vždy $\Theta(\log n)$. Původní implementace operací BVSFIND, BVSINSERT a BvsDELETE tedy pracují v logaritmickém čase. Po BVSINSERT a BVSDELETE ještě musí následovat vyvážení, které se ovšem vždy vrací po cestě do kořene a v každém vrcholu provede $\Theta(1)$ operací, takže celkově také trvá $\Theta(\log n)$.

Cvičení

1. Dokažte, že pro minimální velikost A_k AVL stromu hloubky k platí vztah $A_k = F_{k+3} - 1$ (kde F_n je n -té Fibonacciho číslo). Z toho odvoďte přesný vzorec pro minimální a maximální možnou hloubku AVL stromu na n vrcholech. Může se hodit vztah z cvičení 1.4.4.

— 8.3 Vyhledávací stromy – Více klíčů ve vrcholech: (a,b)-stromy

2. Při vyvažování po INSERTU jsme se nemuseli zabývat případem 3c proto, že z 0 se informace o prohloubení nikdy nešíří. Nemůžeme stejným způsobem dokázat, že případ 3b také nikdy nenastane? (Pozor, chyták!)
3. AVL stromy si potřebují pamatovat v každém vrcholu znaménko. To může nabývat třech možných hodnot, takže na jeho uložení jsou potřeba dva bity. Ukažte, jak si vystačit s jediným bitem na vrchol.

8.3 Více klíčů ve vrcholech: (a,b)-stromy

Nyní prozkoumáme obecnější variantu vyhledávacích stromů, která připouští proměnlivý počet klíčů ve vrcholech. Tím si sice trochu zkomplikujeme úvahy o struktuře stromů, ale za odměnu získáme přímočařejší vyvažovací algoritmy bez složitého rozboru případů.

Definice: Obecný vyhledávací strom je zakořeněný strom s určeným pořadím synů každého vrcholu. Vrcholy dělíme na vnitřní a vnější, přičemž platí:

Vnitřní (*interní*) vrcholy obsahují libovolný nenulový počet klíčů. Pokud ve vrcholu leží klíče $x_1 < \dots < x_k$, pak má $k + 1$ synů, které označíme s_0, \dots, s_k . Klíče slouží jako oddělovače hodnot v podstromech, čili platí:

$$T(s_0) < x_1 < T(s_1) < x_2 < \dots < x_{k-1} < T(s_{k-1}) < x_k < T(s_k),$$

kde $T(s_i)$ značí množinu všech klíčů z daného podstromu. Často se hodí dodefinovat $x_0 = -\infty$ a $x_{k+1} = +\infty$, aby nerovnost $x_i < T(s_i) < x_{i+1}$ platila i pro krajní syny.

Vnější (*externí*) vrcholy neobsahují žádná data a nemají žádné potomky. Jsou to tedy listy stromu. Na obrázku je značíme jako malé čtverečky, v programu je můžeme reprezentovat nulovými ukazateli (NULL v jazyku C, None v Pythonu).

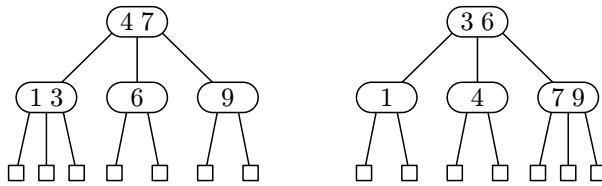
Podobně jako BVS, i obecné vyhledávací stromy mohou degenerovat. Přidáme proto další podmínky pro zajištění vyváženosti.

Definice: (a,b) -strom pro parametry $a \geq 2$, $b \geq 2a - 1$ je obecný vyhledávací strom, pro který navíc platí:

1. Kořen má 2 až b synů, ostatní vnitřní vrcholy až b synů.
2. Všechny vnější vrcholy jsou ve stejně hloubce.

Požadavky na a a b mohou vypadat tajemně, ale jsou snadno splnitelné a později vyplynou, proč jsme je potřebovali. Chcete-li konkrétní příklad, představujte si ten nejmenší možný: $(2, 3)$ -strom. Vše ovšem budeme odvozovat obecně. Přitom budeme předpokládat, že a

— 8.3 Vyhledávací stromy – Více klíčů ve vrcholech: (a,b)-stromy



Obrázek 8.7: Dva (2,3)-stromy pro tutéž množinu klíčů

a b jsou konstanty, které se mohou „schovat do \mathcal{O} “. Později prozkoumáme, jaký vliv má volba těchto parametrů na vlastnosti struktury. Nyní začneme odhadem hloubky.

Lemma: (a, b) -strom s n klíči má hloubku $\Theta(\log n)$.

Důkaz: Přejdeme na to podobně jako u AVL stromů. Uvažujme, jak vypadá strom hloubky $h \geq 1$ s nejmenším možným počtem klíčů. Všechny jeho vrcholy musí mít minimální povolený počet synů (jinak by strom bylo ještě možné zmenšit). Vrcholy rozdělíme do hladin podle hloubky: na 0-té hladině je kořen se dvěma syny a jedním klíčem, úplně dole na h -té hladině leží vnější vrcholy bez klíčů. Na mezilehlých hladinách jsou všechny ostatní vnitřní vrcholy s a syny a $a - 1$ klíči.

Na i -té hladině pro $0 < i < h$ bude tedy ležet $2 \cdot a^{i-1}$ vrcholů a v nich celkem $2 \cdot a^{i-1} \cdot (a - 1)$ klíčů. Sečtením přes hladiny získáme minimální možný počet klíčů m_h :

$$m_h = 1 + (a - 1) \cdot \sum_{i=1}^{h-1} 2 \cdot a^{i-1} = 1 + 2 \cdot (a - 1) \cdot \sum_{j=0}^{h-2} a^j.$$

Poslední sumu sečteme jako geometrickou řadu a dostaneme:

$$m_h = 1 + 2 \cdot (a - 1) \cdot \frac{a^{h-1} - 1}{a - 1} = 1 + 2 \cdot (a^{h-1} - 1) = 2a^{h-1} - 1.$$

Vidíme tedy, že minimální počet klíčů roste s hloubkou exponenciálně. Proto maximální hloubka musí s počtem klíčů růst nejvýše logaritmicky. (Srovnejte s výpočtem maximální hloubky AVL stromů.)

Podobně spočítáme, že maximální počet klíčů M_h roste také exponenciálně, takže minimální možná hloubka je také logaritmická. Tentokrát uvážíme strom, jehož všechny vnitřní vrcholy včetně kořene obsahují nejvyšší povolený počet $b - 1$ klíčů:

— 8.3 Vyhledávací stromy – Více klíčů ve vrcholech: (a,b)-stromy

$$M_h = (b - 1) \cdot \sum_{i=0}^{h-1} b^i = (b - 1) \cdot \frac{b^h - 1}{b - 1} = b^h - 1.$$

□

Hledání klíče

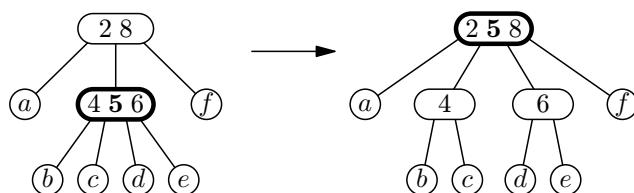
Hledání klíče v (a, b) -stromu probíhá podobně jako v BVS: začneme v kořeni a v každém vnitřním vrcholu se porovnáváním s jeho klíči rozhodneme, do kterého podstromu se vydat. Přitom budť narazíme na hledaný klíč, nebo dojdeme až do listu a tam skončíme s neporázivou.

Vkládání do stromu

Při vkládání nejprve zkusíme nový klíč vyhledat. Pokud ve stromu ještě není přítomen, skončíme v nějakém listu. Nabízí se změnit list na vnitřní vrchol přidáním jednoho klíče a dvou listů jako synů. Tím bychom ovšem porušili axiom o stejné hloubce listů.

Raději se proto zaměříme na otce nalezeného listu a vložíme klíč do něj. To nás donutí přidat mu syna, ale jelikož ostatní synové jsou listy, tento může být též list. Pokud jsme přidáním klíče vrchol nepřeplnili (má nadále nejvýš $b - 1$ klíčů), jsme hotovi.

Pakliže jsme vrchol přeplnili, rozdělíme jeho klíče mezi dva nové vrcholy, přibližně na půl. K nadřazenému vrcholu ovšem musíme místo jednoho syna připojit dva nové, takže v nadřazeném vrcholu musí přibýt klíč. Proto přepleněný vrchol raději rozdělíme na tři části: prostřední klíč, který budeme vkládat o patro výš, a levou a pravou část, z nichž se stanou nové vrcholy.



Obrázek 8.8: Štěpení přeplněného vrcholu při vkládání do $(2, 3)$ -stromu

Tím jsme vložení klíče do aktuálního vrcholu převedli na tutéž operaci o patro výš. Tam může opět dojít k přeplenění a následnému štěpení vrcholu a tak dále, možná až do kořene. Pokud rozštěpíme kořen, vytvoříme nový kořen s jediným klíčem a dvěma syny (zde se hodí, že jsme kořeni dovolili mít méně než a synů) a celý strom se o hladinu prohloubí.

Naše ukázková implementace má podobu rekurzivní funkce $\text{ABINSERT2}(v, x)$, která dostane za úkol vložit do podstromu s kořenem v klíč x . Jako výsledek vrátí trojici (p, x', q) , pokud došlo k štěpení vrcholu v na vrcholy p a q oddělené klíčem x' , anebo \emptyset , pokud v zůstalo kořenem podstromu. Hlavní procedura ABINSERT navíc ošetřuje případ štěpení kořene.

Procedura ABINSERT (vkládání do (a, b) -stromu)

Vstup: Kořen stromu r , vkládaný klíč x

1. $t \leftarrow \text{ABINSERT2}(r, x)$
2. Pokud t má tvar trojice (p, x', q) :
3. $r \leftarrow$ nový kořen s klíčem x' a syny p a q

Výstup: Nový kořen r

Procedura $\text{ABINSERT2}(v, x)$

Vstup: Kořen podstromu v , vkládaný klíč x

1. Pokud v je list, skončíme a vrátíme trojici (ℓ_1, x, ℓ_2) , kde ℓ_1 a ℓ_2 jsou nově vytvořené listy.
2. Označíme x_1, \dots, x_k klíče ve vrcholu v a s_0, \dots, s_k jeho syny.
3. Pokud $x = x_i$ pro nějaké i , skončíme a vrátíme \emptyset .
4. Najdeme i tak, aby platilo $x_i < x < x_{i+1}$ ($x_0 = -\infty$, $x_{k+1} = +\infty$).
5. $t \leftarrow \text{ABINSERT2}(s_i, x)$
6. Pokud $t = \emptyset$, skončíme a také vrátíme \emptyset .
7. Označíme (p, x', q) složky trojice t .
8. Mezi klíče x_i a x_{i+1} vložíme klíč x' .
9. Synu s_i zrušíme a nahradíme dvojicí synů p a q .
10. Pokud počet synů nepřekročil b , skončíme a vrátíme \emptyset .
11. $m \leftarrow \lfloor (b+1)/2 \rfloor$ \triangleleft štěpení, volíme prostřední z b klíčů
12. Vytvoříme nový vrchol v_1 s klíči x_1, \dots, x_{m-1} a syny s_0, \dots, s_{m-1} .
13. Vytvoříme nový vrchol v_2 s klíči x_{m+1}, \dots, x_b a syny s_m, \dots, s_b .
14. Vrátíme trojici (v_1, x_m, v_2) .

Zbývá dokázat, že vrcholy vzniklé štěpením mají dostatečný počet synů. Vrchol v jsme rozštěpili v okamžiku, kdy dosáhl právě $b+1$ synů, a tedy obsahoval b klíčů. Jeden klíč posíláme o patro výš, takže novým vrcholům v_1 a v_2 přidělíme po řadě $\lfloor (b-1)/2 \rfloor$ a $\lceil (b-1)/2 \rceil$ klíčů. Kdyby některý z nich byl „podměrečný“, muselo by platit $(b-1)/2 < a-1$, a tedy $b-1 < 2a-2$, čili $b < 2a-1$. Ejhle, podmínka na b v definici (a, b) -stromu byla zvolena přesně tak, aby této situaci zabránila.

Mazání ze stromu

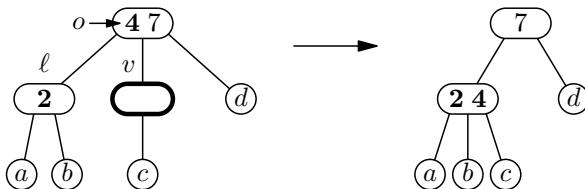
Chceme-li ze stromu smazat nějaký klíč, nejprve ho vyhledáme. Pokud se nachází na předposlední hladině (té, pod níž jsou už pouze listy), můžeme ho smazat přímo, jen musíme ošetřit případné podtečení vrcholu.

Klíče ležící na vyšších hladinách nemůžeme mazat jen tak, neboť smazáním klíče přicházíme i o místo pro připojení podstromu. To je situace podobná mazání vrcholu se dvěma syny v binárním stromu a vyřešíme ji také podobně. Mazaný klíč nahradíme jeho následníkem. To je nejnižší klíč z nejlevějšího vrcholu v pravém podstromu, který tudíž leží na předposlední hladině a může být smazán přímo.

Zbývá tedy vyřešit, co se má stát v případě, že vrchol v s a syny přijde o klíč, takže už je „pod míru“. Tehdy budeme postupovat opačně než při vkládání – pokusíme se vrchol sloučit s některým z jeho bratrů. To je ovšem možné provést pouze tehdy, když bratr také obsahuje málo klíčů; pokud jich naopak obsahuje hodně, nějaký klíč si od něj můžeme půjčit.

Nyní popříšeme, jak to přesně provést. Bez újmy na obecnosti předpokládejme, že vrchol v má levého bratra ℓ odděleného nějakým klíčem o v otci. Pokud by existoval pouze pravý bratr, vybereme toho a následující postup provedeme zrcadlově převráceně.

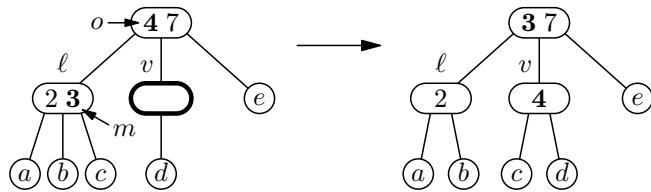
Pokud má bratr pouze a synů, sloučíme vrcholy v a ℓ do jediného vrcholu a přidáme do něj ještě klíč o z otce. Tím vznikne vrchol s $(a - 2) + (a - 1) + 1 = 2a - 2$ klíči, což není větší než $b - 1$. Problém jsme tedy převedli na mazání klíče z otce, což je tentýž problém o hladinu výš.



Obrázek 8.9: Sloučení vrcholů při mazání z (2,3)-stromu

Má-li naopak bratr více než a synů, odpojíme od něj jeho nejpravějšího syna c a největší klíč m . Poté klíč m přesuneme do otce a klíč o odtamtud přesuneme do v , kde se stane nejmenším klíčem, před který přepojíme syna c . Poté mají v i ℓ povolené počty synů a můžeme skončit. (Všimněte si, že tato operace je podobná rotaci hrany v binárním stromu.)

— 8.3 Vyhledávací stromy – Více klíčů ve vrcholech: (a,b)-stromy



Obrázek 8.10: Doplnění vrcholu ve (2,3)-stromu půjčkou od souseda

Nyní tento postup zapíšeme jako rekuzivní proceduru ABDELETE2. Ta dostane kořen podstromu a klíč, který má smazat. Jako výsledek vrátí podstrom s tímtož kořenem, ovšem možná podmírečným. Hlavní procedura ABDELETE navíc ošetřuje případ, kdy z kořene zmizí všechny klíče, takže je potřeba kořen smazat a tím snížit celý strom o hladinu.

Procedura ABDELETE (mazání z (a, b) -stromu)

Vstup: Kořen stromu r a mazaný klíč x

1. Zavoláme ABDELETE2(r, x).
2. Pokud r má jediného syna s :
3. Zrušíme vrchol r .
4. $r \leftarrow s$

Výstup: Nový kořen r

Procedura ABDELETE2

Vstup: Kořen podstromu v a mazaný klíč x

1. Označíme x_1, \dots, x_k klíče ve vrcholu v a s_0, \dots, s_k jeho syny.
2. Pokud $x = x_i$ pro nějaké i : \triangleleft našli jsme
3. Pokud s_i je list: \triangleleft jsme na předposlední hladině
4. Odstraníme z v klíč x_i a list s_i .
5. Skončíme.
6. Jinak: \triangleleft jsme výš, musíme nahrazovat
7. $m \leftarrow$ minimum podstromu s kořenem s_i
8. $x_i \leftarrow m$
9. Zavoláme ABDELETE2(s_i, m).
10. Jinak: \triangleleft mažeme z podstromu
11. Najdeme i takové, aby $x_i < x < x_{i+1}$ ($x_0 = -\infty$, $x_{k+1} = +\infty$).
12. Pokud s_i je list, skončíme. \triangleleft klíč ve stromu není
13. Zavoláme ABDELETE2(s_i, x).

14. \triangleleft Vrátili jsme se z s_i a kontrolujeme, zda tento syn není pod míru.
15. Pokud s_i má alespoň a synů, skončíme.
16. Je-li $i \geq 1$: \triangleleft existuje levý bratr s_{i-1}
17. Pokud má s_{i-1} alespoň $a+1$ synů: \triangleleft půjčíme si klíč
18. Odpojíme z s_{i-1} největší klíč m a nejpravějšího syna c .
19. K vrcholu s_i připojíme jako první klíč x_i a jako nejlevějšího syna c .
20. $x_i \leftarrow m$
21. Jinak: \triangleleft sloučujeme syny
22. Vytvoříme nový vrchol s , který bude obsahovat všechny klíče a syny z vrcholů s_{i-1} a s_i a mezi nimi klíč x_i .
23. Z vrcholu v odstraníme klíč x_i a syny s_{i-1} a s_i . Tyto syny zrušíme a na jejich místo připojíme syna s .
24. Jinak provedeme kroky 17 až 23 zrcadlově pro pravého bratra s_{i+1} místo s_{i-1} .

Časová složitost

Pro rozbor časové složitosti předpokládáme, že parametry a a b jsou konstanty. Hledání, vkládání i mazání proto tráví na každé hladině stromu čas $\Theta(1)$ a jelikož můžeme počet hladin odhadnout jako $\Theta(\log n)$, celková časová složitost všech tří základních operací činí $\Theta(\log n)$.

Vraťme se nyní k volbě parametrů a , b . Především je známo, že se nevyplácí volit b výrazně větší než je dolní mez $2a - 1$ (detaily viz cvičení 1). Proto se obvykle používají $(a, 2a - 1)$ -stromy, případně $(a, 2a)$ -stromy. Volby $b = 2a - 1$ a $b = 2a$ vedou na stejnou složitost operací v nejhorším případě, ale jak uvidíme ve cvičeních 9.3.6 a 9.3.7, vedou na úplně jiné dlouhodobé chování struktury.

Pokud chceme datovou strukturu udržovat v klasické paměti, vyplácí se volit a co nejnižší. VHodné parametry jsou například $(2, 3)$ nebo $(2, 4)$.

Ukládáme-li data na disk, nabízí se využít toho, že je rozdelen na bloky. Přečíst celý blok je přitom zhruba stejně rychlé jako přečíst jediný byte, zatímco skok na jiný blok trvá dlouho. Proto nastavíme a tak, aby jeden vrchol stromu zabíral celý blok. Například pro disk s 4 KB bloky, 32-bitové klíče a 32-bitové ukazatele zvolíme $(256, 511)$ -strom. Strom pak bude opravdu mělký: čtyři hladiny postačí pro uložení více než 33 milionů klíčů. Navíc na poslední hladině jsou pouze listy, takže při každém hledání přečteme pouhé tři bloky.

V dnešních počítačích často mezi procesorem a hlavní pamětí leží *cache* (rychlá vyrovnávací paměť), která má také blokovou strukturu s typickou velikostí bloku 64 B. Často se proto i u stromů v hlavní paměti vyplatí volit trochu větší vrcholy, aby odpovídaly

— 8.3 Vyhledávací stromy – Více klíčů ve vrcholech: (a,b) -stromy

blokům cache. Pro 32-bitové klíče a 32-bitové ukazatele tedy použijeme $(4, 7)$ -strom. Jen si musíme dávat pozor na správné zarovnání adres vrcholů na násobky 64 B.

Další varianty

Ve světě se lze setkat i s jinými definicemi (a, b) -stromů, než je ta naše. Často se například dělá to, že data jsou uložena pouze ve vrcholech na druhé nejnižší hladině, zatímco ostatní hladiny obsahují pouze pomocné klíče, typicky minima z podstromů. Tím si trochu zjednodušíme operace (viz cvičení 3), ale zaplatíme za to vyšší redundancí dat. Může to nicméně být šikovné, pokud potřebujeme implementovat slovník, který klíčům přiřazuje rozměrná data.

V teorii databází a souborových systémů se často hovoří o *B-stromech*. Pod tímto názvem se skrývají různé datové struktury, většinou $(a, 2a - 1)$ -stromy nebo $(a, 2a)$ -stromy, nezřídka v úpravě dle předchozího odstavce.

Cvičení

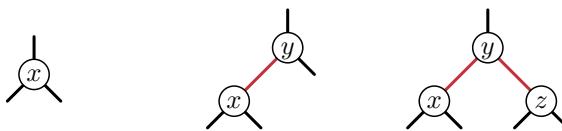
1. Odhalte, jak závisí složitost operací s (a, b) -stromy na parametrech a a b . Z toho odvodte, že se nikdy nevyplatí volit b výrazně větší než $2a$.
- 2.* Naprogramujte (a, b) -stromy a změřte, jak jsou na vašem počítači rychlé pro různé volby a a b . Projevuje se vliv cache tak, jak jsme naznačili?
3. Rozmyslete si, jak provádět operace INSERT a DELETE na variantě (a, b) -stromů, která ukládá užitečná data jen do nejnižších vnitřních vrcholů. Analyzujte časovou složitost a srovnajte s naší verzí struktury.
4. Ukažte, že pokud budeme do prázdného stromu postupně vkládat klíče $1, \dots, n$, provedeme celkem $\Theta(n)$ operací. K tomu si potřebujeme pamatovat, ve kterém vrcholu skončil předchozí vložený klíč, abychom nemuseli pokaždé hledat znovu od kořene.
5. Navrhněte operaci JOIN(X, Y), která dostane dva (a, b) -stromy X a Y a sloučí je do jednoho. Může se přitom spolehnout na to, že všechny klíče z X jsou menší než všechny z Y . Zkuste dosáhnout složitosti $\mathcal{O}(\log |X| + \log |Y|)$.
- 6.* Navrhněte operaci SPLIT(T, x), která zadaný (a, b) -strom T rozdělí na dva stromy. V jednom budou klíče menší než x , v druhém ty větší. Pokuste se o logaritmickou časovou složitost. [N51]
7. Nevýhodou (a, b) -stromů je, že plýtvají pamětí – může se stát, že vrcholy jsou zaplněné jen z poloviny. Navrhněte úpravu, která zaručí zaplnění z alespoň $2/3$.

8.4* Červeno-černé stromy

Nyní se od obecných (a, b) -stromů vrátíme zpět ke stromům binárním. Ukážeme, jak překládat $(2, 4)$ -stromy na binární stromy, čímž získáme další variantu BVS s logaritmickou hloubkou a poměrně jednoduchým vyvažováním. Říká se jí *červeno-černé stromy* (red-black trees, RB stromy). My si je předvedeme v trochu neobvyklé, ale příjemnější variantě navržené v roce 2008 Robertem Sedgewickem pod názvem left-leaning red-black trees (LLRB stromy).

Překlad bude fungovat tak, že každý vrchol $(2, 4)$ -stromu nahradíme ostrůvkem z jednoho nebo více binárních vrcholů. Aby bylo možné rekonstruovat původní $(2, 4)$ -strom, rozlišíme dvě barvy hran: *červené hrany* budou spojovat vrcholy tvorící jeden ostrůvek, *černé hrany* povedou mezi ostrůvky, čili to budou hrany původního $(2, 4)$ -stromu.

Strom přeložíme podle následujícího obrázku. Vrcholům $(2, 4)$ -stromu budeme v závislosti na počtu synů říkat 2-vrcholy, 3-vrcholy a 4-vrcholy. 2-vrchol zůstane sám sebou. 3-vrchol nahradíme dvěma binárními vrcholy, přičemž červená hrana musí vždy vést doleva (to je ono LL v názvu LLRB stromů, obecné RB stromy nic takového nepožadují, což situaci později dost zkomplikuje). 4-vrchol nahradíme „třešničkou“ ze tří binárních vrcholů.

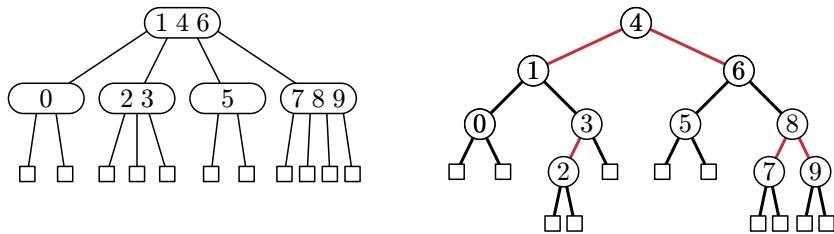


Pokud podle těchto pravidel transformujeme definici $(2, 4)$ -stromu, vznikne následující definice LLRB stromu.

Definice: *LLRB strom* je binární vyhledávací strom s vnějšími vrcholy, jehož hrany jsou obarveny červeně a černě. Přitom platí následující axiomy:

1. Neexistují dvě červené hrany bezprostředně nad sebou.
2. Jestliže z vrcholu vede dolů jediná červená hrana, pak vede doleva.
3. Hrany do listů jsou vždy obarveny černě. (To se hodí, jelikož listy jsou pouze virtuální, takže do nich neumíme barvu hrany uložit.)
4. Na všech cestách z kořene do listu leží stejný počet černých hran.

Prvním dvěma axiomům budeme říkat červené, zbylým dvěma černé.



Obrázek 8.11: Překlad $(2, 4)$ -stromu na LLRB strom

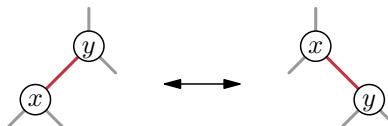
Pozorování: Z axiomů plyne, že každý ostrůvek pospojovaný červenými hranami vypadá jedním z uvedených způsobů. Proto je každý LLRB strom překladem nějakého $(2, 4)$ -stromu.

Důsledek: Hloubka LLRB stromu s n klíči je $\Theta(\log n)$.

Důkaz: Hloubka $(2, 4)$ -stromu s n klíči činí $\Theta(\log n)$, překlad na LLRB strom počet hladin nesníží a nejvýše zdvojnásobí. \square

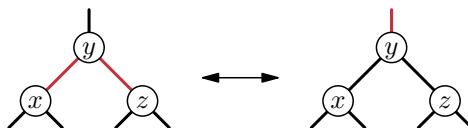
Využovací operace

Operace s LLRB stromy se skládají ze dvou základních úprav. Tou první je opět rotace, ale používáme ji pouze pro červené hrany:



Rotace červené hrany zachovává nejen správné uspořádání klíčů ve vrcholech, ale i černé axiomu. Platnost červených axiomů záleží na barvách okolních hran, takže rotaci budeme muset používat opatrně. (Rotování černých hran se vyhýbáme, protože by hrozilo porušení axiomu 4.)

Dále budeme používat ještě *přebarvení 4-vrcholu*. Dvojici červených hran tvořících 4-vrchol přebarvíme na černou, a naopak černou hranu vedoucí do 4-vrcholu shora přebarvíme na červenou:



Tato úprava odpovídá rozštěpení 4-vrcholu na dva 2-vrcholy, přičemž prostřední klíč y přesouváme do nadřazeného k -vrcholu. Černé axiomy zůstanou zachovány, ale může dojít k porušení červených axiomů o patro výše.

Dodejme ještě, že přebarvení jde použít i v kořeni. Můžeme si představovat, že do kořene vede shora nějaká virtuální hrana, již můžeme bez porušení axiomů libovolně přebarvovat.

Implementace

Než se pustíme do operací, rozmyslíme si některé implementační detaily. Především reprezentaci barev hran. Nejsnazší je uložit barvu hrany do jejího spodního vrcholu. Barva v kořeni nemá žádný význam (to odpovídá virtuální hraně, kterou můžeme libovolně přebarvovat). Ve vnějších vrcholech si barvu nemusíme pamatovat (jsou vždy připojené černou hranou), takže je stále stačí reprezentovat nulovými ukazateli.

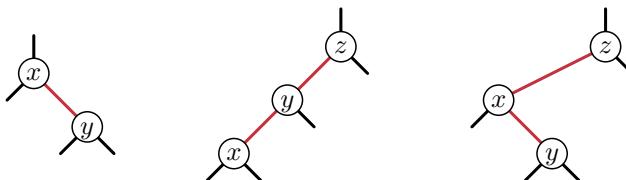
Pro rotaci hrany mezi vrcholem v a jeho potomkem t budeme volat funkci $\text{ROTACE}(v, t)$, jejímž výsledkem bude nový horní vrchol hrany (tedy t).

Vnější vrcholy budeme značit \emptyset .

Vkládání štěpením shora dolů

Nyní popíšeme, jak se do LLRB stromu vkládá. Půjdeme na to zhruba takto: místo pro nový vrchol budeme hledat obvyklým způsobem, ale kdykoliv cestou potkáme 4-vrchol, rovnou ho rozštěpíme přebarvením. Až dorazíme do listu, připojíme místo něj nový vnitřní vrchol a hranu, po které jsme přišli, obarvíme červeně. Tím se nový klíč připojí k nadřazenému 2-vrcholu nebo 3-vrcholu. To zachovává černé axiomy, ale průběžně jsme porušovali ty červené, takže se budeme vracet zpět do kořene a rotacemi je opravovat.

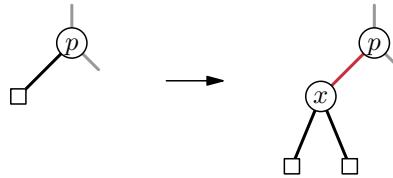
Nyní podrobněji. Během hledání sestupujeme z kořene dolů a udržujeme invariant, že aktuální vrchol není 4-vrchol. Jakmile na nějaký 4-vrchol narazíme, přebarvíme ho. Tím se rozštěpí na dva 2-vrcholy a prostřední klíč se stane součástí nadřazeného k -vrcholu. Víme ovšem, že to nebyl 4-vrchol, takže se z něj nyní stane 3-vrchol nebo 4-vrchol. Jen možná bude nekorektně zakódovaný: 3-vrchol ve tvaru pravé odbočky nebo 4-vrchol se dvěma červenými hranami nad sebou:



Nakonec nás hledání nového klíče doveče do listu, což je místo, kam bychom klíč chtěli vložit. Nad námi leží 2-vrchol nebo 3-vrchol. List změníme na vnitřní vrchol s novým klí-

— 8.4* Vyhledávací stromy – Červeno-černé stromy

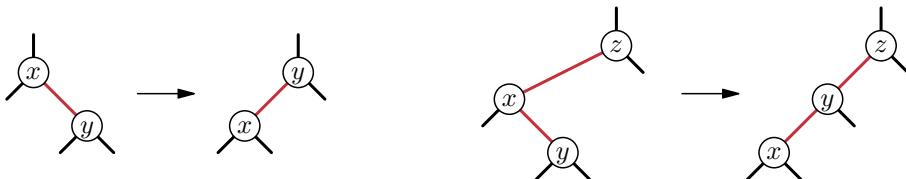
čem, pod něj pověsíme dva nové listy připojené černými hranami, hranu z otce přebarvíme na červenou:



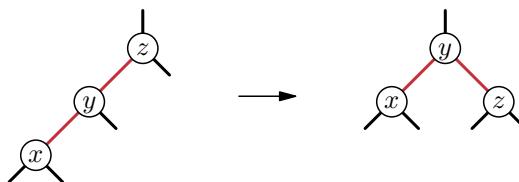
Co se stane? Nový klíč leží na jediném místě, kde ležet může. Černé axiomy jsme neporušili, červené jsme opět mohli porušit vytvořením nekorektního 3-vrcholu nebo 4-vrcholu o patro výše.

Nyní se začneme vracet zpět do kořene a přitom opravovat všechna porušení červených axiomů tak, aby černé axiomy zůstaly zachovány.

Kdykoliv pod aktuálním vrcholem leží levá černá hrana a pravá červená, tak červenou hranu zrotujeme. Tím z nekorektního 3-vrcholu uděláme korektní a z nekorektního 4-vrcholu uděláme takový nekorektní, jehož obě hrany jsou levé:



Poté otestujeme, zda pod aktuálním vrcholem leží levá červená hrana do syna, který má také levou červenou hranu. Pokud ano, objevili jsme zbývající případ nekorektního 4-vrcholu, který rotací jeho horní červené hrany převedeme na korektní:



Až dojdeme do kořene, struktura opět splňuje všechny axiomy LLRB stromů.

— 8.4* Vyhledávací stromy – Červeno-černé stromy

Procedura LLRBINSERT(v, x) (vkládání do LLRB stromu)

Vstup: Kořen stromu v , vkládaný klíč x

1. Pokud $v = \emptyset$, skončíme a vrátíme nově vytvořený červený vrchol v s klíčem x .
2. Pokud $x = k(v)$, skončíme (klíč x se ve stromu již nachází).
3. Jsou-li $\ell(v)$ i $r(v)$ červené, přebarvíme $\ell(v)$, $r(v)$ i v .
4. Pokud $x < k(v)$, položíme $\ell(v) \leftarrow \text{LLRBINSERT}(\ell(v), x)$.
5. Pokud $x > k(v)$, položíme $r(v) \leftarrow \text{LLRBINSERT}(r(v), x)$.
6. Je-li $\ell(v)$ černý a $r(v)$ červený: $v \leftarrow \text{ROTACE}(v, r(v))$.
7. Jinak je-li $\ell(v)$ červený a $\ell(\ell(v))$ také červený: $v \leftarrow \text{ROTACE}(v, \ell(v))$.

Výstup: Nový kořen v

Vkládání štěpením zdola nahoru

Implementace vyšla překvapivě jednoduchá, ale to největší překvapení nás teprve čeká: Pokud v proceduře LLRBINSERT přesuneme krok 3 za krok 7, dostaneme implementaci (2, 3)-stromů.

Vskutku: pokud se před vkládáním prvku ve stromu nenacházel žádný 4-vrchol, nepotřebujeme štěpení 4-vrcholů cestou dolů. Nový list tedy přidáme k 2-vrcholu nebo 3-vrcholu. Pokud dočasně vznikne 4-vrchol, rozštěpíme ho cestou zpět do kořene. Tím mohou vznikat další 4-vrcholy, ale průběžně se jich zbavujeme.

Tím jsme získali kód velice podobný proceduře BVSINSERT pro nevyvažované stromy, pouze si musíme dávat pozor, aby nově vzniklé vrcholy dostávaly červenou barvu a abychom před každým návratem z rekurze zavolali následující opravnou proceduru:

Procedura LLRBFIXUP(v)

Vstup: Kořen podstromu v

1. Je-li $\ell(v)$ černý a $r(v)$ červený: $v \leftarrow \text{ROTACE}(v, r(v))$.
2. Jinak je-li $\ell(v)$ červený a $\ell(\ell(v))$ také červený: $v \leftarrow \text{ROTACE}(v, \ell(v))$.
3. Jsou-li $\ell(v)$ i $r(v)$ červené, přebarvíme $\ell(v)$, $r(v)$ i v .

Výstup: Nový kořen podstromu v

Nadále budeme pracovat s touto variantou LLRB stromů.

Mazání minima

Mazání bývá o trochu složitější než vkládání a LLRB stromy nejsou výjimkou. Proto si zjednodušíme práci, jak to jen půjde.

Především budeme využívat variantu LLRB stromů ekvivalentní s $(2, 3)$ -stromy, abychom nemuseli zacházet s 4-vrcholy. To speciálně znamená, že se nikde nevyskytuje pravá červená hrana.

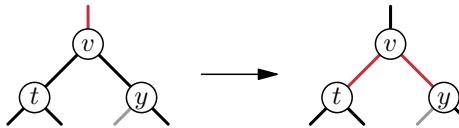
Také nám situaci zjednoduší, že se voláním LLRBFIXUP při návratu z rekurze umíme zbabovat případných nekorektních 3-vrcholů a jakýchkoliv (i nekorektních) 4-vrcholů. Proto nevadí, když během mazání nějaké vyrobíme.

Než přikročíme k obecnému mazání, rozmyslíme si, jak smazat minimum. Najdeme ho tak, že z kořene půjdeme stále doleva, až narazíme na vrchol v , jehož levý syn je vnější. Všimněte si, že díky černým axiomům musí být pravý syn také vnější. Pokud by do v vedla shora červená hrana, mohli bychom v smazat a nahradit vnějším vrcholem. To odpovídá situací, kdy mažeme klíč z 3-vrcholu.

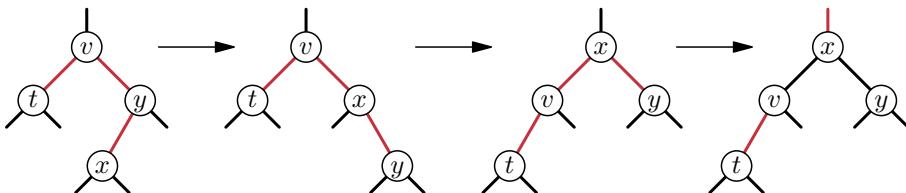
Horší je, jsou-li všechny hrany okolo v černé. Ve $(2, 3)$ -stromu jsme tedy potkali 2-vrchol, takže ho potřebujeme sloučit se sousedem, případně si od souseda půjčit klíč. Jak už se nám osvědčilo v první verzi vkládání, budeme to provádět preventivně při průchodu shora dolů, takže až opravdu dojde na mazání, žádný problém nenastane. Cestou proto budeme dodržovat:

Invariant L: Stojíme-li ve vrcholu v , pak vede červená hrana buďto shora do v , nebo z v do jeho levého syna. Výjimku dovolujeme pro kořen.

Jelikož z v pokaždé odcházíme doleva, jediný problém nastane, vede-li z v dolů levá černá hrana a pod ní je další taková. Co víme o hranách v okolí? Shora do v vede díky invariantu červená. Všechny pravé hrany jsou, jak už víme, černé. Situaci se pokusíme napravit přebarvením všech hran okolo v :



Invariant opět platí, ale pokud měl pravý syn levou červenou hranu, vyrobili jsme nekorektní 5-vrchol, navíc v místech, kudy se později nebudeme vracet. Poradíme si podle následujícího obrázku: rotací hrany yx , rotací hrany vx a nakonec přebarvením v okolí x .



Celou funkci pro nápravu invariantu můžeme napsat takto (opět předpokládáme barvy uložené ve spodních vrcholech hran):

Procedura MOVEREDLEFT(v)

Vstup: Kořen podstromu v

1. Přebarvíme v , $\ell(v)$ a $r(v)$.
2. Pokud je $\ell(r(v))$ červený:
3. ROTACE($r(v), \ell(r(v))$)
4. $x \leftarrow \text{ROTACE}(v, r(v))$
5. Přebarvíme x , $\ell(x)$ a $r(x)$.
6. $v \leftarrow x$

Výstup: Nový kořen podstromu v

Jakmile umíme dodržet invariant, je už mazání minima snadné:

Procedura LLRBDELETEMIN(v) (mazání minima z LLRB stromu)

Vstup: Kořen stromu v

1. Pokud $\ell(v) = \emptyset$, položíme $v \leftarrow \emptyset$ a skončíme.
2. Pokud $\ell(v)$ i $\ell(\ell(v))$ jsou černé:
3. $v \leftarrow \text{MOVEREDLEFT}(v)$
4. $\ell(v) \leftarrow \text{LLRBDELETEMIN}(\ell(v))$
5. $v \leftarrow \text{LLRBFIXUP}(v)$

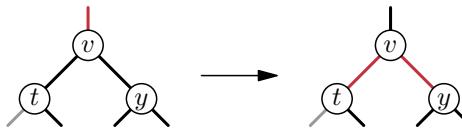
Výstup: Nový kořen v

Mazání maxima

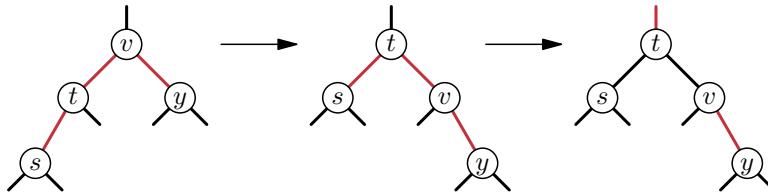
Nyní se naučíme mazat maximum. U obyčejných vyhledávacích stromů je to zrcadlová úloha k mazání minima, ne však u LLRB stromů, jejichž axiomy nejsou symetrické. Bude se každopádně hodit dodržovat stranově převrácenou obdobu předchozího invariantu:

Invariant R: Stojíme-li ve vrcholu v , pak vede červená hrana buďto shora do v , nebo z v do jeho pravého syna. Výjimku dovolujeme pro kořen.

Na cestě z kořene k maximu půjdeme stále doprava. Do pravého syna červená hrana sama od sebe nevede, ale pokud nějaká povede doleva, zrotujeme ji a tím invariant obnovíme. Problematická situace nastane, vedou-li z v dolů černé hrany a navíc z pravého syna vede doleva další černá hrana. Tehdy se inspirujeme mazáním minima a přebarvíme hrany v okolí v :



Pokud z t vede doleva černá hrana, je vše v pořádku. V opačném případě jsme nalevo vytvořili nekorektní 4-vrchol, který musíme opravit. Pomůže nám rotace hrany vt a přebarvení v okolí t :



Tato úvaha nás dovele k následující funkci pro opravu invariantu, na níž založíme celé mazání maxima.

Procedura MOVEREDRIGHT(v)

Vstup: Kořen podstromu v

1. Přebarvíme v , $\ell(v)$ a $r(v)$.
2. Pokud je $\ell(\ell(v))$ červený:
3. $t \leftarrow \text{ROTACE}(v, \ell(v))$
4. Přebarvíme t , $\ell(t)$ a $r(t)$.
5. $v \leftarrow t$

Výstup: Nový kořen podstromu v

Procedura LLRBDELETEMAX(v) (mazání maxima z LLRB stromu)

Vstup: Kořen stromu v

1. Pokud $\ell(v)$ je červený: $v \leftarrow \text{ROTACE}(v, \ell(v))$.
2. Pokud $r(v) = \emptyset$, položíme $v \leftarrow \emptyset$ a skončíme.
3. Pokud $r(v)$ i $\ell(r(v))$ jsou černé:
4. $v \leftarrow \text{MOVEREDRIGHT}(v)$
5. $r(v) \leftarrow \text{LLRBDELETEMAX}(r(v))$
6. $v \leftarrow \text{LLRBFIXUP}(v)$

Výstup: Nový kořen v

Mazání obecně

Pro mazání obecného prvku nyní stačí vhodně zkombinovat myšlenky z mazání minima a maxima. Opět půjdeme shora dolů a budeme se vyhýbat tomu, abychom skončili ve 2-vrcholu. Pomůže nám k tomu tato kombinace invariantů **L** a **R**:

Invariant D: Stojíme-li ve vrcholu v , pak vede červená hrana buďto shora do v , nebo do syna, kterým se chystáme pokračovat. Výjimku dovolujeme pro kořen.

Pokud při procházení shora dolů chceme pokračovat po levé hraně, použijeme trik z mazání minima a pokud by pod námi byly dvě levé černé hrany, napravíme situaci pomocí MOVEREDLEFT. Naopak chceme-li odejít pravou hranou, chováme se jako při mazání maxima a v případě problémů povoláme na pomoc MOVEREDRIGHT.

Po čase najdeme vrchol, který chceme smazat. Má-li pouze vnější syny, můžeme ho přímo nahradit vnějším vrcholem. Jinak použijeme obvyklý obrat: vrchol nahradíme minimem z pravého podstromu, čímž problém převedeme na mazání minima, a to už umíme.

Následuje implementace v pseudokódu. Připomínáme, že pracujeme s variantou stromu ekvivalentní s $(2, 3)$ -stromy, tedy bez 4-vrcholů.

Procedura LLRBDELETE(v, x) (mazání z LLRB stromu)

Vstup: Kořen stromu v , mazaný klíč x

1. Pokud $v = \emptyset$, vrátíme se. \triangleleft klíč x ve stromu nebyl
2. Pokud $x < k(v)$: \triangleleft pokračujeme doleva jako při mazání minima
3. Pokud $\ell(v)$ i $\ell(\ell(v))$ existují a jsou černé:
4. $v \leftarrow \text{MOVEREDLEFT}(v)$
5. $\ell(v) \leftarrow \text{LLRBDELETE}(\ell(v), x)$
6. Jinak: \triangleleft buďto hotovo, nebo doprava jako při mazání maxima
7. Pokud $\ell(v)$ je červený: $v \leftarrow \text{ROTACE}(v, \ell(v))$
8. Pokud $k(v) = x$ a $r(v) = \emptyset$:
9. $v \leftarrow \emptyset$ a skončíme.
10. Pokud $r(v)$ i $\ell(r(v))$ existují a jsou černé:
11. $v \leftarrow \text{MOVEREDRIGHT}(v)$
12. Pokud $k(v) = x$:
13. Prohodíme $k(v)$ s minimem pravého podstromu $R(v)$.
14. $r(v) \leftarrow \text{LLRBDELETEMIN}(r(v))$
15. Jinak:
16. $r(v) \leftarrow \text{LLRBDELETE}(r(v), x)$
17. $v \leftarrow \text{LLRBFIXUP}(v)$

Výstup: Nový kořen v

Časová složitost

Ukázali jsme tedy, jak pomocí binárních stromů kódovat $(2, 4)$ -stromy, nebo dokonce $(2, 3)$ -stromy. Časová složitost operací FIND, INSERT i DELETE je zjevně lineární s hloubkou stromu a o té jsme již dokázali, že je $\Theta(\log n)$.

Dodejme na závěr, že existují i jiné varianty červeno-černých stromů, které jsou založeny na podobném překladu (a, b) -stromů na binární stromy. Některé z nich například zaručují, že při každé operaci nastane pouze $\mathcal{O}(1)$ rotací. Je to ovšem vykoupeno podstatně složitějším rozbořem případů. Časová složitost samozřejmě zůstává logaritmická, protože je potřeba prvek nalézt a přebarvovat hrany.

Cvičení

1. Spočítejte přesně, jaká může být minimální a maximální hloubka LLRB stromu s n klíci.
- 2.* Navrhnete, jak z LLRB stromu mazat, aniž bychom museli při průchodu shora dolů rotovat. Všechny úpravy struktury provádějte až při návratu z rekurrenci podobně, jako se nám to podařilo při vkládání.
3. LLRB stromy jsou asymptoticky stejně rychlé jako AVL stromy. Zamyslete se nad jejich rozdíly při praktickém použití.

8.5 Další cvičení

1. Upravte některý druh vyhledávacích stromů tak, aby dokázal pro libovolné k najít k -tý nejmenší klíč a naopak o vyhledaném klíči říci, kolikátý nejmenší je. Pokud doplníte nějaké další informace do vrcholu stromu, nezapomeňte, že je musíte udržovat i při vyvažování.
2. *Pořadí permutací:* Uspořádejme všechny permutace na množině $\{1, \dots, n\}$ lexikograficky. Vymyslete algoritmus, který pro dané k sestrojí v pořadí k -tou permutaci v čase $\mathcal{O}(n \log n)$. Navrhnete též převod permutace na její pořadové číslo.
3. Vymyslete jiné uspořádání všech permutací, v němž půjde mezi permutací a jejím pořadovým číslem převádět v lineárním čase.
4. *Okénkový medián:* Na vstupu postupně přicházejí čísla. Kdykoliv přijde další, vypište medián z posledních k čísel (to je číslo, které by bylo prostřední, kdybychom k -tici setřídili). Dosáhněte časové složitosti $\mathcal{O}(\log k)$ na operaci.
5. Dokažte, že u předchozího cvičení je čas $\Theta(\log k)$ nejlepší možný, pokud umíme čísla pouze porovnávat. [N46]

6. *Reprezentace posloupnosti:* Prvky x_1, \dots, x_n uložíme do n vrcholů vyhledávacího stromu v symetrickém pořadí. Tím rozbijeme uspořádání klíčů, ale pomocí cvičení 1 budeme nadále umět najít prvek x_i pro každé i . Ukažte, jak doplnit operace vložení prvku za x_i , smazání prvku x_i , rozdelení posloupnosti v daném prvku a zřetězení dvou posloupností. Všechny operace by měly fungovat v čase $\mathcal{O}(\log n)$.
7. *Intervalový strom:* Nechť v každém vrcholu stromu kromě klíče sídlí ještě nějaká celočíselná hodnota. Upravte strom, aby uměl rychle zjistit největší hodnotu přiřazenou nějakému klíči z intervalu $[a, b]$. Tím jsme získali obdobu intervalových stromů z oddílu 4.5 pro dynamickou množinu klíčů.
- 8.* Pokračujme v předchozím cvičení: Také chceme, aby strom uměl ve všech vrcholech s klíči v zadaném intervalu $[a, b]$ rychle zvýšit hodnoty o δ . Může se hodit princip líného vyhodnocování z oddílu 4.5.
9. Dokažte, že procházíme-li obecný vyhledávací strom v symetrickém pořadí vrcholů, pravidelně se střídají vnitřní vrcholy s vnějšími. To znamená, že obsahují-li vnitřní vrcholy klíče x_1, \dots, x_n , pak vnější vrcholy odpovídají intervalům $(-\infty, x_1)$, (x_1, x_2) , (x_2, x_3) , \dots , $(x_n, +\infty)$.
10. *Rozklad na intervaly:* Využijte předchozí cvičení k sestrojení datové struktury pro rozdelení reálné osy na intervaly. Na počátku si pamatujeme interval $(-\infty, +\infty)$. Pak chceme umět podrozdělit interval v libovolném bodě, sloučit sousední intervaly, a pro daný bod zjistit, do kterého intervalu patří.

9 Amortizace

9 Amortizace

Při analýze datových struktur nás zatím zajímala složitost operací v nejhorším případě. Překvapivě často se ale stává, že operace s tou nejhorší časovou složitostí se vyskytuje jen zřídka a většina je mnohem rychlejší. Například, dejme tomu, že jedna operace trvá $\Theta(n)$ v nejhorším případě, ale provedení libovolných m po sobě jdoucích operací se stihne za $\mathcal{O}(n + m)$. Pro m větší než n se tak operace v dlouhodobém měřítku chovají, jako by měla konstantní složitost.

Tyto úvahy vedou k pojmu *amortizované časové složitosti*, který nejprve přiblížíme na několika příkladech a poté precizně nadefinujeme.

9.1 Nafukovací pole

Představme si, že nám přicházejí nějaké prvky a my je chceme postupně ukládat na konec pole: i -tý prvek na pozici i , a nevíme předem, kolik prvků má přijít. V okamžiku vytváření pole ovšem musíme vyhradit (alokovat) nějaký počet po sobě jdoucích paměťových buněk. A ať už pole vytvoříme jakkoliv velké, časem se může stát, že se do něj další prvky nevezjdou.

Tehdy nám nezbude než pole zvětšit. Jenže paměťové buňky těsně za pole mohou obsahovat jiná data, takže musíme pořídit nový blok paměti, data do něj zkopiřovat a starý blok paměti uvolnit. To se snadno provede,⁽¹⁾ ale není to zadarmo: kopírování musí sáhnout na každý prvek, tedy celkově potřebuje lineární čas. Pole proto nesmíme zvětšovat příliš často.

Osvědčený způsob je začít s jednoprvkovým polem (nebo o nějaké jiné konstantní velikosti) a kdykoliv dojde místo, zdvojnásobit velikost. Tím vznikne takzvané *nafukovací pole*.

Pseudokód pro přidání prvku bude vypadat následovně. Proměnná P bude ukazovat na adresu pole v paměti, m bude značit velikost pole (tomu budeme říkat *kapacita*), i aktuální počet prvků a x nově vkládaný prvek.

Procedura ARRAYAPPEND(x) (přidání do nafukovacího pole)

1. Pokud $i = m$: \triangleleft už na nový prvek nemáme místo
2. $m \leftarrow 2m$
3. Alokujeme paměť na pole P' o velikosti m .
4. Pro $j = 0, \dots, i - 1$: $P'[j] \leftarrow P[j]$

⁽¹⁾ V některých programovacích jazycích nicméně musíme dávat pozor, aby v jiných proměnných nezůstaly ukazatele na původní pozice prvků.

5. Dealokujeme paměť pole P .
 6. $P \leftarrow P'$
 7. $P[i] \leftarrow x$
 8. $i \leftarrow i + 1$
- \triangleleft uložíme nový prvek

Věta: Přidání n prvků do zpočátku prázdného nafukovacího pole trvá $\Theta(n)$.

Důkaz: Práce se strukturou sestává z vkládání jednotlivých prvků (každý v konstantním čase) proložených zvětšováním pole. Jedno zvětšování trvá čas $\Theta(i)$, celkový čas vkládání potom $\Theta(n)$. Ke zvětšování dochází právě tehdy, když je aktuální počet prvků mocnina dvojky. Všechna zvětšení dohromady tedy stojí $\Theta(2^0 + 2^1 + \dots + 2^k)$, kde 2^k je nejvyšší mocnina dvojky menší než n . To je geometrická řada se součtem $2^{k+1} - 1 < 2n$. Celková časová složitost proto činí $\Theta(n)$. \square

Ačkoliv je tedy složitost přidání jednoho prvku v nejhorském případě $\Theta(n)$, v posloupnosti operací se chová, jako kdyby byla konstantní. Budeme proto říkat, že je *amortizovaně konstantní*. Způsob, jakým jsme to spočítali, se nazývá *agregační metoda* – operace slučujeme nebo agregujeme do větších celků a pak zkoumáme chování těchto celků.

Zmenšování pole

Uvažujme nyní, že bychom mohli chtít prvky také odebírat. To se hodí třeba při implementaci zásobníku v poli. Tehdy se může stát, že nejprve přidáme spoustu prvků (čímž se pole nafoukne), načež většinu z nich zase smažeme a skončíme s obřím polem, v němž nejsou skoro žádné prvky. Mohlo by se proto hodit umět pole zase „vysouknout“, abychom neplýtvali pamětí.

Nabízí se hlídat zaplnění pole a kdykoliv klesne pod polovinu, realokovat na poloviční velikost. To ale bude pomalé: představme si, že pole obsahovalo n prvků a mělo kapacitu $2n$. Pak jsme jeden prvek smazali, došlo k realokaci a pole nyní obsahuje $n - 1$ prvků a má kapacitu n . Následně přidáme 2 prvky, ty se ale nevejdou, takže pole opět realokujeme, a teď má $n + 1$ prvků a kapacitu $2n$. Nyní 1 prvek smažeme a jsme tam, kde jsme byli. Můžeme tedy pořád dokola opakovat posloupnost 4 operací, která pokaždé vynucuje pomalou realokaci.

Problém nastal proto, že „skoro prázdné“ pole se po zmenšení okamžitě stalo „skoro plným“. Pomůže tedy oddálit od sebe meze pro zvětšování a zmenšování. Obvyklé pravidlo je *zvětšovat při přeplnění, zmenšovat při poklesu zaplnění pod čtvrtinu*. Počáteční kapacitu struktury nastavíme na 1 prvek (či jinou konstantu) a pod to ji nikdy nesnížíme.

Věta: Provedení libovolné posloupnosti n operací s nafukovacím polem, v níž se libovolně střídá přidávání a odebírání prvků, trvá $\mathcal{O}(n)$.

Důkaz: Posloupnost operací rozdělíme na bloky. Blok končí okamžikem realokace nebo koncem celé posloupnosti operací. Realokaci ještě k bloku počítáme, ale přidání prvku, které realokaci způsobilo, už patří do následujícího bloku.

V každém bloku tedy přidáváme a mažeme prvky, což stojí konstantní čas na prvek, a pak nejvýše jednou realokujeme. Dokážeme, že čas strávený realokací lze „rozúčtovat“ mezi operace zadané během bloku tak, aby na každou operaci připadl konstantní čas.

Některé bloky se chovají speciálně: V posledním bloku se vůbec nerealokuje. V prvním bloku a možná i některých dalších obsahuje pole nejvýše 1 prvek. Čas na realokaci v každém tomto bloku tedy můžeme omezit konstantou, což je též nanejvýš konstanta na operaci.

Zaměřme se nyní na některý ze zbývajících bloků. Označme p počet prvků v poli na začátku bloku. Předchozí blok skončil realokací a jelikož jak zmenšení, tak zvětšení pole ponechává přesně polovinu pole volnou, musí být aktuální kapacita pole přesně $2p$. K příští realokaci nás tedy donutí buďto nárůst počtu prvků na $2p$, anebo pokles na $p/2$. Aby se to stalo, musíme přidat alespoň p nebo ubrat alespoň $p/2$ prvků. Cenu $\Theta(p)$ za realokaci tedy můžeme rozpočítat mezi tyto operace tak, že každá přispěje konstantou. \square

Tentokrát jsme použili takzvanou *účetní metodu*. Obecně spočívá v tom, že čas „přeúčtuje“ mezi operacemi tak, aby celkový čas zůstal zachován a nová složitost každé operace vyšla nízká.

Předchozí důkaz lze také převyprávět v řeči *hustoty datové struktury*. Tak se říká podílu počtu prvků a kapacity struktury. Naše nafukovací a vyfukovací pole udržuje hustotu v intervalu $[1/4, 1]$.

Kdykoliv hustota klesne pod $1/4$, pole zmenšíme; při nárůstu nad 1 zvětšíme. Po každé realokaci přitom vychází hustota přesně $1/2$, takže mezi každými dvěma realokacemi se hustota změní alespoň o $1/4$. Konstantní změna hustoty přitom odpovídá lineární změně počtu prvků, takže lineární složitost realokace rozpočítáme mezi lineárně mnoha operací a amortizovaná složitost vyjde konstantní.

Zbývá drobný detail: kdykoliv je pole prázdné, třeba na začátku výpočtu, je hustota nulová, což leží mimo povolený interval. Při prázdné struktuře je ale kapacita nanejvýš 4 (maximální kapacita při 1 prvku) a tehdy mají operace konstantní složitost i v nejhorším případě. Hustotu prázdného pole tedy nemusíme uvažovat. To odpovídá výjimce pro prázdný blok v předchozím rozboru.

Další nafukovací datové struktury

Přístup zvětšování a zmenšování kapacity podle potřeby funguje i pro jiné datové struktury, jejichž kapacita musí být v okamžiku vytváření známá. Vyzkoušejme to třeba pro haldu z oddílu 4.2.

Když nám dojde kapacita haldy, pořídíme si novou, dvakrát větší haldu. Přesuneme do ní všechny prvky staré haldy a všimneme si, že jsme tím nepokazili haldové uspořádání. Stále tedy stačí, aby každý prvek na zvětšení struktury přispěl konstantní časem.

Podobně můžeme vytvářet nafukovací intervalové stromy (oddíl 4.5) nebo hešovací tabulky (11.3 a 11.4). Tam ale nestačí data zkopirovat, strukturu je potřeba znova vybudovat. Jelikož však budování stihne provést v lineárním čase, zamortizuje se úplně stejně jako pouhé kopírování.

Cvičení

1. Uvažujme, že bychom pole namísto zdvojnásobování zvětšovali o konstantní počet prvků. Dokažte, se tím pokazí časová složitost.
2. Jak by to dopadlo, kdybychom m -prvkové pole rovnou zvětšovali na m^2 -prvkové? Počáteční velikost musíme samozřejmě zvýšit na konstantu větší než 1.
3. K dispozici jsou dva zásobníky, které podporují pouze operace PUSH (přidej na vrchol zásobníku) a POP (odeber z vrcholu zásobníku). Navrhněte algoritmus, který bude pomocí těchto dvou zásobníků simulovat frontu s operacemi ENQUEUE (přidej na konec fronty) a DEQUEUE (odeber z počátku fronty). Kromě zásobníků máte k dispozici pouze konstantní množství paměti. Ukažte, že operace s frontou budou mít amortizovaně konstantní časovou složitost.

9.2 Binární počítadlo

Další příklad, na kterém vyzkoušíme amortizovanou analýzu, je *binární počítadlo*. To si pamatuje číslo zapsané ve dvojkové soustavě a umí s ním provádět jednu jedinou operaci: INC – zvýšení o jedničku.

0
1
10
11
100
101
110
111
1000

Obrázek 9.1: Prvních 8 kroků dvojkového počítadla (změněné bity tučně)

Průběh počítání můžeme sledovat na obrázku 9.1. Pokud číslo končí nulou, INC ji přepíše na jedničku a skončí. Končí-li jedničkami, dochází k přenosu přes tyto jedničky, takže jedničky se změní na nuly a nejbližší nula vlevo od nich na jedničku.

V pseudokódu to můžeme zapsat následovně. Číslice počítadla si budeme pamatovat v poli P , nejnižší řád bude uložený v $P[0]$, druhý nejnižší v $P[1]$, atd. Za nejvyšší jedničkou bude následovat dostatečně mnoho nul.

Algoritmus INC (zvýšení binárního počítadla o 1)

1. $i \leftarrow 0$
2. Dokud $P[i] = 1$:
3. $P[i] \leftarrow 0$
4. $i \leftarrow i + 1$
5. $P[i] \leftarrow 1$

Po provedení n operací bude mít počítadlo $\ell = \lfloor \log n \rfloor$ bitů. Složitost operace INC je lineární v počtu změněných bitů. Může tedy dosáhnout $\Theta(\ell)$, třeba pokud přecházíme z $0111\dots 1$ na $1000\dots 0$. Překvapivě ale vyjde, že v amortizovaném smyslu je tato složitost konstantní.

Můžeme to nahlédnout aggregací: nejnižší řád se mění pokaždé, druhý nejmenší v každé druhé operaci, další v každé čtvrté operaci, atd., takže celá posloupnost n operací trvá

$$\sum_{i=0}^{\ell} \left\lfloor \frac{n}{2^i} \right\rfloor \leq \sum_{i=0}^{\ell} \frac{n}{2^i} \leq n \cdot \sum_{i=0}^{\ell} \frac{1}{2^i} \leq n \cdot \sum_{i=0}^{\infty} \frac{1}{2^i} = 2n.$$

Existuje ale elegantnější a „ekonomičtější“ způsob analýzy.

Věta: Provedení n operací INC na zpočátku nulovém počítadle trvá $\mathcal{O}(n)$.

Důkaz: Pro potřeby analýzy si představíme, že za zavolání jedné operace INC zaplatíme dvě mince a každá z nich reprezentuje jednotkové množství času. Některé mince spotřebujeme ihned, jiné uložíme do zásoby a použijeme později.

Konkrétně budeme udržovat invariant, že ke každému jedničkovému bitu počítadla patří jeden penízek v zásobě. Třeba takto (\star symbolizuje jeden penízek):

$\star \star$	$\star \star \star$	$\star \star \star \star$
1 1 0 1 1 1 0 0 0 0 1 1 1 1		

Nyní provedeme INC. Dokud přepisuje jedničky na nuly, platí za to penízky uloženými u těchto jedniček. Nakonec přepíše nulu na jedničku, za což jeden ze svých penízků rovnou utratí a druhý uloží k této jedničce. Tím jakoby předplatí její budoucí vynulování.

Výsledek vypadá takto:

* * * * * *
1 1 0 1 1 1 0 0 0 1 0 0 0 0

Provedeme-li tedy n operací INC, zaplatíme $2n$ penízků. Pomocí nich zaplatíme všechny provedené operace, ty tedy trvají $\mathcal{O}(n)$. Na konci nám nějaké penízky zbudou v zásobě, ale to jistě nevadí. \square

Tomuto typu úvah se říká *penízková metoda*. Obecně ji můžeme popsat takto: Slíbíme nějakou amortizovanou časovou složitost operace vyjádřenou určitým počtem penízků. Některé penízky utratíme rovnou, jiné uložíme „na horsí časy“. Pozdější operace mohou tento naspořený čas využít, aby mohly běžet déle, než jsme slíbili.

Cvičení

1. Spočítejte, jak dlouho bude trvat posloupnosti n operací INC, která začne s nenulovým stavem počítadla.
2. Rozmyslete si, že kdyby mělo binární počítadlo podporovat zároveň operace INC a DEC (tedy zvýšení a snížení o 1), operace rozhodně nebudou mít konstantní amortizovanou složitost.
- 3.* Navrhněte jinou reprezentaci čísel, v níž bude možné provádět operace INC, DEC a TESTZERO (zjistit, zda číslo je nulové) v amortizovaně konstantním čase. [N103]
4. Dokažte, že počítadlo v soustavě o základu k , kde $k \geq 3$ je nějaká pevná konstanta, také provádí INC v amortizovaně konstantním čase.
5. Uvažujme místo INC operaci ADD(k), která k počítadlu přičte číslo k . Dokažte, že amortizovaná složitost této operace je $\mathcal{O}(\log k)$. [N29]
6. Použijte penízkovou metodu k analýze nafukovacího pole z minulého oddílu.

9.3 Potenciálová metoda

Potkali jsme několik příkladů, kdy amortizovaná složitost datové struktury byla mnohem lepsí než její složitost v nejhorském případě. Důkazy těchto tvrzení byly založené na nějakém přerozdělování času mezi operacemi: někdy explicitně (účetní metoda), jindy tak, že jsme čas odkládali a využili později (penízková metoda). Pojdme se nyní na tento princip podívat obecněji.

Mějme nějakou datovou strukturu podporující různé operace. Uvažme libovolnou posloupnost operací O_1, \dots, O_m na této datové struktuře. Skutečnou cenou C_i operace O_i

nazveme, jak dlouho tato operace doopravdy trvala. Cena závisí na aktuálním stavu struktury, ale často ji postačí odhadnout shora časovou složitostí operace v nejhorším případě. Jednotky, ve kterých cenu počítáme, si přitom můžeme zvolit tak, aby nám výpočty vyšly hezky. Jen musíme zachovat, že časová složitost operace je lineární v její ceně.

Dále každé operaci stanovíme její *amortizovanou cenu* A_i . Ta vyjadřuje naše mínění o tom, jak bude tato operace přispívat k celkovému času všech operací. Smíme ji zvolit libovolně, ale součet všech amortizovaných cen musí být větší nebo roven součtu cen skutečných. Vnějšímu pozorovateli, který nevidí dovnitř výpočtu a sleduje pouze celkový čas, můžeme tvrdit, že i -tá operace trvá A_i , a on to nemůže jakkoliv vyvrátit.

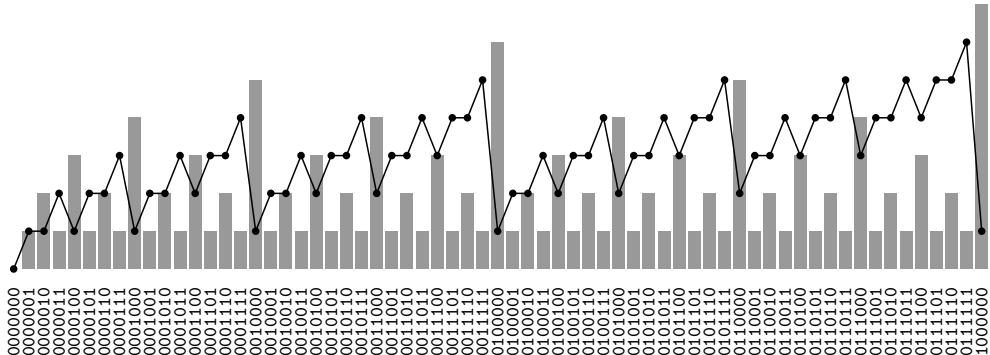
Na provedení prvních i operací jsme tedy potřebovali čas $C_1 + \dots + C_i$, ale tvrdili jsme, že to bude trvat $A_1 + \dots + A_i$. Rozdíl těchto dvou hodnot si můžeme představit jako stav jakéhosi „bankovního účtu“ na spoření času. Obvykle se mu říká *potenciál* datové struktury a značí se $\Phi_i := (\sum_{j=1}^i A_j) - (\sum_{j=1}^i C_j)$. Před provedením první operace je přirozeně $\Phi_0 = 0$.

Potenciálový rozdíl $\Delta\Phi_i := \Phi_i - \Phi_{i-1}$ je pak roven $A_i - C_i$ a poznáme z něj, jestli i -tá operace čas ukládá ($\Delta\Phi_i > 0$), nebo naopak čas naspořený v minulosti spotřebovává ($\Delta\Phi_i < 0$).

Příklady:

- V úloze s binárním počítadlem odpovídá potenciál celkovému počtu naspořených penízků. Amortizovaná cena každé operace činí vždy 2 penízky, skutečnou cenu stanovíme jako $1 + j$, kde j je počet jedniček na konci čísla. Skutečná časová složitost operace je jistě lineární v této ceně. Potenciálový rozdíl vyjde $2 - (1 + j) = 1 - j$, což odpovídá tomu, že jedna jednička přibyla a j jich zmizelo. Sledujme obrázek 9.2: černá křivka zobrazuje vývoj potenciálu, šedivé sloupce skutečnou cenu jednotlivých operací.
- Při analýze nafukovacího pole se jako potenciál chová počet operací s polem od poslední realokace. Všem operacím opět přiřadíme amortizovanou cenu 2, z čehož jedničku spotřebujeme a jedničku uložíme do potenciálu. Provádime-li realokaci, tak „rozbijeme prasátko“, vybereme z potenciálu všechn naspořený čas a nahlédneme, že postačí na provedení realokace.

V obou případech existuje přímá souvislost mezi hodnotou potenciálu a stavem či historií datové struktury. Nabízí se tedy postupovat opačně: nejprve zavést nějaký potenciál podle stavu struktury a pak podle něj vypočít amortizovanou složitost operací. Vztah $A_i - C_i = \Delta\Phi_i = \Phi_i - \Phi_{i-1}$ totiž můžeme „obrátit naruby“: $A_i = C_i + \Delta\Phi_i$. To říká, že *amortizovaná cena je rovna součtu skutečné ceny a rozdílu potenciálů*.



Obrázek 9.2: Potenciál a skutečná cena operací u binárního počítadla

Pro součet všech amortizovaných cen pak platí:

$$\sum_{i=1}^m A_i = \sum_{i=1}^m (C_i + \Phi_i - \Phi_{i-1}) = \left(\sum_{i=1}^m C_i \right) + \Phi_m - \Phi_0.$$

Druhé sumě se říká *teleskopická*: každé Φ_i kromě prvního a posledního se jednou přičte a jednou odečte.⁽²⁾

Kdykoliv je tedy $\Phi_m \geq \Phi_0$, součet skutečných cen je shora omezen součtem amortizovaných cen a amortizace funguje.

Shrneme, jak se potenciálová metoda používá:

- Definujeme vhodnou potenciálovou funkci Φ v závislosti na stavu datové struktury. Na to neexistuje žádný univerzální návod, ale obvykle chceme, aby potenciál byl tím větší, čím více se blížíme k operaci, která bude trvat dlouho.
- Ukážeme, že $\Phi_0 \leq \Phi_m$ (aneb nezůstali jsme „dlužit čas“). Často náš potenciál vyjadřuje počet něčeho ve struktuře, takže je přirozeně na počátku nulový a pak vždy nezáporný. Tehdy požadovaná nerovnost triviálně platí.
- Vypočteme amortizovanou cenu operací ze skutečné ceny a potenciálového rozdílu: $A_i = C_i + \Phi_i - \Phi_{i-1}$.

⁽²⁾ Říká se jí tak podle starých dalekohledů, které se skládaly z do sebe zasunutých kovových válců. Má-li i -tý válec vnitřní poloměr r_i a vnější R_i , můžeme celkovou tloušťku válců spočítat jako $\sum_i (R_i - r_i)$, ale to je evidentně také rovno $R_n - r_1$.

- Pokud neumíme skutečnou cenu vyjádřit přesně, spokojíme se s horním odhadem. Také se může hodit upravit multiplikativní konstantu u skutečné ceny (tedy zvolit vhodnou jednotku času), aby cena lépe odpovídala zvolenému potenciálu.

Amortizovaná analýza je užitečná v případech, kdy datovou strukturu používáme uvnitř nějakého algoritmu. Tehdy nás nezajímají konkrétní časy operací, nýbrž to, jak datová struktura ovlivňuje časovou složitost celého algoritmu. Mohou se tudíž hodit i struktury, které mají špatnou časovou složitost v nejhorším případě (říká se také *worst-case složitost*), ale dobrou amortizovanou.

Jsou ovšem případy, kdy to nestačí: programujeme-li automatické řízení letadla, musíme na události reagovat okamžitě. Kdybychom reakci odložili, protože zrovna uklízíme datové struktury, program by mohl doslova spadnout.

Dodejme ještě, že bychom si neměli plést amortizovanou a průměrnou složitost. Průměr počítaný přes všechny možné vstupy nebo přes všechny možné průběhy randomizovaného algoritmu (blíže viz kapitola 11) obvykle nic neslibuje o konkrétním vstupu. Naproti tomu amortizovaná složitost nám dá spolehlivý horní odhad času pro libovolnou posloupnost operací, jen neprozradí, jak bude tento čas rozdělen mezi jednotlivé operace.

Cvičení

1. Analyzujte potenciálovou metodou amortizovanou složitost nafukovacího pole, které místo na dvojnásobek realokuje na k -násobek pro nějaké pevné $k > 1$.
2. *Okénková minima:* Na vstupu postupně přicházejí čísla. Kdykoliv přijde další, vypište minimum z posledních k čísel. Na rozdíl od cvičení 8.5.4 existuje i řešení pracující v amortizovaně konstantním čase na operaci. [N61]
- 3.* Vyřešte předchozí cvičení ve worst-case konstantním čase. [N115]
4. *Minimový strom* pro posloupnost x_1, \dots, x_n navzájem různých prvků je definován takto: v kořeni leží prvek x_j s nejmenší hodnotou, levý podstrom je minimovým stromem pro x_1, \dots, x_{j-1} , pravý podstrom pro x_{j+1}, \dots, x_n . Navrhněte algoritmus, který sestrojí minimový strom v čase $\mathcal{O}(n)$.
Minimové stromy můžeme zobecnit pro posloupnosti s opakujícími se prvky: Pokud se minimum vyskytuje k -krát, rozdělíme posloupnost ve výskytech minima na $k + 1$ úseků. Minimum umístíme do kořene a pod něj připojíme minimové stromy pro jednotlivé úseky. Upravte algoritmus, aby fungoval i v tomto případě. [N6]
- 5.* V binárním vyhledávacím stromu budeme provádět operace FIND (nalezení prvku se zadáným klíčem) a SUCC (nalezení následníka prvku, který nám vrátila předchozí operace FIND nebo SUCC). Najděte potenciál, vůči kterému vyjde amortizovaná složitost FIND $\mathcal{O}(\log n)$ a SUCC $\mathcal{O}(1)$.

6. *(2, 3)-stromy* z oddílu 8.3: Operaci INSERT rozdělíme na hledání ve stromu a *strukturální změny* stromu: tím myslíme úpravy klíčů a ukazatelů uložených ve vrcholech. Ukažte, že pokud na zprvu prázdný $(2, 3)$ -strom aplikujeme jakoukoliv posloupnost INSERTů, každý z nich provede amortizovaně konstantní počet strukturálních změn. Zobecněte pro libovolné (a, b) -stromy.
- 7.* Podobně jako v předchozím cvičení počítejme strukturální změny v (a, b) -stromu, ale tentokrát pro libovolnou kombinaci operací INSERT a DELETE. Dokažte, že ve $(2, 4)$ -stromu každá taková operace provede amortizovaně $\mathcal{O}(1)$ změn, zatímco ve $(2, 3)$ -stromech je jich lineárně mnoho. Výsledek pak zobecněte na $(a, 2a)$ -stromy a $(a, 2a - 1)$ -stromy. [N114]
8. *Nejbližší větší*: V posloupnosti n čísel najděte pro každé číslo nejbližší větší v obou směrech. Jde to v čase $\Theta(n)$.
9. *Okénko s maximálním součtem*: Na vstupu přichází prvky jeden po druhém. Pokaždé chceme spočítat součet posledních k prvků a nakonec vypsat tu k -tici, pro níž vyšel nejvyšší součet. Máme k dispozici prostor o velikosti $\Theta(k)$, celá posloupnost se do něj nevejde.

9.4 Líné vyvažování stromů

Při ukládání dat do binárního vyhledávacího stromu potřebujeme strom vyvažovat, aby chom udrželi logaritmickou hloubku. Potkali jsme několik vyvažovacích technik pracujících v logaritmickém čase, nicméně všechny byly dost pracné. Nyní předvedeme mnohem jednodušší variantu stromů. Složitost vyvažování sice budeme mít v nejhorším případě lineární, ale amortizovanou stálou logaritmickou.

Vzpomeňme na definici dokonalé vyváženosti: ta požaduje, aby pro každý vrchol platilo, že velikosti jeho podstromů se liší nejvýše o 1. Tedy že poměr těchto velikostí je skoro přesně 1 : 1. Ukázalo se, že je to příliš přísná podmínka, takže ji nelze efektivně udržovat. Tedy ji trochu uvolníme: poměr velikostí podstromů bude ležet někde mezi 1 : 2 a 2 : 1. Totéž můžeme formulovat pomocí poměru mezi velikostí podstromů otce a synů:⁽³⁾

Definice: V binárním stromu zavedeme *mohutnost vrcholu* $m(v)$ jako počet vrcholů v podstromu zakořeněném pod v (list má tedy mohutnost 1). Strom je *v rovnováze*, pokud pro každý vrchol v a jeho syna s platí $m(s) \leq 2/3 \cdot m(v)$.

Lemma: Strom o n vrcholech, který je v rovnováze, má hloubku $\mathcal{O}(\log n)$.

⁽³⁾ Proč jsme nezůstali u původní definice pomocí poměru velikostí podstromů? To proto, že je-li některý z podstromů prázdný, dělili bychom nulou.

Důkaz: Sledujme, jak se mění mohutnosti vrcholů na libovolné cestě z kořene do listu. Kořen má mohutnost n , každý další vrchol má mohutnost nejvýše $2/3$ předchozího, až dojdeme do listu s mohutností 1. Cesta tedy může být dlouhá nejvýše $\log_{2/3}(1/n) = \log_{3/2} n = \mathcal{O}(\log n)$. \square

Nyní si rozmyslíme, jak strom udržovat v rovnováze. Abychom mohli rovnováhu kontrolovat, zapamatujeme si v každém vrcholu jeho mohutnost.

Budeme předpokládat, že do stromu pouze vkládáme nové prvky; mazání ponecháme jako cvičení. Vyjdeme z algoritmu BvsINSERT pro obyčejný vyhledávací strom. Ten se pokusí nový prvek najít a když se mu to nepovede, přidá nový list. Navíc se pak budeme vracet z přidaného listu zpět do kořene a všem vrcholům po cestě zvyšovat mohutnost o 1 (ostatním vrcholům se mohutnost evidentně nezmění).

Kdekoliv změníme mohutnost, zkонтrolujeme, zda je stále splněna podmínka rovnováhy. Pokud všude je, jsme hotovi. V opačném případě nalezneme nejvyšší vrchol, v němž je porušena, a celý podstrom pod tímto vrcholem rozebereme a přebudujeme na dokonale vyvážený strom. Rozebrání a přebudování stihneme v lineárním čase (blíže viz cvičení 8.1.4).

INSERT do našeho stromu se tedy nezatěžuje lokálními nepravidelnostmi, pouze udržuje rovnováhu. To je takový „líný“ přístup – dokud situace není opravdu vážná, tváříme se, jako by nic. Rovnováha nám zaručuje logaritmickou hloubku, tím pádem i logaritmickou složitost vyhledávání. A jakmile nevyváženost překročí kritickou mez, uklidíme ve stromu pořádně, což sice potrvá dlouho, ale pak zase dlouho nebudeme muset nic dělat.

Věta: Amortizovaná složitost operace INSERT s líným vyvažováním je $\mathcal{O}(\log n)$.

Důkaz: Zavedeme šikovný potenciál. Měl by vyjadřovat, jak daleko jsme od dokonale vyváženého stromu: vkládáním by měl postupně růst a jakmile nějaký podstrom vyvedeme z rovnováhy, potenciál by měl být dostatečně vysoký na to, abychom z něj zaplatili přebudování podstromu.

Potenciál proto definujeme jako součet příspěvků jednotlivých vrcholů, přičemž každý vrchol přispěje rozdílem mohutností svého levého a pravého syna (chybějícím synům přisoudíme nulovou mohutnost). Budeme ovšem potřebovat, aby dokonale vyvážený podstrom měl potenciál nulový, takže přidáme výjimku: pokud se mohutnosti liší přesně o 1, příspěvek bude nula.

$$\begin{aligned}\Psi &:= \sum_v \psi(v), \quad \text{kde} \\ \psi(v) &:= \begin{cases} |m(\ell(v)) - m(r(v))| & \text{pokud je to alespoň 2,} \\ 0 & \text{jinak.} \end{cases}\end{aligned}$$

Přidáme-li nový list, vrcholům na cestě mezi ním a kořenem se zvýší mohutnost o 1, tím pádem příspěvky těchto vrcholů k potenciálu se změní nejvýše o 2 (obvykle o 1, ale pokud je zrovna rozdíl vah jedničkový, příspěvek skočí z 0 rovnou na 2 či opačně).

Pokud nedošlo k žádnému přebudování, strávili jsme $\mathcal{O}(\log n)$ času průchodem cesty tam a zpět a změnili potenciál také o $\mathcal{O}(\log n)$. To dává amortizovanou složitost $\mathcal{O}(\log n)$.

Nechť tedy nastane přebudování. V nějakém vrcholu v platí, že jeden ze synů, bez újmy na obecnosti $\ell(v)$, má příliš velkou mohutnost relativně k otci: $m(\ell(v)) > 2/3 \cdot m(v)$. Opačný podstrom tedy musí mít naopak malou mohutnost, $m(r(v)) < 1/3 \cdot m(v)$. Příspěvek $\psi(v)$ proto činí aspoň $1/3 \cdot m(v)$. Tento příspěvek se přebudováním vynuluje, stejně tak příspěvky všech vrcholů ležících pod v ; ostatním vrcholům se příspěvky nezmění. Potenciál celkově klesne alespoň o $1/3 \cdot m(v)$.

Skutečná cena přebudování činí $\Theta(m(v))$, takže pokles potenciálu o řádově $m(v)$ ji vyrovná a amortizovaná cena přebudování vyjde nulová. (Kdybychom chtěli být přesní, vynásobili bychom potenciál vhodnou konstantou, aby pokles potenciálu přebil i konstantu z Θ .) \square

Na závěr zmíníme, že myšlenku vyvažování pomocí mohutností podstromů popsal již v roce 1972 Edward Reingold. Jeho BB- α stromy byly ovšem o něco složitější a vyvažovaly se pomocí rotací.

Cvičení

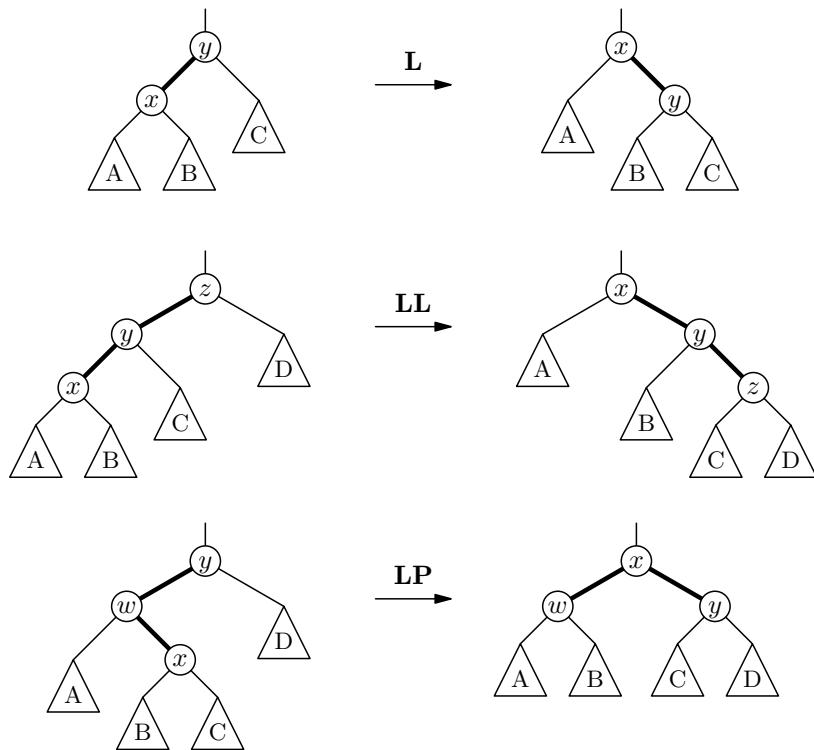
1. Doplňte operaci DELETE. Pro analýzu použijte tentýž potenciál.
- 2.* Co by se pokazilo, kdybychom v definici $\psi(v)$ neudělali výjimku pro rozdíl 1?

9.5* Splay stromy

Ukážeme ještě jeden pozoruhodný přístup k vyhledávacím stromům, který vede na logaritmickou amortizovanou složitost. Objevili ho v roce 1983 Daniel Sleator a Robert Tarjan. Je založený na prosté myšlence: kdykoliv chceme pracovat s nějakým vrcholem, postupnými rotacemi ho „vytáhneme“ až do kořene stromu. Této operaci budeme říkat SPLAY a budeme mluvit o *splayování*⁽⁴⁾ vrcholu.

Rotace na cestě od vybraného prvku do kořene ovšem můžeme volit více způsoby a většina z nich nevede k dobré složitosti (viz cvičení 1). Kouzlo spočívá v tom, že budeme preferovat dvojitě rotace. Možné situace při splayování vrcholu x vidíme na obrázku 9.3: Je-li x levým synem levého syna, provedeme krok typu LL. Podobně krok LP pro pravého syna levého

⁽⁴⁾ Anglické *splay* znamená zešikmení či rozprostření. Nám však průběh operace nic takového nepřipomíná, takže raději strpíme nelegantní anglicismus.



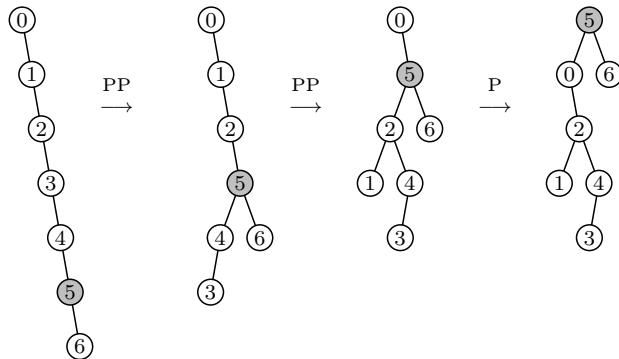
Obrázek 9.3: Splayovací kroky L, LL a LP

syna. Kroky PP a PL jsou zrcadlovými variantami LL a LP. Konečně pokud už x je synem kořene, provedeme jednoduchou rotaci, tedy krok L nebo jeho zrcadlovou variantu P.⁽⁵⁾

Jak se z těchto kroků složí celé splayování, můžeme pozorovat na obrázku 9.4: Nejprve provedeme krok PP, pak opět PP, a nakonec P. Všimněte si, že splayování má tendenci přetvářet dlouhé cesty na rozvětvenější stromy. To nám dává naději, že nahodile vzniklé degenerované části nás nebudou dlouho brzdit.

Pojďme se pustit do amortizované analýzy. Základem je následující potenciál. Vypadá poněkud magicky – Sleator s Tarjanem ho vytáhli jako králíka z kouzelnického klobouku, aniž by za ním byla vidět jasná intuice. Jakmile známe potenciál, zbytek už bude snadný.

⁽⁵⁾ Krokům L a P se také říká *zig*, „rovným“ krokům LL a PP *zig-zig* a „zahnutým“ krokům LP a PL *zig-zag* (vlastně *cik-cak*).



Obrázek 9.4: Postup splayování vrcholu 5

Definice:

- $T(v)$ označíme podstrom zakořeněný ve vrcholu v ,
- *mohutnost vrcholu* $m(v)$ je počet vrcholů v podstromu $T(v)$,
- *rank vrcholu* $r(v)$ je dvojkový logaritmus mohutnosti $m(v)$,
- *potenciál* splay stromu je součet ranků všech vrcholů.

Obrázek 9.5 naznačuje, že vyšší potenciály opravdu odpovídají méně vyváženým stromům – cesta se postupným splayováním proměňuje na košatý strom a potenciál při tom vytrvale klesá, tím víc, čím více práce nám splayování dalo.

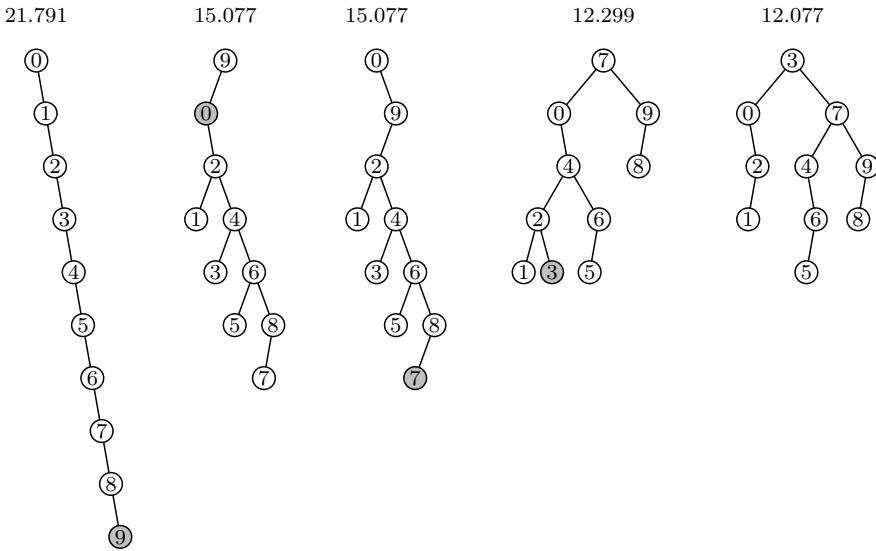
Dokážeme, že tomu tak je obecně. Cenu operace $\text{SPLAY}(x)$ budeme měřit počtem provedených rotací (takže dvojitá rotace se počítá za dvě); skutečná časová složitost je zjevně lineární v této ceně. Platí následující věta:

Věta: Amortizovaná cena operace $\text{SPLAY}(x)$ je nejvýše $3 \cdot (r'(x) - r(x)) + 1$, kde $r(x)$ je rank vrcholu x před provedením operace a $r'(x)$ po něm.

Nyní větu dokážeme. Čtenáři, kteří se zajímají především o další operace se splay stromy, mohou přeskočit na stranu 236 a pak se případně k důkazu vrátit.

Důkaz: Amortizovaná cena operace SPLAY je součtem amortizovaných cen jednotlivých kroků. Označme $r_1(x), \dots, r_t(x)$ ranky vrcholu x po jednotlivých krocích splayování a dále $r_0(x)$ rank před prvním krokem.

V následujících lemmatech dokážeme, že cena každého kroku je shora omezena $3r_i(x) - 3r_{i-1}(x)$. Jedinou výjimku tvoří kroky L a P, které mohou být o jedničku dražší. Jelikož



Obrázek 9.5: Vývoj potenciálu během splayování hodnot 9, 0, 7, 3

preferujeme dvojrotace, nastane takový krok nejvýše jednou. Pro celkovou cenu tedy dostáváme:

$$A \leq \sum_{i=1}^t (3r_i(x) - 3r_{i-1}(x)) + 1.$$

To je teleskopická suma: kromě r_0 a r_t se každý rank jednou přičte a jednou odečte, takže pravá strana je rovna $3r_t(x) - 3r_0(x) + 1$. To dává tvrzení věty. \square

Nyní doplníme výpočty ceny jednotlivých typů kroků. Vždy budeme splayovat vrchol x , nečárkované proměnné budou odpovídat stavu před provedením kroku a čárkované stavu po něm. Nejprve ovšem dokážeme obecnou nerovnost o logaritmech.

Lemma (o průměru logaritmů): Pro každá dvě kladná reálná čísla α, β platí

$$\log \frac{\alpha + \beta}{2} \geq \frac{\log \alpha + \log \beta}{2}.$$

Důkaz: Požadovaná nerovnost platí kromě logaritmu pro libovolnou *konkávní* funkci f . Tak se říká funkci, pro jejichž graf platí, že úsečka spojující libovolné dva body na

grafu leží celá pod grafem (případně se může grafu dotýkat). Konkávnost se pozná podle záporné druhé derivace.

Pro logaritmus to jde snadno: první derivace přirozeného logaritmu $\ln x$ je $1/x$, druhá $-1/x^2$, což je záporné pro každé $x > 0$. Dvojkový logaritmus je $(\ln 2)$ -násobkem přirozeného logaritmu, takže je také konkávní.

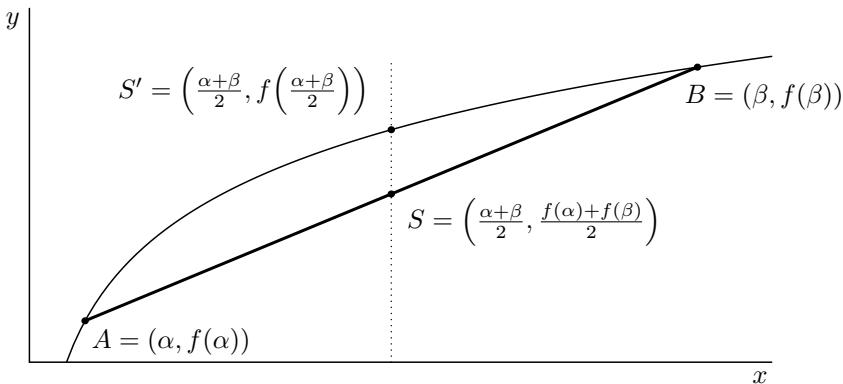
Uvažujme nyní graf nějaké konkávní funkce f na obrázku 9.6. Vyznačíme v něm body $A = (\alpha, f(\alpha))$ a $B = (\beta, f(\beta))$. Najdeme střed S úsečky AB . Jeho souřadnice jsou průměrem souřadnic krajních bodů, tedy

$$S = \left(\frac{\alpha + \beta}{2}, \frac{f(\alpha) + f(\beta)}{2} \right).$$

Díky konkávnosti musí bod S ležet pod grafem funkce, tedy speciálně pod bodem

$$S' = \left(\frac{\alpha + \beta}{2}, f\left(\frac{\alpha + \beta}{2}\right) \right).$$

Porovnáním y -ových souřadnic bodů S a S' získáme požadovanou nerovnost. \square



Obrázek 9.6: Průměrová nerovnost pro konkávní funkci f

Důsledek: Jelikož $\log \frac{\alpha+\beta}{2} = \log(\alpha + \beta) - 1$, můžeme také psát $\log \alpha + \log \beta \leq 2 \log(\alpha + \beta) - 2$.

Lemma LP: Amortizovaná cena kroku typu LP je nejvýše $3r'(x) - 3r(x)$.

Důkaz: Sledujme obrázek 9.3 a uvažujme, jak se změní potenciál. Jediné vrcholy, jejichž rank se může změnit, jsou w , x a y . Potenciál tedy vzroste o $(r'(w) - r(w)) + (r'(x) - r(x)) + (r'(y) - r(y))$. Skutečná cena operace činí 2 jednotky, takže pro amortizovanou cenu A platí:

$$A = 2 + r'(w) + r'(x) + r'(y) - r(w) - r(x) - r(y).$$

Chceme ukázat, že $A \leq 3r'(x) - 3r(x)$. Potřebujeme proto ranky ostatních vrcholů nějak odhadnout pomocí $r(x)$ a $r'(x)$.

Na součet $r'(w) + r'(y)$ využijeme lemma o průměru logaritmů:

$$\begin{aligned} r'(w) + r'(y) &= \log m'(w) + \log m'(y) \\ &\leq 2 \log(m'(w) + m'(y)) - 2. \end{aligned}$$

Protože podstromy $T'(w)$ a $T'(y)$ jsou disjunktní a oba leží pod x , musí platit $\log(m'(w) + m'(y)) \leq \log m'(x) = r'(x)$. Celkem tedy dostaváme:

$$r'(w) + r'(y) \leq 2r'(x) - 2.$$

To dosadíme do nerovnosti pro A a získáme:

$$A \leq 3r'(x) - r(w) - r(x) - r(y).$$

Zbývající ranky můžeme odhadnout triviálně:

$$\begin{aligned} r(w) &\geq r(x) && \text{protože } T(w) \supseteq T(x), \\ r(y) &\geq r(x) && \text{protože } T(y) \supseteq T(x). \end{aligned}$$

Dostaváme tvrzení lemmatu. □

Lemma LL: Amortizovaná cena kroku typu LL je nejvýše $3r'(x) - 3r(x)$.

Důkaz: Budeme postupovat podobně jako u kroku LP. Skutečná cena je opět 2, ranky se mohou změnit pouze vrcholům x , y a z , takže amortizovaná cena činí

$$A = 2 + r'(x) + r'(y) + r'(z) - r(x) - r(y) - r(z).$$

Chceme se zbavit všech členů kromě $r(x)$ a $r'(x)$. Zase by se nám hodilo použít průměrové lemma na nějaké dva podstromy, které jsou disjunktní a dohromady obsahují skoro

všechny vrcholy. Tentokrát se nabízí $T(x)$ a $T'(z)$:

$$\begin{aligned} r(x) + r'(z) &= \log m(x) + \log m'(z) \\ &\leq 2 \log(m(x) + m'(z)) - 2 \\ &\leq 2 \log m'(x) - 2 = 2r'(x) - 2. \end{aligned}$$

To je ekvivalentní s nerovností $r'(z) \leq 2r'(x) - r(x) - 2$. Tím pádem:

$$A \leq 3r'(x) + r'(y) - 2r(x) - r(y) - r(z).$$

Zbylé nežádoucí členy odhadneme elementárně:

$$\begin{aligned} r(z) &= r'(x) && \text{protože } T(z) = T'(x), \\ r(y) &\geq r(x) && \text{protože } T(y) \supseteq T(x), \\ r'(y) &\leq r'(x) && \text{protože } T'(y) \subseteq T'(x). \end{aligned}$$

Z toho plyne požadovaná nerovnost $A \leq 3r'(x) - 3r(x)$. \square

Lemma L: Amortizovaná cena kroku typu L je nejvýše $3r'(x) - 3r(x) + 1$.

Důkaz: Skutečna cena je 1, ranky se mohou měnit jen vrcholům x a y , takže amortizovaná cena vyjde:

$$A = 1 + r'(x) + r'(y) - r(x) - r(y).$$

Z inkluze podstromů plyne, že $r'(y) \leq r'(x)$ a $r(y) \geq r(x)$, takže:

$$A \leq 1 + 2r'(x) - 2r(x).$$

Z inkluze ale také víme, že $r'(x) - r(x)$ nemůže být záporné, takže tím spíš platí i $A \leq 1 + 3r'(x) - 3r(x)$, což jsme chtěli. \square

Důsledek: Jelikož definice ranku je symetrická vzhledem k prohození stran, kroky typů PP, PL a P mají stejné amortizované ceny jako LL, LP a L.

Hledání podle klíče

Dokázali jsme, že amortizovaná složitost operace $SPLAY(x)$ je $\mathcal{O}(r'(x) - r(x) + 1)$, kde $r(x)$ a $r'(x)$ jsou ranky vrcholu x před operací a po ní. Ranky jakožto logaritmy mohutností nikdy nepřekročí $\log n$, takže složitost evidentně leží v $\mathcal{O}(\log n)$. Nyní ukážeme, jak pomocí splayování provádět běžné operace s vyhledávacími stromy.

Operaci FIND, tedy vyhledání prvku podle klíče, provedeme stejně jako v obyčejném vyhledávacím stromu a nakonec nalezený prvek vysplayujeme do kořene. Kdybychom klíč nenalezli, vysplayujeme poslední navštívený vrchol. Samotné hledání trvá lineárně s hloubkou posledního navštíveného vrcholu. Práci lineární s hloubkou ovšem vykoná i splayování, takže vychází-li amortizovaná složitost splayování $\mathcal{O}(\log n)$, musí totéž vyjít i pro hledání.

Můžeme si to představit také tak, že operaci SPLAY naučtujeme i čas spotřebovaný hledáním. Tím se splayování zpomalí nejvýše konstanta-krát, takže stále bude platit amortizovaný odhad $\mathcal{O}(\log n)$.

Vkládání prvků

Operaci INSERT implementujeme také obvyklým způsobem, takže nový prvek se stane listem stromu. Ten posléze vysplayujeme do kořene. Opět můžeme složitost hledání správněho místa pro nový list naučtovat provedenému splayi. Je tu ovšem drobný háček: připojení listu zvýší ranky vrcholů ležících mezi ním a kořenem, takže musíme do složitosti INSERTU započítat i zvýšení potenciálu. Naštěstí je pouze logaritmické.

Lemma: Přidání listu zvýší potenciál o $\mathcal{O}(\log n)$.

Důkaz: Označíme v_1, \dots, v_t vrcholy na cestě z kořene do nového listu ℓ . Nečárkovány proměnné budou jako obvykle popisovat stav před připojením listu, čárkovány stav po něm. Potenciálový rozdíl činí:

$$\Delta\Phi = \sum_{i=1}^t (r'(v_i) - r(v_i)) + r'(\ell).$$

Jelikož ℓ je list, má jednotkovou mohutnost a nulový rank. Nový rank v_i je $r'(v_i) = \log m'(v_i) = \log(m(v_i) + 1)$, jelikož v podstromu $T(v_i)$ přibyl právě list ℓ .

Logaritmus výrazu $m(v_i) + 1$ vzdoruje pokusům o úpravu, ale můžeme ho trochu nečekaně odhadnout shora pomocí $m(v_{i-1})$. Vskutku, podstrom $T(v_{i-1})$ obsahuje vše, co leží v $T(v_i)$, a ještě navíc vrchol v_{i-1} . Proto musí platit $m(v_{i-1}) \geq m(v_i) + 1 = m'(v_i)$, a tím pádem také $r(v_{i-1}) \geq r'(v_i)$.

Tuto nerovnost dosadíme do vztahu pro potenciálový rozdíl (případ $i = 1$ jsme museli ponechat zvlášť):

$$\Delta\Phi \leq (r'(v_1) - r(v_1)) + \sum_{i=2}^t (r(v_{i-1}) - r(v_i)).$$

Tato suma je teleskopická – většina ranků se jednou přičte a jednou odečte. Získáme

$$\Delta\Phi \leq r'(v_1) - r(v_t),$$

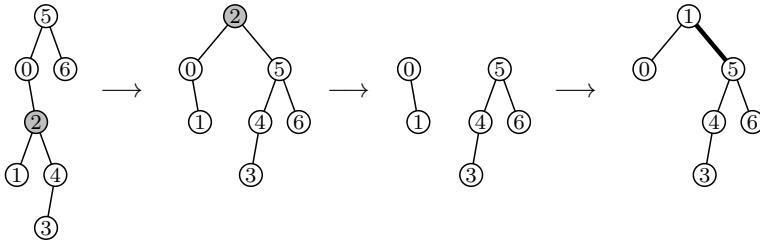
a to je jistě nejvýše logaritmické. \square

Mazání prvků

Z klasických operací zbývá `DELETE`. Ten provedeme netradičně: nalezneme zadaný vrchol a vysplayujeme ho do kořene. Pak ho odebereme, čímž se strom rozpadne na levý a pravý podstrom. Nyní nalezneme maximum levého podstromu a opět ho vysplayujeme. Tím jsme levý strom dostali do stavu, kdy jeho maximum leží v kořeni a nemá pravého syna. Jako pravého syna mu tedy můžeme připojit kořen pravého podstromu, čímž podstromy opět spojíme.

Amortizovaná analýza se provede podobně, jen musíme pracovat s více stromy najednou. To je snadné: potenciály stromů sečteme do jednoho celkového potenciálu.

Hledání mazaného prvku a minima v podstromu naúčtuje následujícímu splayování. Odebrání kořene potenciál sníží o rank kořene, ostatní vrcholy přispívají stále stejně. Nakonec spojíme dva stromy do jednoho, čímž vzroste pouze rank nového kořene, nejvýše $O(\log n)$.



Obrázek 9.7: Postup mazání ze splay-stromu

Dokázali jsme tedy, že amortizovaná časová složitost operací `FIND`, `INSERT` a `DELETE` ve splay stromu je $\mathcal{O}(\log n)$. Algoritmus mazání navíc můžeme rozdělit na operace `SPLIT` (rozdelení stromu okolo daného prvku na dva) a `JOIN` (slepení dvou stromů, kde všechny prvky jednoho jsou menší než všechny prvky druhého, do jednoho stromu), obě rovněž amortizovaně logaritmické.

Zmíníme ještě jednu pozoruhodnou vlastnost splay stromů: často používané prvky mají tendenci hromadit se blízko kořene, takže přístup k nim je rychlejší než k prvkům, na které saháme zřídka. Blíže o tom ve cvičení 5.

Cvičení

1. *Naivní splayování:* Ukažte, že kdybychom splayovali pouze jednoduchými rotacemi, tedy kroky typu L a P, amortizovaná složitost operace SPLAY by byla lineární. Dobře je to vidět na stromech ve tvaru cesty.
2. *Splayování shora dolů:* Nevýhodou splay stromů je, že se po nalezení prvku musíme po stejné cestě ještě vrátit zpět, abychom prvek vysplayovali. Ukažte, jak splayovat už během hledání prvku, tedy shora dolů.
- 3.* *Sekvenční průchod:* Dokažte, že pokud budeme postupně splayovat vrcholy stromu od nejmenšího po největší, potrvá to celkem $\mathcal{O}(n)$.
- 4.* *Vážená analýza:* Vrcholům splay stromu přiřadíme *váhy*, což budou nějaká kladná reálná čísla. Algoritmus samotný o vahách nic neví, ale použijeme je při analýze. Mohutnost vrcholu předefinujeme na součet vah všech vrcholů v podstromu. Rank a potenciál ponecháme definovaný stejně. Dokažte, že věta o složitosti splayování stále platí. Operace FIND a DELETE se budou chovat podobně. Suma v rozboru INSERTU ovšem přestane být teleskopická, takže vkládání implementujte také pomocí rozdělování a spojování stromů. Pozor na to, že ranky už nemusí být logaritmické, takže složitosti budou záviset na vahách. A také pozor, že pro váhy v intervalu $(0, 1)$ mohou ranky vycházet záporné, takže i potenciál může být záporný.
- 5.* *Náhodné přístupy:* Uvažujme splay strom, který si pamatuje prvky x_1, \dots, x_n a přicházejí na ně dotazy náhodně s pravděpodobnostmi p_1, \dots, p_n , přičemž $\sum_i p_i = 1$. Využijte výsledku předchozího cvičení a dokažte, že amortizovaná složitost přístupu k x_i je $\mathcal{O}(\log(1/p_i))$.
- 6.** *Statická optimalita:* Srovnáme splay strom s nějakým jiným stromem T na téže množině n klíčů (třeba s optimálním vyhledávacím stromem z oddílu 12.4). Pro libovolnou posloupnost hledaných prvků x_1, \dots, x_m počítáme navštívené vrcholy: splay strom jich navštíví v_S , druhý strom v_T . Dokažte, že $v_S \in \mathcal{O}(n + v_T)$. Splay strom je tedy až na konstantu nejlepší možný mezi statickými vyhledávacími stromy. Nápoveda: Využijte cvičení 4 a nastavte váhu klíče x na $3^{-h(x)}$, kde $h(x)$ je hloubka klíče x ve stromu T .
7. Lemma o průměru logaritmů jde také dokázat z nerovnosti mezi aritmetickým a geometrickým průměrem: $\sqrt{xy} \leq (x + y)/2$ pro $x, y > 0$. Zkuste to. [N24]
8. Ukažte, jak operace s pořadím z cvičení 8.5.1, reprezentaci posloupností z cvičení 8.5.6 a intervalové operace z cvičení 8.5.7 a 8.5.8 vyřešit pomocí splay stromů. Povšimněte si, že je to mnohem jednodušší než pomocí vyvažovaných stromů.

— 9.5* Amortizace – Splay stromy

10 Rozděl a panuj

10 Rozděl a panuj

Potkáme-li spletitý problém, často pomáhá rozdělit ho na jednodušší části a s těmi se pak vypořádat postupně. Jak říkali staří Římané: *rozděl a panuj*.⁽¹⁾ Tato zásada se pak osvědčila nejen ve starořímské politice, ale také o dvě tisíciletí později při návrhu algoritmů.

Nás v této kapitole bude přirozeně zajímat zejména algoritmická stránka věci. Naším cílem bude rozkládat zadaný problém na menší podproblémy a z jejich výsledků pak skládat řešení celého problému. S jednotlivými podproblémy potom naložíme stejně – opět je rozložíme na ještě menší a tak budeme pokračovat, než se dostaneme k tak jednoduchým vstupům, že je už umíme vyřešit přímo.

Myšlenka je to trochu bláznivá, ale často vede k překvapivě jednoduchému, rychlému a obvykle rekurzivnímu algoritmu. Postupně ji použijeme na třídění posloupností, násobení čísel i matic a hledání k -tého nejmenšího ze zadaných prvků.

Nejprve si tuto techniku ovšem vyzkoušíme na jednoduchém hlavolamu známém pod názvem Hanojské věže.

10.1 Hanojské věže

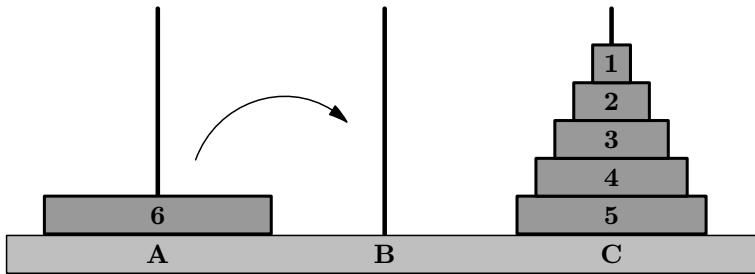
Legenda vypráví, že v daleké Hanoji stojí starobylý klášter. V jeho sklepení se skrývá rozlehlá jeskyně, v níž stojí tři sloupy. Na nich je navlečeno celkem 64 zlatých disků různých velikostí. Za úsvitu věků byly všechny disky srovnané podle velikosti na prvním sloupu: největší disk dole, nejmenší nahoře. Od té doby mniši každý den za hlaholu zvonů obřadně přenesou nejvyšší disk z některého sloupu na jiný sloup. Tradice jim přitom zakazuje položit větší disk na menší a také zopakovat již jednou použité rozmístění disků. Říká se, že až se všechny disky opět sejdou na jednom sloupu, nastane konec světa.

Nabízí se samozřejmě otázka, za jak dlouho se mnichům může podařit splnit svůj úkol a celou „věž“ z disků přenést. Zamysleme se nad tím rovnou pro obecný počet disků a očíslujme si je podle velikosti od 1 (nejmenší disk) do n (největší). Také si označme sloupy: na sloupu A budou disky na počátku, na sloup B je chceme přemístit a sloup C můžeme používat jako pomocný.

Ať už zvolíme jakýkoliv postup, někdy musíme přemístit největší disk na sloup B . V tomto okamžiku musí být na jiném sloupu samotný největší disk a všechny ostatní disky na zbývajícím sloupu (viz obrázek). Nabízí se tedy nejprve přemístit disky $1, \dots, n-1$ z A na C , pak přesunout disk n z A na B a konečně přestěhovat disky $1, \dots, n-1$ z C na B . Tím jsme tedy problém přesunu věže výšky n převedli na dva problémy s věží výšky $n-1$.

⁽¹⁾ Oni to říkali spíš latinsky: *divide et impera*.

— 10.1 Rozděl a panuj – Hanojské věže



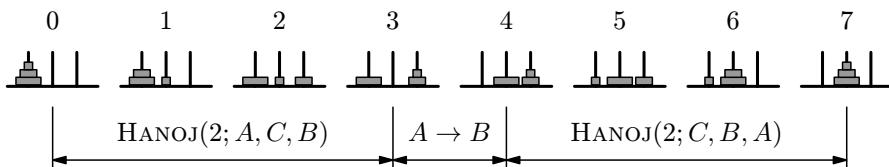
Obrázek 10.1: Stav hry při přenášení největšího disku ($n = 6$)

Ty ovšem můžeme vyřešit stejně, rekurzivním zavoláním téhož algoritmu. Zastavíme se až u věže výšky 1, kterou zvládneme přemístit jedním tahem. Algoritmus bude vypadat takto:

Algoritmus HANOJ

Vstup: Výška věže n ; sloupy A (zdrojový), B (cílový), C (pomocný)

1. Pokud je $n = 1$, přesuneme disk 1 z A na B .
2. Jinak:
3. Zavoláme $\text{HANOJ}(n - 1; A, C, B)$.
4. Přesuneme disk n z A na B .
5. Zavoláme $\text{HANOJ}(n - 1; C, B, A)$.



Obrázek 10.2: Průběh algoritmu HANOJ pro $n = 3$

Ujistěme se, že náš algoritmus při přenášení věží neporuší pravidla. Když v kroku 3 přesouváme disk z A na B , o všech menších discích víme, že jsou na věži C , takže na ně určitě nic nepoložíme. Taktéž nikdy nepoužijeme žádnou konfiguraci dvakrát. K tomu si stačí uvědomit, že se konfigurace navštívené během obou rekurzivních volání liší polohou n -tého disku.

Spočítejme, kolik tahů náš algoritmus spotřebuje. Pokud si označíme $T(n)$ počet tahů použitý pro věž výšky n , bude platit:

$$\begin{aligned}T(1) &= 1, \\T(n) &= 2 \cdot T(n-1) + 1.\end{aligned}$$

Z tohoto vztahu okamžitě zjistíme, že $T(2) = 3$, $T(3) = 7$ a $T(4) = 15$. Nabízí se, že by mohlo platit $T(n) = 2^n - 1$. To snadno ověříme indukcí: Pro $n = 1$ je tvrzení pravdivé. Pokud platí pro $N - 1$, dostaneme:

$$T(n) = 2 \cdot (2^{n-1} - 1) + 1 = 2 \cdot 2^{n-1} - 2 + 1 = 2^n - 1.$$

Časová složitost algoritmu je tedy exponenciální. Ve cvičení 1 ale snadno ukážeme, že exponenciální počet tahů je nejlepší možný. Pro $n = 64$ proto mniší budou pracovat minimálně $2^{64} \approx 1.84 \cdot 10^{19}$ dní, takže konce světa se alespoň po nejbližších pár biliard let nemusíme obávat.

Cvičení

1. Dokažte, že algoritmus HANOJ je nejlepší možný, čili že $2^n - 1$ tahů je opravdu potřeba. [N18]
2. Přidejme k regulím hanojských mnichů ještě jedno pravidlo: je zakázáno přenášet disky přímo ze sloupku A na B nebo opačně (každý přesun se tedy musí uskutečnit přes sloup C). I nyní je problém řešitelný. Jak a s jakou časovou složitostí? [N16]
3. Dokažte, že algoritmus z předchozího cvičení navštíví každé korektní rozmístění disků na sloupy (tj. takové, v němž nikde neleží větší disk na menším) právě jednou. [N11]
4. Vymyslete algoritmus, který pro zadané rozmístění disků na sloupy co nejrychleji přemístí všechny disky na libovolný jeden sloup.
- 5.* Navrhnete takové řešení Hanojských věží, které místo rekurze bude umět z pořadového čísla tahu rovnou určit, který disk přesunout a kam. [N15]

10.2 Třídění sléváním – Mergesort

Zopakujme si, jakým způsobem jsme vyřešili úlohu z minulé kapitoly. Nejprve jsme ji rozložili na dvě úlohy menší (věže výšky $n-1$), ty jsme vyřešili rekurzivně, a pak jsme z jejich výsledků přidáním jednoho tahu utvořili výsledek úlohy původní. Podívejme se nyní, jak se podobný přístup osvědčí na problému třídění posloupnosti. Ukážeme rekurzivní verzi *třídění sléváním* – algoritmu Mergesort z oddílu 3.2.

Dostaneme-li posloupnost n prvků, jistě ji můžeme rozdělit na dvě části poloviční délky (řekněme prvních $\lfloor n/2 \rfloor$ a zbývajících $\lceil n/2 \rceil$ prvků). Ty setřídíme rekurzivním zavoláním téhož algoritmu. Setříděné poloviny posléze *slijeme* dohromady do jedné setříděné posloupnosti a máme výsledek. Když ještě ošetříme triviální případ $n = 1$, aby se nám rekurse zastavila (na to není radno zapomínat), dostaneme následující algoritmus.

Algoritmus MERGESORT (rekurzivní třídění sléváním)

Vstup: Posloupnost a_1, \dots, a_n k setřídění

1. Pokud $n = 1$, vrátíme jako výsledek $b_1 = a_1$ a skončíme.
2. $x_1, \dots, x_{\lfloor n/2 \rfloor} \leftarrow \text{MERGESORT}(a_1, \dots, a_{\lfloor n/2 \rfloor})$
3. $y_1, \dots, y_{\lceil n/2 \rceil} \leftarrow \text{MERGESORT}(a_{\lfloor n/2 \rfloor + 1}, \dots, a_n)$
4. $b_1, \dots, b_n \leftarrow \text{MERGE}(x_1, \dots, x_{\lfloor n/2 \rfloor}; y_1, \dots, y_{\lceil n/2 \rceil})$

Výstup: Setříděná posloupnost b_1, \dots, b_n

Procedura MERGE má na vstupu dva vzestupně setříděné sousedící úseky prvků v poli a provádí samotné jejich slévání do jediného setříděného úseku. Byla popsána v oddílu 3.2 a připomeneme jen, že má lineární časovou složitost vzhledem k délce slévaných úseků a vyžaduje lineárně velkou pomocnou paměť ve formě pomocného pole.

Rozbor složitosti

Spočítejme, kolik času tříděním strávíme. Slévání ve funkci MERGE má lineární časovou složitost. Složitost samotného třídění můžeme popsat takto:

$$\begin{aligned}T(1) &= 1, \\T(n) &= 2 \cdot T(n/2) + cn.\end{aligned}$$

První rovnost nám popisuje, co se stane, když už v posloupnosti zbývá jedený prvek. Dobu trvání této operace jsme si přitom zvolili za jednotku času. Druhá rovnost pak odpovídá „zajímavé“ části algoritmu. Čas cn potřebujeme na rozdelení posloupnosti a slití setříděných kusů. Mimo to voláme dvakrát sebe sama na vstup velikosti $n/2$, což pokaždé trvá $T(n/2)$. (Zde se dopouštíme malého podvýdku a předpokládáme, že n je mocnina dvojkdy, takže se nemusíme starat o zaokrouhlování. V oddílu 10.4 uvidíme, že to opravdu neuškodí.)

Jak tuto rekurentní rovnici vyřešíme? Zkusme v druhém vztahu za $T(n/2)$ dosadit podle téže rovnice:

$$\begin{aligned}T(n) &= 2 \cdot (2 \cdot T(n/4) + cn/2) + cn = \\&= 4 \cdot T(n/4) + 2cn.\end{aligned}$$

To můžeme dále rozepsat na:

$$T(n) = 4 \cdot (2 \cdot T(n/8) + cn/4) + 2cn = 8 \cdot T(n/8) + 3cn.$$

Vida, pravá strana se chová poměrně pravidelně. Můžeme obecně popsat, že po k rozeplácích dostaneme:

$$T(n) = 2^k \cdot T(n/2^k) + kc n.$$

Nyní zvolme k tak, aby $n/2^k$ bylo rovno jedné, čili $k = \log_2 n$. Dostaneme:

$$\begin{aligned} T(n) &= 2^{\log_2 n} \cdot T(1) + \log_2 n \cdot cn = \\ &= n + cn \log_2 n. \end{aligned}$$

Časová složitost Mergesortu je tedy $\Theta(n \log n)$, stejně jako u nerekurzivní verze. Jaké má paměťové nároky? Nerekurzivní Mergesort vyžadoval lineárně velké pomocné pole na slévání. Pojdme dokázat, že nám lineární množství *pomocné paměti* (to je paměť, do které nepočítáme velikost vstupu a výstupu) také úplně stačí.

Zavoláme-li funkci MERGESORT na vstup velikosti n , potřebujeme si pamatovat lokální proměnné této funkce (poloviny vstupu a jejich setříděné verze – dohromady $\Theta(n)$ paměti) a pak také, kam se z funkce máme vrátit (na to potřebujeme konstantní množství paměti). Mimo to nějakou paměť spotřebují obě rekurzivní volání, ale jelikož vždy běží nejvýše jedno z nich, stačí ji započítat jen jednou. Opět dostaneme jednoduchou rekurentní rovnici:

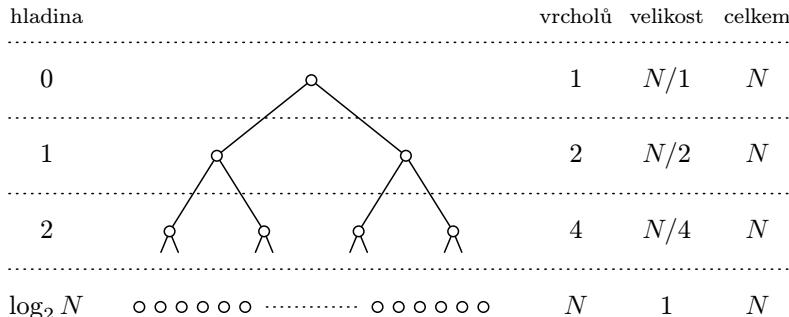
$$\begin{aligned} M(1) &= 1, \\ M(n) &= dn + M(n/2) \end{aligned}$$

pro nějakou kladnou konstantu d . To nám pro $M(n)$ dává geometrickou řadu $dn + dn/2 + dn/4 + \dots$, která má součet $\Theta(n)$. Prostorová složitost je tedy opravdu lineární.

Stromy rekurze

Někdy je jednodušší místo počítání s rekurencemi odhadnout složitost úvahou o *stromu rekurzivních volání*. Nakreslíme strom, jehož vrcholy budou odpovídat jednotlivým podúlohám, které řešíme. Kořen je původní úloha velikosti n , jeho dva synové podúlohy velikosti $n/2$. Pak následují 4 podúlohy velikosti $n/4$, a tak dále až k listům, což jsou podúlohy o jednom prvku. Obecně i -tá hladina bude mít 2^i vrcholů pro podúlohy velikosti $n/2^i$, takže hladina bude celkem $\log_2 n$.

Rozmysleme si nyní, kolik času kde trávíme. Rozdělování i slévání jsou lineární, takže jeden vrchol na i -té hladině spotřebuje čas $\Theta(n/2^i)$. Celá i -tá hladina přispěje časem



Obrázek 10.3: Strom rekurze algoritmu MERGESORT

$2^i \cdot \Theta(n/2^i) = \Theta(n)$. Když tento čas sečteme přes všechny hladiny, dostaneme celkovou časovou složitost $\Theta(n \log n)$.

Všimněte si, že tento „stromový důkaz“ docela věrně odpovídá tomu, jak jsme předtím rozepsovali rekurenci. Situace po k -tému rozepsání totiž popisuje řez stromem rekurze na k -té hladině. Vyšší hladiny jsme již sečetli, nižší nás teprve čekají.

I prostorové nároky algoritmu můžeme vyčíst ze stromu. V každém vrcholu potřebujeme paměť lineární s velikostí podílohy, ve vrcholu na i -té hladině tedy $\Theta(n/2^i)$. V paměti je vždy vrchol, který právě zpracováváme, a všichni jeho předci. Maximálně tedy nějaká cesta z kořene do listu. Sečteme-li prostor zabraný vrcholy na takové cestě, dostaneme $\Theta(n) + \Theta(n/2) + \Theta(n/4) + \dots + \Theta(1) = \Theta(n)$.

Cvičení

1. Naprogramujte třídění seznamu pomocí Mergesortu. Jde to snáze rekurzivně, nebo cyklem?
2. Popište třídicí algoritmus, který bude vstup rozkládat na více než dvě části a ty pak rekurzivně třídit. Může být rychlejší než náš Mergesort?

10.3 Násobení čísel - Karacubův algoritmus

Při třídění metodou Rozděl a panuj jsme získali algoritmus, který byl sice elegantnější než předchozí třídicí algoritmy, ale měl stejnou časovou složitost. Pojďme se nyní podívat na příklad, kdy nám tato metoda pomůže k efektivnějšímu algoritmu. Půjde o násobení dlouhých čísel.

Mějme n -ciferná čísla X a Y , která chceme vynásobit. Rozdělíme je na horních $n/2$ a dolních $n/2$ cifer (pro jednoduchost opět předpokládejme, že n je mocnina dvojkdy). Platí tedy:

$$X = A \cdot 10^{n/2} + B,$$

$$Y = C \cdot 10^{n/2} + D$$

pro nějaká $(n/2)$ -ciferná čísla A, B, C, D . Hledaný součin XY můžeme zapsat takto:

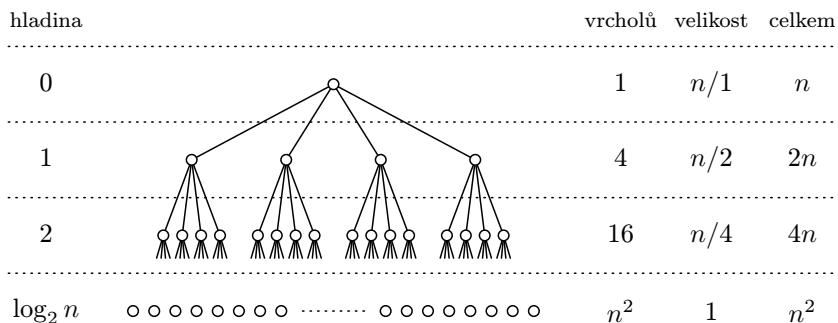
$$XY = AC \cdot 10^n + (AD + BC) \cdot 10^{n/2} + BD.$$

Nabízí se spočítat rekurzivně součiny AC , AD , BC a BD a pak z nich složit výsledek. Skládání obnáší několik $2n$ -ciferných sčítání a několik násobení mocninou desítky, to druhé ovšem není nic jiného, než doplňování nul na konec čísla. Řešíme tedy čtyři podproblémy poloviční velikosti a k tomu spotřebujeme lineární čas. Pro časovou složitost proto platí:

$$T(1) = 1,$$

$$T(n) = 4 \cdot T(n/2) + \Theta(n).$$

Podobně jako minule, i zde k vyřešení rovnice stačí rozmyslet si, jak vypadá strom rekurzivních volání. Na jeho i -té hladině se nachází 4^i vrcholů s podproblémy o $n/2^i$ cifrach. V každém vrcholu tedy trávíme čas $\Theta(n/2^i)$ a na celé hladině $4^i \cdot \Theta(n/2^i) = \Theta(2^i \cdot n)$. Je-likož hladin je opět $\log_2 n$, strávíme jenom na poslední hladině čas $\Theta(2^{\log_2 n} \cdot n) = \Theta(n^2)$. Oproti běžnému „školnímu“ násobení jsme si tedy vůbec nepomohli.



Obrázek 10.4: První pokus o násobení rekurzí

— 10.3 Rozděl a panuj – Násobení čísel – Karacubův algoritmus

Po počátečním neúspěchu se svého plánu nevzdáme, nýbrž nahlédneme, že ze zmíněných čtyř násobení poloviční velikosti můžeme jedno ušetřit. Když vynásobíme $(A+B) \cdot (C+D)$, dostaneme $AC + AD + BC + BD$. To se od závorky $(AD + BC)$, kterou potřebujeme, liší jen o $AC + BD$. Tyto dva členy nicméně známe, takže je můžeme odečíst. Získáme následující formulku pro XY :

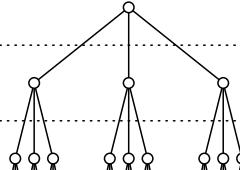
$$XY = AC \cdot 10^n + ((A+B)(C+D) - AC - BD) \cdot 10^{n/2} + BD.$$

Časová složitost se touto úpravou změní následovně:

$$T(n) = 3 \cdot T(n/2) + \Theta(n).$$

Sledujme, jak se změnil strom: na i -té hladině nalezneme 3^i vrcholů s $(n/2^i)$ -cifernými problémy a jeho hloubka bude nadále činit $\log_2 n$. Na i -té hladině nyní dohromady trávíme čas $\Theta(n \cdot (3/2)^i)$, v součtu přes všechny hladiny dostaneme:

$$T(n) = \Theta(n \cdot [(3/2)^0 + (3/2)^1 + \dots + (3/2)^{\log_2 n}]).$$

hladina		vrcholů	velikost	celkem
0		1	$n/1$	n
1		3	$n/2$	$3/2 \cdot n$
2		9	$n/4$	$9/4 \cdot n$
$\log_2 n$	$\circ \circ \circ \circ \circ \circ \dots \circ \circ \circ \circ \circ$	$n^{\log_2 3}$	1	$n^{\log_2 3}$

Obrázek 10.5: Strom rekurze algoritmu NÁSOB

Výraz v hranatých závorkách je geometrická řada s kvocientem $3/2$. Tu můžeme sečít obvyklým způsobem na

$$\frac{(3/2)^{1+\log_2 n} - 1}{3/2 - 1}.$$

Když zanedbáme konstanty, obdržíme $(3/2)^{\log_2 n}$. To dále upravíme na

$$(2^{\log_2(3/2)})^{\log_2 n} = 2^{\log_2(3/2) \cdot \log_2 n} = (2^{\log_2 n})^{\log_2(3/2)} = n^{\log_2(3/2)} = n^{\log_2 3 - 1}.$$

Časová složitost našeho algoritmu tedy činí $\Theta(n \cdot n^{\log_2 3 - 1}) = \Theta(n^{\log_2 3}) \approx \Theta(n^{1.59})$. To je již podstatně lepší než obvyklý kvadratický algoritmus. Paměti nám bude stačit lineárně mnoho (viz cvičení 3).

Algoritmus NÁSOB (násobení čísel – Karacubův algoritmus)

Vstup: n -ciferná čísla X a Y

1. Pokud $n \leq 1$, vrátíme $Z = XY$ a skončíme.
2. $k = \lfloor n/2 \rfloor$
3. $A \leftarrow \lfloor X/10^k \rfloor$, $B \leftarrow X \bmod 10^k$
4. $C \leftarrow \lfloor Y/10^k \rfloor$, $D \leftarrow Y \bmod 10^k$
5. $P \leftarrow \text{NÁSOB}(A, C)$
6. $Q \leftarrow \text{NÁSOB}(B, D)$
7. $R \leftarrow \text{NÁSOB}(A + B, C + D)$
8. $Z \leftarrow P \cdot 10^{2k} + (R - P - Q) \cdot 10^k + Q$

Výstup: Součin $Z = XY$

Dodejme ještě, že tento princip není žádná novinka: objevil ho už v roce 1960 Anatolij Alexejevič Karacuba. Dnes jsou však známé i rychlejší metody. Ty jednodušší z nich využívají podobný princip rozkladu na podproblémy, ovšem s více částmi (cvičení 5–6). Pokročilejší algoritmy jsou pak často založeny na Fourierově transformaci, s níž se potkáme v kapitole 17. Arnold Schönhage v roce 1979 ukázal, že obdobným způsobem lze dokonce dosáhnout lineární časové složitosti. Násobení je tedy, alespoň teoreticky, stejně těžké jako sčítání a odčítání. Ve cvičeních 7–9 navíc odvodíme, že dělit lze stejně rychle jako násobit.

Cvičení

1. Pozornému čtenáři jistě neuniklo, že se v našem rozboru časové složitosti skrývá drobná chybička: čísla $A + B$ a $C + D$ mohou mít více než $n/2$ cifer, konkrétně $\lceil n/2 \rceil + 1$. Ukažte, že to časovou složitost algoritmu neovlivní.
2. Problému z předchozího cvičení se lze také vyhnout jednoduchou úpravou algoritmu. Místo $(A + B)(C + D)$ počítejte $(A - B)(C - D)$.
3. Dokažte, že funkce NÁSOB má lineární prostorovou složitost. (Podobnou úvahou jako u Mergesortu.)
4. Algoritmus NÁSOB je sice pro velká n rychlejší než školní násobení, ale pro malé vstupy se ho nevyplatí použít, protože režie na rekurzi a spojování mezivýsledků bude daleko větší než čas spotřebovaný kvadratickým algoritmem. Často proto pomůže „zkřížit“ chytrý rekurzivní algoritmus s nějakým primitivním. Pokud velikosti vstupu klesne pod vhodně zvolenou konstantu n_0 , rekurzi zastavíme a použijeme hrubou sílu.

Zkuste si takový hybridní algoritmus pro násobení naprogramovat a experimentálně zjistit nejvhodnější hodnotu hranice n_0 .

- 5.* Zrychlete algoritmus NÁSOB tím, že budete číslo dělit na tři části a rekurzivně počítat pět součinů. Nazveme-li části čísla X po řadě X_2, X_1, X_0 a analogicky pro Y , budeme počítat tyto součiny:

$$\begin{aligned} W_0 &= X_0 Y_0, \\ W_1 &= (X_2 + X_1 + X_0)(Y_2 + Y_1 + Y_0), \\ W_2 &= (X_2 - X_1 + X_0)(Y_2 - Y_1 + Y_0), \\ W_3 &= (4X_2 + 2X_1 + X_0)(4Y_2 + 2Y_1 + Y_0), \\ W_4 &= (4X_2 - 2X_1 + X_0)(4Y_2 - 2Y_1 + Y_0). \end{aligned}$$

Ukažte, že součin XY lze zapsat jako lineární kombinaci těchto mezinásobků. Jakou bude mít tento algoritmus časovou složitost? [N92]

- 6.** Pomocí nápovedy k předchozímu cvičení ukažte, jak pro libovolné $r \geq 1$ čísla dělit na $r+1$ částí a rekurzivně počítat $2r+1$ součinů. Co z toho plyne pro časovou složitost násobení? Může se hodit Kuchařková věta z následujícího oddílu.
- 7.* *Dělení:* Z rychlého násobení můžeme odvodit i efektivní algoritmus pro dělení. Hodí se k tomu Newtonova iterační metoda řešení rovnic, zvaná též metoda tečen. Vyzkoušíme si ji na výpočtu n cifer podílu $1/a$ pro $2^{n-1} \leq a < 2^n$. Uvažíme funkci $f(x) = 1/x - a$. Tato funkce nabývá nulové hodnoty pro $x = 1/a$ a její derivace je $f'(x) = -1/x^2$. Budeme vytvářet posloupnost approximací kořene této funkce. Za počáteční approximaci x_0 zvolíme 2^{-n} , hodnotu x_{i+1} získáme z x_i tak, že sestrojíme tečnu ke grafu funkce f v bodě $(x_i, f(x_i))$ a vezmeme si x -ovou souřadnici průsečíku této tečny s osou x . Pro tuto souřadnici platí $x_{i+1} = x_i - f(x_i)/f'(x_i) = 2x_i - ax_i^2$. Posloupnost x_0, x_1, x_2, \dots velmi rychle konverguje ke kořenu $x = 1/a$ a k jejímu výpočtu stačí pouze sčítání, odčítání a násobení čísel. Rozmyslete si, jak tímto způsobem dělit libovolné číslo libovolným.
- 8.** Dokažte, že newtonovské dělení z minulého cvičení nalezne podíl po $\mathcal{O}(\log n)$ iteracích. Pracuje tedy v čase $\mathcal{O}(M(n) \log n)$, kde $M(n)$ je čas potřebný na vynásobení dvou n -ciferných čísel.
- 9.** Logaritmu v předchozím odhadu se lze zbavit, pokud funkce $M(n)$ roste alespoň lineárně, čili platí $M(cn) \in \mathcal{O}(cM(n))$ pro každé $c \geq 1$. Stačí pak v k -té iteraci algoritmu počítat pouze s $2^{\Theta(k)}$ -cifernými čísly, čímž složitost klesne na $\mathcal{O}(M(n) + M(n/2) + M(n/4) + \dots) = \mathcal{O}(M(n) \cdot (1 + 1/2 + 1/4 + \dots)) = \mathcal{O}(M(n))$. Dělení je tedy stejně těžké jako násobení.

10. *Převod mezi soustavami:* Máme n -ciferné číslo v soustavě o základu z a chceme ho převést do soustavy o jiném základu. Ukažte, jak to metodou Rozděl a panuj zvládnout v čase $\mathcal{O}(M(n))$, kde $M(n)$ je čas potřebný na násobení n -ciferných čísel v soustavě o novém základu. [N10]

10.4 Kuchařková věta o složitosti rekurzivních algoritmů

U předchozích algoritmů založených na principu Rozděl a panuj jsme pozorovali několik různých časových složitostí: $\Theta(2^n)$ u Hanojských věží, $\Theta(n \log n)$ u Mergesortu a $\Theta(n^{1.59})$ u násobení čísel. Hned se nabízí otázka, jestli v těchto složitostech lze nalézt nějaký řád. Pojďme to zkuskit: Uvažme rekurzivní algoritmus, který vstup rozloží na a podproblémů velikosti n/b a z jejich výsledků složí celkovou odpověď v čase $\Theta(n^c)$.⁽²⁾ Dovolíme-li si zaměst zase pod rohožku případné zaokrouhllování předpokladem, že n je mocninou čísla b , bude příslušná rekurence vypadat takto:

$$\begin{aligned} T(1) &= 1, \\ T(n) &= a \cdot T(n/b) + \Theta(n^c). \end{aligned}$$

Použijeme osvědčenou metodu založenou na stromu rekurze. Jak tento strom vypadá? Každý vnitřní vrchol stromu má přesně a synů, takže na i -té hladině se nachází a^i vrcholů. Velikost problému se zmenšuje b -krát, proto na i -té hladině leží podproblémy velikosti n/b^i . Po $\log_b n$ hladinách se tudíž rekurze zastaví.

Nyní počítejme, kolik času kde strávíme. V jednom vrcholu i -té hladiny je to $\Theta((n/b^i)^c)$, na celé hladině pak $\Theta(a^i \cdot (n/b^i)^c)$. Tento výraz snadno upravíme na $\Theta(n^c \cdot (a/b^c)^i)$, což v součtu přes všechny hladiny dá:

$$\Theta(n^c \cdot [(a/b^c)^0 + (a/b^c)^1 + \dots + (a/b^c)^{\log_b n}]).$$

Výraz v hranatých závorkách je opět nějaká geometrická řada, tentokrát s kvocientem $q = a/b^c$. Její chování bude proto záviset na tom, jak velký je kvocient:

- $q = 1$: Všechny členy řady jsou rovny jedné, takže se řada seče na $\log_b n + 1$. Tomu odpovídá časová složitost $T(n) = \Theta(n^c \log n)$. Tak se chová například Mergesort – na všech hladinách stromu se vykonává stejně množství práce.
- $q < 1$: I kdyby řada byla nekonečná, bude mít součet nejvýše $1/(1 - q)$, a to je konstanta. Dostaneme tedy $T(n) = \Theta(n^c)$. To znamená, že podstatnou část času

⁽²⁾ Do tohoto schématu nám nezapadají Hanojské věže, ale ty jsou neobvyklé i tím, že jejich podproblémy jsou jen o jedničku menší než původní problém. Mimo to algoritmy s exponenciální složitostí jsou poněkud nepraktické.

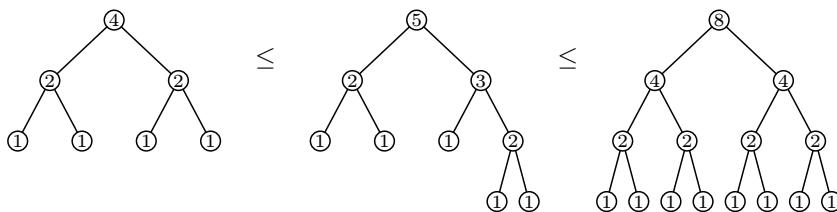
trávíme v kořeni stromu a zbytek je zanedbatelný. Algoritmus tohoto typu jsme ještě nepotkali.

- $q > 1$: Řadu sečteme na $(q^{1+\log_b n} - 1)/(q - 1) \in \Theta(q^{\log_b n})$, dominantní je tentokrát čas trávený v listech. To jsme už viděli u algoritmu na násobení čísel, zkusme tedy výraz upravit obdobně:

$$\begin{aligned} q^{\log_b n} &= \left(\frac{a}{b^c}\right)^{\log_b n} = \frac{a^{\log_b n}}{(b^c)^{\log_b n}} = \frac{b^{\log_b a \cdot \log_b n}}{b^{c \cdot \log_b n}} = \\ &= \frac{(b^{\log_b n})^{\log_b a}}{(b^{\log_b n})^c} = \frac{n^{\log_b a}}{n^c}. \end{aligned}$$

Vyjde nám $T(n) = \Theta(n^c \cdot q^{\log_b n}) = \Theta(n^{\log_b a})$.

Zbývá maličkost: vyměst zpod rohožky případ, kdy n není mocninou čísla b . Tehdy dělení na podproblémy nebude úplně rovnoměrné – některé budou mít velikost $\lfloor n/b \rfloor$, jiné $\lceil n/b \rceil$. S tím by se počítalo dost pracně, ale pomůžeme si následující úvahou. Nejprve si všimneme, že funkce $T(n)$ je neklesající – to je snadné dokázat indukcí. Označíme-li n^- nejbližší nižší mocninu b a n^+ nejbližší vyšší, musí tedy $T(n)$ ležet mezi $T(n^-)$ a $T(n^+)$. Jenže n^- a n^+ se liší jen b -krát, což se do $T(\dots)$ ve všech třech typech chování promítně pouze konstantou. Proto jsou $T(n^-)$ i $T(n^+)$ asymptoticky stejné a taková musí být i $T(n)$.⁽³⁾



Obrázek 10.6: Obecné n jsme sevřeli mezi n^- a n^+

Zjistili jsme tedy, že hledaná funkce $T(n)$ se vždy chová jedním ze tří popsaných způsobů. To můžeme shrnout do následující „kuchařkové“ věty, známé také pod anglickým názvem *Master theorem*.

⁽³⁾ To trochu připomíná „Větu o policajtech“ z matematické analýzy. Vlastně říkáme, že pokud $f(n) \leq g(n) \leq h(n)$ a existuje nějaká funkce $z(n)$ taková, že $f(n) \in \Theta(z(n))$ a $h(n) \in \Theta(z(n))$, pak také platí $g(n) \in \Theta(z(n))$.

Věta (kuchařka na řešení rekurencí): Rekurentní rovnice $T(n) = a \cdot T(n/b) + \Theta(n^c)$, $T(1) = 1$ má pro konstanty $a \geq 1, b > 1, c \geq 0$ řešení:

- $T(n) = \Theta(n^c \log n)$, pokud $a/b^c = 1$;
- $T(n) = \Theta(n^c)$, pokud $a/b^c < 1$;
- $T(n) = \Theta(n^{\log_b a})$, pokud $a/b^c > 1$.

Cvičení

1. Nalezněte nějaký algoritmus, který odpovídá druhému typu chování ($q < 1$).
- 2.* Vylepšete kuchařkovou větu, aby pokrývala i případy, v nichž se velikosti podproblémů liší až o nějakou konstantu. To by se hodilo například u násobení čísel. [N33]
- 3.** *Kuchařka pro různě hladové jedláky:* Jak by věta vypadala, kdybychom problém dělili na nestejně velké části? Tedy kdyby rekurence měla tvar $T(n) = T(\beta_1 n) + T(\beta_2 n) + \dots + T(\beta_a n) + \Theta(n^c)$. [N119]
4. Řešte „nekuchařkovou“ rekurenci $T(n) = 2T(n/2) + \Theta(n \log n)$, $T(1) = 1$.
5. Jiná „nekuchařková“ rekurence: $T(n) = n^{1/2} \cdot T(n^{1/2}) + \Theta(n)$, $T(1) = 1$.

10.5 Násobení matic – Strassenův algoritmus

Nejen násobením čísel živ jest matematik. Často je potřeba násobit i složitější matematické objekty, zejména pak čtvercové matici. Pokud počítáme součin dvou matic tvaru $n \times n$ přesně podle definice, potřebujeme $\Theta(n^3)$ kroků. Jak v roce 1969 ukázal Volker Strassen, i zde dělení na menší podproblémy přináší ovoce v podobě rychlejšího algoritmu.

Nejprve si rozmyslíme, že stačí umět násobit matici, jejichž velikost je mocnina dvojkdy. Jinak stačí matice doplnit vpravo a dole nulami a nahlédnout, že vynásobením takto orámovaných matic získáme stejným způsobem orámovaný součin původních matic. Navíc orámované matice obsahují nejvýše čtyřikrát tolik prvků, takže se nemusíme obávat, že bychom tím algoritmus podstatně zpomalili.

Mějme tedy matice X a Y , obě tvaru $n \times n$ pro $n = 2^k$. Rozdělíme je na čtvrtiny – *bloky* tvaru $n/2 \times n/2$. Bloky matice X označíme A až D , bloky matice Y nazveme P až S . Pomocí těchto bloků můžeme snadno zapsat jednotlivé bloky součinu $X \cdot Y$:

$$X \cdot Y = \begin{pmatrix} A & B \\ C & D \end{pmatrix} \cdot \begin{pmatrix} P & Q \\ R & S \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} AP + BR & AQ + BS \\ CP + DR & CQ + DS \end{pmatrix}.$$

Tento vztah vlastně vypadá úplně stejně jako klasická definice násobení matic, jen zde jednotlivá písmena nezastupují čísla, nýbrž bloky.

Jedno násobení matic $n \times n$ jsme tedy převedli na 8 násobení matic poloviční velikosti a režii $\Theta(n^2)$. Letmým nahlédnutím do kuchařkové věty z minulé kapitoly zjistíme, že vznikne opět kubický algoritmus. (Pozor, obvyklá terminologie je tu poněkud zavádějící – n zde neznačí velikost vstupu, nýbrž počet řádků matice; vstup je tedy velký n^2 .)

Stejně jako u násobení čísel nás zachrání, že dovedeme jedno násobení ušetřit. Jen příslušné formule jsou daleko komplikovanější a připomínají králíka vytaženého z klobouku. Neprozradíme vám, jak kouzelník pan Strassen svůj trik vymyslel (sami neznáme žádný systematický postup, jak na to přijít), ale když už vzorce známe, není těžké ověřit, že opravdu fungují (viz cvičení). Formulky vypadají takto:

$$X \cdot Y = \begin{pmatrix} T_1 + T_4 - T_5 + T_7 & T_3 + T_5 \\ T_2 + T_4 & T_1 - T_2 + T_3 + T_6 \end{pmatrix},$$

kde:

$$\begin{aligned} T_1 &= (A + D) \cdot (P + S) & T_5 &= (A + B) \cdot S \\ T_2 &= (C + D) \cdot P & T_6 &= (C - A) \cdot (P + Q) \\ T_3 &= A \cdot (Q - S) & T_7 &= (B - D) \cdot (R + S) \\ T_4 &= D \cdot (R - P) \end{aligned}$$

Stačí nám tedy provést 7 násobení menších matic a 18 maticových součtů a rozdílů. Součty a rozdíly umíme počítat v čase $\Theta(n^2)$, takže časovou složitost celého algoritmu bude popisovat rekurence $T(n) = 7T(n/2) + \Theta(n^2)$. Podle kuchařkové věty je jejím řešením $T(n) \in \Theta(n^{\log_2 7}) \approx \Theta(n^{2.807})$.

Pro úplnost dodejme, že jsou známy i efektivnější algoritmy, které jsou ovšem mnohem složitější a vyplatí se je používat až pro opravdu obří matice. Nejrychlejší z nich (Almanův a Vassilevské z roku 2020) dosahuje složitosti cca $\Theta(n^{2.373})$ a obecně se soudí, že k $\Theta(n^2)$ se lze libovolně přiblížit.

Cvičení

1. Dokažte Strassenovy vzorce. Návod:

$$T_1 = \begin{bmatrix} + & \cdot & + \\ \cdot & \cdot & \cdot \\ + & \cdot & + \end{bmatrix} \quad T_4 = \begin{bmatrix} \cdot & \cdot & \cdot \\ \cdot & \cdot & \cdot \\ - & + & + \end{bmatrix} \quad T_5 = \begin{bmatrix} \cdot & \cdot & + \\ \cdot & \cdot & + \\ \cdot & \cdot & \cdot \end{bmatrix} \quad T_7 = \begin{bmatrix} \cdot & \cdot & \cdot \\ \cdot & \cdot & + \\ \cdot & - & - \end{bmatrix}$$

$$T_1 + T_4 - T_5 + T_7 = \begin{bmatrix} + & \cdot & \cdot \\ \cdot & + & \cdot \\ \cdot & \cdot & \cdot \end{bmatrix} = AP + BR.$$

2. *Tranzitivní uzávěr* orientovaného grafu s vrcholy $\{1, \dots, n\}$ je nula-jedničková maticce T tvaru $n \times n$, kde $T_{uv} = 1$ právě tehdy, když v grafu existuje cesta z vrcholu u

do vrcholu v . Ukažte, že umíme-li násobit matice $n \times n$ v čase $\mathcal{O}(n^\omega)$, můžeme vy-počítat tranzitivní uzávěr v čase $\mathcal{O}(n^\omega \log n)$. Inspirujte se cvičením 5.3.4 z kapitoly o grafech.

10.6 Hledání k-tého nejmenšího prvku – Quickselect

Při použití metody Rozděl a panuj se někdy ukáže, že některé z částí, na které jsme vstup rozdělili, nemusíme vůbec zpracovávat. Typickým příkladem je následující algoritmus na hledání k -tého nejmenšího prvku posloupnosti.

Dostaneme-li na vstupu nějakou posloupnost prvků, jeden z nich si vybereme a budeme mu říkat *pivot*. Zadané prvky poté „rozhrneme“ na tři části: *doleva* půjdou prvky menší než pivot, *doprava* prvky větší než pivot a *uprostřed* zůstanou ty, které se pivotovi rovnají. Tyto části budeme značit po řadě L , P a S .

Kdybychom posloupnost setřídili, musí v ní vystupovat nejdříve všechny prvky z levé části, pak prvky z části střední a konečně ty z pravé. Pokud je tedy $k \leq |L|$, musí se hledaný prvek nalézat nalevo a musí tam být k -tý nejmenší (žádný prvek z jiné části ho nemohl předběhnout). Podobně je-li $|L| < k \leq |L| + |S|$, padne hledaný prvek v setříděné posloupnosti tam, kde leží S , a tedy je roven pivotovi. A konečně pro $k > |L| + |S|$ se musí nacházet v pravé části a musí tam být $(k - |L| - |S|)$ -tý nejmenší.

Ze tří částí vstupu jsme si tedy vybrali jednu a v ní opět hledáme několikátý nejmenší prvek, na což samozřejmě použijeme rekurzi. Vznikne následující algoritmus, obvykle známý pod názvem Quickselect:

Algoritmus QUICKSELECT (hledání k -tého nejmenšího prvku)

Vstup: Posloupnost prvků $X = x_1, \dots, x_n$ a číslo k ($1 \leq k \leq n$)

1. Pokud $n = 1$, vrátíme $y = x_1$ a skončíme.
2. $p \leftarrow$ některý z prvků x_1, \dots, x_n (pivot)
3. $L \leftarrow$ prvky v X , které jsou menší než p
4. $P \leftarrow$ prvky v X , které jsou větší než p
5. $S \leftarrow$ prvky v X , které jsou rovny p
6. Pokud $k \leq |L|$, pak $y \leftarrow \text{QUICKSELECT}(L, k)$.
7. Jinak je-li $k \leq |L| + |S|$, nastavíme $y \leftarrow p$.
8. Jinak $y \leftarrow \text{QUICKSELECT}(P, k - |L| - |S|)$.

Výstup: $y = k$ -tý nejmenší prvek v X

Správnost algoritmů je evidentní, ale jak to bude s časovou složitostí? Pokaždé strávíme lineární čas rozdělováním posloupnosti a pak se zavoláme rekurzivně na menší vstup. O kolik menší bude, to závisí zejména na volbě pivota. Jestliže si ho budeme vybírat nešikovně, například jako největší prvek vstupu, skončí $n - 1$ prvků nalevo. Pokud navíc bude $k = 1$, budeme se rekurzivně volat vždy na tuto obří levou část. Ta se pak opět zmenší pouze o jedničku a tak dále, takže celková časová složitost vyjde $\Theta(n) + \Theta(n - 1) + \dots + \Theta(1) = \Theta(n^2)$.

Obecněji pokud rozdělujeme vstup nerovnoměrně, hrozí nám, že nepřítel zvolí k tak, aby nás vždy vernal do té větší části. Ideální obranou by tedy pochopitelně bylo volit za pivota *medián* posloupnosti.⁽⁴⁾ Tehdy bude nalevo i napravo nejvýše $n/2$ prvků (alespoň jeden je uprostřed) a ať už si během rekurze vybereme levou nebo pravou část, n bude exponenciálně klesat. Algoritmus pak doběhne v čase $\Theta(n) + \Theta(n/2) + \Theta(n/4) + \dots + \Theta(1) = \Theta(n)$.

Medián ovšem není jediným pivotem, pro kterého algoritmus poběží lineárně. Zkusme za pivota zvolit „*skoromedián*“ – tak budeme říkat prvku, který leží v prostředních dvou čtvrtinách setříděné posloupnosti. Tehdy bude nalevo i napravo nejvýše $3/4 \cdot n$ prvků a velikost vstupu bude opět exponenciálně klesat, byť o chlup pomaleji: $\Theta(n) + \Theta(3/4 \cdot n) + \Theta((3/4)^2 \cdot n) + \dots + \Theta(1)$. To je opět geometrická řada se součtem $\Theta(n)$.

Ani medián, ani skoromedián bohužel neumíme rychle najít. Jakého pivota tedy v algoritmu používat? Ukazuje se, že na tom příliš nezáleží – můžeme zvolit třeba prvek $x_{\lfloor n/2 \rfloor}$ nebo si hodit kostkou (totiž pseudonáhodným generátorem) a vybrat ze všech x_i náhodně. Algoritmus pak bude mít průměrně lineární časovou složitost. Co to přesně znamená a jak to dokázat, odložíme do kapitoly 11. V praxi tento přístup každopádně funguje výtečně.

Prozatím se spokojíme s intuitivním vysvětlením: Alespoň polovina všech prvků jsou skoromediány, takže pokud se budeme trefovat náhodně (nebo pevně, ale vstup bude „dobře zamíchaný“), často se strefíme do skoromediánu a algoritmus bude „postupovat kupředu“ dostatečně rychle.

Cvičení

1. Proč navrhujeme volit za pivota prvek $x_{\lfloor n/2 \rfloor}$, a ne třeba x_1 nebo x_n ?
2. Student Štoura si místo skoromediánů za pivoty volí „*skoroskoromediány*“, které leží v prostředních šesti osminách vstupu. Jaké dosahuje časové složitosti?
3. Jak by dopadlo, kdybychom na vstupu dostali posloupnost reálných čísel a jako pivota používali aritmetický průměr?

⁽⁴⁾ *Medián* je prvek, pro který platí, že nejvýše polovina prvků je menší než on a nejvýše polovina větší; tuto vlastnost má $\lfloor (n+1)/2 \rfloor$ -tý a $\lceil (n+1)/2 \rceil$ -tý nejmenší prvek.

4. Uvědomte si, že binární vyhledávání je také algoritmus typu Rozděl a panuj, v němž velikost vstupu exponenciálně klesá. Spočítejte jeho časovou složitost metodami z této kapitoly. Čím se liší od Quickselectu?

10.7 Ještě jednou třídění – Quicksort

Rozdělování vstupu podle pivota, které se osvědčilo v minulé kapitole, můžeme použít i ke třídění dat. Připomeňme, že rozdělíme-li vstup na levou, pravou a střední část, budou v setříděné posloupnosti vystupovat nejdříve prvky z levé části, pak ty z prostřední a nakonec prvky z části pravé. Můžeme tedy rekurzivně setřídit levou a pravou část (prostřední je sama od sebe setříděná), pak části poskládat ve správném pořadí a získat setříděnou posloupnost. Tomuto třídicímu algoritmu se říká *Quicksort*.⁽⁵⁾

Algoritmus QUICKSORT

Vstup: Posloupnost prvků $X = x_1, \dots, x_n$ k setřídění

1. Pokud $n \leq 1$, vrátíme $Y = X$ a skončíme.
2. $p \leftarrow$ některý z prvků x_1, \dots, x_n (pivot)
3. $L \leftarrow$ prvky v X , které jsou menší než p
4. $P \leftarrow$ prvky v X , které jsou větší než p
5. $S \leftarrow$ prvky v X , které jsou rovny p
6. Rekurzivně setřídíme části:
 7. $L \leftarrow \text{QUICKSORT}(L)$
 8. $P \leftarrow \text{QUICKSORT}(P)$
9. Slepíme části za sebe: $Y \leftarrow L, S, P$.

Výstup: Setříděná posloupnost Y

Dobrou představu o rychlosti algoritmu nám jako obvykle dá strom rekurzivních volání. V kořeni máme celý vstup, na první hladině jeho levou a pravou část, na druhé hladině levé a pravé části těchto částí, a tak dále, až v listech triviální posloupnosti délky 1. Rekurzivní volání na vstup nulové délky do stromu kreslit nebudeme a rovnou je zabudujeme do jejich otců.

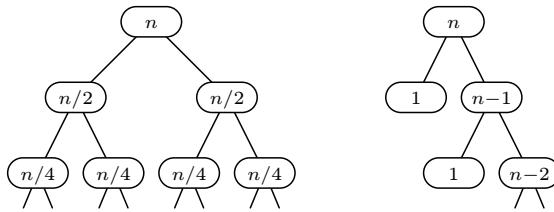
Jelikož rozkládání vstupu i skládání výsledku jistě pokaždé stihнемe v lineárním čase, trávíme v každém vrcholu čas přímo úměrný velikosti příslušného podproblému. Pro libovolnou hladinu navíc platí, že podproblémy, které na ní leží, mají dohromady nejvýše n

⁽⁵⁾ Za jménem se často skrývá příběh. Quicksort (což znamená „Rychlotřidič“) přišel ke svému jménu tak, že v roce 1961, kdy vznikl, byl prvním třídicím algoritmem se složitostí $\mathcal{O}(n \log n)$ aspoň v průměru. Dodejme ještě, že jeho objevitel Anthony Hoare byl později anglickou královnou povýšen na rytíře mimo jiné za zásluhy o informatiku.

prvků – vznikly totiž rozdelením vstupu na disjunktní části a ještě se nám při tom některé prvky (pivoty) poztrácely. Na jedné hladině proto trávíme čas $\mathcal{O}(n)$.

Tvar stromu a s ním i časová složitost samozřejmě opět stojí a padají s volbou pivota. Pokud za pivoty volíme mediány nebo alespoň skoromediány, klesají velikosti podproblémů exponenciálně (na i -té hladině $\mathcal{O}((3/4)^i \cdot n)$), takže strom je vyvážený a má hloubku $\mathcal{O}(\log n)$. V součtu přes všechny hladiny proto časová složitost činí $\mathcal{O}(n \log n)$.

Jestliže naopak volíme pivoty nešťastně jako (řekněme) největší prvky vstupu, oddělí se na každé hladině od vstupu jen úsek o jednom prvku a hladin bude $\Theta(n)$. To povede na kvadratickou časovou složitost. Horší případ již nenastane, neboť na každé hladině přijde alespoň o prvek, který se stal pivotem.



Obrázek 10.7: Quicksort při dobré a špatné volbě pivota

Podobně jako u Quickselectu, i zde je mnoho „dobrých“ pivotů, se kterými se algoritmus chová efektivně (alespoň polovina prvků jsou skoromediány). V praxi proto opět funguje spolehlí na náhodný generátor nebo dobře zamíchaný vstup. V kapitole 11.2 pak vypočteme, že Quicksort s náhodnou volbou pivota má časovou složitost $\mathcal{O}(n \log n)$ v průměru.

Quicksort v praxi

Závěrem si dovolme krátkou poznámku o praktických implementacích Quicksortu. Ačkoliv tento algoritmus mezi ostatními třídicími algoritmy na první pohled ničím nevyniká, u většiny překladačů se v roli standardní funkce pro třídění setkáte právě s ním. Důvodem této nezvyklé popularity není móda, nýbrž praktické zkušenosti. Dobře vyladěná implementace Quicksortu totiž na reálném počítači běží výrazně rychleji než jiné třídicí algoritmy.

Cesta od našeho poměrně obecně formulovaného algoritmu k takto propracovanému programu je samozřejmě složitá a vyžaduje mimo mistrného zvládnutí programátorského řemesla i detailní znalost konkrétního počítače. My si ukážeme alespoň první kroky této cesty.

Především Quicksort upravíme tak, aby prvky zbytečně nekopíroval. Vstup dostane jako ostatní třídící algoritmy v poli a pak bude pouze prohazovat prvky uvnitř tohoto pole. Rekurzivně tedy budeme třídit různé úseky společného pole. Kterým úsekem se máme právě zabývat, vymezíme snadno indexy krajních prvků. Levý okraj úseku (ten blíže k začátku pole) budeme značit ℓ , pravý pak r .

Rozdělování se zjednoduší, budeme-li vstup dělit jen na dvě části namísto tří – prvky rovné pivotovi mohou bez újmy na korektnosti přijít jak nalevo, tak napravo. Budeme postupovat následovně: Použijeme dva indexy i a j . První z nich bude procházet tříděným úsekem zleva doprava a přeskakovat prvky, které mají zůstat nalevo; druhý index půjde zprava doleva a bude přeskakovat prvky patřící do pravé části. Levý index se tudíž zastaví na prvním prvku, který je vlevo, ale patří doprava; podobně pravý index se zastaví na nejbližším prvku vpravo, který patří doleva. Stačí pak tyto dva prvky prohodit a pokračovat stejným způsobem dál, až se indexy setkají.



Obrázek 10.8: Quicksort s rozdělováním na místě

Nyní máme obě části uložené v souvislých úsecích pole, takže je můžeme rekurzivně setřídit. Navíc se tyto úseky vyskytují přesně tam, kde mají ležet v setříděné posloupnosti, takže „slepovací“ krok 9 původního Quicksortu můžeme zcela vynechat.

Algoritmus QUICKSORT2

Vstup: Pole $P[1 \dots n]$, indexy ℓ a r úseku, který třídíme

1. Pokud $\ell \geq r$, ihned skončíme.
2. $p \leftarrow$ některý z prvků $P[\ell], \dots, P[r]$ (pivot)
3. $i = \ell, j = r$
4. Dokud $i \leq j$, opakujeme:
 5. Dokud $P[i] < p$, zvyšujeme i o 1.
 6. Dokud $P[j] > p$, snižujeme j o 1.
 7. Je-li $i < j$, prohodíme $P[i]$ a $P[j]$.
 8. Je-li $i \leq j$, pak $i \leftarrow i + 1, j \leftarrow j - 1$.
9. Rekurzivně setřídíme části:
 10. $\text{QUICKSORT2}(P, \ell, j)$
 11. $\text{QUICKSORT2}(P, i, r)$

Výstup: Úsek $P[\ell \dots r]$ je setříděn

Popsanými úpravami jsme jistě nezhoršili časovou složitost: V krocích 2–8 zpracujeme každý prvek úseku nejvýše jednou, celkově tedy rozdělováním trávíme čas lineární s délkou úseku, s čímž naše analýza časové složitosti počítala. Naopak jsme se zbavili zbytečného kopírování prvků do pomocné paměti. Další možná vylepšení ponecháváme čtenáři jako cvičení s návodou.

Cvičení

1. Rozmyslete si, že procedura QUICKSORT2 je korektní. Zejména si uvědomte, co se stane, když si jako pivota vybereme nejmenší nebo největší prvek úseku nebo když dokonce budou všechny prvky v úseku stejné. Ani tehdy během kroků 4–8 nemohou indexy i, j opustit tříděný úsek a každá z částí, na které se rekurzivně zavoláme, bude ostře menší než původní vstup.
2. *Vlastní zásobník:* Abyste netrálili také času rekurzivním voláním a předáváním parametrů, nahradte rekurzi svým vlastním zásobníkem, na kterém si budete pamatovat začátky a konce úseků, které ještě zbývá setřídit.
3. *Šetříme paměť:* Vylepšete postup z minulého cvičení tak, že dvojici rekurzivních volání v krocích 7 a 8 nahradíte uložením *většího* úseku na zásobník a pokračováním tříděním *menšího* úseku. Dokažte, že po této úpravě může být v libovolný okamžik na zásobníku jen $\mathcal{O}(\log n)$ úseků. Tím množství potřebné pomocné paměti kleslo z lineárního na logaritmické. [N20]
4. *Včas se zastavíme:* Podobně jako při násobení čísel (cvičení 10.3.4) se u Quicksortu hodí zastavit rekurzi předčasně (pro n menší než vhodná konstanta n_0) a přepnout na některý z kvadratických třídicích algoritmů. Vyzkoušejte si pro svůj konkrétní program najít hodnotu n_0 , se kterou poběží nejrychleji.
5. *Medián ze tří:* Oblíbený trik na výběr pivota je spočítat medián z prvního, prostředního a posledního prvku úseku. Předpokládáme-li, že na vstupu dostaneme náhodnou permutaci čísel $1, \dots, n$, jaká je pravděpodobnost, že takový pivot bude skoromediánem? S jakou pravděpodobností bude minimem?

10.8 k-tý nejmenší prvek v lineárním čase

Algoritmus Quickselect pro hledání k -tého nejmenšího prvku, který jsme potkali v kapitole 10.6, pracuje v lineárním čase pouze průměrně. Nyní ukážeme, jak ho upravit, aby tuto časovou složitost měl i v nejhorším případě. Jediné, co změníme, bude volba pivota.

Prvky si nejprve seskupíme do pětic (není-li poslední pětice úplná, doplníme ji „neko-nečně velkými“ hodnotami). Poté nalezneme medián každé pětice a z těchto mediánů

rekurzivním zavoláním našeho algoritmu spočítáme opět medián. Ten pak použijeme jako pivotu k rozdelení vstupu na levou, střední a pravou část a pokračujeme jako v původním Quickselectu. Celý algoritmus bude vypadat takto:

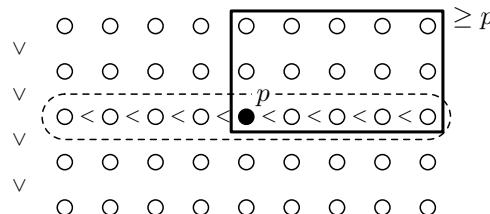
Algoritmus LINEARSELECT (k -tý nejmenší prvek v lineárním čase)

Vstup: Posloupnost prvků $X = x_1, \dots, x_n$ a číslo k ($1 \leq k \leq n$)

1. Pokud $n \leq 5$, úlohu vyřešíme triviálním algoritmem.
2. Prvky rozdělíme na pětice $P_1, \dots, P_{\lceil n/5 \rceil}$.
3. Spočítáme mediány pětic: $m_i \leftarrow$ medián P_i .
4. Najdeme pivota: $p \leftarrow \text{LINEARSELECT}(m_1, \dots, m_{\lceil n/5 \rceil}; \lceil n/10 \rceil)$.
5. $L, P, S \leftarrow$ prvky z X , které jsou menší než p , větší než p , rovny p .
6. Pokud $k \leq |L|$, pak $y \leftarrow \text{LINEARSELECT}(L, k)$.
7. Jinak je-li $k \leq |L| + |S|$, nastavíme $y \leftarrow p$.
8. Jinak $y \leftarrow \text{LINEARSELECT}(P, k - |L| - |S|)$.

Výstup: $y = k$ -tý nejmenší prvek v X

Abychom chování algoritmu pochopili, uvědomíme si nejdříve, že vybraný pivot není příliš daleko od mediánu celé posloupnosti X . K tomu nám pomůže obrázek.



Obrázek 10.9: Pětice a jejich mediány

Překreslíme do něj vstup a každou pětici uspořádáme zdola nahoru. Mediány pětic tedy budou ležet v prostředním řádku. Pětice ještě přeházíme tak, aby jejich mediány rostly zleva doprava. (Pozor, algoritmus nic takového nedělá, pouze my při jeho analýze!) Navíc budeme pro jednoduchost předpokládat, že pětic je lichý počet a že všechny prvky jsou navzájem různé.

Nás pivot (medián mediánů pětic) se tedy na obrázku nachází přesně uprostřed. Mediány všech pětic, které leží napravo od něj, jsou proto větší než pivot. Všechny prvky umístěné nad nimi jsou ještě větší, takže celý obdélník, jehož levým dolním rohem je pivot, padne v našem algoritmu do části P nebo S . Počítejme, kolik obsahuje prvků: Všech pětic je $n/5$, polovina z nich ($\lceil n/10 \rceil$ pětic) zasahuje do našeho obdélníku, a to třemi prvky. To

celkem dává alespoň $3/10 \cdot n$ prvků, o kterých s jistotou víme, že se neobjeví v L . Levá část proto měří nejvýše $7/10 \cdot n$.

Podobně nahlédneme, že napravo je také nejvýše $7/10 \cdot n$ prvků – stačí uvážit obdélník, který se rozprostírá od pivota doleva dolů. Všechny jeho prvky leží v L nebo S a opět jich je minimálně $3/10 \cdot n$.

Tato úvaha nám pomůže v odhadu časové složitosti:

- Rozdělovaní na pětice a počítání jejich mediánů je lineární – pětice jsou konstantně velké, takže medián jedné spočítáme sebehloupějším algoritmem za konstantní čas.
- Dělení posloupnosti na části L , P a S a rozhodování, do které z částí se vydat, trvá také $\Theta(n)$.
- Poprvé zavoláme LINEARSELECT rekurzivně ve 4. kroku na $n/5$ prvků.
- Podruhé ho zavoláme v kroku 6 nebo 8, a to na levou nebo pravou část vstupu. Jak už víme, každá z nich měří nejvýše $7/10 \cdot n$.

Pro časovou složitost v nejhorším případě proto dostaneme následující rekurentní rovnici:

$$\begin{aligned} T(1) &= 1, \\ T(n) &= T(n/5) + T(7/10 \cdot n) + \Theta(n). \end{aligned}$$

Kuchařková věta je na tuto rekurenci krátká (pokud nepoužijeme obecnější verzi z cvičení 10.4.3). Budeme tedy přímo uvažovat o stromu rekurze. V každém podproblému trávíme čas lineární s jeho velikostí, takže stačí ukázat, že součet velikostí všech podproblémů je lineární.

Označíme s_i součet velikostí podproblémů na i -té hladině (kořen leží na hladině 0). Vnitřní vrchol s podúlohou velikosti k má za syny podúlohy o celkové velikosti $1/5 \cdot k + 7/10 \cdot k = 9/10 \cdot k$. Pro součet přes hladinu tudíž platí $s_{i+1} \leq 9/10 \cdot s_i$ (nerovnost je tu proto, že listy už žádné syny nemají). Indukcí dostaneme $s_i \leq n \cdot (9/10)^i$.

Součet velikostí přes všechny hladiny je tedy nejvýše $n \cdot \sum_i (9/10)^i$. To je geometrická řada, která konverguje i jako nekonečná. Proto je celková velikost všech podproblémů $\Theta(n)$. Náš algoritmus tedy opravdu hledá k -tý nejmenší prvek v lineárním čase.

Nyní bychom mohli upravit Quicksort, aby jako pivota používal medián spočítaný tímto algoritmem. Pak by třídil v čase $\Theta(n \log n)$ i v nejhorším případě. Příliš praktický takový algoritmus ale není. Jak asi tuvíte, naše dvojitě rekurzivní hledání mediánu je sice asymptoticky lineární, ale konstanty, které v jeho složitosti vystupují, nejsou zrovna malé. Bývá proto užitečnější volit pivota náhodně a smířit se s tím, že občas promarníme jeden

průchod kvůli nešikovnému pivotovi, než si třídění stále brzdit důmyslným vybíráním kvalitních pivotů.

Cvičení

1. Rozmyslete si, že našemu algoritmu nevadí, když prvky na vstupu nebudou navzájem různé.
2. Upravte funkci LINEARSELECT tak, aby si vystačila s konstantně velkou pomocnou pamětí. Prvky ve vstupním poli můžete libovolně přeskupovat. [N98]
3. Prozkoumejte podrobněji strom rekurzivních volání funkce LINEARSELECT. Kolik bude mít listů? Jak dlouhá bude nejkratší a nejdelší větev?
4. Proč při vybírání k -tého nejmenšího prvku používáme zrovna pětice? Fungoval by algoritmus s trojicemi? Nebo se sedmicemi? Byl by pak stále lineární?
- 5.* ε -sít: Na medián se můžeme dívat také tak, že je to „patník“ na půli cesty od minima k maximu. Jinými slovy, mezi minimem a mediánem leží přibližně stejně prvku jako mezi mediánem a maximem. Co kdybychom chtěli mezi minimum a maximum co nejrovnoměrněji rozmístit více patníků?

Přesněji: pro n -prvkovou množinu prvků X a číslo ε ($0 < \varepsilon < 1$) definujeme ε -sít jako posloupnost $\min X = x_0 < x_1 < \dots < x_{\lceil 1/\varepsilon \rceil} = \max X$ prvků vybraných z X tak, aby se mezi x_i a x_{i+1} vždy nacházelo nejvýše εn prvků z X . Pro $\varepsilon = 1/2$ tedy počítáme minimum, medián a maximum, pro $\varepsilon = 1/4$ přidáme prvky ve čtvrtinách, \dots , a při $\varepsilon = 1/n$ už třídíme.

Složitost hledání ε -sítě se tedy v závislosti na hodnotě ε bude pohybovat mezi $\mathcal{O}(n)$ a $\mathcal{O}(n \log n)$. Najděte algoritmus s časovou složitostí $\mathcal{O}(n \log(1/\varepsilon))$.

6. Je dáno n -prvkové pole, ve kterém jsou za sebou dvě vzestupně setříděné posloupnosti (ne nutně stejně dlouhé). Navrhněte algoritmus, který najde medián sjednocení obou posloupností v sublineárním čase. (Lze řešit v čase $\mathcal{O}(\log n)$.)

10.9 Další cvičení

1. *Spletitý kabel:* Mějme dlouhý kabel, z jehož obou konců vystupuje po n drátech. Každý drát na levém konci je propojen s právě jedním na konci druhém a my chceme zjistit, který s kterým. K tomu můžeme používat následující operace: (1) přivést napětí na daný drát na levém konci, (2) odpojit napětí z daného drátu na levém konci, (3) změřit napětí na daném drátu na pravém konci. Navrhněte algoritmus,

který pomocí těchto operací zjistí, co je s čím propojeno. Snažte se počet operací minimalizovat.

- 2.* Nalezněte *neadaptivní* řešení předchozího cvičení, tedy takové, v němž položené dotazy nezávisí na výsledcích předchozích dotazů.
3. Dokažte, že v předchozích dvou cvičeních je potřeba $\Omega(n \log n)$ dotazů. Pokud nevíte, jak na to, dokažte to alespoň pro neadaptivní algoritmy.
4. *Inverze matic:* Navrhněte algoritmus typu Rozděl a panuj na výpočet inverze trojúhelníkové matice $n \times n$ v čase lepším než $\Omega(n^3)$. Jako podprogram se může hodit Strassenovo násobení matic z oddílu 10.5. Můžete předpokládat, že n je mocnina dvojkdy. [N48]
5. *Inverze v posloupnosti* x_1, \dots, x_n říkáme každé dvojici (i, j) takové, že $i < j$ a současně $x_i > x_j$. Vymyslete algoritmus, který spočítá, kolik daná posloupnost obsahuje inverzí. To může sloužit jako míra neuspořádanosti. [N75]
- 6.* *Nejbližší body:* Máme n bodů v rovině a chceme najít dvojici s nejmenší vzdáleností. Nabízí se rozdělit body vodorovnou přímkou podle mediánu y -ových souřadnic, rekurzivně spočítat nejmenší vzdálenosti ε_1 a ε_2 v obou polorovinách a pak dopočítat, co se děje v pásu o šíři $2 \min(\varepsilon_1, \varepsilon_2)$ podél dělící přímky. Dokažte, že probíráme-li body pásu zleva doprava, stačí každý bod porovnat s $\mathcal{O}(1)$ sousedy. To vede na algoritmus o složitosti $\Theta(n \log n)$.
- 7.* *Šrouby a matičky:* Na stole leží n různých šroubků a n matiček. Každá matička pasuje na právě jeden šroub a my chceme zjistit, která na který. Umíme ale pouze porovnávat šroub s matičkou – tím získáme jeden ze tří možných výsledků: matička je příliš velká, příliš malá, nebo správně velká. Jak to udělat efektivně? [N1]
8. *Medián komprimované posloupnosti:* Mějme „program na výrobu posloupnosti“ složený z n instrukcí typu „prvek x_i vypiš c_i -krát“. Navrhněte algoritmus pro výpočet mediánu vypsání posloupnosti. Časová složitost by měla záviset pouze na počtu instrukcí n , nikoliv na délce vypsání posloupnosti.

11 Randomizace

11 Randomizace

Výhodou algoritmů je, že se na ně můžeme spolehnout. Jsou to dokonale deterministic-ké předpisy, které pro zadaný vstup pokaždé vypočítají tentýž výstup. Přesto může být zajímavé vpustit do nich pečlivě odměřené množství náhody. Získáme tím takzvané pravděpodobnostní neboli randomizované algoritmy. Ty mnohdy dovedou dospět k výsledku daleko rychleji než jejich klasičtí příbuzní. Přitom budeme stále schopní o jejich chování ledacos dokázat.

Randomizace nám pomůže například s výběrem pivota v algoritmech Quicksort a Quickselect z předchozí kapitoly. Také zavedeme hešovací tabulky – velice rychlé datové struktury založené na náhodném rozmišťování hodnot do příhrádek. A nakonec vybudujeme randomizovanou variantu vyhledávacích stromů, která bude mnohem jednodušší, a přesto dost rychlá.

11.1 Pravděpodobnostní algoritmy

Nejprve rozšíříme definici algoritmu z kapitoly o složitosti, aby umožňovala náhodný výběr. Zařídíme to tak, že do výpočetního modelu RAM doplníme novou instrukci $X := \text{random}(Y, Z)$, kde X je odkaz do paměti a Y a Z buďto odkazy do paměti, nebo konstanty.

Kdykoliv stroj při provádění programu narazí na tuto instrukci, vygeneruje náhodné celé číslo v rozsahu od Y do Z a uloží ho do paměťové buňky X . Všechny hodnoty z tohoto rozsahu budou stejně pravděpodobné a volba bude nezávislá na předchozích voláních instrukce `random`. Bude-li $Y > Z$, program skončí běhovou chybou podobně, jako kdyby dělil nulou.

Ponechme stranou, zda je možné počítač s náhodným generátorem skutečně sestrojit. Ostatně, samu existenci náhody v našem vesmíru nejspíš nemůžeme nijak prokázat. Je to tedy spíš otázka víry. Teoretické informatice na odpovědi nezáleží – prostě předpokládá výpočetní model s ideálním náhodným generátorem, který se řídí pravidly teorie pravděpodobnosti. V praxi si pak pomůžeme generátorem *pseudonáhodným*, který generuje prakticky nepředvídatelná čísla. Dodejme ještě, že existují i jiné modely náhodných generátorů, než je naše funkce `random`, ale ty ponechme do cvičení.

Algoritmům využívajícím náhodná čísla se obvykle říká *pravděpodobnostní* nebo *randomizované*. Výpočet takového algoritmu pro konkrétní vstup může v závislosti na náhodě trvat různě dlouho a dokonce může dospět k různým výsledkům. Doba běhu, případně výsledek pak nejsou konkrétní čísla, ale náhodné veličiny. U těch se obvykle budeme ptát na střední hodnotu, případně na pravděpodobnost, že překročí určitou mez.

Připomenutí teorie pravděpodobnosti

Pro analýzu randomizovaných algoritmů budeme používat aparát matematické teorie pravděpodobnosti. Zopakujme si její základní pojmy a tvrzení. Pokud jste se s nimi dosud nesetkali, naleznete je například v Kapitolách z diskrétní matematiky [9].

Budeme pracovat s *diskrétním pravděpodobnostním prostorem* (Ω, P) . Ten je tvořen nejvýše spočetnou množinou Ω elementárních jevů a funkcí $P : \Omega \rightarrow [0, 1]$, která elementárním jevům přiřazuje jejich *pravděpodobnost*. Součet pravděpodobností všech elementárních jevů je roven 1. *Jev* je obecně nějaká množina elementárních jevů $A \subseteq \Omega$. Funkci P můžeme přirozeně rozšířit na všechny jevy: $P(A) = \sum_{e \in A} P(e)$. Pravděpodobnosti můžeme také připisovat výrokům: $\Pr[\varphi(x)]$ je pravděpodobnost jevu daného množinou všech elementárních jevů x , pro které platí výrok $\varphi(x)$.

Pro každé dva jevy A a B platí $P(A \cup B) = P(A) + P(B) - P(A \cap B)$. Pokud $P(A \cap B) = P(A) \cdot P(B)$, řekneme, že A a B jsou *nezávislé*. Pro více jevů A_1, \dots, A_k rozlišujeme *nezávislost po dvou* (každé dva jevy A_i a A_j jsou nezávislé) a *plnou nezávislost* (pro každou podmnožinu indexů $\emptyset \neq I \subseteq \{1, \dots, k\}$ platí $P(\cap_{i \in I} A_i) = \prod_{i \in I} P(A_i)$).

Náhodné veličiny (proměnné) jsou funkce z Ω do reálných čísel, přiřazují tedy reálné hodnoty možným výsledkům pokusu. Můžeme se ptát na pravděpodobnost, že veličina má nějakou vlastnost, například $\Pr[X > 5]$. *Střední hodnota* $\mathbb{E}[X]$ náhodné veličiny X je průměr všech možných hodnot vážený jejich pravděpodobnostmi, tedy

$$\sum_{x \in \mathbb{R}} x \cdot \Pr[X = x] = \sum_{e \in \Omega} X(e) \cdot P(e).$$

Často budeme používat následující vlastnost střední hodnoty:

Fakt (linearita střední hodnoty): Nechť X a Y jsou náhodné veličiny a α a β reálná čísla. Potom $\mathbb{E}[\alpha X + \beta Y] = \alpha \mathbb{E}[X] + \beta \mathbb{E}[Y]$.

Tak dlouho se chodí se džbánem ...

Než se pustíme do pravděpodobnostní analýzy algoritmů, začneme jednoduchým příkladem: budeme chodit se džbánem pro vodu tak dlouho, než se utrhne ucho. To při každém pokusu nastane náhodně s pravděpodobností p ($0 < p < 1$), nezávisle na výsledcích předchozích pokusů. Kolik pokusů v průměru podnikneme?

Označme T počet kroků, po kterém dojde k utržení ucha. To je nějaká náhodná veličina a nás bude zajímat její střední hodnota $\mathbb{E}[T]$. Podle definice střední hodnoty platí:

$$\mathbb{E}[T] = \sum_i (i \cdot \Pr[\text{icho se utrhne při } i\text{-tém pokusu}]) = \sum_i (i \cdot (1-p)^{i-1} \cdot p).$$

U každé nekonečné řady se sluší nejprve zeptat, zda vůbec konverguje. Na to nám kladně odpoví třeba podílové kritérium. Nyní bychom mohli řadu poctivě sečít, ale místo toho použijeme jednoduchý trik založený na linearitě střední hodnoty.

V každém případě provedeme první pokus. Pokud se ucho utrhne (což nastane s pravděpodobností p), hra končí. Pokud se neutrhne (pravděpodobnost $1 - p$), dostaneme se do přesně stejné situace, jako předtím – náš ideální džbán totiž nemá žádnou paměť. Z toho vyjde následující rovnice pro $\mathbb{E}[T]$:

$$\mathbb{E}[T] = 1 + p \cdot 0 + (1 - p) \cdot \mathbb{E}[T].$$

Vyřešíme-li ji, dostaneme $\mathbb{E}[T] = 1/p$. (Zde jsme nicméně potřebovali vědět, že střední hodnota existuje a je konečná, takže úvahy o nekonečných řadách byly nezbytné.)

Tento výsledek se nám bude často hodit, formulujme ho proto jako lemma:

Lemma (o džbánu): Čekáme-li na náhodný jev, který nastane s pravděpodobností p , dočkáme se ve střední hodnotě po $1/p$ pokusech.

Cvičení

1. *Ideální mince:* Mějme počítač, jehož náhodným generátorem je ideální mince. Jinými slovy, máme instrukci `random_bit`, ze které na každé zavolání vypadne jeden rovnoramenně náhodný bit vygenerovaný nezávisle na předchozích bitech. Jak pomocí takové funkce generovat rovnoramenně náhodná přirozená čísla od 1 do n ? Minimalizujte průměrný počet hodů mincí.
2. Ukažte, že v předchozím cvičení nelze počet hodů mincí v nejhorším případě nijak omezit, leda kdyby n bylo mocninou dvojký.
3. *Míchání karet:* Popište algoritmus, který v lineárním čase vygeneruje náhodnou permutaci množiny $\{1, 2, \dots, n\}$.
4. V mnoha programovacích jazycích je k dispozici funkci `random`, která nám vrátí rovnoramenně (pseudo)náhodné číslo z pevně daného intervalu. Lidé ji často používají pro generování čísel v rozsahu od 0 do $n - 1$ tak, že spočtou `random mod n`. Jaký se v tom skrývá háček? Jak ho obejít?
5. *Náhodná k-tice:* Máme-li obrovský textový soubor a chceme o něm získat alespoň hrubou představu, hodí se prozkoumat náhodnou k -tici řádků. Vymyslete algoritmus, který ji vybere tak, aby všechny k -tice měly stejnou pravděpodobnost. Vstup se celý nevezde do paměti a jeho velikost ani předem neznáme; k -tice se do paměti spolehlivě vejde. Zvládnete to na jediný průchod daty? [N104]

- 6.* *Míchání podruhé:* Vasil Vasiljevič míchá karty takto: připraví si n prázdných příhrádek. Pak postupně umisťuje čísla $1, \dots, n$ do příhrádek tak, že vždy vybere rovnoměrně náhodně příhrádku a pokud v ní již něco je, vybírá znovu. Kolik pokusů bude v průměru potřebovat? [N9]
7. Lemma o džbánu můžeme dokázat i sečtením uvedené nekonečné řady. Ta je ostatně podobná řadě, již jsme zkoumali při rozboru konstrukce haldy v oddílu 4.2. Zkuste to.
8. Představte si, že hodíme 10 hracími kostkami a počty ok sečteme. V jakém pravděpodobnostním prostoru se tento pokus odehrává? O jakou náhodnou veličinu jde? Jak stanovit její střední hodnotu?
9. V jakém pravděpodobnostním prostoru se odehrává lemma o džbánu?

11.2 Náhodný výběr pivota

U algoritmů založených na výběru pivota (Quickselect a Quicksort) jsme spoléhali na to, že pokud budeme pivota volit náhodně, bude se algoritmus „chovat dobře.“ Nyní nastal čas říci, co to přesně znamená, a přednést důkaz.

Mediány, skoromediány a Quickselect

Úvaha o džbánu nám dává jednoduchý algoritmus, pomocí kterého umíme najít skoromedián posloupnosti n prvků: Vybereme si *rovnoměrně náhodně* jeden z prvků posloupnosti; tím *rovnoměrně* myslíme tak, aby všechny prvky měly stejnou pravděpodobnost. Pak ověříme, jestli vybraný prvek je skoromedián. Pokud ne, na vše zapomeneme a postup opakujeme.

Kolik pokusů budeme potřebovat, než algoritmus skončí? Skoromediány tvoří alespoň polovinu prvků, tedy pravděpodobnost, že se do nějakého střefíme, je minimálně $1/2$. Podle lemmatu o džbánu tedy střední hodnota počtu pokusů bude nejvýše 2. (Počet pokusů v nejhorším případě ovšem neumíme omezit nijak – při dostatečné smíle můžeme stále vybírat nejmenší prvek. To ovšem nastane s nulovou pravděpodobností.)

Nyní už snadno spočítáme časovou složitost našeho algoritmu. Jeden pokus trvá $\Theta(n)$, střední hodnota počtu pokusů je $\Theta(1)$, takže střední hodnota časové složitosti je $\Theta(n)$. Obvykle budeme zkráceně mluvit o *průměrné* časové složitosti.

Pokud tento výpočet skoromediánu použijeme v Quickselectu, získáme algoritmus pro hledání k -tého nejmenšího prvku s průměrnou složitostí $\Theta(n)$. Dobrá, tím jsme se ale šalamounsky vyhnuli otázce, jakou průměrnou složitost má původní Quickselect s rovnoměrně náhodnou volbou pivota.

Tu odhadneme snadno: Rozdělíme běh algoritmu na *fáze*. Fáze bude končit v okamžiku, kdy za pivota zvolíme skoromedián. Fáze se skládá z *kroků* spočívajících v náhodné volbě pivota, lineárně dlouhém výpočtu a zahrození části vstupu. Už víme, že skoromedián se průměrně podaří najít za dva kroky, tudíž jedna fáze trvá v průměru lineárně dlouho. Navíc si všimneme, že během každé fáze se vstup zmenší alespoň o čtvrtinu. K tomu totiž stačil samotný poslední krok, ostatní kroky mohou situaci jedině zlepšit. Průměrnou složitost celého algoritmu pak vyjádříme jako součet průměrných složitostí jednotlivých fází: $\Theta(n) + \Theta((3/4) \cdot n) + \Theta((3/4)^2 \cdot n) + \dots = \Theta(n)$.

Indikátory a Quicksort

Podíváme-li se na výpočet v minulém odstavci s odstupem, všimneme si, že se opírá zejména o linearitu střední hodnoty. Časovou složitost celého algoritmu jsme vyjádřili jako součet složitostí fází. Přitom fázi jsme nadefinovali tak, aby se již chovala dostatečně průhledně.

Podobně můžeme analyzovat i Quicksort, jen se nám bude hodit složitost rozložit na daleko více veličin. Mimo to si všimneme, že Quicksort na každé porovnání provede jen $\mathcal{O}(1)$ dalších operací, takže postačí odhadnout počet provedených porovnání.

Očislujeme si prvky podle pořadí v setříděné posloupnosti y_1, \dots, y_n . Zavedeme náhodné veličiny C_{ij} pro $1 \leq i < j \leq n$ tak, aby platilo $C_{ij} = 1$ právě tehdy, když během výpočtu došlo k porovnání y_i s y_j . V opačném případě je $C_{ij} = 0$. Proměnným, které nabývají hodnoty 0 nebo 1 podle toho, zda nějaká událost nastala, se obvykle říká *indikátory*. Počet všech porovnání je tudíž roven součtu všech indikátorů C_{ij} . (Zde využíváme toho, že Quicksort tutéž dvojici neporovná vícekrát.)

Zamysleme se nyní nad tím, kdy může být $C_{ij} = 1$. Algoritmus porovnává pouze s pivotem, takže jedna z hodnot y_i, y_j se těsně předtím musí stát pivotem. Navíc všechny hodnoty y_{i+1}, \dots, y_{j-1} se ještě pivety stát nesměly, jelikož jinak by y_i a y_j už byly rozděleny v různých částech posloupnosti. Jinými slovy, C_{ij} je rovno jedné právě tehdy, když se z hodnot y_i, y_{i+1}, \dots, y_j stane jako první pivotem buď y_i nebo y_j . A poněvadž pivota vybíráme rovnoměrně náhodně, má každý z prvků y_i, \dots, y_j stejnou pravděpodobnost, že se stane pivotem jako první, totiž $1/(j-i+1)$. Proto $C_{ij} = 1$ nastane s pravděpodobností $2/(j-i+1)$.

Nyní si stačí uvědomit, že když indikátory nabývají pouze hodnot 0 a 1, je jejich střední hodnota rovna právě pravděpodobnosti jedničky, tedy také $2/(j-i+1)$. Sečtením přes všechny dvojice (i, j) pak dostaneme pro počet všech porovnání:

$$\mathbb{E}[C] = \sum_{1 \leq i < j \leq n} \frac{2}{j-i+1} \leq 2n \cdot \sum_{2 \leq d \leq n} \frac{1}{d}.$$

Nerovnost na pravé straně platí díky tomu, že rozdíly $j - i + 1$ se nacházejí v intervalu $[2, n]$ a každým rozdílem přispěje nejvýše n různých dvojic (i, j) . Poslední suma je tzv. harmonická suma, která sečte na $\Theta(\log n)$. Jelikož se s ní při analýze algoritmů potkáváme často, vyslovíme o ní samostatné lemma.

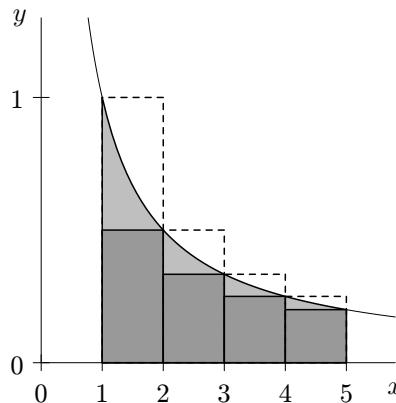
Lemma (o harmonických číslech): Pro součet harmonické řady $H_n = 1/1 + 1/2 + \dots + 1/n$ platí $\ln n \leq H_n \leq \ln n + 1$.

Důkaz: Sumu odhadneme pomocí integrálu

$$I(n) = \int_1^n \frac{1}{x} dx = [\ln x]_1^n = \ln n - \ln 1 = \ln n.$$

Sledujme obrázek 11.1. Funkce $I(n)$ vyjadřuje obsah plochy mezi křivkou $y = f(x)$, osou x a svislými přímkami $x = 1$ a $x = n$. Součástí této plochy je tmavé „schodiště“, jehož obsah je $1 \cdot (1/2) + 1 \cdot (1/3) + \dots + 1 \cdot (1/n) = H_n - 1$. Proto musí platit $H_n - 1 \leq I(n) = \ln n$, což je horní odhad z tvrzení lemmatu.

Dolní odhad dostaneme pomocí čárkovovaného schodiště. Jeho obsah je $1 \cdot (1/1) + 1 \cdot (1/2) + \dots + 1 \cdot (1/(n-1)) = H_n - 1/n$. Plocha měřená integrálem je součástí tohoto schodiště, pročež $\ln n = I(n) \leq H_n - (1/n) \leq H_n$. \square



Obrázek 11.1: K důkazu lemmatu o harmonických číslech

Důsledek: Střední hodnota časové složitosti Quicksortu s rovnoměrně náhodnou volbou pivota je $\mathcal{O}(n \log n)$.

Téhož výsledku můžeme dosáhnout řadou jiných způsobů. Některé najdete ve cvičeních a také v oddílu 11.6.

Chování na náhodném vstupu

Když jsme poprvé přemýšleli o tom, jak volit pivota, všimli jsme si, že pokud volíme pivota pevně, náš algoritmus není odolný proti zlomyslnému uživateli. Takový uživatel může na vstupu zadat vychytrale sestrojenou posloupnost, která algoritmus donutí vybrat v každém kroku pivota nešikovně, takže poběží kvadraticky dlouho. Tomu jsme se přirozeně vyhnuli náhodnou volbou pivota – pro sebezotřilejší vstup doběhneme v průměru rychle. Hodí se ale také vědět, že i pro pevnou volbu pivota je špatných vstupů málo.

Zavedeme si proto ještě jeden druh složitosti algoritmů, tentokrát opět deterministických (bez náhodného generátoru). Bude to *složitost v průměru přes vstupy*. Jinými slovy algoritmus bude mít pevný průběh, ale budeme mu dávat náhodný vstup a počítat, jak dlouho v průměru poběží.

Co to ale takový náhodný vstup je? U našich dvou problémů to docela dobře vystihuje *náhodná permutace* – vybereme si rovnoměrně náhodně jednu z $n!$ permutací množiny $\{1, 2, \dots, n\}$.

Jak Quicksort, tak Quickselect se pak budou chovat velmi podobně, jako když měly pevný vstup, ale volily náhodně pivota. Pokud je na vstupu rovnoměrně náhodná permutace, je její prostřední prvek rovnoměrně náhodně vybrané číslo z množiny $\{1, 2, \dots, n\}$. Vybereme-li ho za pivota a rozdělíme vstup na levou a pravou část, obě části budou opět náhodné permutace, takže se na nich algoritmus bude opět chovat tímto způsobem. Můžeme tedy analýzu z této kapitoly použít i na tento druh průměru se stejným výsledkem.

Cvičení

1. Průměrnou časovou složitost Quicksortu lze spočítat i podobnou úvahou, jakou jsme použili u Quickselectu. Uvažujte pro každý prvek, kolika porovnání se účastní a jak se mění velikosti úseků, v nichž se nachází.
- 2.* Ještě jeden způsob, jak analyzovat průměrnou složitost Quicksortu, je použitím podobné úvahy jako v důkazu Lemmatu o džbánu. Sestavíme rekurenci pro průměrný počet porovnání: $R(n) = n + \frac{1}{n} \sum_{i=1}^n (R(i-1) + R(n-i))$, $R(0) = R(1) = 0$. Dokážte indukcí, že $R(n) \leq 4n \ln n$. [N19]
3. *Úsporný medián:* Nalezněte k -tý nejmenší z n prvků, máte-li k dispozici pouze paměť asymptoticky menší než k . Pokuste se dosáhnout lepší časové složitosti než $\Theta(kn)$.
4. *Eratosthenovo síto* je pradávný algoritmus na hledání prvočísel. Začne se seznamem čísel $2, \dots, n$. V i -tému kroku zkонтroluje číslo i : pokud není škrtnuté, nahlásí ho jako prvočíslo a vyškrťá všechny jeho násobky. Časová složitost tohoto algoritmu je poněkud překvapivě $\mathcal{O}(n \log \log n)$. Zkuste dokázat alespoň slabší odhad $\mathcal{O}(n \log n)$. [N69]

11.3 Hešování s přihrádkami

Lidé už dávno zjistili, že práci s velkým množstvím věcí si lze usnadnit tím, že je rozdělíme do několika menších skupin a každou zpracujeme zvlášť. Příklady najdeme všude kolem sebe: Slovník spisovného jazyka českého má díly A až M, N až Q, R až U a V až Ž. Katastrální úřady mají svou působnost vymezenu územím na mapě. Padne-li v Paříži smog, smí v některé dny do centra jezdit jenom auta se sudými registračními čísly, v jiné dny ta s lichými.

Informatici si tuto myšlenku také oblíbili a pod názvem *hešování* ji často používají k uchovávání dat. (Hešuje se i v kryptografii, ale trochu jinak a o tom zde nebude řeč.)

Mějme univerzum \mathcal{U} možných hodnot, konečnou množinu přihrádek $\mathcal{P} = \{0, \dots, m-1\}$ a *hešovací funkci*, což bude nějaká funkce $h : \mathcal{U} \rightarrow \mathcal{P}$, která každému prvku univerza přidělí jednu přihrádku. Chceme-li uložit množinu prvků $X \subseteq \mathcal{U}$, rozstrkáme její prvky do přihrádek: prvek $x \in X$ umístíme do přihrádky $h(x)$. Budeme-li pak hledat nějaký prvek $u \in \mathcal{U}$, víme, že nemůže být jinde než v přihrádce $h(u)$.

Podívejme se na příklad: Univerzum všech celých čísel budeme rozdělovat do 10 přihrádek podle poslední číslice. Jako hešovací funkci tedy použijeme $h(x) = x \bmod 10$. Zkusíme uložit několik slavných letopočtů naší historie: 1212, 935, 1918, 1948, 1968, 1989:

0	1	2	3	4	5	6	7	8	9
		1212			935			1918	1989

Hledáme-li rok 2015, víme, že se musí nacházet v přihrádce 5. Tam je ovšem pouze 935, takže hned odpovíme zamítavě. Hledání roku 2016 je dokonce ještě rychlejší: přihrádka 6 je prázdná. Zato hledáme-li rok 1618, musíme prozkoumat hned 3 hodnoty.

Uvažujme obecněji: kdykoliv máme nějakou hešovací funkci, můžeme si pořídit pole p přihrádek, v každé pak „řetízek“ – spojový seznam hodnot. Tato jednoduchá datová struktura je jednou z možných forem *hešovací tabulky*.

Jakou má hešovací tabulka časovou složitost? Hledání, vkládání i mazání sestává z výpočtu hešovací funkce a projití řetízku v příslušné přihrádce. Pokud bychom uvažovali „ideální hešovací funkci“, kterou lze spočítat v konstantním čase a která zadala n -prvkovou množinu rozprostře mezi m přihrádek dokonale rovnoměrně, budou mít všechny řetízky n/m prvků. Zvolíme-li navíc počet přihrádek $m \in \Theta(n)$, vyjde konstantní délka řetízku, a tím pádem i časová složitost operací.

Praktické hešovací funkce

Ideální hešovací funkce patří spíše do kraje mýtů, podobně jako třeba ideální plyn. Přesto nám to nebrání hešování v praxi používat – ostřílení programátoři znají řadu funkcí, které se pro reálná data chovají „prakticky náhodně“. Autorům této knihy se osvědčily například tyto funkce:

- *Lineární kongruence: $x \mapsto ax \bmod m$*

Zde m je typicky prvočíslo a a je nějaká dostatečně velká konstanta nesoudělná s m . Často se a nastavuje blízko $0.618m$ (další nečekaná aplikace zlatého řezu z oddílu 1.4).

- *Vyšší bity součinu: $x \mapsto \lfloor (ax \bmod 2^w)/2^{w-\ell} \rfloor$*

Pokud hešujeme w -bitová čísla do $m = 2^\ell$ přihrádek, vybereme w -bitovou lichou konstantu a . Pak pro každé x spočítáme ax , ořízneme ho na w bitů a z nich vezmeme nejvyšších ℓ . Vzhledem k tomu, že přetečení ve většině programovacích jazyků automaticky ořezává výsledek, stačí k vyhodnocení funkce jedno násobení a bitový posun.

- *Skalární součin: $x_0, \dots, x_{d-1} \mapsto (\sum_i a_i x_i) \bmod m$*

Chceme-li hešovat posloupnosti, nabízí se zahešovat každý prvek zvlášť a výsledky sečít (nebo vyxorovat). Pokud prvky hešujeme lineární kongruencí, je heš celé posloupnosti její skalární součin s vektorem konstant, to vše modulo m . Pozor, nefunguje používat pro všechny prvky tutéž konstantu: pak by výsledek nezávisel na pořadí prvků.

- *Polynom: $x_0, \dots, x_{d-1} \mapsto (\sum_i a^i x_i) \bmod m$*

Tentokrát zvolíme jenom jednu konstantu a a počítáme skalární součin zadané posloupnosti s vektorem $(a^0, a^1, \dots, a^{d-1})$. Tento typ funkcí bude hrát důležitou roli v Rabinově-Karpově algoritmu na vyhledávání v textu v oddílu 13.4.

U všech čtyř funkcí je experimentálně ověřeno, že dobře hešují nejrůznější druhy dat. Nemusíme se ale spoléhat jen na pokusy: v oddílu 11.5 vybudujeme teorii, pomocí které o chování některých hešovacích funkcí budeme schopni vyslovit exaktní tvrzení.

Pokud chceme hešovat objekty nějakého jiného typu, nejprve je zakódujeme do čísel nebo posloupností čísel. U floating-point čísel se například může hodit hešovat jejich interní reprezentaci (což je nějaká posloupnost bytů, kterou můžeme považovat za jedno celé číslo).

Přehešovávání

Hešovací tabulky dovedou vyhledávat s průměrně konstantní časovou složitostí, pokud použijeme $\Omega(n)$ přihrádek. Jaký počet přihrádek ale zvolit, když n předem neznáme? Pomůže nám technika amortizovaného nafukování pole z oddílu 9.1.

Na počátku založíme prázdnou hešovací tabulkou s nějakým konstantním počtem přihrádek. Kdykoliv pak vkládáme prvek, zkонтrolujeme poměr $\alpha = n/m$ – tomu se říká *faktor naplnění* neboli *hustota* tabulky a chceme ho udržet shora omezený konstantou, třeba $\alpha \leq 1$. Pokud už je tabulka příliš plná, zdvojnásobíme m a všechny prvky přehešuje. Jedno přehešování trvá $\Theta(n)$ a jelikož mezi každými dvěma přehešovánimi vložíme řádově n prvků, stačí, když každý prvek přispěje konstantním časem. Při mazání prvků můžeme tabulku zmenšovat, ale obvykle nevadí ponechat ji málo zaplněnou.

Sestrojili jsme tedy datovou strukturu pro reprezentaci množiny, která dokáže vyhledávat, vkládat i mazat v průměrně konstantním čase. Pokud předem neumíme odhadnout počet prvků množiny, je v případě vkládání a mazání tento čas pouze amortizovaný.

Ve srovnání s vyhledávacími stromy je hešovací tabulka rychlejší (aspoň v průměru), ale neudržuje informace o usporádání prvků. Nedokáže tedy efektivně hledat minimum a maximum množiny, ani předchůdce nebo následníka zadaného prvku.

Cvičení

1. Mějme množinu přirozených čísel a číslo x . Chceme zjistit, zda množina obsahuje dvojici prvků se součtem x .
2. Chceme hešovat řetězce 8-bitových znaků. Výpočet můžeme zrychlit tak, že čtverice znaků prohlásíme za 32-bitová čísla a zahešujeme posloupnost čtvrtinové délky. Naprogramujte takovou hešovací funkci a nezapomeňte, že délka řetězce nemusí být dělitelná čtyřmi.
- 3.* *Bloomův filtr* je datová struktura pro přibližnou reprezentaci množiny. Skládá se z pole bitů $B[1 \dots m]$ a hešovací funkce h , která prvkům univerza přiřazuje indexy v poli. $\text{INSERT}(x)$ nastaví $B[h(x)] = 1$. $\text{MEMBER}(x)$ otestuje, zda $B[h(x)] = 1$. Vložme nyní do filtru nějakou n -prvkovou množinu M . Pokud $x \in M$, $\text{MEMBER}(x)$ vždy odpoví správně. Pokud se ale zeptáme na $x \notin M$, může se stát, že $h(x) = h(y)$ pro nějaké $y \in M$, a $\text{MEMBER}(x)$ odpoví špatně. Spočítejte, s jakou pravděpodobností se to pro dané m a n stane. [N108]
- 4.* *Paralelní filtr*: Spolehlivost Bloomova filtru můžeme zvýšit tak, že si pořídíme k filtrů s různými hešovacími funkcemi. INSERT bude vkládat do všech, MEMBER se zeptá všech a odpoví ANO pouze tehdy, když se na tom všechny filtry shodnou. Je-li pravděpodobnost chyby jednoho filtru p , pak kombinace k filtrů chybí s pravděpodobností pouhých p^k . Vymyslete, jak nastavit m a k pro případ, kdy chceme vkládat 10^6 prvků s pravděpodobností chyby nejvýše 10^{-9} . Minimalizujte spotřebu paměti.

11.4 Hešování s otevřenou adresací

Jěště ukážeme jeden způsob hešování, který je prostorově úspornější a za příznivých okolností může být i rychlejší. Za tyto výhody zaplatíme složitějším chováním a pracnější analýzou. Tomuto druhu hešování se říká *otevřená adresace*.

Opět si pořídíme pole s m přihrádkami $A[0], \dots, A[m - 1]$, jenž tentokrát se do každé přihrádky vejde jen jeden prvek. Pokud bychom tam potřebovali uložit další, použijeme náhradní přihrádku, bude-li také plná, zkusíme další, a tak dále.

Můžeme si to představit tak, že hešovací funkce každému prvku $x \in \mathcal{U}$ přiřadí jeho *vyhledávací posloupnost* $h(x, 0), h(x, 1), \dots, h(x, m - 1)$. Ta určuje pořadí přihrádek, do kterých se budeme snažit x vložit. Budeme předpokládat, že posloupnost obsahuje všechna čísla přihrádek v dokonale náhodném pořadí (všechny permutace přihrádek budou stejně pravděpodobné). Vkládání do tabulky bude vypadat následovně:

Algoritmus OPENINSERT (vkládání s otevřenou adresací)

Vstup: Prvek $x \in \mathcal{U}$

1. Pro $i = 0, \dots, m - 1$:
2. $j \leftarrow h(x, i)$ \triangleq číslo přihrádky, kterou právě zkoušíme
3. Pokud $A[j] = \emptyset$:
4. Položíme $A[j] \leftarrow x$ a skončíme.
5. Ohlásíme, že tabulka je už plná.

Při vyhledávání budeme procházet přihrádky $h(x, 0), h(x, 1)$ a tak dále. Zastavíme se, jakmile narazíme buď na x , nebo na prázdnou přihrádku.

Algoritmus OPENFIND (hledání s otevřenou adresací)

Vstup: Prvek $x \in \mathcal{U}$

1. Pro $i = 0, \dots, m - 1$:
2. $j \leftarrow h(x, i)$ \triangleq číslo přihrádky, kterou právě zkoušíme
3. Pokud $A[j] = x$, ohlásíme, že jsme x našli, a skončíme.
4. Pokud $A[j] = \emptyset$, ohlásíme neúspěch a skončíme.
5. Ohlásíme neúspěch.

Mazání je problematické: kdybychom libovolný prvek odstranili z tabulky, mohli bychom způsobit, že vyhledávání nějakého jiného prvku skončí předčasně, protože narazí na přihrádku, která v okamžiku vkládání byla plná, ale nyní už není. Proto budeme prvky pouze označovat za smazané a až jich bude mnoho (třeba $m/4$), celou strukturu přebudujeme.

Podobně jako u zvětšování tabulky je vidět, že toto přebudovávání nás stojí amortizovaně konstantní čas na smazaný prvek.

Odvodíme, kolik kroků průměrně provedeme při neúspěšném vyhledávání, což je současně počet kroků potřebných na vložení prvku do tabulky. Úspěšné hledání nebude pomalejší.

Věta: Pokud jsou vyhledávací posloupnosti nezávislé náhodné permutace, průměrný počet přihrádek navštívených při neúspěšném hledání činí nejvýše $1/(1 - \alpha)$, kde $\alpha = n/m$ je faktor naplnění.

Důkaz: Nechť x je hledaný prvek a h_1, h_2, \dots, h_m jeho vyhledávací posloupnost. Označme p_i pravděpodobnost toho, že během hledání projdeme alespoň i přihrádek.

Do přihrádky h_1 se jistě podíváme, proto $p_1 = 1$. Jelikož je to náhodně vybraná přihrádka, s pravděpodobností n/m v ní je nějaký prvek (různý od x , neboť vyhledávání má skončit neúspěchem), a tehdy pokračujeme přihrádkou h_2 . Proto $p_2 = n/m = \alpha$.

Nyní obecněji: pakliže přihrádky h_1, \dots, h_i byly obsazeny, zbývá $n - i$ prvků a $m - i$ přihrádek. Přihrádka h_{i+1} je tedy obsazena s pravděpodobností $(n - i)/(m - i) \leq n/m$ (to platí, jelikož $n \leq m$). Proto $p_{i+1} \leq p_i \cdot \alpha$. Indukcí dostaneme $p_i \leq \alpha^{i-1}$.

Nyní počítejme střední hodnotu S počtu navštívených přihrádek. Ta je rovna $\sum_i i \cdot q_i$, kde q_i udává pravděpodobnost, že jsme navštívili právě i přihrádek. Jelikož $q_i = p_i - p_{i+1}$, platí

$$S = \sum_{i \geq 1} i \cdot (p_i - p_{i+1}) = \sum_{i \geq 1} p_i \cdot (i - (i - 1)) = \sum_{i \geq 1} p_i \leq \sum_{i \geq 1} \alpha^{i-1} = \sum_{i \geq 0} \alpha^i.$$

To je ovšem geometrická řada se součtem $1/(1 - \alpha)$. □

Pokud se tedy faktor naplnění přiblíží k jedničce, začne se hledání drasticky zpomalovat. Pokud ale ponecháme alespoň čtvrtinu přihrádek prázdnou, navštívíme během hledání průměrně nanejvýš 4 přihrádky. Opět můžeme použít přehešovávání, abychom tento stav udrželi. Tak dostaneme vyhledávání, vkládání i mazání v amortizovaně konstantním průměrném čase.

Zbývá vymyslet, jak volit prohledávací posloupnosti. V praxi se často používají tyto možnosti:

- *Lineární přidávání:* $h(x, i) = (f(x) + i) \bmod m$, kde $f(x)$ je „obyčejná“ hešovací funkce. Využíváme tedy po sobě jdoucí přihrádky. Výhodou je sekvenční přístup do paměti (který je na dnešních počítačích rychlejší), nevýhodou to, že jakmile se vytvoří souvislé bloky obsazených přihrádek, další vkládání se do nich často strefí a bloky stále porostou (viz obrázek 11.2).

Bez důkazu uvádíme, že pro neúspěšné hledání platí pouze slabší odhad průměrného počtu navštívených příhrádek $1/(1 - \alpha)^2$, a to pouze, jestliže je f dokonale náhodná. Není-li, chování struktury obvykle degraduje.

- *Dvojité hešování:* $h(x, i) = (f(x) + i \cdot g(x)) \bmod m$, kde $f : \mathcal{U} \rightarrow \{0, \dots, m-1\}$ a $g : \mathcal{U} \rightarrow \{1, \dots, m-1\}$ jsou dvě různé hešovací funkce a m je prvočíslo. Díky tomu je $g(x)$ vždy nesoudělné s m a posloupnost navštíví každou příhrádku právě jednou. Je známo, že pro dokonale náhodné funkce f a g se dvojité hešování chová stejně dobře, jako při použití plně náhodných vyhledávacích posloupností. Dokonce stačí vybírat f a g ze silně univerzálního systému (viz příští oddíl). Tato tvrzení též ponecháváme bez důkazu.

		42		14	75	36	24	95	17
0	1	2	3	4	5	6	7	8	9

Obrázek 11.2: Hešování podle poslední číslice s lineárním přidáváním. Stav po vložení čísel 75, 36, 14, 42, 24, 95, 17.

Cvičení

- 1.* Úspěšné hledání v hešovací tabulce s otevřenou adresací je o něco rychlejší než neúspěšné. Spočítejte, kolik příhrádek průměrně navštíví. Předpokládejte, že hledáme náhodně vybraný prvek tabulky. [N79]
2. Uvažujme hešování řízené obecnou lineární posloupností $h(x, i) = (f(x) + c \cdot i) \bmod m$, kde c je konstanta nesoudělná s m . Srovnejte jeho chování s obyčejným lineárním přidáváním.

11.5* Univerzální hešování

Zatím jsme hešování používali tak, že jsme si vybrali nějakou pevnou hešovací funkci a „zadrátovali“ ji do programu. Ať už je to jakákoli funkce, nikdy není těžké najít n čísel, která *zkolidují* v téže příhrádce, takže jejich vkládáním strávíme čas $\Theta(n^2)$. Můžeme spoléhat na to, že vstup takhle nešikovně vypadat nebude, ale co když nám vstupy dodává zvědavý a potenciálně velmi škodolibý uživatel?

Raději při každém spuštění programu zvolíme hešovací funkci náhodně – nepřítel o této funkci nic neví, takže se mu sotva povede vygenerovat dostatečně ošklivý vstup. Nemůžeme ale náhodně vybírat ze všech možných funkcí z \mathcal{U} do \mathcal{P} , protože na popis jedné takové funkce bychom potřebovali $\Theta(|\mathcal{U}|)$ čísel. Místo toho se omezíme na nějaký menší systém

funkcí a náhodně vybereme z něj. Aby to fungovalo, musí tento systém být dostatečně bohatý, což zachycuje následující definice.

Značení: Často budeme mluvit o různých množinách přirozených čísel. Proto zavedeme zkratku $[k] = \{0, \dots, k-1\}$. Množina příhrádek bude typicky $\mathcal{P} = [m]$.

Definice: Systém \mathcal{H} funkcí z univerza \mathcal{U} do $[m]$ nazveme *c-univerzální* pro konstantu $c \geq 1$, pokud pro každé dva různé prvky $x, y \in \mathcal{U}$ platí $\Pr_{h \in \mathcal{H}}[h(x) = h(y)] \leq c/m$.

Co si pod tím představí? Kdybychom funkci h rovnoměrně náhodně vybírali z úplně všech funkcí z \mathcal{U} do $[m]$, kolidovaly by prvky x a y s pravděpodobností $1/m$. Nezávisle na tom, kolik vyšlo $h(x)$, by totiž bylo všech m možností pro $h(y)$ stejně pravděpodobných. A pokud místo ze všech funkcí vybíráme h z *c*-univerzálního systému, smí x a y kolidovat nejvýše *c*-krát častěji.

Navíc budeme chtít, aby šlo funkci $h \in \mathcal{H}$ určit malým množstvím parametrů a na základě těchto parametrů ji pro konkrétní vstup vyhodnotit v konstantním čase. Například můžeme říci, že \mathcal{H} bude systém lineárních funkcí tvaru $x \mapsto ax \bmod m$ pro $\mathcal{U} = [U]$ a $a \in [U]$. Každá taková funkce je jednoznačně určena parametrem a , takže náhodně vybrat funkci je totéž jako náhodně zvolit $a \in [U]$. To zvládneme v konstantním čase, stejně jako vyhodnotit funkci pro dané a a x .

Za chvíli ukážeme, jak nějaký *c*-univerzální systém sestrojit. Předtím ale dokážeme, že splní naše očekávání.

Lemma: Budě h hešovací funkce náhodně vybraná z nějakého *c*-univerzálního systému. Nechť x_1, \dots, x_n jsou navzájem různé prvky univerza vložené do hešovací tabulky a x je libovolný prvek univerza. Potom pro střední počet prvků ležících v téže příhrádce jako x platí:

$$\mathbb{E}[\#i : h(x) = h(x_i)] \leq cn/m + 1.$$

Důkaz: Pro dané x definujeme indikátorové náhodné proměnné:

$$Z_i = \begin{cases} 1 & \text{když } h(x) = h(x_i), \\ 0 & \text{jindy.} \end{cases}$$

Jinými slovy Z_i říká, kolikrát padl prvek x_i do příhrádky $h(x)$, což je buď 0, nebo 1. Celkový počet kolidujících prvků je $Z = \sum_i Z_i$ a díky linearitě střední hodnoty je hledaná hodnota $\mathbb{E}[Z]$ rovna $\sum_i \mathbb{E}[Z_i]$. Přitom $\mathbb{E}[Z_i] = \Pr[Z_i = 1]$, což je podle definice *c*-univerzálního systému nejvýše c/m , pokud $x_i \neq x$. Pokud $x_i = x$, pak $\mathbb{E}[Z_i] = 1$, což ale může nastat pro nejvýše jedno i . Tedy $\mathbb{E}[Z]$ je nejvýše $cn/m + 1$. \square

Důsledek: Nechť k hešování použijeme funkci vybranou rovnoměrně náhodně z nějakého c -univerzálního systému. Pokud už hešovací tabulka obsahuje n prvků, bude příští operace nahlížet do příhrádky s průměrně nanejvýš $cn/m + 1$ prvky. Udržíme-li $m \in \Omega(n)$, bude tedy průměrná velikost příhrádky omezena konstantou, takže průměrná časová složitost operace bude také konstantní.

Mějme na paměti, že neprůměrujeme přes možná vstupní data, nýbrž přes možné volby hešovací funkce, takže tvrzení platí pro libovolně škodolibý vstup. Také upozorňujeme, že tyto úvahy vyžadují oddělené příhrádky a nefungují pro otevřenou adresaci.

Ve zbytku tohoto oddílu budeme předpokládat, že čtenář zná základy lineární algebry (vektorové prostory a skalární součin) a teorie čísel (dělitelnost, počítání s kongruencemi a s konečnými tělesy).

Konstrukce ze skalárního součinu

Postupně ukážeme, jak upravit praktické hešovací funkce z oddílu 11.3, aby tvořily univerzální systémy. Nejsnáze to půjde se skalárními součiny.

Zvolíme nějaké konečné těleso \mathbb{Z}_p pro prvočíselné p . Pořídíme si $m = p$ příhrádek a očíslovujeme je jednotlivými prvky tělesa. Univerzem bude vektorový prostor \mathbb{Z}_p^d všech d -složkových vektorů nad tímto tělesem. Hešovací funkce bude mít tvar skalárního součinu s nějakým pevně zvoleným vektorem $\mathbf{t} \in \mathbb{Z}_p^d$. Univerzální systém pak bude obsahovat funkce pro všechny možné volby vektoru \mathbf{t} .

Věta: Systém funkcí $\mathcal{S} = \{h_{\mathbf{t}} \mid \mathbf{t} \in \mathbb{Z}_p^d\}$, kde $h_{\mathbf{t}}(\mathbf{x}) = \mathbf{t} \cdot \mathbf{x} \bmod p$, je 1-univerzální.

Důkaz: Mějme nějaké dva různé vektory $\mathbf{x}, \mathbf{y} \in \mathbb{Z}_p^d$. Nechť k je nějaká souřadnice, v níž je $x_k \neq y_k$. Jelikož skalární součin nezáleží na pořadí složek, můžeme složky přečíslovat tak, aby bylo $k = d$.

Nyní volíme \mathbf{t} náhodně po složkách a počítáme pravděpodobnost kolize (rovnost modulo p značíme \equiv):

$$\begin{aligned} \Pr_{\mathbf{t} \in \mathbb{Z}_p^d}[h_{\mathbf{t}}(\mathbf{x}) \equiv h_{\mathbf{t}}(\mathbf{y})] &= \Pr[\mathbf{x} \cdot \mathbf{t} \equiv \mathbf{y} \cdot \mathbf{t}] = \Pr[(\mathbf{x} - \mathbf{y}) \cdot \mathbf{t} \equiv 0] = \\ &= \Pr\left[\sum_{i=1}^d (x_i - y_i)t_i \equiv 0\right] = \Pr\left[(x_d - y_d)t_d \equiv -\sum_{i=1}^{d-1} (x_i - y_i)t_i\right]. \end{aligned}$$

Pokud už jsme t_1, \dots, t_{d-1} zvolili a nyní náhodně volíme t_d , nastane kolize pro právě jednu volbu: Poslední výraz je lineární rovnice tvaru $az = b$ pro nenulové a a ta má v libovolném tělese právě jedno řešení z . Pravděpodobnost kolize je tedy nejvýše $1/p = 1/m$, jak požaduje 1-univerzalita. \square

Intuitivně náš důkaz funguje takto: Pro nenulové $x \in \mathbb{Z}_p$ a rovnoměrně náhodně zvolené $a \in \mathbb{Z}_p$ nabývá výraz ax všech hodnot ze \mathbb{Z}_p se stejnou pravděpodobností. Proto se d -tý sčítanec skalárního součinu chová rovnoměrně náhodně. Ať už má zbytek skalárního součinu jakoukoliv hodnotu, přičtením d -tého člena se z něj stane také rovnoměrně rozložené náhodné číslo.

Příklad: Kdybychom chtěli hešovat 32-bitová čísla do cca 250 příhrádek, nabízí se zvolit $p = 257$ a každé číslo rozdělit na 4 části po 8 bitech. Jelikož $2^8 = 256$, můžeme si tyto části vyložit jako 4-složkový vektor nad \mathbb{Z}_{257} . Například číslu $123\ 456\ 789 = 7 \cdot 2^{24} + 91 \cdot 2^{16} + 205 \cdot 2^8 + 21$ odpovídá vektor $\mathbf{x} = (7, 91, 205, 21)$. Pro $\mathbf{t} = (1, 2, 3, 4)$ se tento vektor zahešuje na $\mathbf{x} \cdot \mathbf{t} \equiv 7 \cdot 1 + 91 \cdot 2 + 205 \cdot 3 + 21 \cdot 4 \equiv 7 + 182 + 101 + 84 \equiv 117$.

Poznámka: Jistou nevýhodou této konstrukce je, že počet příhrádek musí být prvočíselný. To by nám mohlo vadit při přehešovávání do dvojnásobně velké tabulky. Zachrání nás ovšem *Bertrandův postulát*, který říká, že mezi m a $2m$ vždy leží alespoň jedno prvočíslo. Pokud budeme zaokrouhlovat počet příhrádek na nejbližší vyšší prvočíslo, máme zaručeno, že pokaždé tabulku nejvýše zčtyřnásobíme, což se stále uamortizuje. Teoreticky nás může brzdit hledání vhodných prvočísel, v praxi si na 64-bitovém počítači pořídíme tabulku 64 prvočísel velikostí přibližně mocnin dvojky.

Konstrukce z lineární kongruence

Nyní se inspirujeme lineární kongruencí $x \mapsto ax \pmod{m}$. Pro prvočíselné m by stačilo náhodně volit a a získali bychom 1-univerzální systém – jednorozměrnou obdobu předchozího systému se skalárním součinem. My ovšem dáme přednost trochu komplikovanějším funkcím, které zato budou fungovat pro libovolné m .

Budeme se pohybovat v univerzu $\mathcal{U} = [U]$. Pořídíme si nějaké prvočíslo $p \geq U$ a počet příhrádek $m < U$. Budeme počítat lineární funkce tvaru $ax + b$ v tělese \mathbb{Z}_p a výsledek dodatečně modulit číslem m .

Věta: Nechť $h_{a,b}(x) = ((ax + b) \pmod{p}) \pmod{m}$. Potom systém funkcí $\mathcal{L} = \{h_{a,b} \mid a, b \in [p], a \neq 0\}$ je 1-univerzální.

Důkaz: Mějme dvě různá čísla $x, y \in [U]$. Nejprve rozmyslejme, jak se chovají lineární funkce modulo p bez dodatečného modulení číslem m a bez omezení $a \neq 0$. Pro libovolnou dvojici parametrů $(a, b) \in [p]^2$ označme:

$$\begin{aligned} r &= (ax + b) \pmod{p}, \\ s &= (ay + b) \pmod{p}. \end{aligned}$$

Každé dvojici $(a, b) \in [p]^2$ tedy přiřadíme nějakou dvojici $(r, s) \in [p]^2$. Naopak každá dvojice (r, s) vznikne z právě jedné dvojice (a, b) : podmínky pro a a b dávají soustavu

dvou nezávislých lineárních rovnic o dvou neznámých, která musí mít v libovolném tělese právě jedno řešení. (Explicitnější: Odečtením rovnic dostaneme $r - s \equiv a(x - y)$, což dává jednoznačné a . Dosazením do libovolné rovnice pak získáme jednoznačné b .)

Máme tedy bijekci mezi všemi dvojicemi (a, b) a (r, s) . Nezapomínejme ale, že jsme zakázali $a = 0$, což odpovídá zákazu $r = s$.

Nyní vraťme do hry modulení číslem m a počítejme špatné dvojice (a, b) , pro něž nastane $h_{a,b}(x) = h_{a,b}(y)$. Ty odpovídají dvojicím (r, s) splňujícím $r \equiv s$ modulo m . Pro každé r spočítáme, kolik možných s s ním je kongruentních. Pokud množinu $[p]$ rozdělíme na m -tice, dostaneme $\lceil p/m \rceil$ m -tic, z nichž poslední je neúplná. V každé úplné m -tici leží právě jedno kongruentní s r , v té jedné neúplné nejvýše jedno. Navíc ovšem víme, že $r \neq s$, takže možných s je o jedničku méně.

Celkem tedy pro každé r existuje najevyšší $\lceil p/m \rceil - 1$ kongruentních s . To shora odhadneme výrazem $(p+m-1)/m - 1 = (p-1)/m$. Jelikož možností, jak zvolit r , je přesně p , dostáváme maximálně $p(p-1)/m$ špatných dvojic (r, s) . Mezi dvojicemi (a, b) a (r, s) vede bijekce, takže špatných dvojic (a, b) je stejný počet. Jelikož možných dvojic (a, b) je $p(p-1)$, pravděpodobnost, že vybereme nějakou špatnou, je nejvýše $1/m$. Systém je tedy 1-univerzální. \square

Konstrukce z vyšších bitů součinu

Nakonec ukážeme univerzalitu hešovacích funkcí založených na vyšších bitech součinu. Univerzum budou tvořit všechna w -bitová čísla, tedy $\mathcal{U} = [2^w]$. Hešovat budeme do $m = 2^\ell$ příhrádek. Hešovací funkce pro klíč x vypočte součin ax a „vykousne“ z něj byty na pozicích $w - \ell$ až $w - 1$. (Byty číslujeme obvyklým způsobem od nuly, tedy i -tý bit má váhu 2^i .)

Věta: Necht $h_a(x) = \lfloor (ax \bmod 2^w) / 2^{w-\ell} \rfloor$. Potom systém funkcí $\mathcal{M} = \{h_a \mid a \in [2^w], a \text{ liché}\}$ je 2-univerzální.

Důkaz: Mějme nějaké dva různé klíče x a y . Bez újmy na obecnosti předpokládejme, že $x < y$. Označme i pozici nejnižšího bitu, v němž se x od y liší. Platí tedy $y - x = z \cdot 2^i$, kde z je nějaké liché číslo.

Chceme počítat pravděpodobnost, že $h_a(x) = h_a(y)$ pro rovnomořně náhodné a . Jelikož a je liché, můžeme ho zapsat jako $a = 2b + 1$, kde $b \in [2^{w-1}]$, a volit rovnomořně náhodné b .

Prozkoumejme, jak se chová výraz $a(y - x)$. Můžeme ho zapsat takto:

$$a(y - x) = (2b + 1)(z \cdot 2^i) = bz \cdot 2^{i+1} + z \cdot 2^i.$$

Podívejme se na binární zápis:

- Člen $z \cdot 2^i$ má v bitech 0 až $i - 1$ nuly, v bitu i jedničku a vyšší bity mohou vypadat jakkoliv, ale nezávisí na b .
- Člen $bz \cdot 2^{i+1}$ má bity 0 až i nulové. V bitech $i + 1$ až $w + i$ leží $bz \bmod 2^w$, které nabývá všech hodnot z $[2^w]$ se stejnou pravděpodobností. Jelikož z je liché, a tedy nesoudělné s 2^w , má kongruence $bz \equiv d \pmod{2^w}$ pro každé d právě jedno řešení b (viz cvičení 1.3.5). Všechna b nastávají se stejnou pravděpodobností, takže všechna d také.
- Součet těchto dvou členů tedy musí mít bity 0 až $i - 1$ nulové, v bitu i jedničku a v bitech $i + 1$ až $w + i$ rovnoměrně náhodné číslo z $[2^w]$ (sečtením rovnoměrně náhodného čísla s čímkoliv nezávislým vznikne modulo 2^w opět rovnoměrně náhodné číslo). O vyšších bitech nic neříkáme.

Vraťme se k rovnosti $h_a(x) = h_b(y)$. Ta nastane, pokud se čísla ax a ay shodují v bitech $w - \ell$ až $w - 1$. Využijeme toho, že $ay = ax + a(y - x)$, takže ax a ay se určitě shodují v bitech 0 až $i - 1$ a neshodují v bitu i . Rozlišíme dva případy:

- Pokud $i \geq w - \ell$, bit i patří mezi bity vybrané do výsledku hešovací funkce, takže $h_a(x)$ a $h_a(y)$ se určitě liší.
- Je-li $i < w - \ell$, pak jsou všechny vybrané bity v $a(y - x)$ rovnoměrně náhodné. Kolize x s y nastane, pokud tyto bity budou všechny nulové, nebo když budou jedničkové a navíc v součtu $ax + a(y - x)$ nastane přenos z nižšího rádu. Obojí má pravděpodobnost nejvýš $2^{-\ell}$, takže kolize nastane s pravděpodobností nejvýš $2^{1-\ell} = 2/m$. □

Vzorkování a k-nezávislost*

Hešovací funkce se hodí i pro jiné věci, než je reprezentace množin. Představte si počítačovou síť, v níž putují pakety přes velké množství routerů. Chtěli byste sledovat, co se v síti děje, třeba tak, že necháte každý router zaznamenávat, jaké pakety přes něj projdou. Jenže na to je paketů příliš mnoho. Nabízí se pakety *navzorkovat*, tedy vybrat si z nich jen malou část a tu sledovat.

Vzorek ale nemůžeme vybírat náhodně: kdyby si každý router hodil korunou, zda daný paket zaznamená, málokdy u jednoho paketu budeme znát celou jeho cestu. Raději si pořídíme hešovací funkci h , která paketu p přiřadí nějaké číslo $h(p) \in [m]$. Kdykoliv router přijme paket, zahesuje ho a pokud vyjde méně než nějaký parametr t , paket zaznamená. To nastane s pravděpodobností t/m a shodnou se na tom všechny routery po cestě.

Nabízí se zvolit funkci h náhodně z nějakého c -univerzálního systému. Jenže pak nebudeme vzorkovat spravedlivě: například v našem systému \mathcal{S} odvozeném ze skalárního součinu

padne nulový vektor vždy do příhrádky 0, takže ho pro každé $t > 0$ vybereme do vzorku. Aby vzorkování fungovalo, budeme potřebovat o něco silnější vlastnost než univerzalitu.

Definice: Systém \mathcal{H} funkcí z univerza \mathcal{U} do $[m]$ nazveme (k, c) -nezávislý pro přirozené $k \geq 1$ a reálné $c \geq 1$, pokud pro každých k různých prvků $x_1, \dots, x_k \in \mathcal{U}$ a každých k příhrádek $a_1, \dots, a_k \in [m]$ (ne nutně různých) platí

$$\Pr_{h \in \mathcal{H}}[h(x_1) = a_1 \wedge \dots \wedge h(x_k) = a_k] \leq c/m^k.$$

Definice: Systém nazveme k -nezávislý, pokud ke (k, c) -nezávislý pro nějaké c .

Podobně jako u univerzality, i zde vlastně říkáme, že funkce náhodně vybraná z daného systému je nejvýše c -krát horší než úplně náhodná funkce: ta by s pravděpodobností $1/m$ zahešovala prvek x_1 do příhrádky a_1 , nezávisle s pravděpodobností $1/m$ prvek x_2 do a_2 atd.

Pozorování: Následující vlastnosti necháváme čtenáři na rozmyšlení:

1. Je-li systém $(2, c)$ -nezávislý, pak je také c -univerzální.
2. Je-li systém (k, c) -nezávislý pro $k > 1$, pak je také $(k - 1, c)$ -nezávislý.

Nyní se vratíme k problému se vzorkováním. Vezměme nějaký $(2, c)$ -nezávislý systém. Podle pozorování je také $(1, c)$ -nezávislý, takže pro prvek x a konkrétní příhrádku a je $\Pr_h[h(x) = a] \leq c/m$. Proto nás způsob vzorkování každý paket zaznamená s pravděpodobností nejvýše c -krát větší, než by odpovídalo rovnoměrně náhodnému výběru.

Systémy k -nezávislé pro $k > 2$ není snadné sehnat, ale ukážeme, že malými úpravami již popsaných systémů funkcí z nich můžeme udělat 2-nezávislé. Pro systém \mathcal{L} to vzápětí dokážeme, ostatní nechme jako cvičení 6 a 7.

Věta: Definujme $h_{a,b}(x) = ((ax + b) \bmod p) \bmod m$. Potom systém funkcí $\mathcal{L}' = \{h_{a,b} \mid a, b \in [p]\}$ je $(2, 4)$ -nezávislý.

Důkaz: Z důkazu 1-univerzality systému \mathcal{L} víme, že pro pevně zvolené x a y existuje bijekce mezi dvojicemi parametrů $(a, b) \in \mathbb{Z}_p^2$ a dvojicemi $(r, s) = ((ax + b) \bmod p, (ay + b) \bmod p)$. Pokud volíme parametry rovnoměrně náhodně, dostáváme i (r, s) rovnoměrně náhodně. Zbývá ukázat, že závěrečným modulením m se rovnoměrnost příliš nepokazí.

Potřebujeme, aby pro každé $i, j \in [m]$ platilo (\equiv značí kongruenci modulo m):

$$\Pr_{r,s}[r \equiv i \wedge s \equiv j] \leq \frac{4}{m^2}.$$

Jelikož $r \equiv i$ a $s \equiv j$ jsou nezávislé jevy, navíc se stejnou pravděpodobností, stačí ověřit, že $\Pr_r[r \equiv i] \leq 2/m$.

Čísel $r \in [p]$ kongruentních s i může být nejvýše $[p/m] = \lfloor (p+m-1)/m \rfloor \leq (p+m-1)/m = (p-1)/m + 1$. Využijeme-li navíc toho, že $m \leq p$, získáme:

$$\Pr_r[r \equiv i] = \frac{\#r : r \equiv i}{p} \leq \frac{p-1}{p \cdot m} + \frac{1}{p} \leq \frac{1}{m} + \frac{1}{m} = \frac{2}{m}.$$

Tím jsme větu dokázali. □

Cvičení

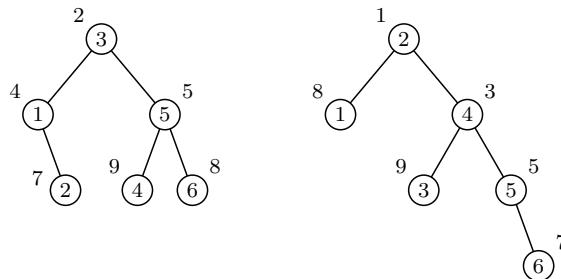
1. Dostali jste hešovací funkci $h : [U] \rightarrow [m]$. Pokud o této funkci nic dalšího nevíte, kolik vyhodnocení funkce potřebujete, abyste našli k -tici prvků, které se všechny zobrazí do téže příhrádky?
2. Ukažte, že pokud bychom v „lineárním“ systému \mathcal{L} zafixovali parametr b na nulu, už by nebyl 1-univerzální, ale pouze 2-univerzální. Totéž by se stalo, pokud bychom připustili nulové a .
3. Ukažte, že pokud bychom v „součinovém“ systému \mathcal{M} připustili i sudá a , už by nebyl c -univerzální pro žádné c .
4. Studujme chování polynomálního hešování z minulého oddílu. Uvažujme funkce $h_a : \mathbb{Z}_p^d \rightarrow \mathbb{Z}_p$, přičemž $h_a(x_0, \dots, x_{d-1}) = \sum_i x_i a^i \pmod{p}$. Dokažte, že systém $\mathcal{P} = \{h_a \mid a \in \mathbb{Z}_p\}$ je d -univerzální. Mohou se hodit vlastnosti polynomů z oddílu 17.1.
- 5.* O systému \mathcal{L}' jsme dokázali, že je $(2, c)$ -nezávislý pro $c = 4$. Rozmyslete si, že pro žádné menší c to neplatí.
- 6.* Ukažte, že systém \mathcal{S} odvozený ze skalárního součinu není 2-nezávislý. Ovšem pokud ho rozšíříme na $\mathcal{S}' = \{h_{\mathbf{t}, r} \mid \mathbf{t} \in \mathbb{Z}_p^d, r \in \mathbb{Z}_p\}$, kde $h_{\mathbf{t}, r}(\mathbf{x}) = \mathbf{t} \cdot \mathbf{x} + r$, už bude 2-nezávislý.
- 7.** Podobně systém \mathcal{M} není 2-nezávislý, ale jde to jednoduchou úpravou zachránit. Definujeme $\mathcal{M}' = \{h_{a,b} \mid a, b \in [2^{w+\ell}]\}$, přičemž $h_{a,b}(x) = \lfloor ((ax+b) \pmod{2^{w+\ell}}) / 2^w \rfloor$. Jinak řečeno výsledkem hešovací funkce jsou byty w až $w+\ell-1$ hodnoty $ax+b$. Dokažte, že systém \mathcal{M}' je 2-nezávislý.
8. Nechť \mathcal{H} je nějaký systém funkcí z \mathcal{U} do $[m]$. Pro $m' \leq m$ definujme $\mathcal{H}^* = \{x \mapsto h(x) \pmod{m'} \mid h \in \mathcal{H}\}$. Dokažte, že je-li \mathcal{H} $(2, c)$ -nezávislý, pak \mathcal{H}^* je $2c$ -univerzální a $(2, 4c)$ -nezávislý. Jakou roli hráje tento fakt v rozboru systémů \mathcal{L} a \mathcal{L}' ? Lze dosáhnout lepších konstant než $2c$ a $4c$?

- 9.* Ukažte, že polynomy stupně menšího než k nad tělesem \mathbb{Z}_p tvoří k -nezávislý systém.
10. *Tabelační hešování:* Mějme univerzum kt -bitových čísel $\mathcal{U} = [2^{kt}]$, které chceme hešovat do množiny $[2^q]$. Pořídíme si tabulky $T_1, \dots, T_t : [2^k] \rightarrow [2^q]$ a vyplníme je náhodnými čísly. Chceme-li zahesovat prvek $x \in \mathcal{U}$, rozdělíme ho na k -bitové části $x_1, \dots, x_t \in [2^k]$ a spočítáme $T_1[x_1] \oplus \dots \oplus T_t[x_t]$, kde \oplus je operace XOR. Kolik času a paměti spotřebujeme v závislosti na k , t a q ? Jak vypadají speciální případy $k = 1$ a $t = 1$?
11. Na tabelaci se můžeme dívat jako na systém funkcí parametrizovaný obsahem tabulek. Dokažte, že pro kterékoliv $k > 1$, t a q je tento systém 3-nezávislý, ale není 4-nezávislý.

11.6 Treapy a náhodné vyhledávací stromy

Nakonec sílu randomizace vyzkoušíme na binárních vyhledávacích stromech. Ukážeme *treapy*, které zavedli v roce 1989 Cecilia Aragonová a Raimund Seidel. To je odrůda vyhledávacích stromů, která se objeví bez jakéhokoliv komplikovaného vyvažování, a přitom dosahuje průměrně logaritmické časové složitosti operací.

Definice: *Treap* je binární strom, jehož vrcholy mají jak klíč, tak prioritu. Podle klíčů je strom uspořádaný jako binární vyhledávací strom, podle priorit jako halda.⁽¹⁾



Obrázek 11.3: Dva různé treapy se stejnými klíči a různými prioritami. Čísla uvnitř vrcholů jsou klíče, čísla vně vrcholů priority.

⁽¹⁾ Tomu odpovídá i název, který je křížencem anglických slov *tree* a *heap*.

Zatím budeme předpokládat, že priority jsou navzájem různá reálná čísla. Později rozebereme, jak je volit.

Lemma: Tvar stromu je jednoznačně určen klíči a prioritami.

Důkaz: Postupujeme indukcí podle počtu vrcholů n . Pokud je $n \leq 1$, existuje právě jeden strom na n vrcholech. Indukční krok provedeme takto: Podle priorit strom funguje jako halda, takže v kořeni musí být vrchol s nejmenší prioritou. Podle klíčů je treap vyhledávací strom, takže v levém podstromu kořene musí být vrcholy s menším klíčem, v pravém ty s větším. Oba podstromy jsou přitom treapy na méně než n vrcholech, takže podle indukčního předpokladu mají jednoznačný tvar. \square

Hledání v treapu probíhá stejně jako v obyčejném binárním vyhledávacím stromu. INSERT a DELETE ovšem nebude implementovat přímo, nýbrž je složíme z dělení a slepování stromů podobně jako u splay stromů. Z předchozího lemmatu přitom plyne, že ať zvolíme jakoukoliv implementaci, vždy dostaneme tentýž strom.

Spojení dvou treapů

Mějme dva treapy A a B takové, že všechny klíče v A jsou menší než všechny klíče v B . Operace JOIN spojí oba treapy do jednoho. Přesněji řečeno je rozebere na podstromy a z nich pak poskládá nový treap.

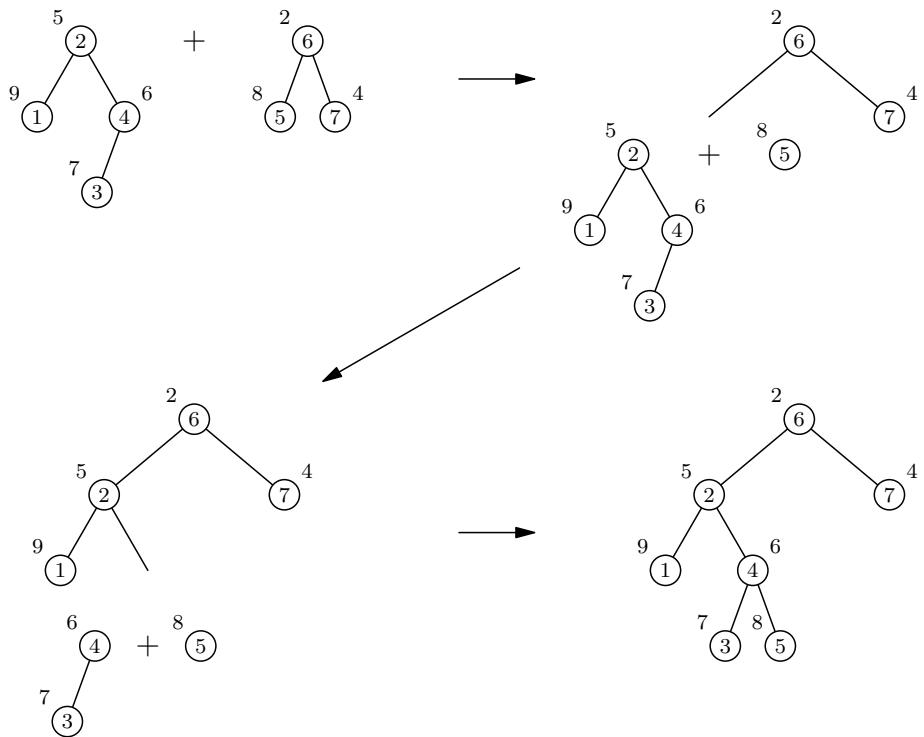
Spojovat budeme rekurzivně. Označme a a b kořeny treapů A a B . Kořenem nového treapu se musí stát vrchol s nejmenší prioritou, což je buď a , nebo b . Situaci sledujme na obrázku 11.4.

Uvažme případ, kdy $\text{priorita}(a) < \text{priorita}(b)$. Tehdy se novým kořenem stane a . Jeho levý podstrom musí být treap z klíčů menších než $\text{klíč}(a)$, ovšem ty už ležely v levém podstromu a a nikde jinde. Levý podstrom tedy ponecháme, jak byl. V pravém podstromu nového treapu mají ležet klíče větší než $\text{klíč}(a)$, které se původně nacházely v pravém podstromu vrcholu a a kdekoliv ve stromu B . Tyto stromy spojíme rekurzivním voláním JOINu.

Opačný případ je symetrický: Pokud $\text{priorita}(a) > \text{priorita}(b)$, novým kořenem se stane b . Nový levý podstrom bude spojením celého stromu A s levým podstromem vrcholu b . Pravý podstrom b zůstane zachován.

Zbývá domyslet, jak se rekurze zastaví. Časem dojde k tomu, že jeden ze stromů bude prázdný. Tehdy je výsledkem spojování druhý strom.

V zápisu algoritmu používáme $\ell(a)$ a $r(a)$ pro levého a pravého syna vrcholu a .



Obrázek 11.4: Spojení dvou treapů.

Procedura TREAPJOIN(a, b) (spojení dvou treapů)

Vstup: Kořeny a a b původních treapů

1. Pokud $a = \emptyset$, vrátíme b .
2. Pokud $b = \emptyset$, vrátíme a .
3. Je-li $\text{priorita}(a) < \text{priorita}(b)$:
4. $r(a) \leftarrow \text{TREAPJOIN}(r(a), b)$
5. Vrátíme a .
6. Jinak:
7. $\ell(b) \leftarrow \text{TREAPJOIN}(a, \ell(b))$
8. Vrátíme b .

Výstup: Kořen nového treapu

Rozdělení treapu

Podobně jednoduché je rozdělování treapů. Operace $SPLIT(x)$ rozeberé treap a sestaví z něj dva nové A a B . Do A půjdou prvky menší nebo rovné x , do B prvky větší než x .

Opět povoláme na pomoc rekurzi. Situaci budeme sledovat na obrázku 11.5. Nechť v je kořen původního treapu. Je-li $klíč(v) \leq x$, musí v skončit v A . Žádný jiný vrchol přitom nemá nižší prioritu, takže v se musí stát kořenem stromu A . Všechny klíče v levém podstromu v jsou menší než $klíč(v)$, takže i menší než x . Proto mohou zůstat tam, kde byly. Naopak klíče v pravém podstromu v mohou být jak menší, tak větší než x . Pravý podstrom tedy rekurzivně rozdělíme, jeho menší část se stane pravým podstromem A , větší část celým stromem B .

Případ $klíč(v) > x$ je opět symetrický: v se stane kořenem treapu B . Jeho pravý podstrom zůstane zachován. Levý podstrom rozdělíme rekurzivně, větší část se stane pravým podstromem B , menší část celým stromem A .

Rekurzi zastavíme při pokusu o rozdělení prázdného stromu: ten prostě rozdělíme na dva prázdné stromy.

Procedura $\text{TREAPSPLIT}(v, x)$ (rozdělení treapu)

Vstup: Kořen treapu v , dělící klíč x

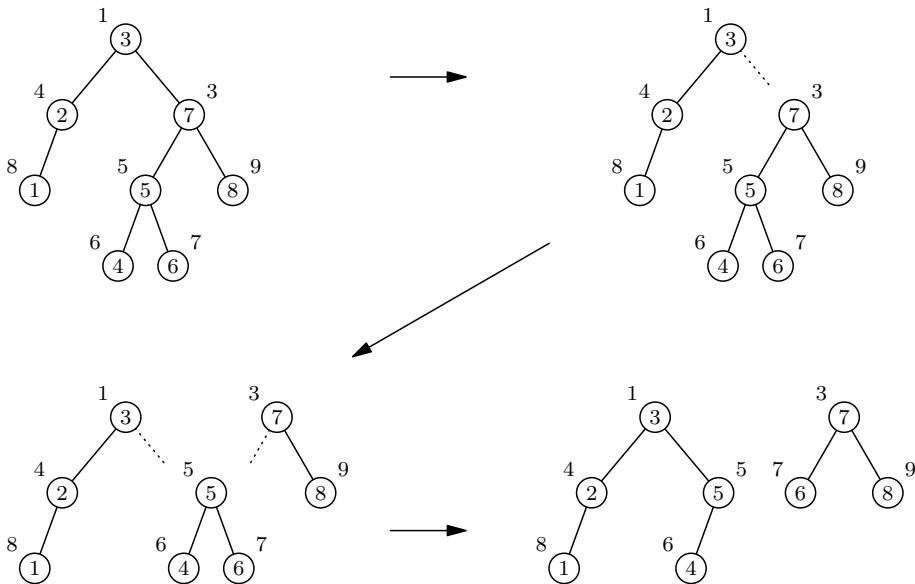
1. Pokud $v = \emptyset$, vrátíme (\emptyset, \emptyset) .
2. Je-li $klíč(v) \leq x$:
 3. $(r(v), b) \leftarrow \text{TREAPSPLIT}(r(v), x)$
 4. Vrátíme (v, b) .
5. Jinak:
 6. $(a, \ell(v)) \leftarrow \text{TREAPSPLIT}(\ell(v), x)$
 7. Vrátíme (a, v) .

Výstup: Kořeny nových treapů

Vkládání a mazání prvků

Konečně popíšeme, jak vkládat a mazat prvky. Chceme-li vložit klíč x , nejprve treap rozdělíme podle x , čímž vzniknou treapy A a B . Pak vytvoříme nový vrchol s klíčem x a zvolíme mu prioritu. Nakonec sloučíme A s novým vrcholem a výsledek sloučíme s B . (Kdybychom chtěli, můžeme kontrolovat, zda už se x v treapu nenacházelo.)

Chceme-li naopak x smazat, nejdříve treap rozdělíme podle x na A a B . Poté A rozdělíme znova podle x na A_1 a A_2 , ovšem místo neostré nerovnosti použijeme ostrou (kdyby byly klíče celočíselné, stačí dělit neostře podle $x + 1$). Tím pádem v A_1 skončí klíče menší než x , v A_2 jen samo x a v B klíče větší než x . Zbývá spojit A_1 s B a je hotovo.



Obrázek 11.5: Rozdělení treapu podle $x = 5$.

Nyní dokážeme, že pokud priority nových vrcholů budeme volit rovnoměrně náhodně z intervalu $[0, 1]$, vyjde všem operacím průměrně logaritmická časová složitost. V praktické implementaci nemáme k dispozici reálná čísla, tak priority volíme jako rovnoměrně náhodná 32-bitová nebo 64-bitová celá čísla (viz cvičení 9).

Náhodné vyhledávací stromy*

Zavedeme jednoduchý model náhodných stromů a ukážeme, že popisuje i chování treapů.

Definice: *Náhodný vyhledávací strom (NVS)* pro klíče $x_1 < \dots < x_n$ vznikne tak, že rovnoměrně náhodně vybereme jeden z klíčů x_k jako kořen. Levý podstrom kořene pak bude NVS pro prvky x_1, \dots, x_{k-1} , pravý podstrom bude NVS pro x_{k+1}, \dots, x_n .

Náhodný strom jsme definovali postupem výstavby, což je nějaký náhodný proces. Jeho různé průběhy dávají různé stromy. Náhodný strom tedy není jeden konkrétní strom, nýbrž pravděpodobnostní rozdělení, jež každému vyhledávacímu stromu pro klíče x_1, \dots, x_n přiřazuje pravděpodobnost, že ho nás proces vygeneroval.

Lemma: Pokud priority vrcholů v treapu volíme rovnoměrně náhodně z intervalu $[0, 1]$, treap je náhodný vyhledávací strom.

Důkaz: Pravděpodobnost, že zvolíme prioritu, kterou už nějaký vrchol má, je nulová. Proto případy, kdy se priority opakují, nemají vliv na to, jak je který tvar stromu pravděpodobný.

Dále si všimneme, že na konkrétních hodnotách priorit nezáleží, pouze na jejich přiřazení vrcholům. Můžeme si představit, že nejprve zvolíme rovnoramenně náhodně n -prvkovou podmnožinu intervalu $[0, 1]$ a poté náhodně permutujeme, který vrchol dostane kterou z priorit. Z toho je jasné, že každý vrchol má stejnou pravděpodobnost, že je jeho priorita nejmenší, tedy že je to kořen treapu.

Všechny kořeny jsou tedy stejně pravděpodobné. Zbývá ukázat, že levý a pravý podstrom kořene jsou opět náhodně vyhledávací stromy. Pro ně už neplatí, že priority jsou rovnoramenně náhodné z $[0, 1]$, ale pořád jsou všechny permutace priorit stejně pravděpodobné. Můžeme tedy na podstromy rekursivně aplikovat tutéž úvalu. \square

Operace s treapy mají složitost lineární s hloubkou stromu. Dokážeme, že hloubka náhodného vyhledávacího stromu je průměrně logaritmická.

Věta (o hloubce stromu): Střední hodnota hloubky náhodného vyhledávacího stromu na n vrcholech je $\mathcal{O}(\log n)$.

Důkaz: Nechť X_n je náhodná veličina, která vyjadřuje hloubku NVS na n vrcholech měřenou ve vrcholech. Zajímá nás tedy $\mathbb{E}[X_n]$. Nejprve si všimneme, že platí:

$$X_n = 1 + \max(X_{k-1}, X_{n-k-1}), \quad X_0 = 0.$$

Zde k říká, kolikátý nejmenší prvek jsme vybrali jako kořen (to je také náhodná veličina). Přitom X_{k-1} je hloubka levého podstromu a X_{n-k-1} pravého.

Místo X_n bude jednodušší analyzovat $Y_n = 2^{X_n}$. Přepíšeme rekurenci pro X_n do řeči Y_n a maximum shora odhadneme součtem:

$$Y_n = 2 \cdot \max(Y_{k-1}, Y_{n-k-1}) \leq 2 \cdot (Y_{k-1} + Y_{n-k-1}), \quad Y_0 = 1.$$

V přímočarém použití linearity střední hodnoty nám brání to, že k není konstanta. Všechny hodnoty k jsou ovšem stejně pravděpodobné, takže přes ně stačí průměrovat:

$$\mathbb{E}[Y_n] \leq \frac{2}{n} \cdot \left(\sum_{k=1}^n \mathbb{E}[Y_{k-1}] + \mathbb{E}[Y_{n-k-1}] \right).$$

Jelikož každé Y_i pro $0 \leq i \leq n$ se v sumě vyskytne nejvýš dvakrát, můžeme nerovnost přepsat:

$$\mathbb{E}[Y_n] \leq \frac{4}{n} \cdot \sum_{k=0}^{n-1} \mathbb{E}[Y_i].$$

Ted dokážeme indukcí, že platí $\mathbb{E}[Y_n] \leq \binom{n+3}{3}$. Pro $n = 0$ je to jistě pravda: $\mathbb{E}[Y_0] = 1 = \binom{3}{3}$. V indukčním kroku potřebujeme ověřit:

$$\binom{n+3}{3} \leq \frac{4}{n} \cdot \sum_{k=0}^{n-1} \binom{k+3}{3} = \frac{4}{n} \cdot \sum_{k=3}^{n+2} \binom{k}{3}.$$

Pravou sumu můžeme interpretovat jako počítání všech neuspořádaných čtveřic vybraných z množiny $\{0, \dots, n+2\}$. Její k -tý člen říká, kolik čtveřic má jako svůj maximální prvek číslo k – zbyvající prvky čtveřice tvoří trojici vybranou z $\{0, \dots, k-1\}$. Čtveřice můžeme ovšem spočítat přímočaře jako $\binom{n+3}{4}$. Ted už si stačí uvědomit, že $\binom{n+3}{4} = \frac{n}{4} \binom{n+3}{3}$.

Dokázali jsme tedy, že $\mathbb{E}[Y_n] \leq \binom{n+3}{3}$. Toto kombinaciční číslo je kubický polynom v proměnné n , takže $\mathbb{E}[Y_n] \in \mathcal{O}(n^3)$. Zbývá se dostat od $Y_n = 2^{X_n}$ zpět k X_n . Využijeme následující fakt, který je zobecněním úvah o průměru logaritmů v oddílu 9.5:

Fakt (Jensenova nerovnost): Je-li X náhodná veličina a f konvexní funkce, pak platí $f(\mathbb{E}[X]) \leq \mathbb{E}[f(X)]$.

Funkce 2^x je konvexní, tudíž dostáváme: $2^{\mathbb{E}[X_n]} \leq \mathbb{E}[2^{X_n}] = \mathbb{E}[Y_n] \in \mathcal{O}(n^3)$ a z toho zlogaritmováním $X_n \in \mathcal{O}(\log n^3) = \mathcal{O}(\log n)$. \square

Důsledek: Operace FIND, SPLIT, JOIN, INSERT a DELETE na treapu s n klíci a rovnoměrně náhodnou volbou priorit pracují v průměrně logaritmickém čase.

Cvičení

1. Rozmyslete si, že pokud priority nejsou unikátní, operace TREAPJOIN a TREAPSPLIT nadále fungují. Tvar stromu už není jednoznačný, ale to nevadí.
2. Ukažte, jak pro zadané klíče a priority vytvořit treap efektivněji než postupným INSERTOVÁNÍM. Jsou-li klíče setříděné, treap lze vytvořit v lineárním čase. [N64]
3. Implementujte INSERT a DELETE tak, že operaci provedete jako v obyčejném binárním vyhledávacím stromu a následně opravíte haldové uspořádání pomocí rotací.
4. Ukažte, jak operace s pořadím z cvičení 8.5.1, reprezentaci posloupností z cvičení 8.5.6 a intervalové operace z cvičení 8.5.7 a 8.5.8 vyřešit pomocí treapů. Povšimněte

si, že je to mnohem jednodušší než pomocí vyvažovaných stromů – jediné operace měnící strukturu treapů jsou JOIN a SPLIT, takže všechny pomocné hodnoty uložené ve vrcholech stačí přepočítávat tam.

5. Vytvoříme binární vyhledávací strom vkládáním hodnot v rovnoměrně náhodném pořadí bez jakéhokoliv vyvažování. Dokažte, že je to náhodný vyhledávací strom.
6. *Quicksort*: Interpretujte strom rekurze randomizovaného Quicksortu jako náhodný vyhledávací strom. Z toho odvodte alternativní důkaz průměrné časové složitosti.
7. *Průměrná hloubka klíče*: Místo poměrně pracné věty o průměrné složitosti náhodného vyhledávacího stromu dokažte snadné, byť slabší tvrzení: Střední hodnota hloubky vrcholu obsahujícího daný klíč x je $\mathcal{O}(\log n)$. [N117]
8. *Alternativní analýza treapů*: Slabší tvrzení z předchozího cvičení postačí k rozboru průměrné složitosti operací s treapy. Zkuste to, ale opatrnost je na místě: tvrzení smíme používat jen na klíče, jejichž výběr nezávisí na zvolených prioritách – například použít ho na argument INSERTu nebo na nejmenší klíč je v pořádku, použít na klíč z kořene nikoliv.
- 9.* *Celocíselné priority*: V praxi priority volíme rovnoměrně z nějaké konečné množiny $[m]$. Jak velké m je potřeba, aby pravděpodobnost kolize vyšla dostatečně nízká? Volbou $m \approx n^2$ získáme konstantní pravděpodobnost kolize, pro $m \approx n^3$ nastane kolize s pravděpodobností $\mathcal{O}(1/n)$. Dokažte tyto odhady a pomocí nich ukažte, že pro vhodné m kolize podstatně neovlivní průměrnou časovou složitost operací. (Můžete zkusit dokázat, že i menší hodnoty m jsou stále použitelné, protože malý počet kolizí výrazně neuškodí.)

12 Dynamické programování

12 Dynamické programování

V této kapitole prozkoumáme ještě jednu techniku návrhu algoritmů, která je založená na rekurzivním rozkladu problému na podproblémy. V tom je podobná metodě Rozděl a panuj, ovšem umí využít toho, že se podproblémy během rekurze opakují. Proto v mnoha případech vede na mnohem rychlejší algoritmy. Říká se jí poněkud tajemně *dynamické programování*.⁽¹⁾

12.1 Fibonacciho čísla podruhé

Princip dynamického programování si nejprve vyzkoušíme na triviálním příkladu. Budeme počítat Fibonacciho čísla, se kterými jsme se už potkali v úvodní kapitole. Začneme přímočarým rekurzivním algoritmem na výpočet n -tého Fibonacciho čísla F_n , který postupuje přesně podle definice $F_n = F_{n-1} + F_{n-2}$.

Algoritmus FIB(n)

1. Pokud $n \leq 1$, vrátíme n .
2. Jinak vrátíme $\text{FIB}(n - 1) + \text{FIB}(n - 2)$.

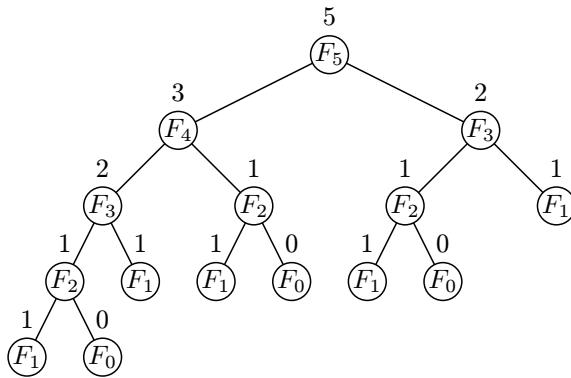
Zkusme zjistit, jakou časovou složitost tento algoritmus má. Sledujme strom rekurze na následujícím obrázku. V jeho kořeni počítáme F_n , v listech F_0 a F_1 , vnitřní vrcholy odpovídají výpočtům čísel F_k pro $2 \leq k < n$.

Libovolný vnitřní vrchol přitom vrací součet hodnot ze svých synů. Pokud tento argument zopakujeme, dostaneme, že hodnota vnitřního vrcholu je rovna součtu hodnot všech listů ležících pod ním. Speciálně tedy F_n v kořeni musí být rovno součtu všech listů. Z každého listu přitom vracíme buďto 0 nebo 1, takže abychom nasčítali F_n , musí se ve stromu celkově nacházet alespoň F_n listů. Z cvičení 1.4.4 víme, že $F_n \approx 1.618^n$, takže strom rekurze má přinejmenším exponenciálně mnoho listů a celý algoritmus se plouží exponenciálně pomalu.

Nyní si všimněme, že funkci FIB voláme pouze pro argumenty z rozsahu 0 až n . Jediné možné vysvětlení exponenciální časové složitosti tedy je, že si necháváme mnohokrát spočítat totéž. To je vidět i na obrázku: F_2 vyhodnocujeme dvakrát a F_1 dokonce čtyřikrát.

Zkusme tomu zabránit. Pořídíme si tabulku T a budeme do ní vyplňovat, která Fibonacciho čísla jsme už spočítali a jak vyšly jejich hodnoty. Při každém volání rekurzivní

⁽¹⁾ Legenda říká, že s tímto názvem přišel Richard Bellman, když v 50. letech pracoval v americkém armádním výzkumu a potřeboval nadřízeným vysvětlit, čím se vlastně zabývá. Programováním se tehdy mínilo zejména plánování (třeba postupu výroby) a Bellman zkoumal vícekrokové plánování, v němž optimální volba každého kroku záleží na předchozích krocích – proto dynamické.



Obrázek 12.1: Rekursivní výpočet Fibonacciho čísel

funkce se pak podíváme do tabulky. Pokud již výsledek známe, rovnou ho vrátíme; v opačném případě ho poctivě spočítáme a hned uložíme do tabulky. Upravený algoritmus bude vypadat následovně.

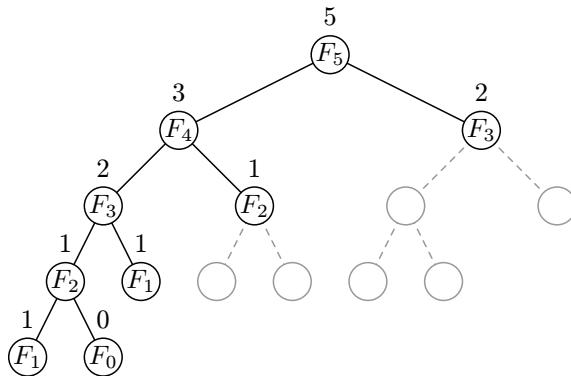
Algoritmus $\text{FIB2}(n)$

1. Je-li $T[n]$ definováno, vrátíme $T[n]$.
2. Pokud $n \leq 1$, položíme $T[n] \leftarrow n$.
3. Jinak položíme $T[n] \leftarrow \text{FIB2}(n - 1) + \text{FIB2}(n - 2)$.
4. Vrátíme $T[n]$.

Jak se změnila časová složitost? K rekurzi nyní dojde jedině tehdy, vyplňujeme-li políčko tabulky, v němž dosud nic nebylo. To se může stát nejvýše $(n + 1)$ -krát, z toho dvakrát triviálně (pro F_0 a F_1), takže strom rekurze má nejvýše n vnitřních vrcholů. Pod každým z nich leží nejvýše 2 listy, takže celkově má strom najevíš $3n$ vrcholů. V každém z nich trávíme konstantní čas, celkově běží funkce FIB2 v čase $\mathcal{O}(n)$.

Ve stromu rekurze jsme tedy prořezali opakující se větve, až zbylo $\mathcal{O}(n)$ vrcholů. Jak to dopadne pro F_5 , vidíme na obrázku 12.2.

Nakonec si uvědomíme, že tabulku mezinásledků T nemusíme vyplňovat rekursivně. Je-li k výpočtu $T[k]$ potřebujeme pouze $T[k - 1]$ a $T[k - 2]$, stačí ji plnit v pořadí $T[0], T[1], T[2], \dots$ a vždy budeme mít k dispozici všechny hodnoty, které v daném okamžiku potřebujeme. Dostaneme následující nerekurzivní algoritmus.



Obrázek 12.2: Prořezaný strom rekurze po zavedení tabulky

Algoritmus $\text{FIB3}(n)$

1. $T[0] \leftarrow 0, T[1] \leftarrow 1$
2. Pro $k = 2, \dots, n$:
3. $T[k] \leftarrow T[k - 1] + T[k - 2]$
4. Vráťme $T[n]$.

Funkci FIB3 jsme pochopitelně mohli vymyslet přímo, bez úvah o rekurzi. Postup, který jsme si předvedli, ovšem funguje i v méně přímočarých případech. Zkusme proto shrnout, co jsme udělali.

Princip dynamického programování:

- Začneme s rekursivním algoritmem, který je exponenciálně pomalý.
- Odhalíme opakování výpočty stejných podproblémů.
- Pořídíme si tabulkou a budeme si v ní pamatovat, které podproblémy jsme už vyřešili. Tím prořežeme strom rekurze a vznikne rychlejší algoritmus. Tomuto přístupu se často říká *kešování* a tabulce *keš* (anglicky cache).⁽²⁾
- Uvědomíme si, že keš lze vyplňovat bez rekurze, zvolíme-li vhodné pořadí podproblémů. Tím získáme stejně rychlý, ale jednodušší algoritmus.

⁽²⁾ Cache v angličtině znamená obecně skrýš, třeba tu, kam si veverka schovává oříšky. V informatice se tak říká různým druhům paměti na často používaná data. Je-li řeč o zrychlování rekurze, používá též poněkud krkolomný termín *memoizace* – *memo* je zkrácenina z latinského *memorandum* a dnes značí libovolnou poznámku.

Cvičení

1. Spočítejte, kolik přesně vrcholů má strom rekurze funkce FIB a dokažte, že časová složitost této funkce činí $\Theta(\tau^n)$, kde $\tau = (1 + \sqrt{5})/2$ je zlatý řez.

12.2 Vybrané podposloupnosti

Metodu dynamického programování nyní předvedeme na méně triviálním příkladu. Do staneme posloupnost x_1, \dots, x_n celých čísel a chceme z ní škrtnout co nejméně prvků tak, aby zbývající prvky tvořily rostoucí posloupnost. Jinak řečeno, chceme najít *nejdelší rostoucí podposloupnost (NRP)*. Tu můžeme formálně popsat jako co nejdelší posloupnost indexů i_1, \dots, i_k takovou, že $1 \leq i_1 < \dots < i_k \leq n$ a $x_{i_1} < \dots < x_{i_k}$.

Například v následující posloupnosti je jedna z NRP vyznačena tučně.

i	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
x_i	3	14	15	92	65	35	89	79	32	38	46	26	43

Rekurzivní řešení

Nabízí se použít hladový algoritmus: začneme prvním prvkem posloupnosti a pokaždé budeme přidávat nejbližší další prvek, který je větší. Pro naši ukázkovou posloupnost bychom tedy začali 3, 14, 15, 92 a dál bychom už nemohli přidat žádný další prvek. Optimální řešení je ale delší.

Problém byl v tom, že jsme z možných pokračování podposloupnosti (tedy čísel větších než poslední přidané a ležících napravo od něj) zvolili hladově to nejbližší. Pokud místo toho budeme zkoušet všechna možná pokračování, dostaneme rekurzivní algoritmus, který bude korektní, byť pomalý.

Jeho jádrem bude rekurzivní funkce $\text{NRP}(i)$. Ta pro dané i spočítá maximální délku rostoucí podposloupnosti začínající prvkem x_i . Udělá to tak, že vyzkouší všechna x_j navazující na x_i (tedy $j > i$ a $x_j > x_i$) a pro každé z nich se zavolá rekurzivně. Z možných pokračování si pak vybere to, které dá celkově nejlepší výsledek.

Všimněme si, že rekurze se přirozeně zastaví pro $i = n$: tehdy totiž cyklus neproběhne ani jednou a funkce se ihned vrátí s výsledkem 1.

Řešení původní úlohy získáme tak, že zavoláme $\text{NRP}(i)$ postupně pro $i = 1, \dots, n$ a vypočteme maximum z výsledků. Probereme tedy všechny možnosti, kterým prvkem může optimální řešení začínat. Elegantnější ovšem je dodefinovat $x_0 = -\infty$. Tím získáme prvek, který se v optimálním řešení zaručeně vyskytuje, takže postačí zavolat $\text{NRP}(0)$.

Algoritmus $\text{NRP}(i)$ (nejdelší rostoucí podposloupnost rekurzivně)

Vstup: Posloupnost x_1, \dots, x_n

1. $d \leftarrow 1$
2. Pro $j = i + 1, \dots, n$:
3. Je-li $x_j > x_i$:
4. $d \leftarrow \max(d, 1 + \text{NRP}(j))$

Výstup: Délka d nejdelší rostoucí podposloupnosti v x_1, \dots, x_n

Tento algoritmus je korektní, nicméně má exponenciální časovou složitost: pokud je vstupní posloupnost sama o sobě rostoucí, projdeme během výpočtu úplně všechny podposloupnosti a těch je 2^n . Pro každý prvek si totiž nezávisle na ostatních můžeme vybrat, zda v podposloupnosti leží.

Podobně jako u příkladu s Fibonacciho číslami nás zachrání, když si budeme pamatovat, co jsme už spočítali, a nebudeme to počítat znova. Funkci NRP totiž můžeme zavolat pouze pro $n + 1$ různých argumentů. Pokaždé v ní strávíme čas $\mathcal{O}(n)$, takže celý algoritmus poběží v příjemném čase $\mathcal{O}(n^2)$.

Iterativní řešení

Sledujme dálé osvědčený postup. Rekurze se můžeme zbavit a tabulkou vyplňovat postupně od největšího i k nejménšímu. Budeme tedy počítat $T[i]$, což bude délka té nejdelší ze všech rostoucích podposloupností začínajících prvkem x_i .

Algoritmus NRP2 (nejdelší rostoucí podposloupnost iterativně)

Vstup: Posloupnost x_1, \dots, x_n

1. $x_0 \leftarrow -\infty$
2. Pro $i = n, n - 1, \dots, 0$: \triangleleft všechny možné začátky NRP
3. $T[i] \leftarrow 1$
4. $P[i] \leftarrow 0$ \triangleleft bude se později hodit pro výpis řešení
5. Pro $j = i + 1, \dots, n$: \triangleleft všechna možná pokračování
6. Pokud $x_i < x_j$ a $T[i] < 1 + T[j]$: \triangleleft máme lepší řešení
7. $T[i] \leftarrow 1 + T[j]$
8. $P[i] \leftarrow j$

Výstup: Délka $T[0]$ nejdelší rostoucí podposloupnosti

Tento algoritmus běží také v kvadratickém čase. Jeho průběh na naší ukázkové posloupnosti ilustruje obrázek 12.3. Všimněte si, že algoritmus našel jiné optimální řešení, než jakého jsme si prve všimli my.

i	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
x_i	$-\infty$	3	14	15	92	65	35	89	79	32	38	46	26	43
$T[i]$	7	6	5	4	1	2	3	1	1	3	2	1	2	1
$P[i]$	1	2	3	6	0	7	10	0	0	10	11	0	13	0

Obrázek 12.3: Průběh výpočtu algoritmu NRP2

Korektnost algoritmu můžeme dokázat zpětnou indukcí podle i . K tomu se nám hodí nahlédnout, že začíná-li optimální řešení pro vstup x_i, \dots, x_n dvojicí x_i, x_j , pak z něj odebráním x_i vznikne optimální řešení pro kratší vstup x_j, \dots, x_n začínající x_j . Kdyby totiž existovalo lepší řešení pro kratší vstup, mohli bychom ho rozšířit o x_i a získat lepší řešení pro původní vstup. Této vlastnosti se říká *optimální substruktura* a už jsme ji potkali například u nejkratších cest v grafech.

Zbývá domyslet, jak kromě délky NRP nalézt i posloupnost samu. K tomu nám pomůže, že kdykoliv jsme spočítali $T[i]$, uložili jsme do $P[i]$ index druhého prvku příslušné optimální podposloupnosti (prvním prvkem je vždy x_i). Proto $P[0]$ říká, jaký prvek je v optimálním řešení celé úlohy první, $P[P[0]]$ udává druhý a tak dále. Opět to funguje analogicky s hledáním nejkratší cesty třeba prohledáváním do šířky: tam jsme si pamatovali předchůdce každého vrcholu a pak zpětným průchodem rekonstruovali cestu.

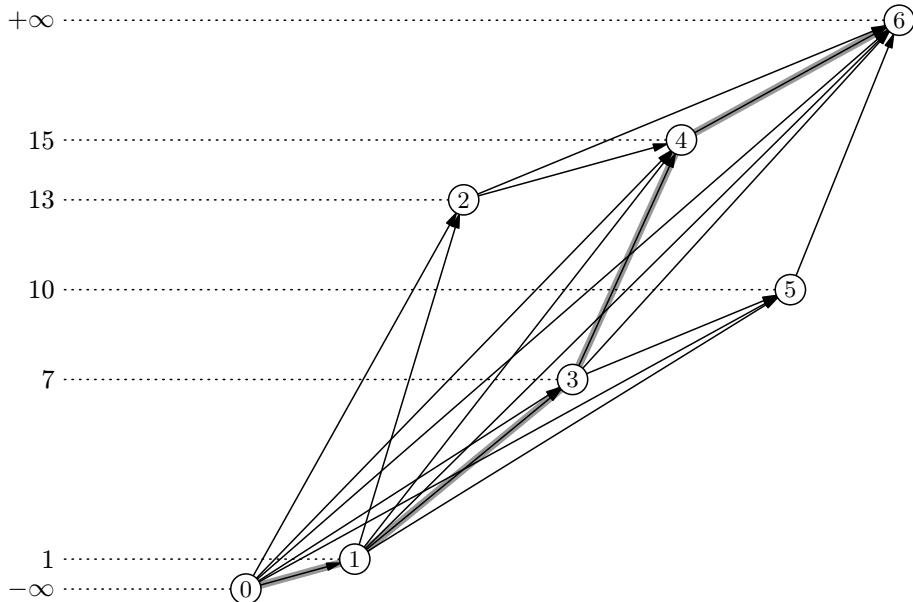
Grafový pohled

Podobnost s hledáním cest v grafech není náhodná – celou naši úlohu totiž můžeme přeformulovat do řeči grafů. Sestrojíme orientovaný graf, jehož vrcholy budou prvky x_0, \dots, x_{n+1} , přičemž dodefinujeme $x_0 = -\infty$ a $x_{n+1} = +\infty$. Hrana povede z x_i do x_j tehdy, mohou-li x_i a x_j sousedit v rostoucí podposloupnosti, čili pokud $i < j$ a současně $x_i < x_j$. (Na obrázku tyto hrany vedou „doprava nahoru“.)

Každá rostoucí podposloupnost pak odpovídá nějaké cestě v tomto grafu. Chceme proto nalézt nejdelší cestu. Ta bez újmy na obecnosti začíná v x_0 a končí v x_{n+1} .

Náš graf má $\Theta(n)$ vrcholů a $\mathcal{O}(n^2)$ hran. Navíc je acyklický a pořadí vrcholů x_0, \dots, x_{n+1} je topologické. Nejdelší cestu tedy můžeme najít v čase $\mathcal{O}(n^2)$ indukcí podle topologického uspořádání (podrobněji viz oddíl 5.8).

Výsledný algoritmus je přitom náramně podobný našemu NRP2: vnější cyklus prochází pozpátku topologickým pořadím, vnitřní cyklus zkoumá hrany z vrcholu x_i a $T[i]$ můžeme interpretovat jako délku nejdelší cesty z x_i do x_{n+1} . To je poměrně typické: dynamické programování je často ekvivalentní s hledáním cest ve vhodném grafu. Někdy je jednodušší nalézt tento graf, jindy zase k algoritmu dojít „převrácením“ rekurze.



Obrázek 12.4: Graf reprezentující posloupnost $-\infty, 1, 13, 7, 15, 10, +\infty$ a jedna z nejdelších cest

Rychlejší algoritmus

Kvadratické řešení je jistě lepší než exponenciální, ale můžeme ho ještě zrychlit. Výběr maxima hrubou silou totiž můžeme nahradit použitím šikovné datové struktury. Ta si bude pro všechna zpracovaná x_i pamatovat dvojice $(x_i, T[i])$, přičemž x_i slouží jako klíč a $T[i]$ jako hodnota přiřazená tomuto klíči.

Algoritmus NRP2 v každém průchodu vnějšího cyklu uvažuje jedno x_i . Výpočet vnitřního cyklu odpovídá tomu, že v datové struktuře hledáme největší z hodnot přiřazených klíčům z intervalu $(x_i, +\infty)$. Následně vložíme novou dvojici s klíčem x_i . Jednoduchá modifikace vyvážených vyhledávacích stromů (cvičení 8.5.7) zvládne obě tyto operace v čase $\Theta(\log n)$. (Technický detail: Naše klíče se mohou opakovat. Tehdy stačí zapamatovat si největší z hodnot.)

Jeden průchod vnějšího cyklu pak zvládneme v čase $\Theta(\log n)$, takže celý algoritmus poběží v $\Theta(n \log n)$. Jiný stejně rychlý algoritmus odvodíme ve cvičení 4.

Cvičení

1. *Kopecem* nazveme podposloupnost, která nejprve roste a pak klesá. Vymyslete algoritmus, který v zadané posloupnosti nalezne nejdelší kopec.
2. NRP nemusí být jednoznačně určena. Jak spočítat, kolik různých NRP obsahuje zadaná posloupnost?
3. Pokud existuje více NRP, jakou význačnou vlastnost má ta, kterou najde algoritmus NRP2?
4. Prozkoumejme jiný přístup ke hledání nejdelší rostoucí podposloupnosti. Zadanou posloupnost budeme procházet zleva doprava. Pro již zpracovanou část si budeme udržovat čísla $K[i]$ udávající, jakou nejmenší hodnotou může končit rostoucí podposloupnost délky i . Nahlédněte, že $K[i] < K[i + 1]$. Ukažte, že rozšíříme-li vstup o další prvek x , změní se $\mathcal{O}(1)$ hodnot $K[i]$ a k jejich nalezení stačí nalézt binárním vyhledáváním, kam do posloupnosti K patří x . Z toho získejte algoritmus o složitosti $\Theta(n \log n)$.
5. *Nejnižší knihovna:* Mějme posloupnost n knih. Každá kniha má nějakou šířku s_i a výšku v_i . Knihy chceme naskládat do knihovny s nějakým počtem polic tak, aby chom dodrželi abecední pořadí. Prvních několik knih tedy půjde na první polici, další část na druhou polici, a tak dále. Máme zadanou šířku knihovny S a chceme rozmístit police tak, aby se do nich vešly všechny knihy a celkově byla knihovna co nejnižší. Tloušťku polic a horní a spodní desky přitom zanedbáváme.
6. *Nejužší knihovna:* Podobně jako v předchozím cvičení chceme navrhnut knihovnu, jež pojme dané knihy. Tentokrát ovšem máme zadanou maximální výšku knihovny a chceme najít minimální možnou šířku. Pokud vám to pomůže, předpokládejte, že všechny knihy mají jednotkovou šířku. [N27]
7. *Rozklad na slova:* Dešifrovali jsme tajnou depeši, ale chybí v ní mezery. Známe však slovník všech slov, která se v depeši mohou vyskytnout. Chceme tedy rozdělit depeši na co nejméně slov ze slovníku.
8. Grafový pohled na dynamické programování funguje i pro *Fibonacciho čísla*. Ukažte, jak pro dané n sestrojit graf na $\mathcal{O}(n)$ vrcholech, v němž bude existovat právě F_n cest mezi startem a cílem. Jak tento graf souvisí se stromem rekurze algoritmu FIB?

12.3 Editační vzdálenost

Pokud ve slově **koule** uděláme překlep, vznikne **boule**, nebo třeba **kdoule**. Kolik překlepů je potřeba, aby z **poutníka** vznikl **potěmník**? Podobné otázky vedou ke zkoumání editační vzdálenosti řetězců nebo obecně posloupností.

Definice: Editační operací na řetězci nazveme vložení, smazání nebo změnu jednoho znaku. Editační vzdálenost⁽³⁾ řetězců $x = x_1 \dots x_n$ a $y = y_1 \dots y_m$ udává, kolik nejméně editačních operací je potřeba, abychom z prvního řetězce vytvořili druhý. Budeme ji značit $L(x, y)$.

V nejkratší posloupnosti operací se každého znaku týká nejvýše jedna editační operace, takže operace lze vždy uspořádat „zleva doprava“. Můžeme si tedy představit, že procházíme řetězcem x od začátku do konce a postupně ho přetváříme na řetězec y .

Rekurzivní řešení

Zkusme rozlišit případy podle toho, jaká operace nastane v optimální posloupnosti na samém začátku řetězce:

- Pokud $x_1 = y_1$, můžeme první znak ponechat beze změny.
Tehdy $L(x, y) = L(x_2 \dots x_n, y_2 \dots y_m)$.
- Znak x_1 změníme na y_1 . Pak $L(x, y) = 1 + L(x_2 \dots x_n, y_2 \dots y_m)$.
- Znak x_1 smažeme. Tehdy $L(x, y) = 1 + L(x_2 \dots x_n, y_1 \dots y_m)$.
- Na začátek vložíme y_1 . Tehdy $L(x, y) = 1 + L(x_1 \dots x_n, y_2 \dots y_m)$.

Pokaždé tedy $L(x, y)$ závisí na vzdálenosti nějakých *suffixů* řetězců x a y . Kdybychom tyto vzdálenosti znali, mohli bychom snadno rozpoznat, která z uvedených čtyř možností nastala – byla by to ta, z níž vyjde nejmenší $L(x, y)$.

Pokud vzdálenosti suffixů neznáme, vypočítáme je rekurzivně. Zastavíme se v případech, kdy už je jeden z řetězců prázdný – tehdy je evidentně vzdálenost rovna délce druhého řetězce.

Z toho vychází následující algoritmus. Pro výpočet $L(x, y)$ postačí zavolat EDIT(1, 1).

Algoritmus EDIT(i, j) (editační vzdálenost řetězců rekurzivně)

Vstup: Řetězce $x_i \dots x_n$ a $y_j \dots y_m$

1. Pokud $i > n$, vrátíme $m - j + 1$. \triangleleft jeden z řetězců už skončil
2. Pokud $j > m$, vrátíme $n - i + 1$.
3. $\ell_z \leftarrow \text{EDIT}(i + 1, j + 1)$ \triangleleft ponechání či změna znaku
4. Pokud $x_i \neq y_j$: $\ell_z \leftarrow \ell_z + 1$.
5. $\ell_s \leftarrow \text{EDIT}(i + 1, j) + 1$ \triangleleft smazání znaku
6. $\ell_v \leftarrow \text{EDIT}(i, j + 1) + 1$ \triangleleft vložení znaku
7. Vrátíme $\min(\ell_z, \ell_s, \ell_v)$.

Výstup: Editační vzdálenost $L(x_i \dots x_n, y_j \dots y_m)$

⁽³⁾ Někdy též *Levenštejnova vzdálenost* podle Vladimíra Josifoviče Levenštejna, který ji zkoumal okolo roku 1965. Odtud značení $L(x, y)$.

Algoritmus je zjevně korektní, nicméně může běžet exponenciálně dlouho (třeba pro $x = y = \text{aaa...a}$). Opět nás zachrání, že funkci EDIT můžeme zavolat jen s $(n+1)(m+1)$ různými argumenty. Budeme si tedy kešovat, pro které argumenty už známe výsledek, a známé hodnoty nebudeme počítat znovu. Funkce pak poběží jen $\mathcal{O}(nm)$ -krát a pokaždé spotřebuje konstantní čas.

Iterativní řešení

Pokračujme podobně jako v minulém oddílu. Otočíme směr výpočtu a tabulkou T s výsledky podproblémů budeme vyplňovat bez použití rekurze. Představíme-li si ji jako matici, každý prvek závisí pouze na těch, které leží napravo a dolů od něj. Tabulkou proto můžeme vyplňovat po řádcích zdola nahoru, zprava doleva.

Tím získáme následující jednodušší algoritmus, který zjevně běží v čase $\Theta(nm)$. Příklad výpočtu najeznete na obrázku 12.5.

Algoritmus EDIT2 (editační vzdálenost řetězců iterativně)

Vstup: Řetězce $x_1 \dots x_n$ a $y_1 \dots y_m$

1. Pro $i = 1, \dots, n+1$ položíme $T[i, m+1] \leftarrow n-i+1$.
2. Pro $j = 1, \dots, m+1$ položíme $T[n+1, j] \leftarrow m-j+1$.
3. Pro $i = n, \dots, 1$:
4. Pro $j = m, \dots, 1$:
5. Je-li $x_i = y_j$: $\delta \leftarrow 0$, jinak $\delta \leftarrow 1$
6. $T[i, j] \leftarrow \min(\delta + T[i+1, j+1], 1 + T[i+1, j], 1 + T[i, j+1])$

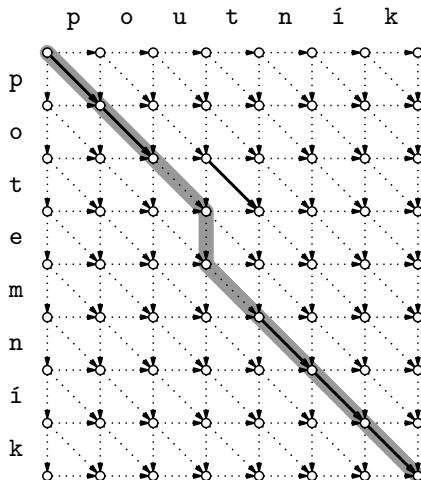
Výstup: Editační vzdálenost $L(x_1 \dots x_n, y_1 \dots y_m) = T[1, 1]$

	p	o	t	e	m	n	í	k
p	3	4	4	4	4	4	5	6
o	4	3	3	3	3	3	4	5
u	4	3	3	2	2	2	3	4
t	4	3	2	2	1	1	2	3
n	5	4	3	2	1	0	1	2
í	6	5	4	3	2	1	0	1
k	7	6	5	4	3	2	1	0
	8	7	6	5	4	3	2	1
								0

Obrázek 12.5: Tabulka T pro slova **poutník** a **potemník**

Grafové řešení

Editační vzdálenost můžeme také popsat pomocí vhodného orientovaného grafu (obrázek 12.6). Vrcholy budou odpovídat možným pozicím v obou řetězcích. Budou to tedy dvojice (i, j) , kde $1 \leq i \leq n + 1$ a $1 \leq j \leq m + 1$. Hrany budou popisovat možné operace: z vrcholu (i, j) povede hrana do $(i + 1, j)$, $(i, j + 1)$ a $(i + 1, j + 1)$. Tyto hrany odpovídají po řadě smazání znaku, vložení znaku a ponechání/záměně znaku. Všechny budou mít jednotkovou délku, pouze v případě ponechání nezměněného písmene ($x_i = y_j$) bude délka nulová.



Obrázek 12.6: Graf k výpočtu editační vzdálenosti.

Plné hrany mají délku 0, čárkované 1.

Každá cesta z vrcholu $(1, 1)$ do $(n + 1, m + 1)$ proto odpovídá jedné posloupnosti operací uspořádané zleva doprava, která z řetězce x vyrobí y . Jelikož graf je acyklický a má $\Theta(nm)$ vrcholů a $\Theta(nm)$ hran, můžeme v něm nalézt nejkratší cestu indukcí podle topologického usporádání v čase $\Theta(nm)$.

Přesně to ostatně dělá náš algoritmus EDIT2. Indukcí můžeme dokázat, že $T[i, j]$ je rovno délce nejkratší cesty z vrcholu (i, j) do $(n + 1, m + 1)$.

Cvičení

1. Dokažte, že editační vzdálenost $L(x, y)$ se chová jako metrika: je vždy nezáporná, nulová pouze pro $x = y$, symetrická ($L(x, y) = L(y, x)$) a splňuje trojúhelníkovou nerovnost $L(x, z) \leq L(x, y) + L(y, z)$.

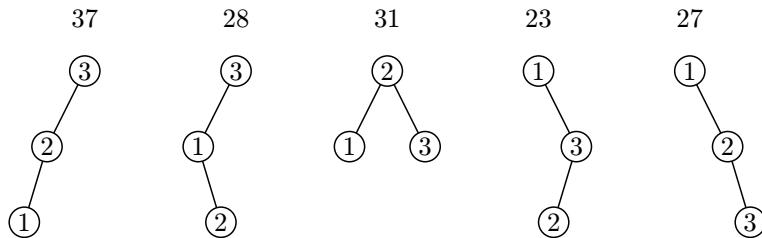
2. Algoritmus EDIT2 zabere $\Theta(nm)$ buněk paměti na uložení tabulky T . Ukažte, jak spotřebu paměti snížit na $\Theta(n + m)$. [N107]
3. Kromě editační vzdálenosti můžeme chtít spočítat i příslušnou nejkratší posloupnost editačních operací. V grafové interpretaci našeho algoritmu je to triviální – prostě vypíšeme nalezenou nejkratší cestu. Ukažte, jak to udělat bez explicitního sestrojení grafu, třeba přímou úpravou algoritmu EDIT2.
- 4.* I v předchozím cvičení si lze vystačit s pamětí $\Theta(n+m)$. Existuje pěkný trik založený na metodě Rozděl a panuj. Budeme hledat nejkratší cestu v grafu z obrázku 12.6. Graf postačí procházet po rádcích (to je topologické pořadí), ale obvyklé grafové algoritmy by si pro vypisování cesty musely zapamatovat předchůdce každého vrcholu. My si místo toho uložíme jen to, ve kterém sloupci profala nejkratší cesta z počátku do daného vrcholu $(n/2)$ -té řádku. To si postačí pamatovat jen v okolí aktuálního řádku. Na konci výpočtu zjistíme, jaký je prostřední vrchol na nejkratší cestě, takže umíme problém rozdělit na dva poloviční podproblémy. Doplňte detaily a dokažte, že tomuto algoritmu postačí lineární paměť, a přesto celkově poběží v čase $\Theta(nm)$.
5. Na první pohled se zdá, že čím podobnější řetězce dostaneme, tím by mělo být jednodušší zjistit jejich editační vzdálenost. Náš algoritmus ovšem pokaždé vyplňuje celou tabulku. Ukažte, jak ho zrychlit, aby počítal v čase $\mathcal{O}((n+m)(L(x,y) + 1))$. Ještě rychlejší algoritmus najdeme v cvičení 13.8.15.
- 6.* Jak by se výpočet editační vzdálenosti změnil, kdybychom mezi editační operace řadili i *prohození* dvou sousedních písmen?
7. Navrhněte algoritmus pro nalezení *nejdelší společné podposloupnosti* daných posloupností x_1, \dots, x_n a y_1, \dots, y_m . Jak tento problém souvisí s editační vzdáleností a s grafem z obrázku 12.6?
8. Jak naopak najít *nejkratší společnou nadposloupnost* dvou posloupností A a B ? Tím se myslí nejkratší posloupnost, která obsahuje jako podposloupnosti jak A , tak B .

12.4 Optimální vyhledávací stromy

Když jsme vymýšleli binární vyhledávací stromy (BVS), uměli jsme zařídit, aby žádný prvek nelezel příliš hluboko. Hned několik způsobů vyvažování nám zaručilo logaritmickou hloubku stromu. Co kdybychom ale věděli, že se na některé prvky budeme ptát mnohem častěji než na jiné? Nevyplatilo by se potom umístit tyto „oblíbené“ prvky blízko ke kořeni, byť to znamenalo další prvky posunout níže?

Vyzkoušejme si to se třemi prvky. Na prvek 1 se budeme ptát celkem 10krát, na 2 jen jednou, na 3 celkem 5krát. Obrázek 12.7 ukazuje možné tvary vyhledávacího stromu

a jejich *ceny* – počty vrcholů navštívených během všech 16 vyhledávání. Například pro prostřední, dokonale vyvážený strom nahlédneme při hledání prvku 1 do 2 vrcholů, při hledání 2 do 1 vrcholu a při hledání 3 opět do 2 vrcholů. Celková cena tedy činí $10 \cdot 2 + 1 \cdot 1 + 5 \cdot 2 = 31$. Následující strom ovšem dosahuje nižší ceny 23, protože často používaná 1 leží v kořeni.



Obrázek 12.7: Cena hledání v různých vyhledávacích stromech

Pojďme se na tento problém podívat obecněji. Máme n prvků s klíči $x_1 < \dots < x_n$ a kladnými vahami w_1, \dots, w_n . Každému binárnímu vyhledávacímu stromu pro tuto množinu klíčů přidělíme *cenu* $C = \sum_i w_i \cdot h_i$, kde h_i je hloubka klíče x_i (hloubky tentokrát počítáme od jedničky). Chceme najít *optimální vyhledávací strom*, tedy ten s nejnižší cenou.

Rekurzivní řešení

Představme si, že nám někdo napověděl, jaký prvek x_i se nachází v kořeni optimálního stromu. Hned víme, že levý podstrom obsahuje klíče x_1, \dots, x_{i-1} a pravý podstrom klíče x_{i+1}, \dots, x_n . Navíc oba tyto podstromy musí být optimální – jinak bychom je mohli vyměnit za optimální a tím celý strom zlepšit.

Pokud nám prvek v kořeni nikdo nenapoví, vystačíme si sami: vyzkoušíme všechny možnosti a vybereme tu, která povede na minimální cenu. Levý a pravý podstrom pokaždé sestrojíme rekurzivním zavoláním téhož algoritmu. Původní problém tedy postupně rozkládáme na podproblémy. V každém z nich hledáme optimální strom pro nějaký souvislý úsek klíčů x_i, \dots, x_j . Zatím se spokojíme s tím, že spočítáme cenu tohoto stromu. Tím vznikne funkce $\text{OPTSTROM}(i, j)$ popsaná níže.

Funkce vyzkouší všechny možné kořeny, pro každý z nich rekurzivně spočítá optimální cenu c_ℓ levého podstromu a c_p pravého. Zbývá domyslet, jak z těchto cen spočítat cenu celého stromu. Všem prvkům v levém podstromu jsme zvýšili hloubku o 1, takže cena podstromu vzrostla o součet vah těchto prvků. Podobně to bude v pravém podstromu. Navíc přibyla dotazy na kořen, který má hloubku 1, takže přispívají k ceně přesně vahou kořene. Váhu každého prvku jsme tedy přičetli právě jednou, takže celková cena stromu činí $c_\ell + c_p + (w_i + \dots + w_j)$.

Algoritmus OPTSTROM(i, j) (cena optimálního BVS rekurzivně)

Vstup: Klíče x_i, \dots, x_j s vahami w_i, \dots, w_j

1. Pokud $i > j$, vrátíme 0. \triangleleft prázdný úsek dává prázdný strom
2. $W \leftarrow w_i + \dots + w_j$ \triangleleft celková váha prvků
3. $C \leftarrow +\infty$ \triangleleft zatím nejlepší cena stromu
4. Pro $k = i, \dots, j$: \triangleleft různé volby kořene
5. $c_\ell \leftarrow \text{OPTSTROM}(i, k - 1)$ \triangleleft levý podstrom
6. $c_p \leftarrow \text{OPTSTROM}(k + 1, j)$ \triangleleft pravý podstrom
7. $C \leftarrow \min(C, c_\ell + c_p + W)$ \triangleleft cena celého stromu

Výstup: Cena C optimálního vyhledávacího stromu

Jako obvykle jsme napoprvé získali exponenciální řešení, které půjde zrychlit kešováním spočítaných mezivýsledků. Budeme-li si pamatovat hodnoty $T[i, j] = \text{OPTSTROM}(i, j)$, spočítáme celkově $\mathcal{O}(n^2)$ políček tabulky a každým strávíme čas $\mathcal{O}(n)$. Celkem tedy algoritmus poběží v čase $\mathcal{O}(n^3)$.

Iterativní řešení

Nyní obrátíme směr výpočtu. Využijeme toho, že odpověď pro daný úsek závisí pouze na odpovědích pro kratší úseky. Proto můžeme tabulku mezivýsledků vyplňovat od nejkratších úseků k nejdelším. Tím vznikne následující iterativní algoritmus. Oproti předchozímu řešení si navíc budeme pro každý úsek pamatovat optimální kořen, což nám za chvíli usnadní rekonstrukci optimálního stromu.

Algoritmus OPTSTROM2 (cena optimálního BVS iterativně)

Vstup: Klíče x_1, \dots, x_n s vahami w_1, \dots, w_n

1. Pro $i = 1, \dots, n + 1$: $T[i, i - 1] \leftarrow 0$ \triangleleft prázdné stromy nic nestojí
2. Pro $\ell = 1, \dots, n$: \triangleleft délky úseků
3. Pro $i = 1, \dots, n - \ell + 1$: \triangleleft začátky úseků
4. $j \leftarrow i + \ell - 1$ \triangleleft konec aktuálního úseku
5. $W \leftarrow w_i + \dots + w_j$ \triangleleft celková váha úseku
6. $T[i, j] \leftarrow +\infty$
7. Pro $k = i, \dots, j$: \triangleleft možné kořeny
8. $C \leftarrow T[i, k - 1] + T[k + 1, j] + W$ \triangleleft cena stromu
9. Pokud $C < T[i, j]$: \triangleleft průběžné minimum
10. $T[i, j] \leftarrow C$
11. $K[i, j] \leftarrow k$

Výstup: Cena $T[1, n]$ optimálního stromu, pole K s optimálními kořeny

Spočítejme časovou složitost. Vnitřní cyklus (kroky 4 až 11) běží v čase $\mathcal{O}(n)$ a spouští se $\mathcal{O}(n^2)$ -krát. To celkem dává $\mathcal{O}(n^3)$.

Odvodit ze zapamatovaných kořenů skutečnou podobu optimálního stromu už bude hračka. Kořenem je prvek s indexem $r = K[1, n]$. Jeho levým synem bude kořen optimálního stromu pro úsek $1, \dots, r - 1$, což je prvek s indexem $K[1, r - 1]$, a tak dále. Z této úvahy ihned plynne následující rekurzivní algoritmus. Zavoláme-li $\text{OPTSTROMREKO}(1, n)$, vrátí nám celý optimální strom.

Algoritmus $\text{OPTSTROMREKO}(i, j)$ (konstrukce optimálního BVS)

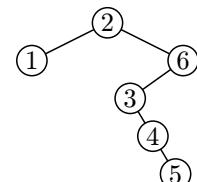
Vstup: Klíče x_i, \dots, x_j , pole K spočítané algoritmem OPTSTROM2

1. Pokud $i > j$, vrátíme prázdný strom.
2. $r \leftarrow K[i, j]$ \triangleq kolikátý prvek je v kořeni?
3. Vytvoříme nový vrchol v s klíčem x_r .
4. Jako levého syna nastavíme $\text{OPTSTROMREKO}(i, r - 1)$.
5. Jako pravého syna nastavíme $\text{OPTSTROMREKO}(r + 1, j)$.

Výstup: Optimální vyhledávací strom s kořenem v

Samotná rekonstrukce stráví v každém rekurzivním volání konstantní čas a vyrobí přitom jeden vrchol stromu. Jelikož celkem vytvoříme n vrcholů, stihneme to v čase $\mathcal{O}(n)$. Celkem tedy hledáním optimálního stromu strávíme čas $\mathcal{O}(n^3)$. Dodejme, že existuje i kvadratický algoritmus (cvičení 7).

$w_1 = 1$	T	0 1 2 3 4 5 6	K	1 2 3 4 5 6
$w_2 = 10$	1	0 1 12 18 24 28 52	1	1 2 2 2 2 2
$w_3 = 3$	2	— 0 10 16 22 26 50	2	— 2 2 2 2 2
$w_4 = 2$	3	— — 0 3 7 10 25	3	— — 3 3 3 6
$w_5 = 1$	4	— — — 0 2 4 16	4	— — — 4 4 6
$w_6 = 9$	5	— — — — 0 1 11	5	— — — — 5 6
	6	— — — — — 0 9	6	— — — — — 6
	7	— — — — — — 0		



Obrázek 12.8: Ukázka výpočtu algoritmu OPTSTROM2 a nalezený optimální strom

Abstraktní pohled na dynamické programování

Na závěr se zkuste zamyslet nad tím, co mají jednotlivé aplikace dynamického programování v této kapitole společného – tedy kromě toho, že jsme je odvodili z rekurzivních algoritmů zavedením kešování.

Pokaždé umíme najít vhodný systém podproblémů – těm se často říká *stavy* dynamického programování. Závislosti mezi těmito podproblémy tvoří acyklický orientovaný graf. Díky tomu můžeme všechny stavy procházet v topologickém uspořádání a vždy mít připraveny všechny mezivýsledky potřebné k výpočtu aktuálního stavu.

Aby tento přístup fungoval, nesmí být stavů příliš mnoho: v našich případech jich bylo lineárně nebo kvadraticky. Každý stav jsme pak uměli spočítat v nejhůře lineárním čase, takže jsme dostali samé příjemně polynomiální algoritmy.

Někdy může být dynamické programování zajímavé i s exponenciálně mnoha stavy. Sice pak dostaneme algoritmus o exponenciální složitosti, ale i ten může být rychlejší než jiná možná řešení. Příklady tohoto typu najdete v oddílu 19.5.

Cvičení

1. Optimální vyhledávací strom můžeme také zavést pomocí pravděpodobnosti. Nechť se na jednotlivé klíče ptáme náhodně, přičemž s pravděpodobností p_i se zeptáme na klíč x_i . Počet vrcholů navštívených při hledání se pak chová jako náhodná veličina se střední hodnotou $\sum_i p_i h_i$ (h_i je opět hloubka i -tého vrcholu). Zkuste formulovat podobný algoritmus v řeči těchto středních hodnot. Jak bude fungovat argument se skládáním stromů z podstromů?
2. Navrhněte, jak rovnou při výpočtu vah konstruovat strom. Využijte toho, že se více vrcholů může odkazovat na tytéž podstromy.
3. Rozmyslete si, že nastavíme-li všem prvkům stejnou váhu, vyjde dokonale vyvážený strom.
4. Jak se algoritmus změní, pokud budeme uvažovat i neúspěšné dotazy? Nejjednodušší je představit si, že váhy přidělujeme i externím vrcholům stromu, jež odpovídají intervalům (x_i, x_{i+1}) mezi klíči.
5. Co jsou v případě optimálních stromů stavy dynamického programování a jak vypadá graf jejich závislostí?
- 6.** *Knuthova nerovnost:* Nechť $K[i, j]$ je kořen spočítaný algoritmem OPTSTROM2 pro úsek x_i, \dots, x_j (je to tedy nejlevější z optimálních kořenů). Donald Knuth dokázal, že platí $K[i, j - 1] \leq K[i, j] \leq K[i + 1, j]$. Zkuste to dokázat i vy.
- 7.* *Rychlejší algoritmus:* Vymyslete jak pomocí nerovnosti z předchozího cvičení zrychlit algoritmus OPTSTROM2 na $\mathcal{O}(n^2)$.
8. *Součin matic:* Násobíme-li matice $X \in \mathbb{R}^{a \times b}$ a $Y \in \mathbb{R}^{b \times c}$ podle definice, počítáme $a \cdot b \cdot c$ součinů čísel. Pokud chceme spočítat maticový součin $X_1 \times \dots \times X_n$, výsledek

nezávisí na uzávorkování, ale časová složitost (měřená pro jednoduchost počtem součinů čísel) ano. Vymyslete algoritmus, který stanoví, jak výraz uzávorkovat, aby ho složitost minimalizovali.

9. *Minimální triangulace:* Konvexní mnemoúhelník můžeme triangulovat, tedy rozřezat neprotínajícími se úhlopříčkami na trojúhelníky. Nalezněte takovou triangulaci, aby součet délek řezů byl nejmenší možný.
- 10.* *Optimalizace na stromech:* Ukažte, že předchozí dvě cvičení lze formulovat jako hledání optimálního binárního stromu vzhledem k nějaké cenové funkci. Rozšiřte algoritmy z tohoto oddílu, aby uměly pracovat s obecnými cenovými funkcemi a plynulo z nich automaticky i řešení minulých cvičení.

— 12.4 Dynamické programování – Optimální vyhledávací stromy

13 Textové algoritmy

13 Textové algoritmy

V této kapitole se budeme věnovat algoritmům, které pracují s textem. Začneme příslušným hledáním jehly v kupce sena. *Seno* bude představovat nějaký text σ délky S . Budeme v něm chtít najít všechny výskytty *jehly* – podřetězce ι délky J .

Kupříkladu v seně **bananas** se jehla **ana** vyskytuje hned dvakrát, přičemž výskytty se překrývají. V seně **anna** se tatáž jehla nevyskytuje vůbec, protože hledáme souvislé podřetězce, a nikoliv vybrané podposloupnosti.

Senem přitom nemusí být jenom obyčejný text. Podobné problémy potkáváme třeba v bioinformatice při zkoumání genetického kódu, nebo v matematice, kde pomocí řetězců kódujeme grafy a jiné kombinatorické struktury.

13.1 Řetězce a abecedy

Aby se nám o řetězcových algoritmech lépe vyprávělo, uděláme si nejprve pořádek v terminologii okolo řetězců.

Definice:

- *Abeceda* Σ je nějaká konečná množina, jejím prvkům budeme říkat *znaky* (někdy též *písmena*).
- Σ^* je množina všech *slov* neboli *řetězců* nad abecedou Σ , což jsou konečné posloupnosti znaků ze Σ .

Příklady: Abeceda může být tvořena třeba písmeny a až z, bity 0 a 1 nebo nukleotidy C, T, A, G. Potkáme ovšem i rozlehlejší abecedy: například mezinárodní znaková sada Unicode má $2^{16} = 65\,536$ znaků, v novějších verzích dokonce 1 114 112 znaků. Ještě extrémnějším způsobem používají řetězce lingvisté: na český text se někdy dívají jako na řetězec nad abecedou, jejíž znaky jsou česká slova.

Velikost abecedy se obvykle považuje za konstantu. My budeme navíc předpokládat, že abeceda je dostatečně malá, abyhom si mohli dovolit ukládat do paměti pole indexovaná znakem. Později se tohoto předpokladu zbavíme.

Značení:

- *Slova* budeme značit malými písmenky řecké abecedy α, β, \dots
- *Znaky* abecedy označíme malými písmeny latinky x, y, \dots Konkrétní znaky budeme psát **psacím strojem**. Znak budeme používat i ve smyslu jednoznakového řetězce.
- *Délka slova* $|\alpha|$ udává, kolika znaky je slovo tvořeno.

- Prázdné slovo značíme písmenem ε , je to jediné slovo délky 0.
- Zřetězení $\alpha\beta$ vznikne zapsáním slov α a β za sebe. Platí $|\alpha\beta| = |\alpha| + |\beta|$, $\alpha\varepsilon = \varepsilon\alpha = \alpha$.
- α^k je k -násobné opakování slova α definované indukcí: $\alpha^0 = \varepsilon$, $\alpha^{n+1} = \alpha^n\alpha$.
- $\alpha[k]$ je k -tý znak slova α , indexujeme od 0 do $|\alpha| - 1$.
- $\alpha[k : \ell]$ je podslово začínající k -tým znakem a končící těsně před ℓ -tým. Tedy $\alpha[k : \ell] = \alpha[k]\alpha[k+1]\dots\alpha[\ell-1]$. Pokud $k \geq \ell$, je podslovo prázdné. Pokud některou z mezí vynecháme, míní se $k = 0$ nebo $\ell = |\alpha|$.
- $\alpha[: \ell]$ je prefix (předpona) tvořený prvními ℓ znaky řetězce.
- $\alpha[k :]$ je suffix (přípona) od k -tého znaku do konce řetězce.
- $\alpha[:] = \alpha$.

Dodejme ještě, že každé slovo je podslovem sebe sama a prázdné slovo je podslovem každého slova. Pokud budeme hovořit o *vlastním* podslovu, budeme tím myslit podslovo různé od celého slova. Analogicky pro prefixy a suffixy.

13.2 Knuthův-Morrisův-Prattův algoritmus

Vratme se nyní zpět k původnímu problému hledání podřetězců. Na vstupu jsme dostali seno σ a jehlu ι . Na výstupu chceme oznamit všechny výskytu; snadno je popíšeme například množinou všech indexů k takových, že $\sigma[k : k + |\iota|] = \iota$.

Kdybychom postupovali podle definice, zkoušeli bychom všechny možné pozice v seně a pro každou z nich otestovali, zda tam nezačíná nějaký výskyt jehly. To je funkční, nicméně pomalé: možných začátků je řádově S , pro každý z nich porovnáváme až J znaků jehly. Celková časová složitost je tedy $\Theta(JS)$.

Zkusme jiný přístup: nalezneme v seně první znak jehly a od tohoto místa budeme porovnávat další znaky. Pokud se přestanou shodovat, přepneme opět na hledání prvního znaku. Jenže odkud? Pokud od místa, kde nastala neshoda, selže to třeba při hledání jehly *kokos* v seně *clanekokokosu* – neshoda nastane za *koko* a zbylý *kos* nás neuspokojí. Nebo se můžeme vrátit až k výskytu prvního znaku a pokračovat těsně za ním, ale to zase trvá $\Theta(JS)$.

Nyní ukážeme algoritmus, který je o trochu složitější, ale nalezne všechny výskytu v čase $\Theta(J + S)$. Později ho zobecníme, aby uměl hledat více různých jehel najednou.

Inkrementální algoritmus

Na hledání podřetězce půjdeme *inkrementálně*. Tím se obecně myslí, že chceme postupně rozšiřovat vstup a přepočítávat, jak se změní výstup. V našem případě vždy přidáme další znak na konec sena a započítáme případný nový výskyt jehly, který končí tímto znakem.

Abychom toho dosáhli, budeme si průběžně udržovat informaci o tom, jakým nejdelším prefixem jehly končí zatím přečtená část sena. Tomu budeme říkat *stav algoritmu*. A jakmile bude tento prefix roven celé jehle, ohlásíme výskyt.

V našem „kokosovém“ příkladu se tedy po přečtení sena `clanekoko` nacházíme ve stavu `koko`, následují stavy `kok`, `koko` a `kokos`.

Představme si nyní obecně, že jsme přečetli řetězec σ , který končil stavem α . Pak vstup rozšíříme o znak x na σx . V jakém stavu se tedy máme nacházet? Pokud to nebude prázdný řetězec, musí končit na x , tedy ho můžeme napsat ve tvaru $\alpha'x$.

Všimneme si, že α' musí být *suffixem slova* α : Jelikož $\alpha'x$ je prefix jehly, je α' také prefix jehly. A protože $\alpha'x$ je suffixem σx , musí α' být suffixem σ . Tedy jak α , tak α' jsou suffixy slova σ , které jsou současně prefixy jehly. Ovšem stav α jsme vybrali jako nejdelší slovo s touto vlastností, takže α' musí být nejvýše tak dlouhé, a tedy je suffixem α .

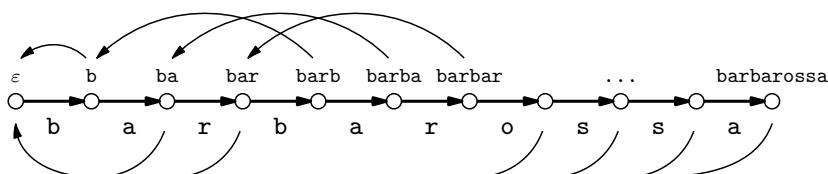
Stačilo by proto probrat všechny suffixy slova α , které jsou prefixem jehly, a vybrat z nich nejdelší, který po rozšíření o znak x stále je prefixem jehly.

Abychom ale nemuseli suffixy procházet všechny, předpočítáme si *zpětnou funkci* z . Ta nám pro každý prefix jehly řekne, jaký je jeho nejdelší vlastní suffix, který je opět prefixem jehly. To nám umožní procházet rovnou kandidáty na nový stav: probereme řetězce α , $z(\alpha)$, $z(z(\alpha))$, ... a použijeme první z nich, který lze rozšířit o znak x . Pokud nepůjde rozšířit ani jeden z těchto kandidátů, novým stavem bude prázdný řetězec.

Na této myšlence je založen následující algoritmus, objevený v roce 1974 Donaldem Knuthem, Jamesem Morrisem a Vaughanem Pratem.

Knuthův-Morrisův-Prattův algoritmus

Algoritmus se opírá o *vyhledávací automat*. To je orientovaný graf, jehož vrcholy (*stavy* automatu) odpovídají prefixům jehly. Vrcholy jsou spojeny hranami dvou druhů: *dopředné* popisují rozšíření prefixu přidáním jednoho písmene, *zpětné* vedou podle zpětné funkce, čili z každého stavu do jeho nejdelšího vlastního suffixu, který je opět stavem.



Obrázek 13.1: Vyhledávací automat pro slovo `barbarossa`

Reprezentace automatu bude přímočará: stavy očíslovujeme od 0 do J , dopředná hrana povede vždy ze stavu s do $s + 1$ a bude odpovídat rozšíření prefixu o příslušný znak jehly, tedy o $\iota[s]$. Zpětné hrany si zapamatujeme v poli Z : prvek $Z[s]$ bude říkat číslo stavu, do nějž vede zpětná hrana ze stavu s , případně bude nedefinované, pokud taková hrana neexistuje.

Kdybychom takový automat měli, mohli bychom pomocí něj inkrementální algoritmus z předchozího oddílu popsat následovně:

Procedura KMPKROK (jeden krok automatu)

Vstup: Jsme ve stavu s , přečetli jsme znak x

1. Dokud $\iota[s] \neq x \wedge s \neq 0 : s \leftarrow Z[s]$. \triangleleft zpětné hrany
2. Pokud $\iota[s] = x$, pak $s \leftarrow s + 1$. \triangleleft dopředná hrana

Výstup: Nový stav s

Algoritmus KMPHLEDEJ (spuštění automatu na řetězec σ)

Vstup: Seno σ , zkonstruovaný automat

1. $s \leftarrow 0$
2. Pro znaky $x \in \sigma$ postupně provádíme:
3. $s \leftarrow \text{KMPKROK}(s, x)$
4. Pokud $s = J$, ohlášime výskyt.

Invariant: Stav algoritmu s v každém okamžiku říká, jaký nejdělsí prefix jehly je suffixem zatím přečtené části sena. (To už víme z úvah o inkrementálním algoritmu.)

Důsledek: Algoritmus ohlásí všechny výskytty. Pokud jsme právě přečetli poslední znak nějakého výskytu, je celá jehla suffixem zatím přečtené části sena, takže se musíme nacházet v posledním stavu.

Jen musíme opravit drobnou chybu – těsně poté, co ohlášíme výskyt, se algoritmus zeptá na dopřednou hranu z posledního stavu. Ta přeci neexistuje! Napravíme to jednoduše: přidáme fiktivní dopřednou hranu, na níž je napsán znak odlišný od všech skutečných znaků. Tím zajistíme, že se po této hraně nikdy nevydáme. Stačí tedy vhodně dodefinovat $\iota[J]$.⁽¹⁾

Lemma: Funkce KMPHLEDEJ běží v čase $\Theta(S)$.

Důkaz: Výpočet funkce můžeme rozdělit na průchody dopřednými a zpětnými hranami. S dopřednými je to snadné – pro každý z S znaků sena projdeme po nejvýše jedné dopředné hraně. To o zpětných hranách neplatí, ale pomůže nám, že každá dopředná hrana

⁽¹⁾ V jazyce C můžeme zneužít toho, že každý řetězec je ukončen znakem s nulovým kódem.

vede o právě 1 stav doprava a každá zpětná o aspoň 1 stav doleva. Proto je všech průchodu po zpětných hranách nejvýše tolik, kolik jsme prošli dopředních hran, takže také nejvýše S . \square

Mimochodem, předchozí lemma nám vlastně říká, že jeden krok automatu má konstantní amortizovanou složitost. A důkaz v sobě skrývá přímočaré použití potenciálové metody z oddílu 9.3: roli potenciálu zde hraje číslo stavu.

Konstrukce automatu

Hledání tedy pracuje v lineárním čase, zbývá domyslet, jak v lineárním čase sestrojit automat. Stavy a dopředné hrany získáme triviálně, se zpětnými budeme mít trochu práce.

Podnikneme myšlenkový pokus: Představme si, že automat už máme hotový, ale nevidíme, jak vypadá uvnitř. Chtěli bychom zjistit, jak v něm vedou zpětné hrany, ovšem jediné, co umíme, je spustit automat na nějaký řetězec a zjistit, v jakém stavu skončil.

Tvrdíme, že pro zjištění zpětné hrany ze stavu α stačí automatu předložit řetězec $\alpha[1 :]$. Definice zpětné funkce je totiž nápadně podobná invariantu, který jsme dokázali o funkci KMPHLEDEJ. Obojí hovoří o nejdélším suffixu daného slova, který je prefixem jehly. Jediný rozdíl je v tom, že v případě zpětné funkce uvažujeme pouze vlastní suffixy, zatímco invariant připouští i ty nevlastní. To ovšem snadno vyřešíme „ukousnutím“ prvního znaku jména stavu.

Pokud bychom chtěli objevit všechny zpětné hrany, stačilo by automat spouštět postupně na řetězce $\iota[1 : 1]$, $\iota[1 : 2]$, $\iota[1 : 3]$, atd. Jelikož funkce KMPHLEDEJ je lineární, stálo by nás to dohromady $\mathcal{O}(J^2)$. Pokud si ale všimneme, že každý ze zmíněných řetězců je prefixem toho následujícího, je jasné, že stačí spustit automat jen jednou na řetězec $\iota[1 :]$ a jen zaznamenávat, kterými stavy jsme prošli.

To je zajímavé pozorování, řeknete si, ale jak nám pomůže ke konstrukci automatu, když samo hotový automat potřebuje? Pomůže pěkný trik: pokud hledáme zpětnou hranu z i -tého stavu, spouštíme automat na slovo délky $i - 1$, takže se můžeme dostat pouze do prvních $i - 1$ stavů a vůbec nám nevadí, že v tom i -tém ještě není zpětná hrana hotova.⁽²⁾

Při konstrukci automatu tedy nejdříve sestrojíme dopředné hrany, načež rozpracovaný automat spustíme na řetězec $\iota[1 :]$ a podle toho, jakými stavy bude procházet, doplníme

⁽²⁾ Konstruovat nějaký objekt pomocí téhož objektu je osvědčený postup, který si už vysloužil svůj vlastní název. V angličtině se mu říká *bootstrapping* a z toho také vzniklo bootování počítačů, protože při něm operační systém zavádí do paměti sám sebe. Kde se toto slovo vzalo? Bootstrap znamená česky *štruple* – to je takové to očko na patě boty, které usnadňuje nazouvání. A v jednom z příběhů o baronu Prášilovi slyšíme barona vyprávět, jak se uvíznuv v bažině zachránil tím, že se vytáhl za štruple. Krásný popis bootování, není-liž pravda?

— 13.3 Textové algoritmy – Více řetězců najednou: algoritmus Aho-Corasicková

zpětné hrany. Jak už víme, vyhledávání má lineární složitost, takže celá konstrukce potrvá $\Theta(J)$.

Hotový algoritmus pro konstrukci automatu můžeme zapsat následovně:

Algoritmus KMPKONSTRUKCE

Vstup: Jehla ι délky J

1. $Z[0] \leftarrow \text{nedefinováno}, Z[1] \leftarrow 0$
2. $s \leftarrow 0$
3. Pro $i = 2, \dots, J$:
4. $s \leftarrow \text{KMPKROK}(s, \iota[i - 1])$
5. $Z[i] \leftarrow s$

Výstup: Pole zpětných hran Z

Výsledky můžeme shrnout do následující věty:

Věta: Algoritmus KMP najde všechny výskytu v čase $\Theta(J + S)$.

Důkaz: Lineární čas s délkou jehly potřebujeme na postavení automatu, lineární čas s délkou sena pak na samotné vyhledání. \square

Cvičení

1. Naivní algoritmus, který zkouší všechny možné začátky jehly v seně a vždy porovnává řetězce, má časovou složitost $\mathcal{O}(JS)$. Může být opravdu tak pomalý, uvážíme-li, že porovnávání řetězců skončí, jakmile najde první neshodu? Sestrojte vstup, na kterém algoritmus poběží $\Theta(JS)$ kroků, přestože nic nenajde.
2. *Rotací* řetězce α o K pozic nazýváme řetězec $\alpha[K :]\alpha[: K]$. Jak o dvou řetězcích zjistit, zda je jeden rotací druhého?
3. Jak v lineárním čase zrotovat řetězec, dostačuje-li paměť počítače jen na uložení jednoho řetězce a $\mathcal{O}(1)$ pomocných proměnných?
- 4.* Navrhněte algoritmus, který v lineárním čase nalezne tu z rotací zadaného řetězce, jež je lexikograficky minimální.
5. Je dáno slovo. Chceme nalézt jeho nejdelší vlastní prefix, který je současně suffixem.

13.3 Více řetězců najednou: algoritmus Aho-Corasicková

Nyní si zahrajeme tutéž hru v trochu složitějších kulisách. Tentokrát bude jehel více: ι_1, \dots, ι_N , jejich délky označíme $J_i = |\iota_i|$. Dostaneme nějaké seno σ délky S a chceme nalézt všechny výskytu jehel v seně.

Opět si nejdřív musíme ujasnit, co má být výstupem. Dokud byla jehla jedna jediná, bylo to zřejmé – chtěli jsme nalézt množinu všech pozic v seně, na kterých začínaly výskytu jehly. Jak tomu bude zde? Chceme se dozvědět, která jehla se vyskytuje na které pozici. Jinými slovy vypsat všechny dvojice (k, i) takové, že $\sigma[k : k + J_i] = \iota_i$.

Těchto dvojic může být poměrně hodně. Pokud je totiž jedna jehla suffixem druhé, na jedné pozici v seně mohou končit výskytu obou. Celková velikost výstupu tak může být větší než lineární v délce vstupu (viz cvičení 2). Budeme proto hledat algoritmus, který bude lineární v délce vstupu plus délce výstupu, což je evidentně to nejlepší, čeho můžeme dosáhnout.

Algoritmus, který si nyní ukážeme, objevili v roce 1975 Alfred Aho a Margaret Corasicková. Je elegantním zobecněním Knuthova-Morrisova-Prattova algoritmu pro více řetězců.

Opět se budeme snažit sestrojit *vyhledávací automat*, jehož stavy budou odpovídat prefixům jehel a dopředné hrany budou popisovat rozšířování prefixů o jeden znak. Hrany tedy budou tvořit strom orientovaný směrem od kořene (písmenkový strom pro daný slovník, který už jsme potkali v oddílu 4.3).

Každý list stromu bude odpovídat některé z jehel, ale jak je vidět na obrázku, některé jehly se mohou vyskytovat i ve vnitřních vrcholech (pokud je jedna jehla prefixem jiné). Výskytu jehel ve stromu si tedy nějak označíme, příslušným stavům budeme říkat *koncové*.

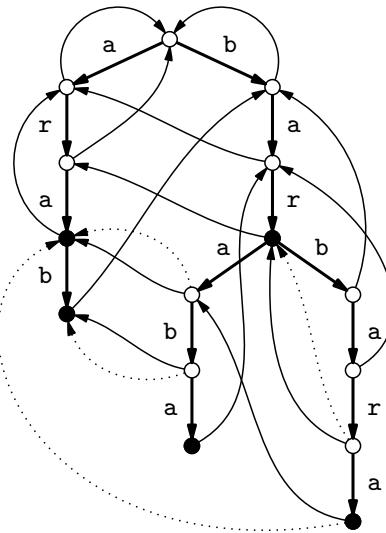
Dále potřebujeme zpětné hrany (na obrázku tenké šipky). Jejich definice bude úplně stejná jako u automatu KMP. Z každého stavu půjde zpětná hrana do jeho nejdelšího vlastního suffixu, který je také stavem. Čili se budeme snažit jméno stavu zkracovat zleva tak dluho, než dostaneme jméno dalšího stavu. Z kořene – prázdného stavu – pak evidentně žádná zpětná hrana nepovede.

Funkce pro hledání v seně bude vypadat stejně jako u KMP: začne v počátečním stavu (to je kořen stromu) a postupně bude rozšiřovat seno o další písmenka. Pokaždé zkusí jít dopřednou hranou a pokud to nepůjde, bude se vracet po zpětných hranách. Přitom se budto dostane do vrcholu, kde vhodná dopředná hrana existuje, nebo se nový znak nehodí ani v kořeni, a tehdy je zahozen.

Stejně jako u KMP nahlédneme, že procházení sena trvá $\Theta(S)$ a že platí analogický invariant: v každém okamžiku se nacházíme ve stavu, který odpovídá nejdelšímu suffixu zatím přečteného sena, který je prefixem některé jehly.

Hlášení výskytů

Kdy ohlásíme výskyt jehly? U KMP to bylo snadné: kdykoliv jsme dospěli do posledního stavu, znamenalo to nalezení jehly. Nabízí se hlásit výskyt, kdykoliv dojdeme do stavu označeného jako koncový. To ale nefunguje: pokud náš ukázkový automat přečte seno



Obrázek 13.2: Vyhledávací automat pro slova **ara**, **bar**, **arab**, **baraba**, **barbara**

bara, skončí ve stavu **bara**, který není koncový, a přitom by zde měl ohlásit výskyt jehly **ara**. Stejně tak přečteme-li **barbara**, nevšimneme si, že na témže místě končí i **ara**.

Platí ale, že všechna slova, která bychom měli v daném stavu ohlásit, jsou suffixy jména tohoto stavu. Mohli bychom se tedy vydat po zpětných hranách až do kořene a kdykoliv projdeme přes koncový vrchol, ohlásit výskyt. To ovšem trvá příliš dlouho – jistě by se stávalo, že bychom podnikli dlouhou cestu do kořene a nenašli na ní vůbec nic.

Další, co se nabízí, je předpočítat si pro každý stav β množinu slov $M(\beta)$, jejichž výskyt máme v tomto stavu hlásit. To by fungovalo, ale existují množiny jehel, pro které bude celková velikost množin $M(\beta)$ superlineární (viz cvičení 4). Museli bychom se tedy vzdát lákavé možnosti stavby automatu v lineárním čase.

Jak to tedy vyřešíme? Zavedeme zkratky (na obrázku vyznačeny tečkovaně):

Definice: Zkratková hrana ze stavu α vede do nejbližšího koncového stavu $\zeta(\alpha)$ dosažitelného z α po zpětných hranách (a různého od α).

Jinými slovy, zkratka $\zeta(\alpha)$ nám řekne, jaký je nejdelší vlastní suffix slova α , který je jehlou. Pokud takový suffix neexistuje, žádná zkratková hrana ze stavu α nepovede. Pomocí zkratkových hran můžeme snadno vyjmenovat všechny výskytty. Budeme postupovat

stejně, jako bychom procházeli po všech zpětných hranách, jen budeme dlouhé úseky zpětných hran, na nichž není nic k hlášení, přeskakovat v konstantním čase.

Reprezentace automatu

Vyhledávací automat sestává ze stromu dopředných hran, ze zpětných hran a ze zkratkových hran. Rozmysleme si, jak vše uložit do paměti. Stavy očíslujeme, třeba podle toho jak vznikaly, a pro každý stav s si budeme pamatovat:

- $Zpět(s)$ – číslo stavu, kam vede zpětná hrana (nebo \emptyset , pokud ze stavu s žádná nevede),
- $Zkratka(s)$ – kam vede zkratková hrana (obdobně),
- $Slovo(s)$ – zda tu končí nějaké slovo (a pokud ano, tak které),
- $Dopředu(s, x)$ – kam vede dopředná hrana označená písmenem x (pro malé abecedy si to můžeme pamatovat v poli, pro velké viz cvičení 6).

Celý algoritmus pro zpracování sena automatem pak bude vypadat takto:

Procedura ACKROK (jeden krok automatu)

Vstup: Jsme ve stavu s , přečetli jsme znak x

1. Dokud $Dopředu(s, x) = \emptyset \wedge s \neq kořen$: $s \leftarrow Zpět(s)$.
2. Pokud $Dopředu(s, x) \neq \emptyset$: $s \leftarrow Dopředu(s, x)$.

Výstup: Nový stav s

Algoritmus ACHLEDEJ (spuštění automatu na daný řetězec)

Vstup: Seno σ , zkonztruovaný automat

1. $s \leftarrow kořen$
2. Pro znaky $x \in \sigma$ postupně provádíme:
 3. $s \leftarrow ACKROK(s, x)$
 4. $j \leftarrow s$
 5. Dokud $j \neq \emptyset$:
 6. Je-li $Slovo(j) \neq \emptyset$:
 7. Ohlásíme $Slovo(j)$.
 8. $j \leftarrow Zkratka(j)$

Stejným argumentem jako u KMP zdůvodníme, že všechny kroky automatu dohromady trvají $\Theta(S)$. Mimo to ještě hlásíme výskytu, což trvá $\Theta(počet\ výskytů)$. Zbývá ukázat, jak automat sestrojit.

Konstrukce automatu

Opět se inspirujeme algoritmem KMP a nahlédneme, že zpětná hrana ze stavu β vede tam, kam by se automat dostal při hledání ve slově β bez prvního znaku. Chtěli bychom tedy začít sestrojením dopředních hran a pak spouštěním ještě nehotového automatu na jednotlivé jehly doplňovat zpětné hrany, doufajíce, že si vystačíme s už sestrojenou částí automatu.

Kdybychom však automat spouštěli na jednu jehlu po druhé, dostali bychom se do úzkých, protože zpětné hrany mohou vést křížem mezi jednotlivými větvemi stromu. Mohlo by se nám tedy stát, že bychom při hledání potřebovali zpětnou hranu, která dosud nebyla vytvořena.

Budeme tedy zpětné hrany raději konstruovat po hladinách. Každá taková hrana vede ale spoj o jednu hladinu výš, takže se při hledání vždy budeme pohybovat po té části stromu, která už je bezpečně hotová. Můžeme si představit, že paralelně spustíme vyhledávání ve všech slovech bez prvních písmenek a vždy uděláme jeden krok každého z těchto hledání, což nám dá zpětné hrany v dalším patře stromu.

Navíc kdykoliv vytvoříme zpětnou hranu, sestrojíme také zkratkou hranu z téhož vrcholu: Pokud vede zpětná hrana ze stavu s do stavu z a $Slovo(z)$ je definováno, musí vést zkratka z také do z . Pokud v z žádné slovo nekončí, musí zkratka z vést do téhož vrcholu, kam vede zkratka ze z .

Algoritmus ACKONSTRUKCE

Vstup: Slova ι_1, \dots, ι_n

1. Založíme strom, který obsahuje pouze kořen r .
2. Vložíme do stromu slova $\iota_1 \dots \iota_n$, nastavíme $Slovo$ ve všech stavech.
3. $Zpět(r) \leftarrow \emptyset$, $Zkratka(r) \leftarrow \emptyset$
4. Založíme frontu F a vložíme do ní syny kořene.
5. Pro všechny syny s kořene: $Zpět(s) \leftarrow r$, $Zkratka(s) \leftarrow \emptyset$.
6. Dokud $F \neq \emptyset$:
 7. Vybereme i z fronty F .
 8. Pro všechny syny s vrcholu i :
 9. $z \leftarrow \text{ACKROK}(Zpět(i))$, písmeno na hraně is
 10. $Zpět(s) \leftarrow z$
 11. Pokud $Slovo(z) \neq \emptyset$: $Zkratka(s) \leftarrow z$.
 12. Jinak $Zkratka(s) \leftarrow Zkratka(z)$.
 13. Vložíme s do fronty F .

Výstup: Strom, pole $Slovo$, $Zpět$ a $Zkratka$

Pro rozbor časové složitosti si uvědomíme, že konstrukce zpětných hran hledá všechny jehly, jen kroky jednotlivých hledání vhodným způsobem střídá (jakoby je prováděla parallelně). Časovou složitost tedy můžeme shora omezit součtem složitostí hledání jehel, což, jak už víme, je lineární v délce jehel.

Chování celého algoritmu shrneme do následující věty:

Věta: Algoritmus Aho-Corasicková najde všechny výskytu v čase $\Theta(\sum_i J_i + S + V)$, kde J_1, \dots, J_n jsou délky jednotlivých jehel, S je délka sena a V počet výskytů.

Cvičení

1. Zkonstruujte vyhledávací automat pro slovo **abrakadabra**. Co se stane, když přidáme slova **brak**, **kobra**, **obr** a **obrok**? A když ještě **kandelabré**?
2. Nalezněte příklad jehel a sena, v němž je asymptoticky více než lineární počet výskytů. Přesněji řečeno ukažte, že pro každé n existuje vstup, v němž je součet délek jehel a sena $\Theta(n)$ a počet výskytů není $\mathcal{O}(n)$.
3. Uvažujme zjednodušený algoritmus AC, který nepoužívá zkratkové hrany a vždy projde po zpětných hranách až do kořene. Ukažte vhodnými příklady vstupů, že tento algoritmus je asymptoticky pomalejší.
4. Jednoduchý způsob, jak si poradit s hlášením výskytů, je předpočítat si pro každý stav s množinu $M(s)$ slov k ohlášení. Dokažte, že tyto množiny není možné sestrojit v lineárním čase s velikostí slovníku, protože součet jejich velikostí může být pro některé vstupy superlineární.
5. Rozmyslete si, že množiny $M(s)$ z předchozího příkladu by bylo možné reprezentovat jako srůstající spojové seznamy – tedy takové, kde si každý prvek pamatuje ukazatel na svého následníka, který ovšem může ležet v jiném seznamu. Přesvědčte se, že námi zavedené zkratkové hrany lze interpretovat jako ukazatele ve srůstajících seznamech.
6. Upravte algoritmy z této kapitoly, aby si poradily s velkými abecedami. [N73]
7. Dokažte, že do kořene stromu vede aspoň tolik zpětných hran, kolik různých znaků se vyskytuje v jehlách.
8. *Jeden výskyt:* Co kdybychom chtěli pro každou pozici v seně hlásit jenom jeden výskyt jehly? Mohl by to být třeba ten nejdélší, který na dané pozici končí. Ukažte, jak to zařídit bez vyjmenování všech výskytů. Jak by se situace změnila, kdybychom místo nejdélšího hledali nejkratší?
9. *Počet výskytů:* Mějme seno a jehly. Popište algoritmus, který v lineárním čase pro každou jehlu spočítá, kolikrát se v seně vyskytuje. Časová složitost by neměla záviset na počtu výskytů – ten, jak už víme, může být superlineární.

10. *Cenzor* dostane množinu zakázaných podřetězců a text. Vždy najde nejlevější výskyt zakázaného podřetězce v textu (s nejlevějším koncem; pokud jich je více, tak nejdelsí takový), vystříhne ho a postup opakuje. Ukažte, jak text cenzurovat v lineárním čase. Chování algoritmu si vyzkoušejte na textu $a^n b^n$ a zakázaných slovech a^{n+1} , b .

13.4 Rabinův-Karpův algoritmus

Ukážeme ještě jeden přístup k hledání jehly v seně, založený na hešování. Časová složitost v nejhorším případě sice bude srovnatelná s hledáním hrubou silou, ale v průměru bude lineární a v praxi tento algoritmus často překoná KMP.

Představme si, že máme seno délky S a jehlu délky J . Pořídíme si nějakou hešovací funkci H , která J -ticím znaků přiřazuje čísla z množiny $\{0, \dots, N - 1\}$ pro nějaké dost velké N . Budeme posouvat okénko délky J po seně, pro každou jeho polohu si spočteme heš znaků uvnitř okénka, porovnáme s hešem jehly a pokud se rovnají, porovnáme okénko s jehlou znak po znaku.

Pokud je hešovací funkce „kvalitní“, málokdy se stane, že by se heše rovnaly, takže místo času $\Theta(J)$ na porovnávání řetězců si vystačíme s porovnáním hešů v konstantním čase. Jenže ouha, čas $\Theta(J)$ potřebujeme i na vypočtení heše pro každou polohu okénka. Jak z toho ven?

Pořídíme si hešovací funkci, kterou lze při posunutí okénka o pozici doprava v konstantním čase přepočítat. Tyto požadavky splňuje třeba polynom

$$H(x_1, \dots, x_J) = (x_1 P^{J-1} + x_2 P^{J-2} + \dots + x_{J-1} P^1 + x_J P^0) \bmod N,$$

přičemž písmena považujeme za přirozená čísla a P je nějaká vhodná konstanta – potřebujeme, aby byla nesoudělná s N a aby P^J bylo řádově větší než N . Posuneme-li nyní okénko z x_1, \dots, x_J na x_2, \dots, x_{J+1} , heš se změní takto:

$$\begin{aligned} H(x_2, \dots, x_{J+1}) &= (x_2 P^{J-1} + x_3 P^{J-2} + \dots + x_J P^1 + x_{J+1} P^0) \bmod N \\ &= (P \cdot H(x_1, \dots, x_J) - x_1 P^J + x_{J+1}) \bmod N. \end{aligned}$$

Pokud si mocninu P^J předpočítáme, proběhne aktualizace heše v konstantním čase. Celý algoritmus pak bude vypadat následovně:

Algoritmus RABINKARP

Vstup: Jehla ι délky J , seno σ délky S

1. Zvolíme P a N a předpočítáme $P^J \bmod N$.
2. $j \leftarrow H(\iota)$ \triangleleft heš jehly
3. $h \leftarrow H(\sigma[:J])$ \triangleleft heš první pozice okénka
4. Pro i od 0 do $S - J$: \triangleleft možné pozice okénka
5. Je-li $h = j$:
6. Pokud $\sigma[i : i + J] = \iota$, ohlásíme výskyt na pozici i .
7. Pokud $i < S - J$: \triangleleft přepočítáme heš
8. $h \leftarrow (P \cdot h - \sigma[i] \cdot P^J + \sigma[i + J]) \bmod N$

Pojďme prozkoumat složitost algoritmu. Inicializace algoritmu a počítání hešů okének trvají celkem $\mathcal{O}(J + S)$. Pro každou polohu okénka ovšem můžeme strávit čas $\mathcal{O}(J)$ porovnáním řetězců. To může celkem trvat až $\mathcal{O}(JS)$. Abychom ukázali, že průměr je lepší, odhadneme pravděpodobnost porovnání.

Pokud nastane výskyt, určitě porovnáváme. Nenastane-li, heš jehly se shoduje s hešem okénka s pravděpodobností $1/N$ (za předpokladu dokonale náhodného chování hešovací funkce, což jsme o té naší nedokázali; blíže viz cvičení 1).

V průměru tedy spotřebujeme čas $\mathcal{O}(J + S + VJ + S/N \cdot J)$, kde V je počet nalezených výskytů. Pokud nám bude stačit najít první výskyt a zvolíme $N > SJ$, algoritmus poběží v průměrném čase $\mathcal{O}(J + S)$.

Dodejme, že tento algoritmus objevili v roce 1987 Richard Karp a Michael Rabin. Později se podobná myšlenka stala základem metod na detekci podobnosti souborů, které můžete ochutnat ve cvičení 2.

Cvičení

1. Polynomiální hešovací funkce nejsou dokonale náhodné, ale kdybychom zvolili prvočíselné N a náhodné P , mohli bychom využít poznatků o univerzálním hešování z oddílu 11.5. Spočítejte pomocí cvičení 11.5.4, kolik v průměru nastane kolizí, a pomocí toho stanovte průměrnou časovou složitost vyhledávání.
2. *Podobnost souborů:* Bob a Bobek si povídají po telefonu a pojali podezření, že každý z nich používá trochu jinou verzi softwaru pro kouzelný klobouk. Bob navrhuje rozdělit soubor s programem na 32KB bloky, každý z nich zahešovat do 64-bitového čísla a výsledky si říci. Bobek oponuje, že tak by snadno poznali pář změněných bytů, ale vložení jediného bytu by mohlo změnit všechny heše. Poradíme jim, aby soubor prošli „okénkovou“ hešovací funkcí a kdykoliv je nejnižších B bitů výsledku nulových, začali nový blok. Rozmyslete si, že toto dělení je odolné i proti vkládání

a mazání bytů. Jak zvolit B a parametry hešovací funkce, aby průměrná velikost bloku zůstala 32 KB?

13.5* Suffixová pole

Jehlu v seně umíme hledat v lineárním čase s délkou jehly a sena. Může to jít ještě rychleji? Na první pohled ne, protože jak jehlu, tak seno musíme přečíst. Ale představte si třeba rozsáhlou encyklopedii – tu někdo jednou napíše a pak v ní lidé opakovaně hledají různé řetězce. Tehdy se hodí vybudovat pro zadáné seno (autoři encyklopedie prominou) datovou strukturu, která pak bude umět efektivně vyhledat libovolnou jehlu.

Začneme jednoduše: vypíšeme všechny suffixy sena a lexikograficky je setřídíme. Výskytu hledané jehly ι pak odpovídají těm suffixům, které začínají na ι . Na obrázku 13.3 vidíme, jak to dopadne pro slovo **barokoarokoko** (prázdný suffix ε je lexikograficky nejmenší). Výskytům jehly **ok** odpovídají suffixy **oko**, **okoarokoko** a **okoko**.

i	$X[i]$	$R[i]$	$L[i]$	suffix
0	13	3	0	ε
1	1	1	5	<u>arokoarokoko</u>
2	6	12	0	arokoko
3	0	10	0	barokoarokoko
4	11	5	2	<u>ko</u>
5	4	8	2	<u>koarokoko</u>
6	9	2	0	koko
7	12	13	1	<u>o</u>
8	5	11	1	<u>oarokoko</u>
9	10	6	3	<u>oko</u>
10	3	9	3	<u>okoarokoko</u>
11	8	4	0	okoko
12	2	7	4	<u>rokoarokoko</u>
13	7	0	–	<u>rokoko</u>

Obrázek 13.3: Suffixy slova **barokoarokoko** a příslušná pole X, R, L. Podtrženy jsou společné prefixy.

Suffixy začínající na jehlu navíc v lexikografickém pořadí tvoří souvislý úsek. Stačí tedy binárně vyhledat začátek a konec tohoto úseku. Pro jehlu délky J a seno délky S bude binární vyhledávání potřebovat $\mathcal{O}(\log S)$ kroků. Každý krok porovnává suffix s jehlou, což zabere čas $\mathcal{O}(J)$. Začátek a konec úseku výskytů tedy najdeme v čase $\mathcal{O}(J \log S)$.

To vypadá velice slibně: časová složitost závisí na délce sena pouze logaritmicky, takže i v obrovském seně dokážeme krátké jehly hledat rychle. Radost nám ovšem kazí, že celá datová struktura zabírá prostor $\Theta(S^2)$. To je ale snadné napravit: místo celých suffixů si budeme pamatovat pouze pozice jejich začátků v seně. Tato myšlenka dovedla v roce 1990 Udiho Manbera a Gene Myerse k následující definici suffixového pole. Rovnou k němu doplníme dvě pomocná pole, která se budou hodit později. Příklad sledujme opět na obrázku 13.3.

Definice: $LCP(\alpha, \beta)$ udává délku nejdelšího společného prefixu (longest common prefix) řetězců α a β . Je to tedy největší $k \leq \min(|\alpha|, |\beta|)$ takové, že $\alpha[:k] = \beta[:k]$.

Definice: Pro řetězec α délky n definujeme:

- *Suffixové pole* $X[0 \dots n]$ udává lexikografické pořadí suffixů: $X[i]$ říká, kde v řetězci α začíná i -tý suffix v lexikografickém pořadí. Formálněji řečeno: X je permutace indexů $0, \dots, n$ taková, že $\alpha[X[i] :] < \alpha[X[i+1] :]$.
- α_i značí i -tý suffix v lexikografickém pořadí, tedy $\alpha_i = \alpha[X[i] :]$.
- *Rankové pole* $R[0 \dots n]$, které je inverzní k X , takže platí $X[R[i]] = i$. Hodnota $R[i]$ nám tedy říká, kolikátý v lexikografickém pořadí je suffix $\alpha[i:]$.
- *Pole společných prefixů* neboli *LCP pole* $L[0 \dots n-1]$, které udává, jak dlouhý společný prefix mají suffixy sousedící v lexikografickém pořadí. Tedy $L[i] = LCP(\alpha_i, \alpha_{i+1})$.

Tvrzení: Pro řetězec délky n nad konstantně velkou abecedou lze pole X , R a L spočítat v čase $\Theta(n)$.

Důkaz tohoto tvrzení a jeho rozšíření pro větší abecedy odložíme do dalšího oddílu. Mezičím ukážeme, k čemu se suffixové pole hodí. Především nám umožní dokončit datovou strukturu pro vyhledávání v pevném seně.

Datová struktura pro vyhledávání v textu

Pro seno σ délky S vybudujeme suffixové pole. To zvládneme v čase $\Theta(S)$ a suffixové pole společně se senem zaberou paměť $\Theta(S)$.

Výskyty jehly ι délky J odpovídají suffixům začínajícím na ι . Tyto suffixy tvoří v lexikografickém pořadí souvislý úsek. Stačí tedy binárně vyhledat začátek a konec tohoto úseku (k tomu se hodí úprava z cvičení 1.2.1). Vyhledávat budeme číslo od 0 do S , na což potřebujeme $\mathcal{O}(\log S)$ porovnání. Vždy porovnáváme jehlu s nějakým suffixem $\sigma_i = \sigma[X[i] :]$, a to stojí čas $\mathcal{O}(J)$. Každý výskyt pak nahlásíme v konstantním čase.

Celkově tedy hledání trvá $\mathcal{O}(J \log S + V)$, kde V je počet ohlášených výskytů – vyjmenovávání výskytů můžeme kdykoliv ukončit.

Četnosti k-gramů

Podívejme se na další problém. Právě jsme v knihovně objevili pokračování Hry o trůny ... bohužel ve zcela neznámém jazyce. Jeden ze způsobů, jak jazyk poznat, je porovnávat se známými jazyky četnost k -gramů neboli podřetězců délky k . Například v angličtině jsou nejčastější trigramy (3-gramy) `the`, `and`, `tha`, `ent` a `ing`. Pro češtinu jsou typické `pro`, `ost`, `sta`, `pře`, `ter`. V této knize to jsou `pro`, `ost`, `eme`, `alg` a `cho` – přeci jen píšeme o algoritmech podstatně častěji než většina populace.⁽³⁾

Co kdyby nás zajímaly k -gramy pro větší k ? Třeba 10-gramů je v anglické abecedě o 26 písmenech $26^{10} \doteq 1.4 \cdot 10^{14}$. To jednak znamená, že pole indexované 10-gramem se nám nevejde do paměti. Ale také je jasné, že v realisticky dlouhém textu se může vyskytovat jen malý zlomek možných 10-gramů.

Opět nám pomůže suffixové pole. Kdykoliv se nějaký k -gram γ vyskytuje v textu, objeví se v lexikografickém pořadí suffixů souvislý úsek, jehož suffixy začínají na γ . Stačí tedy procházet suffixy podle suffixového pole a pokaždé se podívat, jestli se prvních k znaků shoduje s předchozím suffixem. To by pro text délky n trvalo $\mathcal{O}(nk)$.

Jestě to zrychlíme pomocí pole společných prefixů L : suffixy α_i a α_{i+1} mají prvních k znaků stejných, pokud je LCP těchto suffixů aspoň k , tedy pokud $L[i] \geq k$. Takto umíme hranici úseku rozpoznat v konstantním čase.

Algoritmus KGRAMY

Vstup: Řetězec α délky n , délka podřetězce k

1. Pro α sestrojíme suffixové pole X a LCP pole L .
2. $z \leftarrow 0$ ▷ začátek aktuálního úseku
3. Pro $i = 0, \dots, n$:
4. Pokud $i = n$ nebo $L[i] < k$: ▷ tímto suffixem úsek končí
5. Pokud $X[i] \leq n - k$: ▷ suffix má délku aspoň k
6. Vypíšeme k -gram $\alpha[X[i] : X[i] + k]$ s četností $i - z + 1$.
7. $z \leftarrow i + 1$ ▷ začal nový úsek

Zbývá si rozmyslet časovou složitost. Vše trvá $\Theta(n)$, jen abychom k -gram skutečně vypsali, potřebujeme pokaždé $\Theta(k)$ času navíc. Celkem to tedy je $\Theta(n + k \cdot \text{počet } k\text{-gramů})$.

Nejdelší opakování podslovo

Někteří lidé řeční a řeční, ale když se do jejich řeči zaposloucháte, zjistíte, že opakují podobné věci pořád dokola. Pojdme vymyslet, jak v daném slovu α délky n najít co

⁽³⁾ Zkuste přijít na to, proč je v této knize tak častý trigram `cho`.

nejdelší podslovo, které se vyskytuje alespoň dvakrát. Výskyty se přitom smí překrývat: třeba pro slovo **ananas** je řešením podslovo **ana**.

Nejprve vyzkoušíme triviální algoritmus. Projdeme všechny možnosti, kde mohou dva výskyty podslova začínat. To jsou dvojice indexů $0 \leq i < j < n$. Pro každou dvojici můžeme najít největší ℓ takové, že $\alpha[i : i + \ell] = \alpha[j : j + \ell]$. Dvojice s maximálním ℓ pak odpovídá nejdelšímu opakování podslovu.

Neděláme nic jiného, než že pro každou dvojici suffixů spočítáme jejich LCP. Nepomohlo by nám LCP pole? Budeme-li suffixy indexovat rankem v lexikografickém pořadí místo pozicí začátku, postačí počítat všechna $LCP(\alpha_i, \alpha_j)$ a hledat mezi nimi maximum. Kdykoliv je $i + 1 = j$, odpověď nám dá přímo LCP pole. V obecném případě pomůže následující lemma.

Lemma (o společném prefixu): Pro všechna $0 \leq i < j \leq n$ platí $LCP(\alpha_i, \alpha_j) = \min(L[i], L[i + 1], \dots, L[j - 1])$.

Důkaz: Nechť m je minimum úseku v poli L z pravé strany tvrzení. Nejprve ukážeme, že $LCP(\alpha_i, \alpha_j) \geq m$. Mezi suffixy $\alpha_i, \alpha_{i+1}, \dots, \alpha_j$ mají každé dva sousední společný prefix délky aspoň m , takže i první suffix s posledním musí mít společný prefix délky aspoň m .

Pro opačnou nerovnost se podíváme, kde se minima m nabývá. To je nějaké k mezi i a j takové, že $L[k] = m$. Suffixy α_k a α_{k+1} se shodují v prvních m znacích a m -tý znak se liší (případně jeden z nich na pozici m končí, ale tehdy si představíme, že je doplněn mezerami, které jsou v abecedě před všemi ostatními znaky). Prvních m znaků mají společných dokonce všechny suffixy $\alpha_i, \dots, \alpha_j$, takže z lexikografického uspořádání plyne, že jejich m -té znaky jsou setříděny: $\alpha_i[m] \leq \alpha_k[m] < \alpha_{k+1}[m] \leq \alpha_j[m]$. Jenže prostřední nerovnost je ostrá, takže první a poslední suffix se také liší v m -tém znaku. Proto je jejich LCP nejvýše m . \square

Stačí tedy projít všechny úseky v poli L , spočítat jejich minima a najít maximum z těchto minim. K hledání minim by se dala použít datová struktura z oddílu 4.4. Jenže ono to vůbec není potřeba: stačí si uvědomit, že maxima z minim se musí nabývat v nějakém jednoprvkovém úseku. Hledáme tedy index i , jehož $L[i]$ je maximální. Nejdelší opakování podslovo pak bude mít délku $L[i]$ a bude začínat na pozicích $X[i]$ a $X[i + 1]$. Pro řetězec z obrázku 13.3 to tedy bude slovo **aroko**.

Tento algoritmus evidentně běží v čase $\Theta(n)$, protože kromě konstrukce polí X a L už jenom hledá maximum a vypisuje.

Nejdelší společné podslovo

Podobně můžeme nalézt *nejdelší společné podslovo* dvou slov α a β . To je nejdelší slovo, které je podslodem slov α i β . Pozor, to není totéž jako nejdelší společná podposloupnost z cvičení 12.3.7 – tam smíme znaky vybírat „na přeskáčku“.

Nabízí se vytvořit suffixová pole pro α a β a pak je nějak porovnat. To ale k cíli nevede. Raději vyrobíme jediné suffixové pole pro řetězec $\gamma = \alpha\#\beta$, kde $\#$ je nějaký oddělovač, který se nevyskytuje ani v α , ani v β ; v abecedě ho zařadíme před všechny znaky. Jaké má slovo γ suffixy? Jednak se mezi nimi vyskytují suffixy slova β a jednak suffixy slova α prodloužené o $\#\beta$.

Stačí tedy najít maximum z hodnot LCP všech párů suffixů slova γ , v nichž jeden suffix začíná nalevo od $\#$ a druhý napravo. Podle lemmatu o společném prefixu tedy hledáme maximum z minim úseků $\langle i, j \rangle = L[i], \dots, L[j - 1]$, ale tentokrát jenom přes *zajímavé* úseky. To jsou ty, kde suffix γ_i leží nalevo a γ_j napravo, nebo opačně. Jejich hranice tedy splňují $\min(X[i], X[j]) \leq |\alpha|$ a $\max(X[i], X[j]) > |\alpha|$.

Zase není potřeba zkoušet všechny takové úseky. Ukážeme, že maxima se nabývá v nějakém jednoprvkovém zajímavém úseku. Uvažme maximum $L[m]$, které je minimem úseku $\langle i, j \rangle$. Bez újmy na obecnosti leží α_i nalevo a α_j napravo. Rozebereme dva případy:

- γ_m leží nalevo. Tehdy najdeme nejbližší $j' > m$ takové, že $\gamma_{j'}$ leží napravo. Úsek $\langle j' - 1, j' \rangle$ je zajímavý a celý leží uvnitř $\langle i, j \rangle$, takže jeho minimum nemůže být menší než $L[m]$. Ovšem nemůže být ani větší, protože $L[m]$ je maximální minimum.
- γ_m leží napravo. Tehdy najdeme nejbližší $i' < m$ takové, že $\gamma_{i'}$ leží nalevo. Úsek $\langle i', i' + 1 \rangle$ je zajímavý a celý leží uvnitř $\langle i, j \rangle$, takže má opět minimum $L[m]$.

K nalezení nejdelšího společného podslova tedy stačí najít největší $L[m]$ takové, že $X[m] \leq |\alpha|$ a $X[m + 1] > |\alpha|$. To spolu s konstrukcí společného suffixového pole stihneme v čase $\Theta(|\alpha| + |\beta|)$.

Cvičení

1. Zrychlete datovou strukturu pro hledání v textu na $\mathcal{O}(J + \log S)$ na dotaz. Ukažte, že není potřeba pokaždé řetězce porovnávat od začátku. Pokud si předpočítáme vhodnou tabulku, půjde některé znaky přeskočit.
2. *Burrowsova-Wheelerova transformace* se používá v kompresi dat. Pro řetězec α délky n ji definujeme takto: Vytvoříme matici $n \times n$, jejíž řádky jsou všechny rotace $\alpha[k :]\alpha[: k]$ řetězce α . Řádky setřídíme lexikograficky a přečteme poslední sloupec. Navrhněte algoritmus pro výpočet transformace v lineárním čase. Dokažte, že pokud si navíc zapamatujeme, na kterém řádku matice skončila α , je transformace invertibilní.

13.6* Konstrukce suffixového pole

V minulém oddílu jsme zavedli suffixové pole, rankové pole a pole společných prefixů (LCP pole). Nyní ukážeme, jak je pro zadaný řetězec α délky n sestrojit. Začneme algoritmem o složitosti $\Theta(n \log n)$, postupně se propracujeme až k lineární složitosti.

Výpočet suffixového pole zdvojováním

Suffixové pole můžeme vytvořit „zdvojovacím“ algoritmem. Ten pracuje v $\mathcal{O}(\log n)$ fázích, které očíslovujeme mocninami dvojky od 2^0 do $2^{\lceil \log n \rceil}$. Ve fázi k setřídí suffixy podle prvních k znaků, takže v poslední fázi už budou setříděné celé.

Definice: Pro řetězce γ a δ definujeme porovnání prefixů délky k takto:

- $\gamma =_k \delta$, pokud $\gamma[: k] = \delta[: k]$,
- $\gamma \leq_k \delta$, pokud $\gamma[: k] \leq \delta[: k]$.
- $\gamma <_k \delta$, pokud $\gamma \leq_k \delta$ a současně $\gamma \neq_k \delta$.

(Pokud by k překročilo délku řetězce, představíme si, že za koncem řetězce leží nekonečně mnoho mezer, které v abecedě leží před všemi ostatními znaky.)

Ve fázi k tedy chceme spočítat permutaci X_k na začátcích suffixů takovou, že pro každé i platí $\alpha[X_k[i] :] \leq_k \alpha[X_k[i + 1] :]$. Také spočítáme příslušné rankové pole R_k , ale pozor na to, že některé suffixy se mohou v prvních k znacích shodovat, takže musí dostat stejný rank. Formálně tedy definujeme $R_k[i]$ jako počet suffixů $\alpha[j :]$ takových, že $\alpha[j :] <_k \alpha[i :]$. Rank tedy po několika stejných suffixech poskočí o jejich počet.

Ve fázi 1 stačí suffixy setřídit podle jejich prvního znaku. Obecným třídicím algoritmem to potrvá čas $\mathcal{O}(n \log n)$. Rankové pole zvládneme spočítat v lineárním čase.

V dalších fázích dostaneme suffixy setříděné podle \leq_k a máme je setřídit podle \leq_{2k} . Nejprve si všimneme, že na $2k$ -tici se můžeme podívat jako na dvě po sobě jdoucí k -tice – budeme jim říkat levá a pravá. Chceme-li dvě $2k$ -tice lexikograficky porovnat, nejdříve porovnáme jejich levé části, a teprve když se shodují, porovnáme pravé. Platí tedy:

$$\alpha[i :] \leq_{2k} \alpha[j :] \Leftrightarrow (\alpha[i :] <_k \alpha[j :]) \vee ((\alpha[i :] =_k \alpha[j :]) \wedge (\alpha[i + k :] \leq_k \alpha[j + k :])).$$

Totéž můžeme zapsat pomocí rankového pole takto:

$$(R_k[i] < R_k[j]) \vee ((R_k[i] = R_k[j]) \wedge (R_k[i + k] \leq R_k[j + k])),$$

což je totéž jako nerovnost dvojic $(R_k[i], R_k[i + k]) \leq (R_k[j], R_k[j + k])$ v lexikografickém uspořádání. Zbývá dořešit jeden detail: $i + k$ nebo $j + k$ už může ležet mimo řetězec. Tehdy použijeme rank prázdného suffixu, což je 0.

Můžeme tedy použít nějaký třídicí algoritmus založený na porovnávání. Necháme ho se třídit posloupnost $0, \dots, n$ a kdykoliv bude chtít porovnat čísla i a j , porovnáme lexicograficky příslušné dvojice. Jedno porovnání trvá konstantní čas, takže třídění poběží v čase $\mathcal{O}(n \log n)$. Rankové pole opět dopočítáme v lineárním čase: stačí procházet suffixové pole a rank zvýšit pokaždé, když se dvojice přiřazené aktuálnímu a předchozímu suffixu liší.

Celkově provedeme $\mathcal{O}(\log n)$ fází, každá z nich zabere čas $\mathcal{O}(n \log n)$. To dohromady dává časovou složitost $\mathcal{O}(n \log^2 n)$. Každá fáze si potřebuje pamatovat vstup α , rankové pole z předchozí fáze, suffixové a rankové pole z aktuální fáze a všechny dvojice. To vše se vejde do prostoru $\mathcal{O}(n)$.

Algoritmus můžeme zrychlit tím, že místo třídění porovnáváním použijeme lexikografický Bucketsort – příhrádkové třídění z oddílu 3.4. Použijeme ho na trojice $(R_k[i], R_k[i+k], i)$. Díky přidané třetí složce dokážeme z pořadí trojic odvodit pořadí suffixů. A jelikož všechny složky leží mezi 0 a n , stačí Bucketsortu $n+1$ příhrádek a 3 průchody, tedy čas $\mathcal{O}(n)$. Tím pádem všechny fáze stihneme v čase $\mathcal{O}(n \log n)$. Do toho se vejde i první fáze, která stále potřebuje obecný třídicí algoritmus, protože abeceda může být libovolně velká. Každopádně nám stále stačí lineární prostor.

Algoritmus SUFFIXOVÉPOLE

Vstup: Řetězec α délky $n > 0$

1. Vytvoříme pole $X[0 \dots n]$ a $R[0 \dots n]$.
 2. První fáze:
 3. $D \leftarrow \{(a[i], i) \mid i = 0, \dots, n\}$, kde $a[n]$ považujeme za nejmenší znak.
 4. Setřídíme D lexikograficky.
 5. Pro $j = 0, \dots, n$:
 6. $X[j] = D[j][1]$
 7. Je-li $j = 0$ nebo $D[j][0] \neq D[j - 1][0]$:
 8. $R[X[j]] = j$
 9. Jinak:
 10. $R[X[j]] = R[X[j - 1]]$
 11. $k \leftarrow 1$ \triangleleft číslo aktuální fáze
 12. Dokud $k \leq n$: \triangleleft z polí X_k a R_k počítáme X_{2k} a R_{2k}
 13. $D \leftarrow \{(R[i], R[i+k], i) \mid i = 0, \dots, n\}$, kde $R[i+k] = 0$ pro $i+k > n$.
 14. Setřídíme D lexikograficky.
 15. Pro $j = 0, \dots, n$:
 16. $X[j] = D[j][2]$
 17. Je-li $j = 0$ nebo $(D[j][0], D[j][1]) \neq (D[j - 1][0], D[j - 1][1])$:
 18. $R[X[j]] = j$

19. Jinak:
 20. $R[X[j]] = R[X[j - 1]]$
 21. $k \leftarrow 2k$

Výstup: Suffixové pole X a rankové pole R

Pole společných prefixů – Kasaiův algoritmus

Sestrojili jsme suffixové pole X a rankové pole R , zbývá pole společných prefixů L . To bychom mohli počítat během konstrukce X (cvičení 1 a 2). My zde raději ukážeme algoritmus publikovaný Toru Kasaiem v roce 2001, který umí z X a R přímo spočítat L .

Kdybychom L počítali podle definice, stačilo by pro každé i procházet suffixy α_i a α_{i+1} znak po znaku a počítat, kolik znaků zleva se shoduje. To je evidentně správně, ale kvadraticky pomalé. Vzápětí dokážeme, že si většinu porovnání můžeme ušetřit, protože jejich výsledky plynou z předchozích porovnání.

Lemma: Nechť α_i a $\alpha_{i'}$ jsou suffixy začínající na pozicích t a $t+1$ (platí tedy $i = R[t]$ a $i' = R[t+1]$). Potom $L[i'] \geq L[i] - 1$.

Důkaz: Podle definice je $L[i]$ rovno LCP suffixů α_i a α_{i+1} sousedících v lexikografickém pořadí. Pokud jsou první znaky těchto suffixů různé, je $L[i] = 0$ a naše nerovnost triviálně platí. V zajímavých případech je tedy $L[i] > 0$.

Pokud ze suffixů α_i a α_{i+1} smažeme první znak, získáme opět suffixy. První z nich je už známý $\alpha_{i'}$, druhý musí být roven $\alpha_{j'}$ pro nějaké $j' > i'$. Jelikož první znaky se rovnaly, platí $L[i] = \text{LCP}(\alpha_i, \alpha_{i+1}) = \text{LCP}(\alpha_{i'}, \alpha_{j'}) + 1$. Kdyby náhodou platilo $i' + 1 = j'$, bylo by pravé LCP rovno $L[i']$ a nerovnost by platila jako rovnost. V obecném případě použijeme lemma o společném prefixu. Podle něj je pravé LCP rovno minimu úseku $\langle i', j' \rangle$ v poli L . Toto minimum je určitě menší nebo rovno $L[i']$, takže platí $L[i] \leq L[i'] + 1$. \square

Kasaiův algoritmus prochází suffixy od nejdelšího k nejkraťšímu. Pokaždé použije nerovnost z našeho lemmatu jako dolní odhad na aktuální LCP pomocí minule spočítaného LCP. To umožní při porovnávání znaků některé přeskočit.

Algoritmus KASAI

Vstup: Řetězec α délky n , jeho suffixové pole X a rankové pole R

1. $\ell \leftarrow 0$ $\triangleleft LCP$ spočítané v předchozím kroku
 2. Pro $p = 0, \dots, n - 1$: \triangleleft začátek aktuálního suffixu v řetězci α
 3. $\ell \leftarrow \max(\ell - 1, 0)$ \triangleleft další LCP je větší nebo rovno $\ell - 1$
 4. $i \leftarrow R[p]$ \triangleleft index aktuálního suffixu v lexikografickém pořadí
 5. $q \leftarrow X[i + 1]$ \triangleleft začátek lexikograficky následujícího suffixu v α
 6. Dokud $(p + \ell < n) \wedge (q + \ell < n) \wedge (\alpha[p + \ell] = \alpha[q + \ell])$:

7. $\ell \leftarrow \ell + 1$ \triangleleft zvyšujeme ℓ , dokud se znaky shodují
8. $L[i] \leftarrow \ell$ \triangleleft zaznamenáme LCP do pole L

Výstup: Pole společných prefixů L

Lemma: Algoritmus KASAI běží v čase $\Theta(n)$.

Důkaz: Operace ležící mimo smyčku v kroku 6 evidentně trvají $\Theta(n)$ dohromady. Čas strávený uvnitř smyčky budeme amortizovat, přičemž proměnná ℓ poslouží jako potenciál. Hodnota ℓ vždy leží v intervalu $[0, n]$ a začíná na nule. Méní se pouze v kroku 7 zvýšením o 1 a v kroku 3 snížením o 1. Celkem nastane n snížení. Kdyby nastalo více než $2n$ zvýšení, muselo by na konci výpočtu být $\ell > n$, což není možné. Všech průchodů smyčkou 6 je tedy $\mathcal{O}(n)$. \square

Konstrukce v lineárním čase – algoritmus Skew*

Na závěr ukážeme, jak suffixové pole sestrojit v lineárním čase algoritmem, který navrhli v roce 2003 Juha Kärkkäinen a Peter Sanders. Tomuto algoritmu se také říká Skew – „šikmý“, protože používá asymetrickou metodu Rozděl a panuj. Trochu netradičně bude nejen rekurzivně řešit podproblémy, ale také průběžně měnit abecedu.

Jelikož zadaný řetězec α obsahuje nejvýše tolik znaků abecedy, kolik je jeho délka, můžeme vstupní abecedu přečíslovat na $\Delta = \{0, \dots, n\}$, přičemž hodnotu 0 vyhradíme pro mezery, které si budeme podle potřeby domýšlet za koncem řetězce. Přečíslování abecedy obnáší setřídění všech dvojic $(\alpha[i], i)$ lexikograficky.

Nyní se na α podíváme po trojicích. Místo řetězce délky n nad abecedou Δ si představíme řetězec délky $n/3$ nad abecedou Δ^3 . Znaky nové abecedy jsou uspořádané trojice původních znaků a budeme je značit $\langle x, y, z \rangle$. Překódováním α do abecedy trojic vznikne řetězec α_0 , pro který bude platit:

$$\alpha_0[i] = \langle \alpha[3i], \alpha[3i+1], \alpha[3i+2] \rangle .$$

Totéž ještě provedeme fázově posunutě o 1 a o 2 pozice, čímž dostaneme řetězce α_1 a α_2 :

$$\begin{aligned} \alpha_1[i] &= \langle \alpha[3i+1], \alpha[3i+2], \alpha[3i+3] \rangle , \\ \alpha_2[i] &= \langle \alpha[3i+2], \alpha[3i+3], \alpha[3i+4] \rangle . \end{aligned}$$

Všimneme si, že každý suffix slova α odpovídá suffixu jednoho ze slov α_i . A pokud abecedu Δ^3 uspořádáme lexikograficky, zachováme dokonce uspořádání suffixů. (Pozor, na rozdíl od předchozích algoritmů zde α_i neznamená i -tý suffix v lexikografickém pořadí!)

Rekurzivně zavoláme náš algoritmus na řetězec $\alpha_{01} = \alpha_0\alpha_1$, čímž získáme společné suffixové pole X_{01} pro α_0 a α_1 . (To je podobný trik jako v algoritmu na nejdelší společný

podřetězec.) Snadno dopočítáme rankové pole R_{01} , pomocí nějž umíme porovnat libovolné dva suffixy α_{01} v konstantním čase.

Nyní setřídíme suffixy slova α_2 . Pokud chceme dva suffixy porovnat, použijeme následující posloupnost ekvivalentních úprav:

$$\begin{aligned} \alpha_2[i:] &\leq \alpha_2[j:] \\ \alpha[3i+2:] &\leq \alpha[3j+2:] \\ (\alpha[3i+2], \alpha[3i+3:]) &\leq (\alpha[3j+2], \alpha[3j+3:]) \\ (\alpha[3i+2], \alpha_0[i+1:]) &\leq (\alpha[3j+2], \alpha_0[j+1:]) \\ (\alpha[3i+2], R_{01}[i+1]) &\leq (\alpha[3j+2], R_{01}[j+1]) \end{aligned}$$

Místo suffixů tedy můžeme trdit dvojice čísel o velikosti $\mathcal{O}(n)$, což zvládneme v lineárním čase přihrádkovým tríděním. Tím vznikne suffixové pole X_2 .

Nakonec vyrobíme společné pořadí suffixů slov α_0 , α_1 i α_2 . Přitom je rovnou překládáme na suffixy původního slova α . Použijeme algoritmus pro slévání setříděných posloupností na suffixová pole X_{01} a X_2 . Porovnání suffixu z α_0 se suffixem z α_2 opět převedeme ekvivalentními úpravami na porovnání dvojic čísel:

$$\begin{aligned} \alpha_0[i:] &\leq \alpha_2[j:] \\ \alpha[3i:] &\leq \alpha[3j+2:] \\ (\alpha[3i], \alpha[3i+1:]) &\leq (\alpha[3j+2], \alpha[3j+3:]) \\ (\alpha[3i], \alpha_1[i:]) &\leq (\alpha[3j+2], \alpha_0[j+1:]) \\ (\alpha[3i], R_{01}[|\alpha_0|+i]) &\leq (\alpha[3j+2], R_{01}[j+1]) \end{aligned}$$

Podobně porovnáme suffix z α_1 se suffixem z α_2 :

$$\begin{aligned} \alpha_1[i:] &\leq \alpha_2[j:] \\ \alpha[3i+1:] &\leq \alpha[3j+2:] \\ (\alpha[3i+1], \alpha[3i+2], \alpha[3i+3:]) &\leq (\alpha[3j+2], \alpha[3j+3], \alpha[3j+4:]) \\ (\alpha[3i+1], \alpha[3i+2], \alpha_0[i+1:]) &\leq (\alpha[3j+2], \alpha[3j+3], \alpha_1[j+1:]) \\ (\alpha[3i+1], \alpha[3i+2], R_{01}[i+1]) &\leq (\alpha[3j+2], \alpha[3j+3], R_{01}[|\alpha_0|+j+1]) \end{aligned}$$

Každé dva suffixy tedy umíme porovnat v konstantním čase, takže celé slévání poběží v čase $\mathcal{O}(n)$.

Celý algoritmus bude vypadat následovně:

Algoritmus SKEW

Vstup: Řetězec α délky n

1. Pokud $n < 3$, setřídíme suffixy hrubou silou a skončíme.
2. Přečíslujeme abecedu na $\{0, \dots, n\}$ $\triangleleft 0$ je mezera za koncem vstupu
3. Vytvoříme řetězce α_0, α_1 a α_2 nad abecedou trojic.
4. $X_{01} \leftarrow \text{SKEW}(\alpha_0 \alpha_1)$
5. Spočítáme rankové pole R_{01} jako inverzní permutaci k X_{01} .
6. Setřídíme suffixy slova α_2 přihrádkovým tříděním dvojic. Vznikne X_2 .
7. Slijeme X_{01} a X_2 pomocí porovnávání dvojic a trojic. Získáme X .

Výstup: Suffixové pole X

Věta: Algoritmus SKEW má časovou složitost $\Theta(n + T(n, \Sigma))$, kde $T(n, \Sigma)$ je čas potřebný na setřídění n znaků z abecedy Σ .

Důkaz: Všechny kroky algoritmu kromě rekurze a třídění abecedy trvají čas $\Theta(n)$. První třídění abecedy trvá $T(n, \Sigma)$ a počítáme ho zvlášť. Každé další třídění dostane abecedu trojic, které můžeme třídit Bucketsortem v čase $\Theta(n)$. Rekurzivně se voláme na řetězec délky $2 \cdot \lceil n/3 \rceil \approx (2/3) \cdot n$. Časová složitost celého algoritmu je tedy $T(n, \Sigma) + \sum_i \Theta(n \cdot (2/3)^i)$. V sumě poznáváme klesající geometrickou řadu se součtem $\Theta(n)$. \square

Důsledek: Kdykoliv je abeceda polynomiálně velká, dokážeme ji třídit Radixsortem, takže $T(n, \Sigma) \in \Theta(n)$ a celý algoritmus SKEW pracuje v čase $\Theta(n)$.

Cvičení

1. Upravte zdvojovací algoritmus, aby rovnou počítal pole společných prefixů.
- 2* Upravte algoritmus SKEW, aby rovnou počítal pole společných prefixů. Může se hodit datová struktura pro intervalová minima zmíněná v oddílu 4.4.

13.7* Suffixové stromy

Suffixová pole nám umožnila řešit v lineárním čase různé úlohy o řetězcích, na které byly jednodušší techniky krátké. Ukážeme ještě jeden podobně mocný nástroj: suffixové stromy. Jsou postavené na jiných základech, ale nakonec se ukáže, že mají se suffixovými poli nečekaně mnoho společného. Přišli s nimi Peter Wiener v roce 1973 a Edward McCreight v roce 1976. První praktický algoritmus pro jejich konstrukci objevil až Esko Ukkonen v roce 1995.

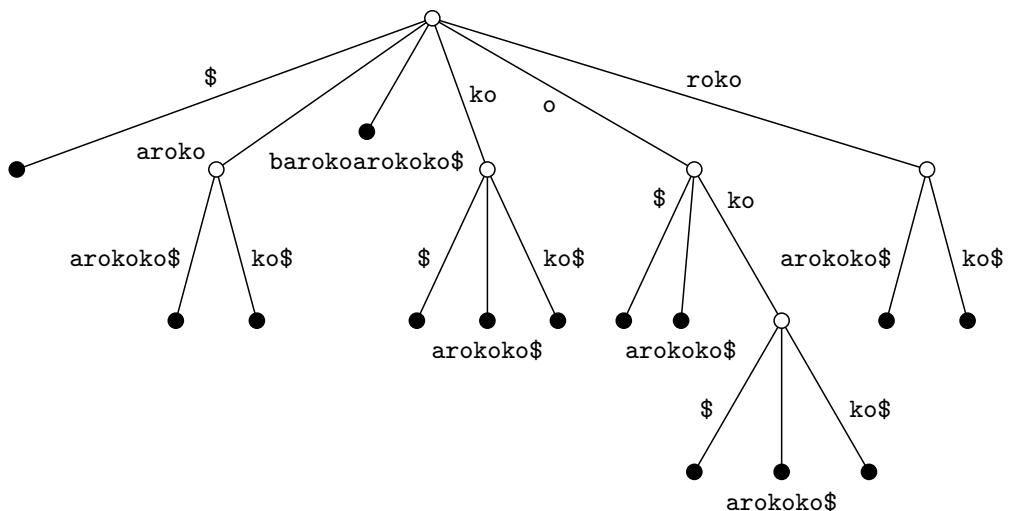
Mějme opět nějaký řetězec α délky n . Sestrojíme písmenkový strom neboli trii (viz oddíl 4.3) pro množinu všech suffixů slova α . To na první pohled nevypadá nadějně – celková

délka suffixů slova délky n je $\Theta(n^2)$ a trie skutečně může mít až kvadraticky mnoho vrcholů. Zachrání nás myšlenka z cvičení 4.3.8: trii komprimovat tak, že každou nevětvící se cestu nahradíme hranou, které místo jednoho znaku přiřadíme rovnou celý řetězec.

Definice: Komprimovaná trie je zakořeněný strom, jehož hrany jsou označeny neprázdnými slovy – popiskami. Každý vnitřní vrchol má alespoň dva syny a popisky hran do jeho synů se liší počátečními znaky. Vrchol reprezentuje slovo, které je zřetězením popisek na cestě z kořene do něj.

Ale pozor: kdybychom chtěli reprezentovat množinu $\{a, aa\}$, komprese by vrchol a schvalovala dovnitř hrany, takže by nebylo kam uložit informaci, že a leží v množině. My se tomuto problému elegantně vyhneme: na konec slova α přidáme speciální znak $\$$, který se nikde jinde nevyskytuje a leží na začátku abecedy. Tím zařídíme, že žádný suffix nebude prefixem jiného, a tudíž všechny suffixy budou odpovídat listům trie.

Definice: Suffixový strom pro slovo α je komprimovaná trie, jejíž listy reprezentují suffixy slova $\alpha\$$.



Obrázek 13.4: Suffixový strom pro slovo barokoarokoko

Sledujme příklad suffixového stromu na obrázku 13.4 a přemýšlejme o jeho vlastnostech.

Lemma: Suffixový strom pro slovo α délky n lze reprezentovat v prostoru $\Theta(n)$.

Důkaz: Nejprve dokážeme, že strom má $\Theta(n)$ vrcholů. Začneme prázdným stromem, který má pouze kořen. Postupně budeme přidávat suffixy: jako při hledání slova budeme procházet po cestě od kořene, dokud se nový suffix shoduje. Jakmile se přestane shodovat, přidáme hranu do nového listu, popsanou zbytkem suffixu. K neshodě může dojít dvojím způsobem: buď ve vrcholu, anebo uvnitř hrany. V prvním případě přibude pouze nový list, v druhém musíme ještě podrozdělit hranu novým vrcholem. Každý suffix tedy způsobí vznik nejvýše 2 vrcholů.

Každý vrchol si zapamatuje všechny hrany do svých synů. Jelikož popisky jsou podřetězce suffixů, jsou to také podřetězce slova α . Pro každou hranu tedy postačí uložit pozici začátku a konce popisky ve slově α . Popisky všech hran spolu s kopíí slova α také zaberoú prostor $\Theta(n)$. \square

Už víme, že listy stromu odpovídají suffixům. Co jeho vnitřní vrcholy? To jsou prefixy suffixů, konkrétně listů ležících v podstromu pod daným vnitřním vrcholem – tudíž to jsou podslova. A ne ledajaká: z vrcholu vedou aspoň dvě hrany do synů a ty se liší prvním znakem. Tak získáme:

Pozorování: Vnitřní vrcholy suffixového stromu pro slovo α odpovídají *větvícím podslovům*. To jsou slova s aspoň dvěma výskyty v $\alpha\$$, ze kterými následují různé znaky. Vrcholy *skryté kompresí* dovnitř hran tedy odpovídají těm podslovům, která nejsou ani suffixy, ani větvící.

Úlohy z oddílu 13.5 můžeme vyřešit v lineárním čase rovněž pomocí suffixových stromů:

- *Datová struktura pro vyhledávání v textu* – to je strom samotný, stačí v něm hledat jehlu od kořene jako v trii. Listy podstromu zavěšeného pod nalezeným vrcholem (možná skrytým) pak odpovídají výskytům jehly.
- *Četnosti k -gramů* – strom rozřízneme v *písmenkové hloubce k* (písmenková hloubka vrcholu je délka jeho slova). Vrcholy (potenciálně skryté), kudy vedl řez, odpovídají k -gramům, podstromy pod nimi jejich výskytům. Stačí tedy prohledávat strom do hloubky, udržovat si písmenkovou hloubku a z podstromů vracet počet listů.
- *Nejdelší opakování podslovo* – takové podslovo musí být určitě větvící (jinak bychom ho ještě mohli prodloužit). Stačí tedy najít vnitřní vrchol s největší písmenkovou hloubkou.
- *Nejdelší společné podslovo* – vytvoříme suffixový strom pro slovo $\alpha\#\beta$, hledáme písmenkově nejhlubší vrchol, v jehož podstromu se nachází jak suffix z α , tak suffix z β . To opět zvládne prohledání do hloubky, které si bude z podstromů předávat počet listů z α a z β .

Vidíme tedy, že se suffixovými stromy a polí lze dělat podobné věci. To není náhoda – tyto dvě datové struktury na sebe jde jednoduše převádět.

Věta: Suffixový strom a suffixové pole s LCP polem na sebe lze převést v čase $\Theta(n)$.

Důkaz: Nejprve uvažujme, jak se chová průchod suffixovým stromem do hloubky. Syny každého vrcholu budeme procházet v lexikografickém pořadí popisek; to je jednoznačně určeno prvními písmeny popisek. Listy tudiž navštěvujeme v lexikografickém pořadí suffixů. Pokud si průběžně udržujeme písmenkovou hloubku, známe u každého suffixu jeho délku, a tím pádem i pozici, kterou zapisujeme do suffixového pole.

Nejdélší společný prefix dvou suffixů odpovídá nejbližšímu společnému předchůdci příslušných listů. Hodnota LCP je tedy písmenková hloubka tohoto předchůdce. Stačí proto průchod do hloubky upravit, aby vnitřní vrcholy zpracovával v in-orderu – mezi návratem z jednoho syna a rekurzí na dalšího. Takto mezi každými dvěma listy zpracujeme právě jeden vnitřní vrchol, kde najdeme jejich LCP.

Tato pozorování můžeme použít i v opačném směru. Suffixový strom je minimovým stromem pro LCP pole a algoritmem z cvičení 9.3.4 ho umíme vytvořit v lineárním čase. Jakmile známe tvar stromu, prohledáním do hloubky vyjmenejme listy „zleva doprava“ a přiřadíme jim suffixy podle suffixového pole. Při návratu z prohledávání pak přiřazujeme popisky hranám. \square

Důsledek: Kombinací s algoritmy na konstrukci suffixového pole z předchozího oddílu tedy můžeme suffixový strom pro řetězec délky n sestrojit v čase $\Theta(n)$.

Suffixové stromy a pole jsou tedy velmi podobné nástroje. Někdy se o řetězových úlohách snáze uvažuje pomocí stromů, jindy pomocí polí. Suffixové stromy nám umožňují využívat bohatých zásob grafových algoritmů, pole zase algoritmů a datových struktur pro práci s posloupnostmi. Obě struktury umíme vybudovat v lineárním čase a zabírají lineární prostor.

V praktické implementaci ovšem narazíme na to, že stromy mají výrazně horší konstanty – tam, kde si suffixové pole vystačí s jedním číslem, potřebuje strom na každý vrchol několik ukazatelů. Navíc potřebujeme hrany indexovat abecedou, což je obtížné, pokud je abeceda rozsáhlá. U pole čas a prostor na velikost abecedy nezáleží, dokud je polynomiálně velká. Proto je poměrně běžné vymyslet algoritmus založený na suffixových stromech a pak ho přeložit do řeči polí.

Cvičení

1. Sestrojte řetězec délky n , pro nějž bude nekomprimovaná trie suffixů mít $\Omega(n^2)$ vrcholů.

2. Najděte vztah mezi vnitřními vrcholy suffixového stromu a vhodnými intervaly v poli společných prefixů.

13.8 Další cvičení

1. Jak zjistit, zda je zadáno slovo α periodické? Tím myslíme zda existuje slovo β a číslo $k > 1$ takové, že $\alpha = \beta^k$ (zřetězení k kopií řetězce β).
- 2.* Navrhněte datovou strukturu pro *dynamické vyhledávání v textu*. Jehla je pevná, v seně lze průběžně měnit jednotlivé znaky a struktura odpovídá, zda se v seně právě vyskytuje jehla.
3. *Pestrý* budeme říkat takovému řetězci, jehož všechny rotace jsou navzájem různé. Kolik existuje pestrých řetězců v Σ^n pro konečnou abecedu Σ a prvočíslo n ?
- 4.** Vyřešte předchozí cvičení pro obecné n .
- 5.* *Substituční šifra* funguje tak, že zpermutujeme znaky abecedy: například permutací abecedy **a b c d e f o** na **d a c e b o** zašifrujeme slovo **a b a d c o d c o e b**. Zašifrovaný text je méně srozumitelný, ale například vyzradí, kde v originálu byly stejné znaky a kde různé. Buď dán seno zašifrované substituční šifrou a nezašifrovaná jehla. Najděte všechny možné výskytu jehly v originálním seně (tedy takové pozice v seně, pro něž existuje permutace abecedy, která přeloží jehlu na příslušný kousek sena).
6. Definujme *Fibonacciho slova* takto: $F_0 = \mathbf{a}$, $F_1 = \mathbf{b}$, $F_{n+2} = F_n F_{n+1}$. Jak v zadáném řetězci nad abecedou $\{\mathbf{a}, \mathbf{b}\}$ najít nejdelší Fibonacciho podslovo?
- 7.* Pokračujme v předchozím cvičení. Dostaneme řetězec nad nějakou obecnou abecedou, chceme nalézt jeho nejdelší podřetězec, který je izomorfní s nějakým Fibonacciho slovem (liší se pouze substitucí jiných znaků za **a** a **b**).
- 8.* *Nejčastější podřetězec*: Je dán text a číslo K . Jak zjistit, který podřetězec délky K se v textu vyskytuje nejčastěji? Srovnejte řešení založená na různých algoritmech z této kapitoly.
- 9.* *Unikátní podslova*: Vymyslete algoritmus, který pro zadáno slovo najde všechna nejkratší podslova, která se vyskytují pouze jednou.
10. Jak v řetězci najít nejdelší prefix, který je *palindrom* (popředu a pozpátku se čte stejně)?
- 11.* Jak v řetězci najít nejdelší podřetězec, který je palindrom?
- 12.* *Počet podřetězců*: Jak spočítat, kolik má řetězec navzájem různých podřetězců?

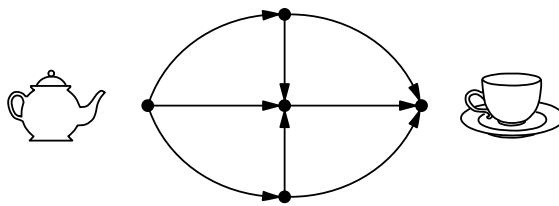
13. *Nejkratší univerzální slovo:* Na vstupu dostanete jehly ι_1, \dots, ι_n nad anglickou abecedou. Najděte nejkratší seno obsahující všechny jehly. Cílíme na časovou složitost $\mathcal{O}(2^n + \sum_i |\iota_i|)$.
14. Spočítejte, kolik řetězců délky n nad abecedou Σ neobsahuje zadанou jehlu.
- 15.** Suffixovým polem lze zrychlit výpočet *editační vzdálenosti* z oddílu 12.3. Inspirujeme se převodem na nejkratší cesty v grafu. Uvážíme dva řetězce délky řádově n s editační vzdáleností d . Graf rozdělíme na vrstvy podle vzdálenosti od počátku. Vrstvy mohou obsahovat hodně vrcholů, ale hranice sousedních vrstev má velikost $\mathcal{O}(d)$. Pomocí suffixového pole a struktury pro intervalová minima z oddílu 4.4 můžeme v čase $\mathcal{O}(d)$ z jedné hranice sestrojit následující. Domyslete detaily tak, abyste získali algoritmus se složitostí $\mathcal{O}(n + d^2)$.
- 16.** *Vyhledávání s otazníky:* Hledáme jehlu v seně nad binární abecedou, ale v jehle mohou být také otazníky, kterým vyhovuje libovolný znak sena. Sestrojte algoritmus, který najde všechny výskyty jehly v čase $\mathcal{O}(n \log n)$, kde n je součet délky jehly a sena. [N116]

— 13.8 Textové algoritmy – Další cvičení

14 Toky v sítích

14 Toky v sítích

Posluchači jisté univerzity měli rádi čaj. Tak si řekli, že by do každé přednáškové místnosti mohli zavést čajovod. Nemuselo by to být komplikované: ve sklepě velikánská čajová konvice, všude po budově trubky. Tlustší by vedly od konvice do jednotlivých pater, pak by pokračovaly tenčí do jednotlivých poslucháren. Jak ale ověřit, že potrubí má dostatečnou kapacitu na uspokojení požadavků všech čajechtivých studentů?



Obrázek 14.1: Čajovod

Podívejme se na to obecněji: Máme síť trubek přepravujících nějakou tekutinu. Popíšeme ji orientovaným grafem. Jeden význačný vrchol funguje jako zdroj tekutiny, jiný jako její spotřebič. Hrany představují jednotlivé trubky s určenou kapacitou, ve vrcholech se trubky setkávají a větví. Máme na výběr, kolik tekutiny pošleme kterou trubkou, a přirozeně chceme ze zdroje do spotřebiče přepravit co nejvíce.

K podobné otázce dojdeme při studiu přenosu dat v počítačových sítích. Roli trubek zde hrají přenosové linky, kapacita říká, kolik dat linka přenesne za sekundu. Linky jsou spojené pomocí routerů a opět chceme dopravit co nejvíce dat z jednoho místa v síti na druhé. Data sice na rozdíl od čaje nejsou spojité (přenášíme je po bytech, nebo rovnou po paketech), ale při dnešních rychlostech přenosu je za spojité můžeme považovat.

V této kapitole ukážeme, jak sítě a toky formálně popsat a předvedeme několik algoritmů na nalezení největšího možného toku. Také ukážeme, jak pomocí toků řešit jiné, zdánlivě nesouvisející úlohy.

14.1 Definice toku

Definice: Síť je uspořádaná pětice (V, E, z, s, c) , kde:

- (V, E) je orientovaný graf,
- $c : E \rightarrow \mathbb{R}_0^+$ je funkce přiřazující hranám jejich *kapacity*,
- $z, s \in V$ jsou dva různé vrcholy grafu, kterým říkáme *zdroj* a *stok* (neboli *spotřebič*).

Pozor na to, že u orientovaných grafů se pojmem *zdroj* běžně používá pro libovolný vrchol, do nějž nevedou žádné hrany. U sítí jsou zvyklosti odlišné: zdroj je právě jeden a hrany do něj dovolujeme. Analogicky pro *stok*.

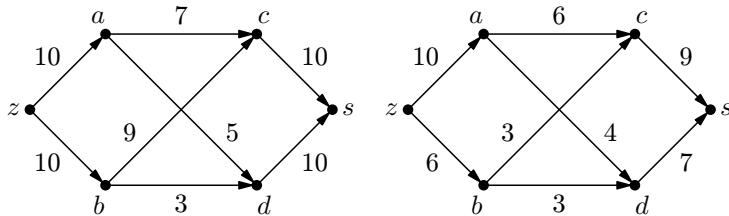
Podobně jako v předchozích kapitolách budeme počet vrcholů grafu značit n a počet hran m .

Mimo to budeme často předpokládat, že graf neobsahuje izolované vrcholy a je symetrický: je-li uv hranou grafu, je ji i vu . Činíme tak bez újmy na obecnosti: kdyby některá z opačných hran chyběla, můžeme ji přidat a přiřadit jí nulovou kapacitu.

Definice: *Tok* v síti je funkce $f : E \rightarrow \mathbb{R}_0^+$, pro níž platí:

1. Tok po každé hraně je omezen její kapacitou: $\forall e \in E : f(e) \leq c(e)$.
2. *Kirchhoffův zákon:* Do každého vrcholu přiteče stejně, jako z něj odteče („síť těsní“). Výjimku může tvořit pouze zdroj a spotřebič. Formálně:

$$\forall v \in V \setminus \{z, s\} : \sum_{u:uv \in E} f(uv) = \sum_{u:vu \in E} f(vu).$$



Obrázek 14.2: Nalevo síť, napravo tok v ní o velikosti 16

Sumy podobné těm v Kirchhoffově zákoně budeme psát často, tak pro ně zavedeme šikovné značení:

Definice: Pro libovolnou funkci $f : E \rightarrow \mathbb{R}$ definujeme:

- $f^+(v) := \sum_{u:uv \in E} f(uv)$ (celkový přítok do vrcholu)
- $f^-(v) := \sum_{u:vu \in E} f(vu)$ (celkový odtok z vrcholu)
- $f^\Delta(v) := f^+(v) - f^-(v)$ (přebytek ve vrcholu)

Kirchhoffův zákon pak říká prostě to, že $f^\Delta(v) = 0$ pro všechna $v \neq z, s$.

Definice: Velikost toku f označíme $|f|$ a bude rovna přebytku spotřebiče $f^\Delta(s)$. Říká nám tedy, kolik tekutiny přiteče do spotřebiče a nevrátí se zpět do sítě.

Jelikož síť těsní, mělo by být jedno, zda velikost toku měříme u spotřebiče, nebo u zdroje. Vskutku – přebytky zdroje a spotřebiče se liší pouze znaménkem:

Lemma: $f^\Delta(z) = -f^\Delta(s)$.

Důkaz: Uvážíme součet přebytků všech vrcholů

$$S = \sum_v f^\Delta(v).$$

Podle Kirchhoffova zákona může být přebytek nenulový pouze ve zdroji a spotřebiči, takže tato suma musí být rovna $f^\Delta(z) + f^\Delta(s)$. Současně ale musí být nulová: je to totiž součet nějakých kladných a záporných toků po hranách, přičemž každá hrana přispěje jednou kladně (ve vrcholu, do kterého vede) a jednou záporně (ve vrcholu, odkud vede). \square

Poznámka: Když vyslovíme nějakou definici, měli bychom se ujistit, že definovaný objekt existuje. S tokem jako takovým je to snadné: definici toku splňuje v libovolné síti všechna nulová funkce. Maximální tok je ale ošidnější: i v jednoduché síti můžeme najít nekonečně mnoho různých toků. Není tedy a priori jasné, že nějaký z nich musí být největší. Zde by pomohla matematická analýza (cvičení 2), ale my na to raději půjdeme konstruktivně – předvedeme algoritmus, jenž maximální tok najde. Nejprve se nám to podaří pro racionální kapacity, později pro libovolné reálné.

Cvičení

1. Naše definice toku v síti úplně nepostihuje „čajový“ příklad z úvodu kapitoly: v něm totiž bylo více spotřebičů. Ukažte, jak takový příklad pomocí našeho modelu toků popsat.
2. Doplňte detaily do následujícího důkazu existence maximálního toku: Uvažme množinu všech toků coby podprostor metrického prostoru \mathbb{R}^m . Tato množina je omezená a uzavřená, tedy je kompaktní. Velikost toku je spojitá funkce z této množiny do \mathbb{R} , pročež musí nabývat minima i maxima.

14.2 Fordův-Fulkersonův algoritmus

Nejjednodušší z algoritmů na hledání maximálního toku je založen na prosté myšlence: začneme s nulovým tokem a postupně ho vylepšujeme, až dostaneme maximální tok.

Uvažujme, jak by vylepšování mohlo probíhat. Nechť existuje cesta P ze z do s taková, že po všech jejích hranách teče méně, než dovolují kapacity. Takové cestě budeme říkat *zlepšující*, protože po ní můžeme tok zvětšit. Zvolíme

$$\varepsilon := \min_{e \in P} (c(e) - f(e))$$

a tok po každé hraně cesty zvýšíme o ε . Přesněji řečeno, definujeme nový tok f' takto:

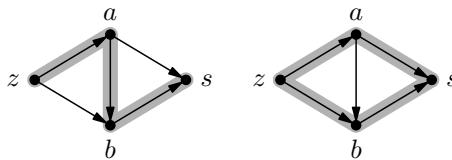
$$f'(e) := \begin{cases} f(e) + \varepsilon & \text{pro } e \in P \\ f(e) & \text{pro } e \notin P \end{cases}$$

Ověříme, že f' je opět korektní tok: Kapacity nepřekročíme, neboť ε jsme zvolili největší, pro něž se to ještě nestane. Kirchhoffovy zákony zůstanou neporušeny, jelikož zdroj a stok nijak neomezují a každému jinému vrcholu na cestě P se zvětší o ε jak přítok $f^+(v)$, tak odtok $f^-(v)$. Ostatním vrcholům se přebytek nezměnil. Také si všimneme, že velikost toku stoupla o ε .

Například v toku na obrázku 14.2 můžeme využít cestu zbc a poslat po ní 1 jednotku.

Tento postup můžeme opakovat, dokud existují nějaké zlepšující cesty, a získávat čím dál větší toky.

Až zlepšující cesty dojdou (pomiňme na chvíli, jestli se to skutečně stane), bude tok maximální? Překvapivě ne vždy. Uvažujme například síť s jednotkovými kapacitami na kreslenou na obrázku 14.3. Najdeme-li nejdříve cestu $zabs$, zlepšíme po ní tok o 1. Tím dostaneme tok z levého obrázku, ve kterém už žádná další zlepšující cesta není. Jenže jak ukazuje pravý obrázek, maximální tok má velikost 2.



Obrázek 14.3: Algoritmus v úzkých (všude $c = 1$)

Tuto prekérní situaci by zachránilo, kdybychom mohli poslat tok velikosti 1 proti směru hrany ab . Pak bychom tok z levého obrázku zlepšili po cestě $zbas$ a získali bychom maximální tok z pravého obrázku. Posílat proti směru hrany ve skutečnosti nemůžeme, ale stejný efekt bude mít odečtení jedničky od toku po směru hrany.

Rozšíříme tedy náš algoritmus, aby byl ochoten nejen přičítat po směru hran, ale také odčítat proti směru. Pokud chceme zvýšit tok z u do v , můžeme přičíst k $f(uv)$ nejvýše $c(uv) - f(uv)$, abychom nepřekročili kapacitu. Podobně odečíst od $f(vu)$ smíme nejvýše $f(vu)$, abychom nevytvořili záporný tok. Součtu těchto dvou možných zlepšení se říká rezerva:

Definice: Rezerva hrany uv je číslo $r(uv) := c(uv) - f(uv) + f(vu)$. Hraně s nulovou rezervou budeme říkat *nasyčená*, hraně s kladnou rezervou *nenasycená*. O cestě řekneme, že je *nasyčená*, pokud je nasycená alespoň jedna její hrana; jinak mají všechny hrany kladné rezervy a cesta je *nenasycená*.

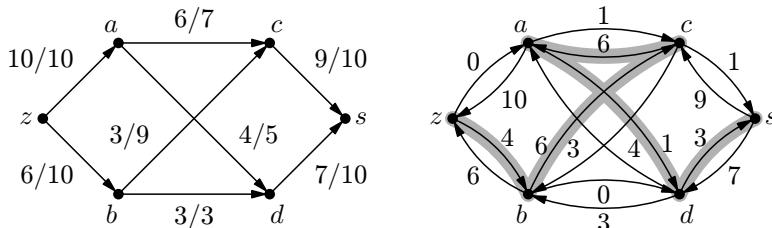
Roli zlepšujících cest tedy budou hrát nenasycené cesty. Budeme je opakováně hledat a tok po nich zlepšovat. Tím dostaneme algoritmus, který objevili v roce 1954 Lester Ford a Delbert Fulkerson.

Algoritmus FORDFULKERSON

Vstup: Síť (V, E, z, s, c)

1. $f \leftarrow$ libovolný tok, např. všude nulový
2. Dokud existuje nenasycená cesta P ze z do s , opakujeme:
 3. $\varepsilon \leftarrow \min\{r(e) \mid e \in P\}$ ▷ spočítáme rezervu celé cesty
 4. Pro všechny hrany $uv \in P$:
 5. $\delta \leftarrow \min\{f(vu), \varepsilon\}$ ▷ kolik můžeme odečíst v protisměru
 6. $f(vu) \leftarrow f(vu) - \delta$
 7. $f(uv) \leftarrow f(uv) + \varepsilon - \delta$ ▷ zbytek přičteme po směru

Výstup: Maximální tok f



Obrázek 14.4: Fordův-Fulkersonův algoritmus v řeči rezerv:
vlevo tok/kapacita, vpravo rezervy a nenasycená cesta

Rozbor algoritmu

Abychom dokázali, že algoritmus vydá maximální tok, nejprve si musíme ujasnit, že se vždy zastaví. Nemohlo by se třeba stát, že bude tok růst donekonečna o stále menší a menší hodnoty?

- Pakliže jsou všechny kapacity celá čísla, vypočtené toky budou také celočíselné. Velikost toku se proto v každém kroku zvětší alespoň o 1 a algoritmus se zastaví po nejvíše tolika krocích, kolik je nějaká horní mez pro velikost maximálního toku – např. součet kapacit všech hran vedoucích do stoku. (O moc rychlejší ale být nemusí, jak uvidíme ve cvičení 1.)
- Pro racionální kapacity využijeme jednoduchý trik. Nechť M je nejmenší společný násobek jmenovatelů všech kapacit. Spustíme-li algoritmus na síť s kapacitami $c'(e) = c(e) \cdot M$, bude se rozhodovat stejně jako v původní síti, protože bude stále platit $f'(e) = f(e) \cdot M$. Nová síť je přitom celočíselná, takže se algoritmus jistě zastaví.
- Na síti s iracionálními kapacitami se algoritmus může chovat divoce: nemusí se zastavit, ba ani nemusí konvergovat ke správnému výsledku (cvičení 2).

Pro celočíselné a racionální kapacity se tedy algoritmus zastaví a vydá jako výsledek nějaký tok f . Abychom dokázali, že tento tok je maximální, povoláme na pomoc řezy. Definujeme je podobně jako v kapitole o minimálních kostrách, ale tentokrát pro orientované grafy se zdrojem a stokem.

Definice: Pro libovolné dvě množiny vrcholů A a B označíme $E(A, B)$ množinu hran vedoucích z A do B , tedy $E(A, B) := E \cap (A \times B)$. Je-li dále f nějaká funkce přiřazující hranám čísla, označíme:

- $f(A, B) := \sum_{e \in E(A, B)} f(e)$ (tok z A do B)
- $f^\Delta(A, B) := f(A, B) - f(B, A)$ (čistý tok z A do B)

Definice: Řez (přesněji řečeno elementární řez, viz cvičení 5) je množina hran, kterou lze zapsat jako $E(A, B)$ pro nějaké dvě množiny vrcholů A a B . Tyto množiny musí být disjunktní, musí dohromady obsahovat všechny vrcholy a navíc v A musí ležet zdroj a v B stok. Množině A budeme říkat levá množina řezu, množině B pravá. Kapacitu řezu definujeme jako součet kapacit hran zleva doprava, tedy $c(A, B)$.

Lemma: Pro každý řez $E(A, B)$ a každý tok f platí $f^\Delta(A, B) = |f|$.

Důkaz: Opět šikovně sečteme přebytky vrcholů:

$$f^\Delta(A, B) = \sum_{v \in B} f^\Delta(v) = f^\Delta(s).$$

První rovnost získáme počítáním přes hrany: každá hrana vedoucí z vrcholu v B do jiného vrcholu v B k sumě přispěje jednou kladně a jednou záporně; hrany ležící zcela mimo B neuspíší výběc; hrany s jedním koncem v B a druhým mimo přispějí jednou, přičemž znaménko se bude lišit podle toho, který konec je v B . Druhá rovnost je snadná: všechny vrcholy v B kromě spotřebiče mají podle Kirchhoffova zákona nulový přebytek a zdroj v B neleží. \square

Poznámka: Původní definice velikosti toku coby přebytku spotřebiče je speciálním případem předchozího lemma – měří tok přes řez $E(V \setminus \{s\}, \{s\})$.

Důsledek: Pro každý tok f a každý řez $E(A, B)$ platí $|f| \leq c(A, B)$. Jinak řečeno, velikost každého toku je shora omezena kapacitou každého řezu.

Důkaz: $|f| = f^\Delta(A, B) = f(A, B) - f(B, A) \leq f(A, B) \leq c(A, B)$. \square

Důsledek: Pokud $|f| = c(A, B)$, pak je tok f maximální a řez $E(A, B)$ minimální (tedy s nejmenší možnou kapacitou). Velikost toku f totiž nelze zvětšit nad kapacitu řezu $E(A, B)$, zatímco řez $E(A, B)$ nejde zmenšit pod velikost toku f .

Takže pokud najdeme k nějakému toku stejně velký řez, můžeme řez použít jako certifikát maximality toku a tok jako certifikát minimality řezu. Následující lemma nám zaručí, že takovou dvojici toku s řezem vždy najdeme.

Lemma: Pokud se Fordův-Fulkersonův algoritmus zastaví, vydá maximální tok.

Důkaz: Nechť se algoritmus zastaví. Uvažme množiny vrcholů

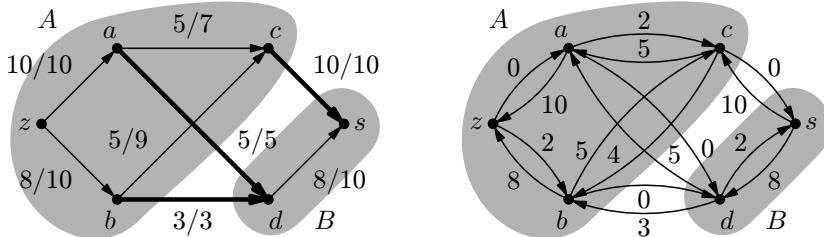
$$A := \{v \in V \mid \text{existuje nenasycená cesta ze } z \text{ do } v\} \quad \text{a} \quad B := V \setminus A.$$

Situaci sledujme na obrázku 14.5. Všimneme si, že množina $E(A, B)$ je řez: Zdroj z leží v A , protože ze z do z existuje cesta nulové délky, která je tím pádem nenasycená. Spotřebič musí ležet v B , neboť jinak by existovala nenasycená cesta ze z do s , tudíž by algoritmus ještě neskončil.

Dále víme, že všechny hrany řezu mají nulovou rezervu: kdyby totiž pro nějaké $u \in A$ a $v \in B$ měla hrana uv rezervu nenulovou (nebyla nasycená), spojením nenasycené cesty ze zdroje do u s touto hranou by vznikla nenasycená cesta ze zdroje do v , takže vrchol v by také musel ležet v A , a nikoliv v B .

Proto po všech hranách řezu vedoucích z A do B teče tok rovný kapacitě hran a po hranách z B do A neteče nic. Nalezli jsme tedy řez $E(A, B)$, pro nějž $f^\Delta(A, B) = c(A, B)$. To znamená, že tento řez je minimální a tok f maximální. \square

Poznámka: Kdyby přišel kouzelník a rovnou ze svého klobouku vytáhl maximální tok, jen těžko by skeptické publikum přesvědčovalo o jeho maximalitě. Fordův-Fulkersonův



Obrázek 14.5: Situace po zastavení F.-F. algoritmu.

Nalevo tok/kapacita, napravo rezervy, v obou obrázcích vyznačen minimální řez $E(A, B)$.

algoritmus to má snazší: k toku vydá i *certifikát* jeho maximality, totiž příslušný minimální řez. To, že tok i řez jsou korektní a že jejich velikosti se rovnají, může publikum ověřit v lineárním čase.

Nyní konečně můžeme vyslovit větu o správnosti Fordova-Fulkersonova algoritmu:

Věta: Pro každou síť s racionálními kapacitami se Fordův-Fulkersonův algoritmus zastaví a vydá maximální tok a minimální řez.

Důsledek: Velikost maximálního toku je rovna kapacitě minimálního řezu.

Důsledek: Síť s celočíselnými kapacitami má aspoň jeden z maximálních toků celočíselný a Fordův-Fulkersonův algoritmus takový tok najde.

Důkaz: Když dostane Fordův-Fulkersonův algoritmus celočíselnou síť, najde v ní maximální tok. Tento tok bude jistě celočíselný, protože algoritmus čísla pouze sčítá, odečítá a porovnává, takže nemůže nikdy z celých čísel vytvořit necelá. \square

To, že umíme najít celočíselné řešení, není vůbec samozřejmé. U mnoha problémů je racionální varianta snadná, zatímco celočíselná velmi obtížná (viz třeba celočíselné lineární rovnice v kapitole 19.3). Teď si ale chvíli užívejme, že toky se v tomto ohledu chovají pěkně.

Cvičení

1. Najděte příklad síť s nejvýše 10 vrcholy a 10 hranami, na níž Fordův-Fulkersonův algoritmus provede více než milion iterací.
- 2.** Najděte síť s reálnými kapacitami, na níž Fordův-Fulkersonův algoritmus nedoběhne. Lze dokonce zařídit, aby k maximálnímu toku ani nekonvergoval. [N113]

3. Navrhněte algoritmus, který pro zadaný orientovaný graf a jeho vrcholy u a v naleze největší možný systém *hranově disjunktních cest* z u do v .
4. Upravte algoritmus z předchozího cvičení, aby nalezené cesty byly dokonce *vrcholově disjunktní* (až na krajní vrcholy).
5. Obecná definice řezu říká, že řez je množina hran grafu, po jejímž odebrání se graf rozpadne na více komponent (případně máme-li určený zdroj a stok, skončí oba v různých komponentách). Srovnejte tuto definici s naší definicí elementárního řezu. Ukažte, že existují i neelementární řezy. Také ukažte, že jsou-li kapacity všech hran kladné, pak každý minimální řez je elementární.
6. Profesor Forderson si přečetl začátek tohoto oddílu a pokusil se chybný algoritmus (který zlepšuje tok pouze po směru hran) zachránit tím, že bude vybírat *nejkratší* zlepšující cesty. Ukažte, že zlepšovák pana profesora nefunguje!
7. Pokračujme ve vynálezech profesora Fordersona z předchozího cvičení. Existuje vůbec nějaká posloupnost zlepšujících cest po směru hran, která vede k maximálnímu toku? Pokud ano, platí to i pro posloupnost nejkratších zlepšujících cest?
- 8.* Pro daný neorientovaný graf nalezněte co největší k takové, že graf je hranově k -souvislý (definice viz oddíl A.4). Jak se úloha změní pro vrcholovou k -souvislost?
- 9.** Přímočará implementace Fordova-Fulkersonova algoritmu bude nejspíš graf prohledávat do šířky, takže vždy najde *nejkratší* nenasycenou cestu. Pak překvapivě platí, že algoritmus zlepší tok jen $\mathcal{O}(nm)$ -krát, než se zastaví. Návod k důkazu: Necht $\ell(u)$ je vzdálenost ze zdroje do vrcholu u po nenasycených hranách. Nejprve si rozmyslete, že $\ell(u)$ během výpočtu nikdy neklesá. Pak dokažte, že mezi dvěma nasycenými libovolné hrany uv se musí $\ell(u)$ zvýšit. Proto každou hranu nasytíme nejvýše $\mathcal{O}(n)$ -krát.

14.3 Největší párování v bipartitních grafech

Problém maximálního toku je zajímavý nejen sám o sobě, ale také tím, že na něj můžeme elegantně převádět jiné problémy. Jeden takový si ukážeme a rovnou při tom využijeme celočíselnost.

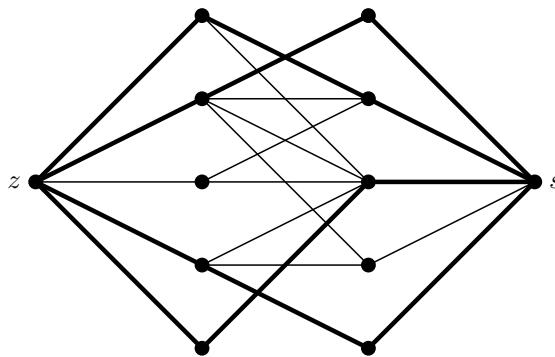
Definice: Množina hran $F \subseteq E$ se nazývá *párování*, jestliže žádné dvě hrany této množiny nemají společný vrchol. *Velikostí* párování myslíme počet jeho hran.

Párování v bipartitních grafech má zjevné aplikace: Jednu partitu může tvořit třeba množina mlsounů, druhou množina záusků a hrany říkají, kdo má na co chuť. Párování pak odpovídá tomu, že mlsounům rozdáme jejich oblíbené záusky tak, aby žádný mlsoun

nedostal dva a žádný zákusek nebyl sněden vícekrát. Přirozeně chceme nalézt párování o co nejvíce hranách.

Mějme tedy nějaký bipartitní graf (V, E) . Přetvoříme ho na síť (V', E', z, s, c) následovně:

- Nalezneme partity grafu, budeme jim říkat *levá* a *pravá*.
- Všechny hrany zorientujeme zleva doprava.
- Přidáme zdroj z a vedeme z něj hrany do všech vrcholů levé partity.
- Přidáme spotřebič s a vedeme do něj hrany ze všech vrcholů pravé partity.
- Všem hranám nastavíme jednotkovou kapacitu.



Obrázek 14.6: Hledání největšího párování v bipartitním grafu. Hrany jsou orientované zleva doprava a mají kapacitu 1.

Nyní v této síti najdeme maximální celočíselný tok. Jelikož všechny hrany mají kapacitu 1, musí po každé hraně téci buď 0 nebo 1. Do výsledného párování vložíme právě ty hrany původního grafu, po kterých teče 1.

Dostaneme opravdu párování? Kdybychom nedostali, znamenalo by to, že nějaké dvě vybrané hrany mají společný vrchol. Pokud by to byl vrchol pravé partity, pak do tohoto vrcholu přitekly alespoň 2 jednotky toku, jenže ty nemají kudy odtéci. Analogicky pokud by se hrany setkaly nalevo, musely by z vrcholu odtéci alespoň 2 jednotky, které se tam nemají jak dostat.

Zbývá nahlédnout, že nalezené párování je největší možné. K tomu si stačí všimnout, že z toku vytvoříme párování o toliku hranách, kolik je velikost toku, a naopak z každého párování umíme vytvořit celočíselný tok odpovídající velikosti. Nalezli jsme bijekci mezi množinou všech celočíselných toků a množinou všech párování a tato bijekce zachovává velikost. Největší tok tudíž musí odpovídat největšímu párování.

Navíc dokážeme, že Fordův-Fulkersonův algoritmus na sítích tohoto druhu pracuje překvapivě rychle:

Věta: Pro síť, jejíž všechny kapacity jsou jednotkové, nalezneme Fordův-Fulkersonův algoritmus maximální tok v čase $\mathcal{O}(nm)$.

Důkaz: Jedna iterace algoritmu běží v čase $\mathcal{O}(m)$: nenasycenou cestu najdeme prohledáním grafu do šířky, samotné zlepšení toku zvládneme v čase lineárním s délkou cesty. Jelikož každá iterace zlepší tok alespoň o 1, počet iterací je omezen velikostí maximálního toku, což je nejvýše n (uvažte řez okolo zdroje). \square

Důsledek: Největší párování v bipartitním grafu lze nalézt v čase $\mathcal{O}(nm)$.

Důkaz: Předvedená konstrukce vytvoří z grafu síť o $n' = n + 2$ vrcholech a $m' = m + n$ hranách a spotřebuje na to čas $\mathcal{O}(m' + n')$. Pak nalezneme maximální celočíselný tok Fordovým-Fulkersonovým algoritmem, což trvá $\mathcal{O}(n'm')$. Nakonec tok v lineárním čase přeložíme na párování. Vše dohromady trvá $\mathcal{O}(n'm') = \mathcal{O}(nm)$. \square

Cvičení

1. V rozboru Fordova-Fulkersonova algoritmu v sítích s jednotkovými kapacitami jsme použili, že tok se pokaždé zvětší alespoň o 1. Může se stát, že se zvětší více?
2. *Věže:* Mějme šachovnici $r \times s$, z níž políčkozrout sežral některá políčka. Chceme na ni rozestavět co nejvíce šachových věží tak, aby se navzájem neohrožovaly. Věž můžeme postavit na libovolné nesežrané políčko a ohrožuje všechny věže v též řádku i sloupci. Navrhnete efektivní algoritmus, který takové rozestavění najde.
3. Situace stejná jako v minulém cvičení, ale dvě věže se neohrožují přes sežraná políčka.
4. *Pokrytí dominem:* Opět šachovnice po zásahu políčkozrouta. Chceme na nesežraná políčka rozmístit kostky velikosti 1×2 políčka tak, aby každé nesežrané políčko bylo pokryto právě jednou kostkou. Kostky je povoleno otáčet.
- 5.* Hledání největšího párování jsme převedli na hledání maximálního toku v jisté síti. Přeložte chod Fordova-Fulkersonova algoritmu v této síti zpět do řeči párování v původním grafu. Čemu odpovídá zlepšující cesta?
- 6.* Podobně jako v minulém cvičení přeformulujte řešení úlohy 4, aby pracovalo přímo s kostkami na šachovnici.

14.4 Dinicův algoritmus

V kapitole 14.2 jsme ukázali, jak nalézt maximální tok Fordovým-Fulkersonovým algoritmem. Začali jsme s tokem nulovým a postupně jsme ho zvětšovali. Pokaždé jsme v síti

našli *nenasycenou cestu*, tedy takovou, na níž mají všechny hrany kladnou rezervu. Podél cesty jsme pak tok zlepšili.

Nepříjemné je, že může trvat velice dlouho, než se tímto způsobem dobereme k maximálnímu toku. Pro obecné reálné kapacity se to dokonce nemusí stát vůbec. Proto odvodíme o něco složitější, ale výrazně rychlejší algoritmus objevený v roce 1970 Jefimem Dinicem. Jeho základní myšlenkou je nezlepšovat toku pomocí cest, ale rovnou pomocí toků ...

Síť rezerv

Nejprve přeformulujeme definici toku, aby se nám s ní lépe pracovalo. Už několikrát se nám totiž osvědčilo simulovat zvýšení průtoku nějakou hranou pomocí snížení průtoku opačnou hranou. To je přirozené, neboť přenesení x jednotek toku po hraně vu se chová stejně jako přenesení $-x$ jednotek po hraně uv . To vede k následujícímu popisu toků.

Definice: Každé hraně uv přiřadíme její *průtok* $f^*(uv) = f(uv) - f(vu)$.

Pozorování: Průtoky mají následující vlastnosti:

- (1) $f^*(uv) = -f^*(vu)$,
- (2) $f^*(uv) \leq c(uv)$,
- (3) $f^*(uv) \geq -c(vu)$,
- (4) pro všechny vrcholy $v \neq z, s$ platí $\sum_{u:uv \in E} f^*(uv) = 0$.

Podmínka (3) přitom plyne z (1) a (2). Suma ve (4) není nic jiného než vztah pro přebytek $f^\Delta(v)$ přepsaný pomocí (1).

Lemma P (o průtoku): Nechť funkce $f^* : E \rightarrow \mathbb{R}$ splňuje podmínky (1), (2) a (4). Potom existuje tok f , jehož průtokem je f^* .

Důkaz: Tok f stanovíme pro každou dvojici hran uv a vu zvlášt. Předpokládejme, že $f^*(uv) \geq 0$; v opačném případě využijeme (1) a u prohodíme s v . Nyní stačí položit $f(uv) := f^*(uv)$ a $f(vu) := 0$. Díky vlastnosti (2) funkce f nepřekračuje kapacity, díky (4) pro ni platí Kirchhoffův zákon. \square

Důsledek: Místo toků tedy stačí uvažovat průtoky hranami. Tím se ledacos formálně zjednoduší: přebytek $f^\Delta(v)$ je prostým součtem průtoků hranami vedoucími do v , rezervu $r(uv)$ můžeme zapsat jako $c(uv) - f^*(uv)$. To nám pomůže k zobecnění zlepšujících cest z Fordova-Fulkersonova algoritmu.

Definice: Síť rezerv k toku f v síti $S = (V, E, z, s, c)$ je síť $R(S, f) := (V, E, z, s, r)$, kde $r(e)$ je rezerva hrany e při toku f .

Lemma Z (o zlepšování toků): Pro libovolný tok f v síti S a libovolný tok g v síti $R(S, f)$ lze v čase $\mathcal{O}(m)$ nalézt tok h v síti S takový, že $|h| = |f| + |g|$.

Důkaz: Toky přímo sčítat nemůžeme, ale průtoky po jednotlivých hranách už ano. Pro každou hranu e položíme $h^*(e) := f^*(e) + g^*(e)$. Nahlédněme, že funkce h^* má všechny vlastnosti vyžadované lemmatem P.

- (1) Jelikož první podmínka platí pro f^* i g^* , platí i pro jejich součet.
- (2) Víme, že $g^*(uv) \leq r(uv) = c(uv) - f^*(uv)$, takže $h^*(uv) = f^*(uv) + g^*(uv) \leq c(uv)$.
- (4) Když se sečtou průtoky, sečtou se i přebytky.

Zbývá dokázat, že se správně sečetly velikosti toků. K tomu si stačí uvědomit, že velikost toku je přebytkem spotřebiče a přebytky se sečetly. \square

Poznámka: Zlepšení po nenasycené cestě je speciálním případem tohoto postupu – odpovídá toku v síti rezerv, který je konstantní na jedné cestě a všude jinde nulový.

Dinicův algoritmus

Dinicův algoritmus začne s nulovým tokem a bude ho vylepšovat pomocí nějakých pomocných toků v síti rezerv, až se dostane k maximálnímu toku. Počet potřebných iterací přitom bude záviset na tom, jak „vydatné“ pomocné toky seženeme – na jednu stranu bychom chtěli, aby byly podobné maximálnímu toku, na druhou stranu jejich výpočtem nechceme trávit příliš mnoho času. Vhodným kompromisem jsou tzv. blokující toky:

Definice: Tok je *blokující*, jestliže na každé orientované cestě ze zdroje do spotřebiče existuje alespoň jedna hrana, na níž je tok roven kapacitě.

Blokující tok ale nebudeme hledat v celé síti rezerv, nýbrž jen v podsíti tvořené nejkratšími cestami ze zdroje do spotřebiče. Můžeme si představit, že provádíme najednou mnoho iterací Fordova-Fulkersonova algoritmu pro všechny nejkratší cesty.

Definice: Síť je *vrstevnatá (pročištěná)*, pokud všechny její vrcholy a hrany leží na nejkratších cestách ze z do s . (Abychom vyhověli naší definici síté, musíme ke každé takové hraně přidat hranu opačnou s nulovou kapacitou, ale ty algoritmus nebude používat a ani udržovat v paměti.)

Základ Dinicova algoritmu vypadá takto:

Algoritmus DINIC

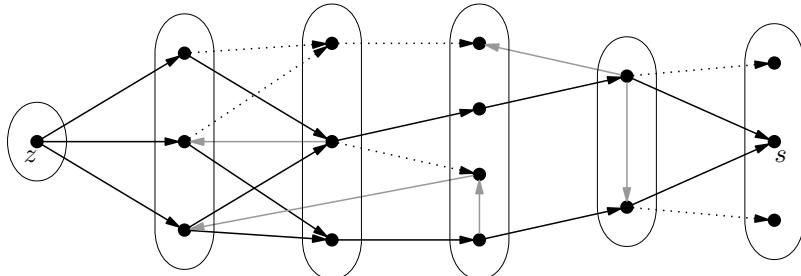
Vstup: Síť (V, E, z, s, c)

1. $f \leftarrow$ nulový tok
2. Opakujeme:
3. Sestrojíme síť rezerv R a smažeme hrany s nulovou rezervou.

4. $\ell \leftarrow$ délka nejkratší cesty ze z do s v R
5. Pokud žádná taková cesta neexistuje, zastavíme se a vrátíme tok f .
6. Pročistíme síť R .
7. $g \leftarrow$ blokující tok v R
8. Zlepšíme tok f pomocí g .

Výstup: Maximální tok f

Nyní je potřeba domyslet čištění sítě. Situaci můžeme sledovat na obrázku 14.7. Síť rozdělíme na vrstvy podle vzdálenosti od zdroje. Hrany vedoucí uvnitř vrstvy nebo do minulých vrstev (na obrázku šedivé) určitě neleží na nejkratších cestách. Ostatní hrany vedou o právě jednu vrstvu dopředu, ale některé z nich vedou do „slepé uličky“ (na obrázku tečkované), takže je také musíme odstranit.



Obrázek 14.7: Síť rozdělená na vrstvy. Šedivé a tečkované hrany během čištění zmizí, plné zůstanou.

Procedura ČIŠTĚNÍSÍTĚ

1. Rozdělíme vrcholy do vrstev podle vzdálenosti od z .
2. Odstraníme vrstvy za s (tedy vrcholy ve vzdálenosti větší než ℓ).
3. Odstraníme hrany do předchozích vrstev a hrany uvnitř vrstev.
4. Odstraníme „slepé uličky“, tedy vrcholy s $\deg^{\text{out}}(v) = 0$:
5. $F \leftarrow \{v \neq z, s \mid \deg^{\text{out}}(v) = 0\}$ \triangleleft fronta vrcholů ke smazání
6. Dokud $F \neq \emptyset$, opakujeme:
7. Odebereme vrchol v z F .
8. Smažeme ze sítě vrchol v i všechny hrany, které do něj vedou.
9. Pokud nějakému vrcholu klesl \deg^{out} na 0, přidáme ho do F .

Nakonec doplníme *hledání blokujícího toku*. Začneme s nulovým tokem g a budeme ho postupně zlepšovat. Pokaždé najdeme nějakou orientovanou cestu ze zdroje do stoku – to se ve vrstevnaté síti dělá snadno: stačí vyrazit ze zdroje a pak vždy následovat libovolnou hranu. Až cestu najdeme, tok g podél ní zlepšíme, jak nejvíce to půjde.

Pokud nyní tok na nějakých hranách dosáhl jejich rezervy, tyto hrany smažeme. Tím jsme mohli porušit pročištěnost – pakliže nějaký vrchol přišel o poslední odchozí nebo poslední příchozí hranu. Takových vrcholů se opět pomocí fronty zbavíme a síť dočistíme. Pokračujeme zlepšováním po dalších cestách, dokud nějaké existují.

Procedura BLOKUJÍCÍTOK

Vstup: Vrstevnatá síť R s rezervami r

1. $g \leftarrow$ nulový tok
2. Dokud v R existuje orientovaná cesta P ze z do s , opakujeme:
3. $\varepsilon \leftarrow \min_{e \in P} (r(e) - g(e))$
4. Pro všechny $e \in P : g(e) \leftarrow g(e) + \varepsilon$.
5. Pokud pro kteroukoliv e nastalo $g(e) = r(e)$, smažeme e z R .
6. Dočistíme síť pomocí fronty.

Výstup: Blokující tok g

Analýza Dinicova algoritmu

Lemma K (o korektnosti): Pokud se algoritmus zastaví, vydá maximální tok.

Důkaz: Z lemmatu o zlepšování toků plyne, že f je stále korektní tok. Algoritmus se zastaví tehdy, když už neexistuje cesta ze z do s po hranách s kladnou rezervou. Tehdy by se zastavil i Fordův-Fulkersonův algoritmus a ten, jak už víme, je korektní. \square

Nyní rozebereme časovou složitost. Rozdělíme si k tomu účelu algoritmus na *fáze* – tak budeme říkat jednotlivým průchodem vnějším cyklem. Také budeme předpokládat, že síť na vstupu neobsahuje izolované vrcholy, takže $\mathcal{O}(n+m) = \mathcal{O}(m)$.

Lemma S (o složitosti fází): Každá fáze trvá $\mathcal{O}(nm)$.

Důkaz: Sestrojení sítě rezerv, mazání hran s nulovou rezervou, hledání nejkratší cesty i konečné zlepšování toku trvají $\mathcal{O}(m)$.

Čištění sítě (i se všemi dočištěními během hledání blokujícího toku) pracuje taktéž v $\mathcal{O}(m)$: Smazání hrany trvá konstantní čas, smazání vrcholu po smazání všech incidentních hran taktéž. Každý vrchol i hrana jsou smazány nejvýše jednou za fázi.

Hledání blokujícího toku projde nejvýše m cest, protože pokaždé ze síť vypadne alespoň jedna hrana (ta, na níž se v kroku 3 nabývalo minimum) a už se tam nevrátí. Jelikož síť

je vrstevnatá, nalézt jednu cestu stihneme v $\mathcal{O}(n)$. Celkem tedy spotřebujeme čas $\mathcal{O}(nm)$ plus čištění, které jsme ale už započítali.

Celá jedna fáze proto proběhne v čase $\mathcal{O}(m + m + nm) = \mathcal{O}(nm)$. \square

Zbývá určit, kolik proběhne fází. K tomu se bude hodit následující lemma:

Lemma C (o délce cest): Délka ℓ nejkratší cesty ze z do s vypočtená v kroku 4 Dinicova algoritmu vzroste po každé fázi alespoň o 1.

Důkaz: Označme R_i síť rezerv v i -té fázi poté, co jsme z ní smazali hrany s nulovou rezervou, ale ještě před pročištěním. Nechť nejkratší cesta ze z do s v R_i je dlouhá ℓ .

Jak se liší R_{i+1} od R_i ? Především jsme z každé cesty délky ℓ smazali alespoň jednu hranu: každá taková cesta totiž byla blokujícím tokem zablokována, takže alespoň jedné její hraně klesla rezerva na nulu a hrana vypadla. Žádná z původních cest délky ℓ tedy již v R_{i+1} neexistuje.

To ovšem nestačí – hrany mohou také přibývat. Pokud nějaká hrana měla nulovou rezervu a během fáze jsme zvýšili tok v protisměru, rezerva se zvětšila a hrana se v R_{i+1} najednou objevila. Ukážeme ale, že všechny cesty, které tím nově vznikly, jsou dostatečně dlouhé.

Rozdělme vrcholy grafu do vrstev podle vzdálenosti od zdroje v R_i . Tok jsme zvyšovali pouze na hranách vedoucích o jednu vrstvu dopředu, takže jediné hrany, které se mohou v R_{i+1} objevit, vedou o jednu vrstvu zpět. Jenže každá cesta ze zdroje do spotřebiče, která se alespoň jednou vrátí o vrstvu zpět, musí mít délku alespoň $\ell + 2$ (spotřebič je v ℓ -té vrstvě a neexistují hrany, které by vedly o více než 1 vrstvu dopředu). \square

Důsledek: Proběhne maximálně n fází.

Důkaz: Cesta ze z do s obsahuje nejvýše n hran, takže k prodloužení cesty dojde nejvýše n -krát. \square

Věta: Dinicův algoritmus najde maximální tok v čase $\mathcal{O}(n^2m)$.

Důkaz: Podle právě vysloveného důsledku proběhne nejvýše n fází. Každá z nich podle lemmatu S trvá $\mathcal{O}(nm)$, což dává celkovou složitost $\mathcal{O}(n^2m)$. Speciálně se tedy algoritmus vždy zastaví, takže podle lemmatu K vydá maximální tok. \square

Poznámka: Na rozdíl od Fordova-Fulkersonova algoritmu jsme tentokrát nikde nevyžadovali racionálnost kapacit – odhad časové složitosti se o kapacity vůbec neopírá. Nezávisle jsme tedy dokázali, že i v sítích s iracionálními kapacitami vždy existuje alespoň jeden maximální tok.

V sítích s malými celočíselnými kapacitami se navíc algoritmus chová daleko lépe, než říká nás odhad. Snadno se dá dokázat, že pro jednotkové kapacity proběhne v čase $\mathcal{O}(nm)$

(stejně jako Fordův-Fulkersonův). Uvedme bez důkazu ještě jeden silnější výsledek: v síti vzniklé při hledání největšího párování algoritmem z minulé kapitoly Dinicův algoritmus pracuje v čase $\mathcal{O}(\sqrt{n} \cdot m)$.

Hledání blokujícího toku jde ještě zrychlit, čímž se zrychlí celý Dinicův algoritmus. Tzv. algoritmus tří Indů (cvičení 9) najde blokující tok v čase $\mathcal{O}(n^2)$, čili maximální tok v čase $\mathcal{O}(n^3)$. Pomocí speciální datové struktury zvané Link-Cut stromy lze blokující tok najít v $\mathcal{O}(m \log n)$ a maximální tok v $\mathcal{O}(nm \log n)$. Tyto techniky ovšem přesahují rozsah naší knihy.

Cvičení

1. Všimněte si, že algoritmus skončí tím, že smaže všechny vrcholy i hrany. Také si všimněte, že vrcholy s nulovým vstupním stupněm jsme ani nemuseli mazat, protože se do nich algoritmus při hledání cest nikdy nedostane.
2. Odsimulujte běh Dinicova algoritmu na svém řešení cvičení 14.2.1.
3. Dokažte, že pro jednotkové kapacity Dinicův algoritmus doběhne v čase $\mathcal{O}(nm)$.
4. Dokažte totéž pro celočíselné kapacity omezené konstantou.
5. Blokující tok lze také sestrojit pomocí prohledávání do hloubky. Pokaždé, když projdeme hranou, přepočítáme průběžné minimum. Pokud najdeme stok, vracíme se do kořene a upravujeme tok na hranách. Pokud narazíme na slepuou uličku, vrátíme se o krok zpět a smažeme hranu, po níž jsme přišli. Doplňte detaily tak, aby zůstala zachovaná časová složitost $\mathcal{O}(n^2m)$.
6. Sestrojte vrstevnatou síť, v níž hledání blokujícího toku trvá $\Omega(nm)$.
7. Sestrojte síť, na níž Dinicův algoritmus provede $\Omega(n)$ fází.
8. Zkombinujte předchozí dvě cvičení a vytvořte síť, na níž Dinicův algoritmus běží v čase $\Omega(n^2m)$.
- 9.** *Algoritmus tří Indů:* Blokující tok ve vrstevnaté síti lze nalézt chytřejším způsobem v čase $\mathcal{O}(n^2)$, čímž zrychlíme celý Dinicův algoritmus na $\mathcal{O}(n^3)$. Následuje stručný popis, doplňte k němu detaily.

Pro každý vrchol v definujme $r^+(v)$ jako součet rezerv na všech hranách vedoucích do v . Nechť dále $r^-(v)$ je totéž přes hrany vedoucí z v a $r(v) = \min(r^+(v), r^-(v))$ „rezerva vrcholu“. Pokud je $r(v)$ všude 0, tok už je blokující.

V opačném případě opakovaně vybíráme nejmenší $r(v)$ a snažíme se ho vynulovat. Potřebujeme tedy dopravit $r(v)$ jednotek toku ze zdroje do v a totéž množství z v

do stoku. Popišme dopravu do stoku (ze zdroje postupujeme symetricky): ve vrcholech udržujeme plán $p(w)$, který říká, kolik potřebujeme z w dopravit do stoku. Na začátku je $p(v) = r(v)$ a všechna ostatní $p(w) = 0$. Procházíme po vrstvách od v ke stoku a pokaždé plán převedeme po hranách s kladnou rezervou do vrcholů v další vrstvě. Jelikož $r(v) \leq r(w)$ pro všechna w , vždy nám to vyjde. Průběžně čistíme slepé uličky.

14.5 Goldbergův algoritmus

Představíme si ještě jeden algoritmus pro hledání maximálního toku v síti, navržený Andrewem Goldbergem. Bude daleko jednodušší než Dinicův algoritmus z předchozí kapitoly a po pár snadných úpravách bude mít stejnou, nebo dokonce lepší časovou složitost. Jednoduchost algoritmu bude ale vykoupena trochu složitějším rozbořením jeho správnosti a efektivity.

Vlny, přebytky a výšky

Předchozí algoritmy začínaly s nulovým tokem a postupně ho zlepšovaly, až se stal maximálním. Goldbergův algoritmus naproti tomu začne s ohodnocením hran, které ani nemusí být tokem, a postupně ho upravuje a zmenšuje, až se z něj stane tok, a to dokonce tok maximální.

Definice: Funkce $f : E \rightarrow \mathbb{R}_0^+$ je *vlna* v síti (V, E, z, s, c) , splňuje-li obě následující podmínky:

- $\forall e \in E : f(e) \leq c(e)$ (vlna nepřekročí kapacity hran),
- $\forall v \in V \setminus \{z, s\} : f^\Delta(v) \geq 0$ (přebytek ve vrcholech je nezáporný).

Každý tok je tedy vlnou, ale opačně tomu tak být nemusí. V průběhu výpočtu se tedy potřebujeme postupně zbavit nenulových přebytků ve všech vrcholech kromě zdroje a spotřebiče. K tomu bude sloužit následující operace:

Definice: Převedení přebytku po hraně uv můžeme provést, pokud $f^\Delta(u) > 0$ a $r(uv) > 0$. Proběhne tak, že po hraně uv pošleme $\delta = \min(f^\Delta(u), r(uv))$ jednotek toku, podobně jako v předchozích algoritmech buď přičtením po směru nebo odečtením proti směru.

Pozorování: Převedení změní přebytky a rezervy následovně:

$$\begin{aligned} f'^\Delta(u) &= f^\Delta(u) - \delta \\ f'^\Delta(v) &= f^\Delta(v) + \delta \\ r'(uv) &= r(uv) - \delta \\ r'(vu) &= r(vu) + \delta \end{aligned}$$

Rádi bychom postupným převáděním všechny přebytky přepravili do spotřebiče, nebo je naopak přelili zpět do zdroje. Chceme se ovšem vyhnout přelévání přebytků tam a zase zpět, takže vrcholům přiřadíme *výšky* – to budou nějaká přirozená čísla $h(v)$.

Přebytek pak budeme ochotni převádět pouze z vyššího vrcholu do nižšího. Pokud se stane, že nalezneme vrchol s přebytkem, ze kterého nevede žádná nenasycená hrana směrem dolů, budeme tento vrchol *zvedat* – tedy zvyšovat mu výšku po jedné, než se dostane dostatečně vysoko, aby z něj přebytek mohl odtéci.

Získáme tak následující algoritmus:

Algoritmus GOLDBERG

Vstup: Síť (V, E, z, s, c)

1. Nastavíme počáteční výšky: \triangleleft zdroj ve výšce n , ostatní ve výšce 0
2. $h(z) \leftarrow n$
3. $h(v) \leftarrow 0$ pro všechny $v \neq z$
4. Vytvoříme počáteční vlnu: \triangleleft všechny hrany ze z na maximum
5. $f \leftarrow$ všude nulová funkce
6. $f(zv) \leftarrow c(zv)$, kdykoliv $zv \in E$
7. Dokud existuje vrchol $u \neq z, s$ takový, že $f^\Delta(u) > 0$:
8. Pokud existuje hrana uv s $r(uv) > 0$ a $h(u) > h(v)$, převedeme přebytek po hrani uv .
9. V opačném případě zvedneme u : $h(u) \leftarrow h(u) + 1$.

Výstup: Maximální tok f

Analýza algoritmu*

Algoritmus je jednoduchý, ale na první pohled není vidět ani to, že se vždy zastaví, natož že by měl vydat maximální tok. Postupně dokážeme několik invariantů a lemmat a pomocí nich se dobereme důkazu správnosti a časové složitosti.

Invariant A (základní): V každém kroku algoritmu platí:

1. Funkce f je vlna.
2. Výška $h(v)$ žádného vrcholu v nikdy neklesá.
3. $h(z) = n$ a $h(s) = 0$.
4. $f^\Delta(v) \geq 0$ v každém vrcholu $v \neq z$.

Důkaz: Indukcí dle počtu průchodů cyklem (7. – 9. krok algoritmu):

- Po inicializaci algoritmu je vše v pořádku: přebytky všech vrcholů mimo zdroj jsou nezáporné, výšky souhlasí.

- Při převedení přebytku: Z definice převedení přímo plyne, že neporušuje kapacity a nevytváří záporné přebytky. Výšky se nemění.
- Při zvednutí vrcholu: Tehdy se naopak mění jen výšky, ale pouze u vrcholů různých od zdroje a stoku. Výšky navíc pouze rostou. \square

Invariant S (o spádu): Neexistuje hrana uv , která by měla kladnou rezervu a spád $h(u) - h(v)$ větší než 1.

Důkaz: Indukcí dle běhu algoritmu. Na začátku mají všechny hrany ze zdroje rezervu nulovou a všechny ostatní vedou mezi vrcholy s výškou 0 nebo do kopce. V průběhu výpočtu by se tento invariant mohl pokazit pouze dvěma způsoby:

- Zvednutím vrcholu u , ze kterého vede hrana uv s kladnou rezervou a spádem 1. Tento případ nemůže nastat, neboť algoritmus by dal přednost převedení přebytku po této hraně před zvednutím.
- Zvětšením rezervy hrany se spádem větším než 1. Toto také nemůže nastat, neboť rezervu bychom mohli zvětšit jedině tak, že bychom poslali něco v protisměru – a to nesmíme, jelikož bychom převáděli přebytek z nižšího vrcholu do vyššího. \square

Lemma K (o korektnosti): Když se algoritmus zastaví, f je maximální tok.

Důkaz: Nejprve ukážeme, že f je tok: Omezení na kapacity splňuje tok stejně jako vlna, takže postačí dokázat, že platí Kirchhoffův zákon. Ten požaduje, aby přebytky ve všech vrcholech kromě zdroje a spotřebiče byly nulové. To ovšem musí být, protože nenulový přebytek by musel být kladný a algoritmus by se dosud nezastavil.

Zbývá zdůvodnit, že f je maximální: Pro spor předpokládejme, že tomu tak není. Ze správnosti Fordova-Fulkersonova algoritmu plyne, že tehdy musí existovat nenasycená cesta ze zdroje do stoku. Uvažme libovolnou takovou cestu. Zdroj je stále ve výšce n a stok ve výšce 0 (viz invariant A). Tato cesta tedy překonává spád n , ale může mít nejvýše $n-1$ hran. Proto se v ní nachází alespoň jedna hrana se spádem alespoň 2. Jelikož je tato hrana součástí nenasycené cesty, musí být sama nenasycená, což je spor s invariantem S. Tok je tedy maximální. \square

Invariant C (cesta do zdroje): Mějme vrchol v , jehož přebytek $f^\Delta(v)$ je kladný. Pak existuje nenasycená cesta z tohoto vrcholu do zdroje.

Důkaz: Buď v vrchol s kladným přebytkem. Uvažme množinu

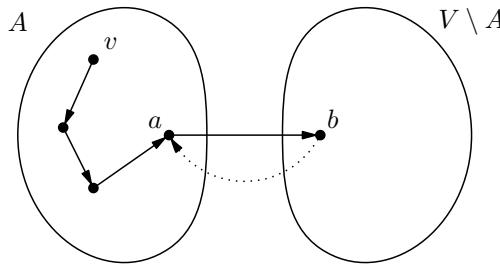
$$A := \{u \in V \mid \text{existuje nenasycená cesta z } v \text{ do } u\}.$$

Ukážeme, že tato množina obsahuje zdroj.

Použijeme už mírně okoukaný trik: sečteme přebytky ve všech vrcholech množiny A . Všechny hrany ležící celé uvnitř A nebo celé venku přispějí dohromady nulou. Stačí tedy započítat pouze hrany vedoucí ven z A , nebo naopak zvenku dovnitř. Získáme:

$$\sum_{u \in A} f^\Delta(u) = \underbrace{\sum_{ba \in E(V \setminus A, A)} f(ba)}_{=0} - \underbrace{\sum_{ab \in E(A, V \setminus A)} f(ab)}_{\geq 0} \leq 0.$$

Ukážeme, že první svorka je rovna nule (sledujme obrázek 14.8). Mějme hranu ab ($a \in A$, $b \in V \setminus A$). Ta musí mít nulovou rezervu – jinak by totiž i vrchol b patřil do A . Proto po hraně ba nemůže nic téci.



Obrázek 14.8: Situace v důkazu invariantu C

Druhá svorka je evidentně nezáporná, protože je to součet nezáporných ohodnocení hran.

Proto součet přebytků přes množinu A je menší nebo roven nule. Zároveň však v A leží aspoň jeden vrchol s kladným přebytkem, totiž v , tudíž v A musí být také nějaký vrchol se záporným přebytkem – a jediný takový je zdroj. Tím je dokázáno, že z leží v A , tedy že vede nenasycená cesta z vrcholu v do zdroje. □

Invariant V (o výšce): Pro každý vrchol v je $h(v) \leq 2n$.

Důkaz: Kdyby existoval vrchol v s výškou $h(v) > 2n$, mohl se do této výšky dostat pouze zvednutím z výšky alespoň $2n$. Vrchol přitom zvedáme jen tehdy, má-li kladný přebytek. Dle invariantu C musela v tomto okamžiku existovat nenasycená cesta z v do zdroje. Ta nicméně překonávala spád alespoň n , ale mohla mít nejvýše $n - 1$ hran. Tudíž musela obsahovat nenasycenou hranu se spádem alespoň 2 a máme spor s invariantem S. □

Lemma Z (počet zvednutí): Během výpočtu nastane nejvýše $2n^2$ zvednutí.

Důkaz: Z předchozího invariantu plyne, že každý z n vrcholů mohl být zvednut nejvýše $2n$ -krát. □

Ted nám ještě zbývá určit počet provedených převedení. Bude se nám hodit, když převedení rozdělíme na dva druhy:

Definice: Řekneme, že převedení po hraně uv je *nasycené*, pokud po převodu rezerva $r(uv)$ klesla na nulu. V opačném případě je *nenasycené*, a tehdy určitě klesne přebytek $f^\Delta(u)$ na nulu (to se nicméně může stát i při nasyceném převedení).

Lemma S (nasycená převedení): Nastane nejvýše nm nasycených převedení.

Důkaz: Zvolíme hranu uv a spočítáme, kolikrát jsme po ní mohli nasyceně převést.

Po prvním nasyceném převedení z u do v se vynulovala rezerva hrany uv . V tomto okamžiku muselo být u výše než v , a dokonce víme, že bylo výše přesně o 1 (invariant **S**). Než nastane další převedení po této hraně, hrana musí opět získat nenulovou rezervu. Jediný způsob, jak k tomu může dojít, je převedením části přebytku z v zpátky do u . Na to se musí v dostat (alespoň o 1) výše než u . A abychom provedli nasycené převedení znova ve směru z u do v , musíme u dostat (alespoň o 1) výše než v . Proto musíme u alespoň o 2 zvednout – nejprve na úroveň v a pak ještě o 1 výše.

Ukázali jsme tedy, že mezi každými dvěma nasycenými převedeními po hraně uv musel být vrchol u alespoň dvakrát zvednut. Podle lemmatu **V** k tomu ale mohlo dojít nejvýše n -krát za celý výpočet, takže všech nasycených převedení po hraně uv je nejvýše n a po všech hranách dohromady nejvýše nm . \square

Předchozí dvě lemmata jsme dokazovali „lokálním“ způsobem – zvednutí jsme počítali pro každý vrchol zvlášť a nasycená převedení pro každou hranu. Tento přístup pro nenasycená převedení nefunguje, jelikož jich lokálně může být velmi mnoho. Podaří se nám však omezit jejich celkový počet.

Použijeme potenciálovou metodu, která se již osvědčila při amortizované analýze v oddílu 9.3. Pořídíme si *potenciál*, což bude nějaká *nezáporná* funkce, která popisuje stav výpočtu. Pro každou operaci pak stanovíme, jaký vliv má na hodnotu potenciálu. Z toho odvodíme, že operací, které potenciál snižují, nemůže být výrazně více než těch, které ho zvyšují. Jinak by totiž potenciál musel někdy během výpočtu klesnout pod nulu.

Někdy bývá potenciál přímočárá funkce, ale v následujícím lemmatu bude trochu složitější. Zvolíme ho tak, aby operace, jejichž počty už známe (zvednutí, nasycené převedení), přispívaly nanejvýš malými kladnými čísly, a nenasycená převedení potenciál vždy snižovala.

Lemma N (nenasycená převedení): Počet všech nenasycených převedení je $\mathcal{O}(n^2m)$.

Důkaz: Uvažujme následující potenciál:

$$\Phi := \sum_{\substack{v \neq z, s \\ f^\Delta(v) > 0}} h(v).$$

Každý vrchol s kladným přebytkem tedy přispívá svou výškou. Sledujme, jak se tento potenciál během výpočtu vyvíjí:

- Na počátku je $\Phi = 0$.
- Během celého algoritmu je $\Phi \geq 0$, neboť potenciál je součtem nezáporných členů.
- Zvednutí vrcholu zvýší Φ o jedničku. (Aby byl vrchol zvednut, musel mít kladný přebytek, takže vrchol do sumy již přispíval. Teď jen přispěje číslem o 1 výšším.) Již víme, že za celý průběh algoritmu nastane maximálně $2n^2$ zvednutí, pročež zvedáním vrcholů zvýšíme potenciál dohromady nejvýše o $2n^2$.
- Nasycené převedení zvýší Φ nejvýše o $2n$: Pokud vrchol v měl původně nulový přebytek, bude mít ted kladný a do sumy začne přispívat; tím se suma zvýší o $h(v) \leq 2n$. Vrchol u již přispíval a buďto bude přispívat nadále, nebo se suma sníží. Podle lemma **S** nastane nejvýše nm nasycených převedení a ta celkově potenciál zvýší maximálně o $2n^2m$.
- Konečně když převádíme po hraně uv nenasyceně, tak od potenciálu určitě odečteme výšku vrcholu u (neboť se vynuluje přebytek ve vrcholu u) a možná přičteme výšku vrcholu v (nevíme, zda tento vrchol předtím měl přebytek). Jenže $h(v) = h(u) - 1$, a proto nenasycené převedení vždy sníží alespoň o jedna.

Potenciál celkově stoupne o nejvýše $2n^2 + 2n^2m \in \mathcal{O}(n^2m)$ a při nenasycených převedeních klesá, pokaždé alespoň o 1. Proto je všech nenasycených převedení $\mathcal{O}(n^2m)$. \square

Implementace

Zbývá vyřešit, jak síť a výšky reprezentovat, abychom dokázali rychle hledat vrcholy s přebytkem a nenasycené hrany vedoucí s kopce.

Budeme si pamatovat seznam P všech vrcholů s kladným přebytkem. Když měníme přebytek nějakého vrcholu, můžeme tento seznam v konstantním čase aktualizovat – buďto vrchol do seznamu přidat, nebo ho naopak odebrat. (K tomu se hodí, aby si vrcholy pamatovaly ukazatel na svou polohu v seznamu P). V konstantním čase také umíme odpovědět, zda existuje nějaký vrchol s přebytkem.

Dále si pro každý vrchol u budeme udržovat seznam $L(u)$. Ten bude uchovávat všechny nenasycené hrany, které vedou z u dolů (mají spád alespoň 1). Opět při změnách rezerv můžeme tyto seznamy v konstantním čase upravit.

Jednotlivé operace budou mít tyto složitosti:

- *Inicializace* algoritmu – triviálně $\mathcal{O}(m)$.
- *Výběr vrcholu* s kladným přebytkem a nalezení nenasycené hrany vedoucí dolů – $\mathcal{O}(1)$ (stačí se podívat na počátky příslušných seznamů).
- *Převedení přebytku* po hraně uv – změny rezerv $r(uv)$ a $r(vu)$ způsobí přepočítání seznamů $L(u)$ a $L(v)$, změny přebytků $f^\Delta(u)$ a $f^\Delta(v)$ mohou způsobit změnu v seznamu P . Vše v čase $\mathcal{O}(1)$.
- *Zvednutí vrcholu* u může způsobit, že nějaká hrana s kladnou rezervou, která původně vedla po rovině, začne vést z u dolů. Nebo se naopak může stát, že hrana, která původně vedla s kopce do u , najednou vede po rovině. Musíme proto obejít všechny hrany do u a z u , kterých je nejvýše $2n$, porovnat výšky a případně tyto hrany uv odebrat ze seznamu $L(v)$, resp. přidat do $L(u)$. To trvá $\mathcal{O}(n)$.

Vidíme, že zvednutí je sice drahé, ale zase je jich poměrně málo. Naopak převádění přebytků je častá operace, takže je výhodné, že trvá konstantní čas.

Věta: Goldbergův algoritmus najde maximální tok v čase $\mathcal{O}(n^2m)$.

Důkaz: Inicializace algoritmu trvá $\mathcal{O}(m)$. Pak algoritmus provede nejvýše $2n^2$ zvednutí (viz lemma Z), nejvýše nm nasycených převedení (lemma S) a $\mathcal{O}(n^2m)$ nenasycených převedení (lemma N). Vynásobením složitostmi jednotlivých operací dostaneme čas $\mathcal{O}(n^3 + nm + n^2m) = \mathcal{O}(n^2m)$. Jakmile se algoritmus zastaví, podle lemmatu K vydá maximální tok. \square

Cvičení

1. Rozeberte chování Goldbergova algoritmu na sítích s jednotkovými kapacitami. Bude rychlejší než ostatní algoritmy?
2. Co by se stalo, kdybychom v inicializaci algoritmu umístili zdroj do výšky $n - 1$, $n - 2$, anebo $n - 3$?

14.6* Vylepšení Goldbergova algoritmu

Základní verze Goldbergova algoritmu dosáhla stejné složitosti jako Dinicův algoritmus. Nyní ukážeme, že drobnou úpravou lze Goldbergův algoritmus ještě zrychlit. Postačí ze všech vrcholů s přebytkem pokaždé vybírat ten nejvyšší.

Při rozboru časové složitosti původního algoritmu hrál nejvýznamnější roli člen $\mathcal{O}(n^2m)$ za nenasycená převedení. Ukážeme, že ve vylepšeném algoritmu jich nastane řádově méně.

Lemma N': Goldbergův algoritmus s volbou nejvyššího vrcholu provede $\mathcal{O}(n^3)$ nenasycených převedení.

Důkaz: Dokazovat budeme opět pomocí potenciálové metody. Vrcholy rozdělíme do hladin podle výšky. Speciálně nás bude zajímat *nejvyšší hladina s přebytkem*:

$$H := \max\{h(v) \mid v \neq z, s \wedge f^\Delta(v) > 0\}.$$

Rozdělíme běh algoritmu na *fáze*. Každá fáze končí tím, že se H změní. Buďto se H zvýší, což znamená, že nějaký vrchol s přebytkem v nejvyšší hladině byl o 1 zvednut, anebo se H sníží. Už víme, že v průběhu výpočtu nastane $\mathcal{O}(n^2)$ zvednutí, což shora omezuje počet zvýšení H . Zároveň si můžeme uvědomit, že H je nezáporný potenciál a snižuje se i zvyšuje přesně o 1. Počet snížení bude proto omezen počtem zvýšení. Tím pádem nastane všechno vždy $\mathcal{O}(n^2)$ fází.

Během jedné fáze přitom provedeme nejvýše jedno nenasycené převedení z každého vrcholu. Po každém nenasyceném převedení po hraně uv se totiž vynuluje přebytek v u a aby se provedlo další nenasycené převedení z vrcholu u , muselo by nejdříve být co převádět. Muselo by tedy do u něco přitéci. My ale víme, že převádíme pouze shora dolů a u je v nejvyšší hladině (to zajistí právě ono vylepšení algoritmu), tedy nejdříve by musel být nějaký jiný vrchol zvednut. Tím by se ale změnilo H a skončila by tato fáze.

Proto počet všech nenasycených převedení během jedné fáze je nejvýše n . A již jsme dokázali, že fází je $\mathcal{O}(n^2)$. Tedy počet všech nenasycených převedení je $\mathcal{O}(n^3)$. \square

Ve skutečnosti je i tento odhad trochu nadhodnocený. Trochu složitějším argumentem lze dokázat těsnější odhad, který se hodí zvláště u řídkých grafiů.

Lemma N": Počet nenasycených převedení je $\mathcal{O}(n^2\sqrt{m})$.

Důkaz: Zavedeme fáze stejně jako v důkazu předchozí verze lemmatu a rozdělíme je na dva druhy. Pro každý druh pak odhadneme celkový počet převedení jiným způsobem.

Nechť k je nějaké kladné číslo, jehož hodnotu určíme později. *Laciné* nazveme ty fáze, během nichž se provede nejvýše k nenasycených převedení. *Drahé* fáze budou všechny ostatní.

Nejprve rozebereme chování laciných fází. Jejich počet shora odhadneme počtem všech fází, tedy $\mathcal{O}(n^2)$. Nenasycených převedení se během jedné laciné fáze provede nejvíce k , za všechny laciné fáze dohromady to činí $\mathcal{O}(n^2k)$.

Pro počet nenasycených převedení v drahých fázích zavedeme nový potenciál:

$$\Psi := \sum_{\substack{v \neq z, s \\ f^\Delta(v) \neq 0}} p(v),$$

kde $p(v)$ je počet vrcholů u , které nejsou výše než v . Jelikož $p(v)$ je nezáporné a nikdy nepřesahne počet všech vrcholů, potenciál Ψ bude také vždy nezáporný a nepřekročí n^2 . Rozmysleme si, jak bude potenciál ovlivňován operacemi algoritmu:

- *Inicializace*: Počáteční potenciál je nejvýše n^2 .
- *Zvednutí vrcholu v* : Hodnota $p(v)$ se zvýší nejvýše o n a všechna ostatní $p(w)$ se buďto nezmění, nebo klesnou o 1. Bez ohledu na přebytky vrcholů se tedy potenciál zvýší nejvýše o n .
- *Nasycené převedení* po hraně uv : Hodnoty $p(\dots)$ se nezmění, ale mění se přebytky – vrcholu u se snižuje, vrcholu v zvyšuje. Z potenciálu proto může zmizet člen $p(u)$ a naopak přibýt $p(v)$. Potenciál Ψ tedy vzroste nejvýše o n .
- *Nenasycené převedení* po hraně uv : Hodnoty $p(\dots)$ se opět nemění. Přebytek v u se vynuluje, což sníží Ψ o $p(u)$. Přebytek v se naopak zvýší, takže pokud byl předtím nulový, Ψ se zvýší o $p(v)$. Celkově tedy Ψ klesne alespoň o $p(u) - p(v)$.

Tedž využijeme toho, že pokud převádíme po hraně uv , má tato hrana spád 1. Výraz $p(u) - p(v)$ tedy udává počet vrcholů na hladině $h(u)$, což je nejvyšší hladina s přebytkem. Z předchozího důkazu víme, že těchto vrcholů je alespoň kolik je nenasycených převedení během dané fáze.

Z toho plyne, že nenasycené převedení provedené během drahé fáze sníží potenciál alespoň o k . Převedení v laciných fázích ho nesnižuje tak výrazně, ale důležité je, že ho určitě nezvýší.

Potenciál Ψ se tedy může zvětšit pouze při operacích inicializace, zvednutí a nasyceného převedení. Inicializace přispěje n^2 . Všech zvednutí se provede celkem $\mathcal{O}(n^2)$ a každé zvýší potenciál nejvýše o n . Nasycených převedení se provede celkem $\mathcal{O}(nm)$ a každé zvýší potenciál taktéž nejvýše o n . Celkem se tedy Ψ zvýší nejvýše o:

$$n^2 + n \cdot \mathcal{O}(n^2) + n \cdot \mathcal{O}(nm) = \mathcal{O}(n^3 + n^2m).$$

Tedž využijeme toho, že Ψ je nezáporný potenciál, tedy když ho každé nenasycené převedení v drahé fázi sníží Ψ alespoň o k , může takových převedení nastat nejvýše $\mathcal{O}(n^3/k +$

n^2m/k). To nyní sečteme s odhadem pro laciné fáze a dostaneme, že všech nenasycených převedení proběhne

$$\mathcal{O}\left(n^2k + \frac{n^3}{k} + \frac{n^2m}{k}\right) = \mathcal{O}\left(n^2k + \frac{n^2m}{k}\right)$$

(využili jsme toho, že v grafech bez izolovaných vrcholů je $n \in \mathcal{O}(m)$, a tedy $n^3 \in \mathcal{O}(n^2m)$).

Tento odhad ovšem platí pro libovolnou volbu k . Proto zvolíme takové k , aby byl co nejnižší. Jelikož první člen s rostoucím k roste a druhý klesá, asymptotické minimum nastane tam, kde se tyto členy vyrovnají, tedy když $n^2k = n^2m/k$.

Nastavíme tedy $k = \sqrt{m}$ a získáme kýžený odhad $\mathcal{O}(n^2\sqrt{m})$. \square

Cvičení

1. Navrhněte implementaci vylepšeného Goldbergova algoritmu se zvedáním nejvyššího vrcholu s přebytkem. Snažte se dosáhnout časové složitosti $\mathcal{O}(n^2\sqrt{m})$.

14.7 Další cvičení

1. *Sviště:* Na louce je n svištů a m dér v zemi (obojí je zadáno jako body v rovině nebo raději body v nepříliš velké celočíselné mřížce). Když se objeví orel, zvládne svišt uběhnout pouze d metrů, než bude uloven. Kolik maximálně svištů se může zachránit útěkem do díry, když jedna díra pojme nejvýše jednoho sviště? A co když pojme k svištů?
2. *Parlamentní kluby:* V parlamentu s n poslanci je m různých klubů. Jeden poslanec může být členem mnoha různých klubů. Každý klub nyní potřebuje zvolit svého předsedu a tajemníka tak, aby všichni předsedové a tajemníci byli navzájem různé osoby (tedy aby nikdo „neseděl na více křeslech“). Navrhněte algoritmus, který zvolí všechny předsedy a tajemníky, případně oznámí, že řešení neexistuje. Mimochodem, za jakých podmínek je existence řešení garantována?
3. *Dopravní problém:* Uvažujme továrny T_1, \dots, T_p a obchody O_1, \dots, O_q . Všichni vyrábějí a prodávají tentýž druh zboží. Továrna T_i ho denně vyprodukuje t_i kusů, obchod O_j denně spotřebuje o_j kusů. Navíc známe bipartitní graf určující, která továrna může dodávat zboží kterému obchodu. Najděte efektivní algoritmus, který zjistí, zda je požadavky obchodů možné splnit, aniž by se překročily výrobní kapacity továren, a pokud je to možné, vypíše, ze které továrny se má přepravit kolik zboží do kterého obchodu.

- 4.* *Průchod šachovnicí:* Je dána šachovnice $n \times n$, kde některá políčka jsou nepřístupná. Celý dolní rádek je obsazen figurkami, které se mohou hýbat o jedno pole dopředu, šikmo vlevo dopředu, či šikmo vpravo dopředu. V jednom tahu se všechny figurky naráz pohnou (mohou i zůstat stát na místě), na jednom políčku se však musí vyskytovat nejvýše jedna figurka. Ocitne-li se figurka na některém políčku horního rádku šachovnice, zmizí. Navrhněte algoritmus, který najde minimální počet tahů takový, že z šachovnice dokážeme odstranit všechny figurky, případně oznámí, že řešení neexistuje.
- 5.* *Minimální izolace:* Je dán nepříliš velký celočíselný kvádr (dejme tomu s objemem nejvýše 20 000) a v něm k nebezpečných jednotkových kostiček. Navrhněte algoritmus, který najde podmnožinu M kostiček kvádru takovou, že každá nebezpečná kostička leží v M a zároveň M má minimální možný povrch (povrch měříme jako počet takových stěn kostiček z M , které nesousedí s jinou kostičkou z M).
- 6.* *Doly a továrny:* Uvažujeme o vybudování dolů D_1, \dots, D_p a továren T_1, \dots, T_q . Vybudování dolu D_i stojí cenu d_i a od té doby důl zadarmo produkuje neomezené množství i -té suroviny. Továrna T_j potřebuje ke své činnosti zadanou množinu surovin a pokud jsou v provozu všechny doly produkující tyto suroviny, vyděláme na továrně zisk t_j . Vymyslete algoritmus, jenž pro zadané ceny dolů, zisky továren a bipartitní graf závislostí továren na surovinách stanoví, které doly postavit, abychom vydělali co nejvíce. Tedy aby rozdíl zisku a nákladů byl co největší. [N85]
- 7.* *Permanent* matice $n \times n$ je definovaný podobně jako determinant, jen bez alternace znamének. Nahlédněte, že na permanent se dá dívat jako na součet přes všechna rozestavení n neohrozených se vězí na políčka matice, přičemž scítáme součiny políček pod věžemi. Jakou vlastnost bipartitního grafu vyjadřuje permanent bipartitní matice sousednosti? ($A_{ij} = 1$, pokud vede hrana mezi i -tým vrcholem nalevo a j -tým napravo.) Radost nám kazí pouze to, že na rozdíl od determinantů neumíme permanently počítat v polynomiálním čase.
8. *Cirkulace* říkáme toku, v němž platí Kirchhoffův zákon v úplně všech vrcholech (je to tedy tok nulové velikosti). V dané síti najděte cirkulaci, která maximalizuje tok určenou hranou. [N112]
9. *Cyklové pokrytí:* V orientovaném grafu najděte množinu kružnic takovou, aby každý vrchol ležel na právě jedné z nich.

15 Paralelní algoritmy

15 Paralelní algoritmy

Pomocí počítačů řešíme stále složitější a rozsáhlejší úlohy a potřebujeme k tomu čím dál víc výpočetního výkonu. Rychlosť a kapacita počítačů zatím rostla exponenciálně, takže se zdá, že stačí chvíľ počkat. Jenže podobně rostou i velikosti problémů, které chceme řešit. Navíc exponenciální růst výkonu se určitě někdy zastaví – nečekáme třeba, že by bylo možné vyrábět transistory menší než jeden atom.

Jak si poradíme? Jedna z lákavých možností je zapřáhnout do jednoho výpočtu více procesorů najednou. Ostatně, vícejádrové procesory, které dneska najdeme ve svých stolních počítačích, nejsou nic jiného než miniaturní víceprocesorové systémy na jednom čipu.

Nabízí se tedy obtížnou úlohu rozdělit na několik částí, nechat každý procesor (či jádro) spočítat jednu z částí a nakonec jejich výsledky spojit dohromady. To se snadno řekne, ale s výjimkou triviálních úloh už obtížněji provede.

Pojďme se podívat na několik zajímavých paralelních algoritmů. Abychom se nemuseli zabývat detailem hardwaru konkrétního víceprocesorového počítače, zavedeme poměrně abstraktní výpočetní model, totiž hradlové sítě. Tento model je daleko paralelnější než skutečný počítač, ale přesto se techniky používané pro hradlové sítě hodí i prakticky. Konec konců sama vnitřní struktura procesorů se našemu modelu velmi podobá.

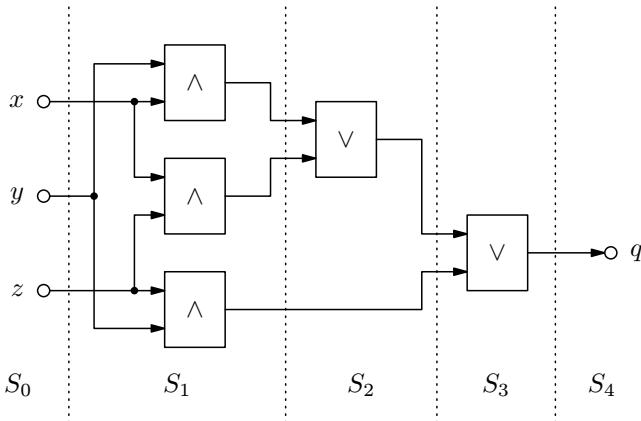
15.1 Hradlové sítě

Hradlové sítě jsou tvořeny navzájem propojenými *hradly*. Každé hradlo přitom počítá nějakou (obecně libovolnou) funkci $\Sigma^k \rightarrow \Sigma$. Množina Σ je konečná abeceda, stejná pro celou síť. Přirozené číslo k udává počet vstupů hradla, jinak též jeho *aritu*.

Příklad: Často studujeme hradla *booleovská* pracující nad abecedou $\Sigma = \{0, 1\}$. Ta počítají jednotlivé logické funkce, například:

- *nulární funkce*: to jsou konstanty (`FALSE` = 0, `TRUE` = 1),
- *unární funkce*: identita a negace (`NOT`, \neg),
- *binární funkce*: logický součin (`AND`, $\&$ či \wedge), součet (`OR`, \vee), aritmetický součet modulo 2 (`XOR`, \oplus), ...

Propojením hradel pak vznikne *hradlová síť*. Než vyřkneme formální definici, pojďme se podívat na příklad jedné takové sítě na obr. 15.1. Síť má tři vstupy, pět booleovských hradel a jeden výstup. Na výstupu je přitom jednička právě tehdy, jsou-li jedničky přitomny na alespoň dvou vstupech. Vrací tedy hodnotu, která na vstupech převažuje, neboli *majoritu*.



Obrázek 15.1: Hradlová síť pro majoritu ze tří vstupů

Obecně každá hradlová síť má nějaké vstupy, hradla a výstupy. Hradla dostávají data ze vstupů sítě a výstupů ostatních hradel. Výstupy hradel mohou být připojeny na libovolně mnoho vstupů dalších hradel, případně na výstupy sítě. Jediné omezení je, že v propojení nesmíme vytvářet cykly.

Nyní totéž formálněji:

Definice: *Hradlová síť* je určena:

- Abecedou Σ , což je nějaká konečná množina symbolů.
- Po dvou disjunktních konečných množinách I (vstupy), O (výstupy) a H (hradla).
- Acyklickým orientovaným multigrafem (V, E) s množinou vrcholů $V = I \cup O \cup H$ (multigraf potřebujeme proto, abychom uměli výstup jednoho hradla připojit současně na více různých vstupů jiného hradla).
- Zobrazením F , které každému hradlu $h \in H$ přiřadí nějakou funkci $F(h) : \Sigma^{a(h)} \rightarrow \Sigma$, což je funkce, kterou toto hradlo vykonává. Číslu $a(h)$ říkáme *arita* hradla h .
- Zobrazením $z : E \rightarrow \mathbb{N}$, jež o hranách vedoucích do hradel říká, kolikátému argumentu funkce odpovídají. (Na hranách vedoucích do výstupů necháváme hodnotu této funkce nevyužitu.)

Přitom jsou splněny následující podmínky:

- Do vstupů nevedou žádné hrany.
- Z výstupů nevedou žádné hrany. Do každého výstupu vede právě jedna hrana.
- Do každého hradla vede tolik hran, kolik je jeho arita. Z každého hradla vede alespoň jedna hrana.
- Všechny vstupy hradel jsou zapojeny. Tedy pro každé hradlo h a každý jeho vstup $j \in \{1, \dots, a(h)\}$ existuje právě jedna hrana e , která vede do hradla h a $z(e) = j$.

Na obrázcích většinou sítě kreslíme podobně jako elektrotechnická schémata: místo více hran z jednoho hradla raději nakreslíme jednu, která se cestou rozvětví. V místech křížení hran tečkou rozlišujeme, zda jsou hrany propojeny či nikoliv.

Poznámka: Někdy se hradlovým sítím také říká *kombinační obvody* a pokud pracují nad abecedou $\Sigma = \{0, 1\}$, tak *booleovské obvody*.

Definice: *Výpočet sítě* postupně přiřazuje hodnoty z abecedy Σ vrcholům grafu. Výpočet probíhá po *taktech*. V nultém taktu jsou definovány pouze hodnoty na vstupech sítě a v hradlech arity 0 (konstantách). V každém dalším taktu pak ohodnotíme vrcholy, jejichž všechny vstupní hrany vedou z vrcholů s již definovanou hodnotou.

Hodnotu hradla h přitom spočteme funkcí $F(h)$ z hodnot na jeho vstupech usporádaných podle funkce z . Výstup sítě pouze zkopíruje hodnotu, která do něj po hraně přišla.

Jakmile budou po nějakém počtu taktů definované hodnoty všech vrcholů, výpočet se zastaví a síť vydá výsledek – ohodnocení výstupů.

Podle průběhu výpočtu můžeme vrcholy sítě rozdělit do vrstev (na obrázku 15.1 jsou naznačeny tečkovaně).

Definice: *i-tá vrstva* S_i obsahuje ty vrcholy, které vydají výsledek poprvé v *i*-tém taktu výpočtu.

Lemma (o průběhu výpočtu): Každý vrchol vydá v konečném čase výsledek (tedy patří do nějaké vrstvy) a tento výsledek se už nikdy nezmění.

Důkaz: Jelikož síť je acyklická, můžeme postupovat indukcí podle topologického pořadí vrcholů.

Pokud do vrcholu v nevede žádná hrana, vydá výsledek v 0. taktu. V opačném případě do v vedou hrany z nějakých vrcholů u_1, \dots, u_k , které leží v topologickém pořadí před v , takže už víme, že vydaly výsledek v taktech t_1, \dots, t_k . Vrchol v tedy musí vydát výsledek v taktu $\max_i t_i + 1$. A jelikož výsledky vrcholů u_1, \dots, u_k se nikdy nezmění, výsledek vrcholu v také ne. \square

Každý výpočet se tedy zastaví, takže můžeme definovat časovou a prostorou složitost očekávaným způsobem.

Definice: Časovou složitost definujeme jako *hloubku sítě*, tedy počet vrstev obsahujících aspoň jeden vrchol. Prostorová složitost bude rovna počtu hradel v síti. Všimněte si, že čas ani prostor nezávisí na konkrétním vstupu, pouze na jeho délce.

Poznámka (o aritě hradel): Kdybychom připustili hradla s libovolně vysokým počtem vstupů, mohli bychom jakýkoliv problém se vstupem délky n a výstupem délky ℓ vyřešit v jedné vrstvě pomocí ℓ kusů n -vstupových hradel. Každému hradlu bychom prostě přiřadili funkci, která počítá příslušný bit výsledku ze všech bitů vstupu.

To není ani realistické, ani pěkné. Jak z toho ven? Omezíme arity všech hradel nějakou pevnou konstantou, třeba dvojkou. Budeme tedy používat výhradně nulární, unární a binární hradla. (Kdybychom zvolilijinou konstantu, dopadlo by to podobně, viz cvičení 7.)

Poznámka (o uniformitě): Od běžných výpočetních modelů, jako je třeba RAM, se hradlové sítě liší jednou podstatnou vlastností – každá síť zpracovává výhradně vstupy jedné konkrétní velikosti. Řešením úlohy tedy typicky není jedna síť, ale posloupnost sítí pro jednotlivé velikosti vstupu. Všechny sítě přitom používají stejné typy hradel a stejnou abecedu. Takovým výpočetním modelům se říká *neuniformní*.

Obvykle budeme chtít, aby existoval algoritmus (klasický, neparalelní), který pro danou velikost vstupu sestrojí příslušnou síť. Tento algoritmus by měl běžet v polynomiálním čase – kdybychom dovolili i pomalejší algoritmy, mohli bychom během konstrukce provádět nějaký náročný předvýpočet a jeho výsledek zabudovat do struktury sítě. To je málokdy žádoucí.

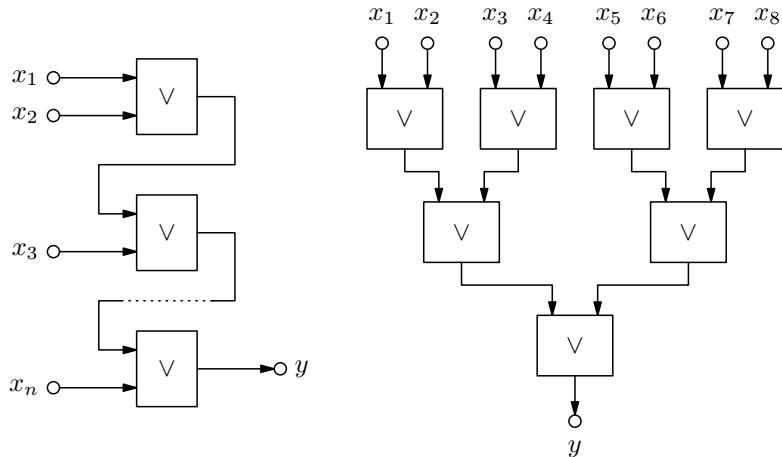
Hledá se jednička

Abychom si nový výpočetní model osahali, zkusme nejprve sestrojit booleovský obvod, který zjistí, zda se mezi jeho n vstupy vyskytuje alespoň jedna jednička. To znamená, že počítá n -vstupovou funkci OR.

První řešení (obrázek 15.2 vlevo): Spočítáme OR prvních dvou vstupů, pak OR výsledku s třetím vstupem, pak se čtvrtým, a tak dále. Každé hradlo závisí na výsledcích všech předchozích, takže výpočet běží striktně sekvenčně. Časová i prostorová složitost činí $\Theta(n)$.

Druhé řešení (obrázek 15.2 vpravo): Hradla budeme spojovat do dvojic, výsledky těchto dvojic opět do dvojic, a tak dále. Síť se tentokrát skládá z $\Theta(\log n)$ vrstev, které celkem obsahují $n/2 + n/4 + \dots + 1 \in \Theta(n)$ hradel.

Logaritmická časová složitost je pro paralelní algoritmy typická a budeme se jí snažit dosáhnout i u dalších problémů.



Obrázek 15.2: Dvě hradlové sítě pro n-bitový OR

Cvičení

1. Jak vypadá všech 16 booleovských funkcí dvou proměnných?
2. Dokažte, že každou booleovskou funkci dvou proměnných lze vyjádřit pomocí hradel AND, OR a NOT. Proto lze každý booleovský obvod s nejvýše dvouvstupovými hradly upravit tak, aby používal pouze tyto tři typy hradel. Jeho hloubka přitom vzroste pouze konstanta-krát.
3. Pokračujme v předchozím cvičení: dokažte, že stačí jedený typ hradla, a to NAND (negovaný AND). Podobně by stačil NOR (negovaný OR). Existuje nějaká další funkce s touto vlastností?
4. Sestavte hradlovou síť ze čtyř hradel NAND (negovaný AND), která počítá XOR dvou bitů.
5. Dokažte, že n -bitový OR nelze spočítat v menší než logaritmické hloubce. [N40]
6. Sestrojte hradlovou síť pro majoritu ze 4 vstupů.
7. Ukažte, že libovolnou booleovskou funkci s k vstupy lze spočítat booleovským obvodem hloubky $\mathcal{O}(k)$ s $\mathcal{O}(2^k)$ hradly. To speciálně znamená, že pro pevné k lze booleovské obvody s nejvýše k -vstupovými hradly překládat na obvody s 2-vstupovými hradly. Hloubka přitom vzroste pouze konstanta-krát.

- 8.* Exponenciální velikost obvodu z minulého cvičení je nepříjemná, ale bohužel nevyhnutelná: Dokažte, že pro žádné k neplatí, že všechny n -vstupové booleovské funkce lze spočítat obvody s $\mathcal{O}(n^k)$ hradly. [N90]
9. Ukažte, jak hradlovou síť s libovolnou abecedou přeložit na ekvivalentní booleovský obvod s nejvýše konstantním zpomalením. Abecedu zakódujte binárně, hradla simulujte booleovskými obvody.
10. Definujeme *výhybkou* – to je analogie operátoru ?: v jazyce C, tedy ternární booleovské hradlo se vstupy x_0 , x_1 a p , jehož výsledkem je x_p . Ukažte, že libovolnou k -vstupovou booleovskou funkci lze spočítat obvodem složeným pouze z výhybek a konstant. Srovnejte s cvičením 7. Jak by se naopak skládala výhybka z binárních hradel?
11. Dokažte, že každou booleovskou formuli lze přeložit na booleovský obvod. Velikost obvodu i jeho hloubka přitom budou lineární v délce formule.
- 12.** Ukažte, že obvody z minulého cvičení si vystačí s logaritmickou hloubkou v délce formule. [N44]
13. Místo omezení arity hradel bychom mohli omezit typy funkcí, řekněme na AND, OR a NOT, a požadovat polynomiální počet hradel. Tím by také vznikl realistický model, byť s trochu jinými vlastnostmi. Dokažte, že síť tohoto druhu s n vstupy lze přeložit na síť s omezenou aritou hradel, která bude pouze $\mathcal{O}(\log n)$ -krát hlubší. K čemu bylo nutné omezení počtu hradel?

15.2 Sčítání a násobení binárních čísel

Nalezli jsme rychlý paralelní algoritmus pro n -bitový OR. Zajímavější úlohou, jejíž paralelizace už nebude tak triviální, bude sčítání dvojkových čísel. Mějme dvě čísla x a y zapsané ve dvojkové soustavě. Jejich číslice označme $x_{n-1} \dots x_0$ a $y_{n-1} \dots y_0$, přičemž i -tý řád má váhu 2^i . Chceme spočítat dvojkový zápis $z_n \dots z_0$ čísla $z = x + y$.

Školní algoritmus

Ihned se nabízí použít starý dobrý „školní algoritmus sčítání pod sebou“. Ten funguje ve dvojkové soustavě stejně dobře jako v desítkové. Sčítáme čísla zprava doleva, vždy sečteme x_i s y_i a přičteme přenos z nižšího řádu. Tím dostaneme jednu číslici výsledku a přenos do vyššího řádu. Formálně bychom to mohli zapsat třeba takto:

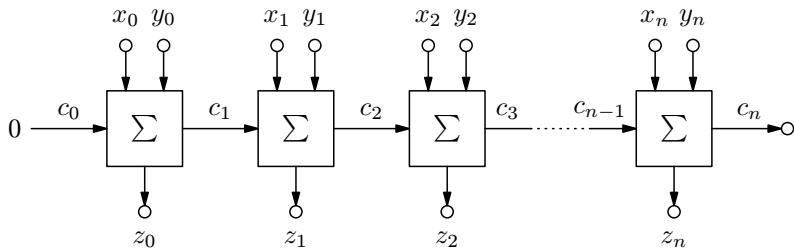
$$z_i = x_i \oplus y_i \oplus c_i,$$

kde z_i je i -tá číslice součtu, \oplus značí operaci XOR (součet modulo 2) a c_i je přenos z $(i-1)$ -ního řádu do i -tého. Přenos do vyššího řádu nastane tehdy, pokud se nám potkají dvě jedničky pod sebou, nebo když se vyskytne alespoň jedna jednička a k tomu přenos z nižšího řádu. Čili tehdy, jsou-li mezi třemi xorovanými číslicemi alespoň dvě jedničky – k tomu se nám hodí již známý obvod pro majoritu:

$$c_0 = 0,$$

$$c_{i+1} = (x_i \wedge y_i) \vee (x_i \wedge c_i) \vee (y_i \wedge c_i).$$

O tomto předpisu snadno dokážeme, že funguje (zkuste to), nicméně pokud podle něj postavíme hradlovou síť, bude poměrně pomalá. Můžeme si ji představit tak, že je složena z nějakých podsítí („krabiček“), které budou mít na vstupu x_i , y_i a c_i a jejich výstupem bude z_i a c_{i+1} . To je hezky vidět na obrázku 15.3.



Obrázek 15.3: Sčítání školním algoritmem

Každá krabička má sama o sobě konstantní hloubku, ovšem k výpočtu potřebuje přenos vypočítaný předcházející krabičkou. Jednotlivé krabičky proto musí ležet v různých vrstvách sítě. Časová i prostorová složitost sítě jsou tedy lineární, stejně jako sčítáme-li po bitech na RAMu.

Bloky a jejich chování

To, co nás při sčítání brzdí, je evidentně čekání na přenosy z nižších řádů. Jakmile je zjistíme, máme vyhráno – součet už získáme jednoduchým xorováním, které zvládneme paralelně v čase $\Theta(1)$. Uvažujme tedy nad způsobem, jak přenosy spočítat paralelně.

Podívejme se na libovolný *blok* výpočtu školního algoritmu. Tak budeme říkat části sítě, která počítá součet bitů $x_j \dots x_i$ a $y_j \dots y_i$ v nějakém intervalu indexů $[i, j]$. Přenos c_{j+1} vystupující z tohoto bloku závisí kromě hodnot sčítanců už pouze na přenosu c_i , který do bloku vstupuje.

Pro konkrétní sčítance se tedy můžeme na blok dívat jako na nějakou funkci, která dostane jednobitový vstup (přenos zespoda) a vydá jednobitový výstup (přenos nahoru). To je milé, neboť takové funkce existují pouze čtyři:

$f(x) = 0$	konstantní 0 , blok <i>pohlcuje</i> přenos
$f(x) = 1$	konstantní 1 , blok <i>vytváří</i> přenos
$f(x) = x$	identita (značíme \leftarrow), blok <i>kopíruje</i> přenos
$f(x) = \neg x$	negace; ukážeme, že u žádného bloku nenastane

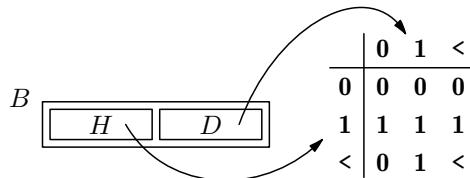
Této funkci budeme říkat *chování bloku*.

Jednobitové bloky se chovají velice jednoduše:

0	0	1	1
0	1	0	1
0	\leftarrow	\leftarrow	1

Blok prvního druhu vždy předává nulový přenos, ať už do něj vstoupí jakýkoliv – přenos tedy pohlcuje. Poslední blok naopak sám o sobě přenos vytváří, ať dostane cokoliv. Prostřední dva bloky se chovají tak, že samy o sobě žádný přenos nevytvoří, ale pokud do nich nějaký přijde, tak také odejde.

Větší bloky můžeme rozdělit na části a podle chování částí určit, jak se chová celek. Mějme blok B složený ze dvou menších podbloků H (horní část) a D (dolní). Chování celku závisí na chování částí takto:



Pokud vyšší blok přenos pohlcuje, pak ať se nižší blok chová jakkoli, složení obou bloků musí vždy pohlcovat. V prvním řádku tabulky jsou tudíž nuly. Analogicky pokud vyšší blok generuje přenos, tak ten nižší na tom nic nezmění. V druhém řádku tabulky jsou tedy samé jedničky. Zajímavější případ nastává, pokud vyšší blok kopíruje – tehdy záleží čistě na chování nižšího bloku.

Vsimněme si, že skládání chování bloků je vlastně úplně obyčejné skládání funkcí. Nyní bychom mohli prohlásit, že budeme počítat nad tříprvkovou abecedou a že celou tabulkou dokážeme spočítat jedním jediným hradlem. Pojdme si přeci jen rozmyslet, jak bychom takovou operaci popsali čistě binárně.

Tři stavy můžeme zakódovat pomocí dvou bitů, říkejme jim třeba p a q . Dvojice (p, q) přitom může nabývat hned čtyř možných hodnot, my dvěma z nich přiřadíme stejný význam:

$$(1, *) = \text{<} \quad (0, 0) = \mathbf{0} \quad (0, 1) = \mathbf{1}.$$

Kdykoliv $p = 1$, blok kopíruje přenos. Naopak $p = 0$ odpovídá tomu, že blok posílá do vyššího řádu konstantní přenos, a q pak určuje, jaký. Kombinování bloků (skládání funkcí) pak můžeme popsat následovně:

$$\begin{aligned} p_B &= p_H \wedge p_D, \\ q_B &= (\neg p_H \wedge q_H) \vee (p_H \wedge q_D). \end{aligned}$$

Průchod přenosu blokem (dosazení do funkce) bude vypadat takto:

$$c_{i+1} = (p \wedge c_i) \vee (\neg p \wedge q).$$

Rozmyslete si, že tyto formule odpovídají výše uvedené tabulce. (Mimochedem, totéž by se mnohem přímočařejí formulovalo pomocí výhybek z cvičení 15.1.10.)

Paralelní sčítání

Od popisu chování bloků je už jenom krůček k paralelnímu předpovídání přenosů, a tím i k paralelní sčítáčce. Bez újmy na obecnosti budeme předpokládat, že počet bitů vstupních čísel n je mocnina dvojky; jinak vstup doplníme zleva nulami.

Algoritmus bude rozdělen na dvě části:

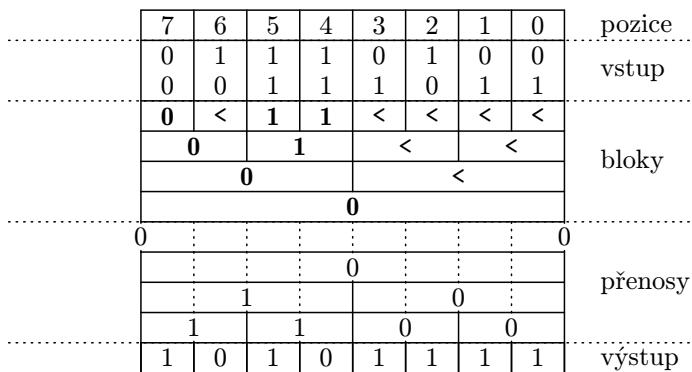
- (1) Spočítáme chování všech *kanonických bloků* – tak budeme říkat blokům, jejichž velikost je mocnina dvojky a pozice je dělitelná velikostí (bloky též velikosti se tedy neprekryvají). Nejprve v konstantním čase stanovíme chování bloků velikosti 1, ty pak spojíme do dvojic, dvojice zase do dvojic atd., obecně v i -tém kroku spočteme chování všech kanonických bloků velikosti 2^i .
- (2) Dopočítáme přenosy, a to tak, aby v i -tém kroku byly známy přenosy do řádů dělitelných $2^{\log n - i}$. V nultém kroku známe pouze $c_0 = 0$ a c_n , který spočítáme z c_0 pomocí chování bloku $[0, n]$. V prvním kroku pomocí bloku $[0, n/2]$ dopočítáme $c_{n/2}$, v druhém pomocí $[0, n/4]$ spočítáme $c_{n/4}$ a pomocí $[n/2, 3/4 \cdot n]$ dostaneme $c_{3/4 \cdot n}$, atd. Obecně v i -tém kroku používáme chování bloků velikosti $2^{\log n - i}$. Každý krok přitom zabere konstantní čas.

Celkově bude sčítací síť vypadat takto (viz obr. 15.4):

- $\Theta(1)$ hladin výpočtu chování bloků velikosti 1,

- $\Theta(\log n)$ hladin počítajících chování všech kanonických bloků,
- $\Theta(\log n)$ hladin dopočítávajících přenosy „zahušťováním“,
- $\Theta(1)$ hladin na samotné sečtení: $z_i = x_i \oplus y_i \oplus c_i$ pro všechna i .

Algoritmus tedy pracuje v čase $\Theta(\log n)$. Využívá k tomu lineárně mnoho hradel: při výpočtu chování bloků na jednotlivých hladinách počet hradel exponenciálně klesá od n k 1, během zahušťování přenosů naopak exponenciálně stoupá od 1 k n . Obě geometrické řady se sečtou na $\Theta(n)$.



Obrázek 15.4: Průběh paralelního sčítání pro $n = 8$

Paralelní násobení

Ještě si rozmyslíme, jak rychle je možné čísla násobit. Opět se inspirujeme školním algoritmem: pokud násobíme dvě n -ciferná čísla x a y , uvážíme všech n posunutí čísla x , každé z nich vynásobíme příslušnou číslicí v y a výsledky posčítáme.

$$\begin{array}{r}
 \begin{array}{r}
 1 & 0 & 1 & 1 \\
 \times & 1 & 0 & 0 & 1 \\
 \hline
 1 & 0 & 1 & 1 \\
 0 & 0 & 0 & 0 \\
 0 & 0 & 0 & 0 \\
 \hline
 1 & 0 & 1 & 1 \\
 \hline
 1 & 1 & 0 & 0 & 0 & 1 & 1
 \end{array}
 \end{array}
 \quad
 \begin{array}{r}
 \begin{array}{r}
 x_3 & x_2 & x_1 & x_0 \\
 y_3 & y_2 & y_1 & y_0 \\
 \hline
 z_3 & z_2 & z_1 & z_0 \\
 \hline
 p & q
 \end{array}
 \end{array}$$

Obrázek 15.5: Školní násobení a kompresor

Ve dvojkové soustavě je to ještě jednodušší: násobení jednou číslicí je prostý AND. Paralelně tedy vytvoříme všechna posunutí a spočítáme všechny ANDy. To vše stihneme za 1 takt výpočtu.

Zbývá sečíst n čísel, z nichž každé má $\Theta(n)$ bitů. Mohli bychom opět sáhnout po osvědčeném triku: sčítat dvojice čísel, pak dvojice těchto součtů, atd. Taková síť by měla tvar binárního stromu hloubky $\log n$, jehož každý vrchol by obsahoval jednu sčítátku, a na tu, jak víme, postačí $\Theta(\log n)$ hladin. Celý výpočet by tedy běžel v čase $\Theta(\log^2 n)$.

Jde to ale rychleji, použijeme-li jednoduchý, téměř kouzelnický trik. Sestrojíme *kompresor* – to bude obvod konstantní hloubky, jenž na vstupu dostane tři čísla a vypočte z nich dvě čísla mající stejný součet jako zadaná trojice.

K čemu je to dobré? Máme-li sečíst n čísel, v konstantním čase dokážeme tento úkol převést na sečtení $2/3 \cdot n$ čísel (vhodně zaokrouhleno), to pak opět v konstantním čase na sečtení $(2/3)^2 \cdot n$ čísel atd., až nám po $\log_{3/2} n \in \Theta(\log n)$ krocích zbudou dvě čísla a ta sečteme klasickou sčítátkou. Zbývá vymyslet kompresor.

Konstrukce kompresoru: Označme vstupy kompresoru x, y a z a výstupy p a q . Pro každý řád i spočteme součet $x_i + y_i + z_i$. To je nějaké dvoubitové číslo, takže můžeme jeho nižší bit prohlásit za p_i a vyšší za q_{i+1} .

Jinými slovy všechna tři čísla jsme normálně sečetli, ale místo abychom přenosy posílali do vyššího řádu, vytvořili jsme z nich další číslo, které má být k výsledku časem přičteno. To je vidět na obrázku 15.5.

Naše síť pro paralelní násobení nyní pracuje v čase $\Theta(\log n)$ – nejdříve v konstantním čase vytvoříme mezivýsledky, pak použijeme $\Theta(\log n)$ hladin kompresorů konstantní hloubky a nakonec jednu sčítátku hloubky $\Theta(\log n)$.

Jistou vadou na kráse ovšem je, že spotřebujeme $\Theta(n^2)$ hradel. Proto se v praxi používají spíš násobicí sítě odvozené od rychlé Fourierovy transformace, s níž se potkáme v kapitole 17.

Cvičení

1. Modifikujte sčítací síť, aby odčítala.
2. Sestrojte hradlovou síť hloubky $\mathcal{O}(\log n)$, která porovná dvě n -bitová čísla x a y a vydá jedničku, pokud $x < y$.
3. Ukažte, jak v logaritmické hloubce otestovat, zda je n -bitové dvojkové číslo *dělitelné jedenácti*.

- 4.** Pro ctitele teorie automatů: Dokažte, že libovolný *regulární jazyk* lze rozpoznávat hradlovou sítí logaritmické hloubky. Ukažte, jak pomocí toho vyřešit všechna předchozí cvičení. [N58]
- 5.* *Souvislost grafu:* Sestrojte hradlovou síť hloubky $\mathcal{O}(\log^2 n)$, která dostane matici sousednosti neorientovaného grafu a rozhodne, zda je graf souvislý. [N111]
6. *Logaritmus:* Sestrojte hradlovou síť, která pro zadané dvojkové číslo $x_{n-1} \dots x_0$ spočítá dolní celou část z jeho dvojkového logaritmu, čili nejvyšší i takové, že $x_i = 1$.
7. *Rotace:* Na vstupu je posloupnost x_0, \dots, x_{n-1} a dvojkově zapsané číslo k . Navrhněte hradlovou síť, jejímž výstupem bude rotace posloupnosti o k pozic, tedy posloupnost $x_k, x_{k+1}, \dots, x_{(n+k-1) \bmod n}$.
8. *Vyvážený řetězec:* Sestrojte hradlovou síť, která dostane řetězec n nul a jedniček a rozhodne, zda je nul stejný počet jako jedniček.

15.3 Třídicí sítě

Ještě zkusíme parallelizovat jeden klasický problém, totiž třídění. Budeme k tomu používat *komparátorovou síť* – to je hradlová síť složená z *komparátorů*.

Jeden komparátor umí porovnat dvě hodnoty a rozhodnout, která z nich je větší a která menší. Nevrací však booleovský výsledek jako běžné hradlo, ale má dva výstupy: na jednom z nich vrací menší ze vstupních hodnot a na druhém tu větší.

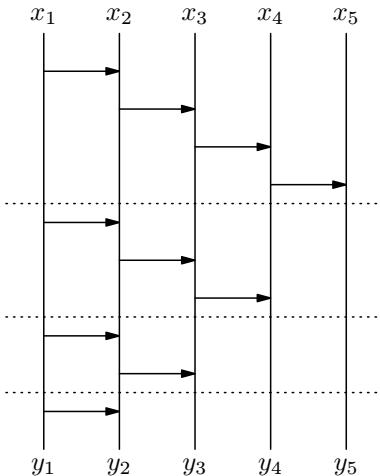
V našem formalismu hradlových sítí bychom mohli komparátor reprezentovat dvojicí hradel: jedno z nich by počítalo minimum, druhé maximum. Hodnoty, které třídíme, bychom považovali za prvky abecedy. Komparátorovou síť můžeme také snadno přeložit na booleovský obvod, viz cvičení 4.

Ještě se dohodneme, že výstupy komparátorů se nikdy nebudou větvit. Každý výstup přivedeme na vstup dalšího komparátoru, nebo na výstup sítě. Větvení by nám ostatně k ničemu nebylo, protože na výstupu potřebujeme vydat stejný počet hodnot, jako byl na vstupu. Nemáme přitom žádné hradlo, kterým bychom hodnoty slučovat, a definice hradlové sítě nám nedovoluje výstup hradla „zahodit“.

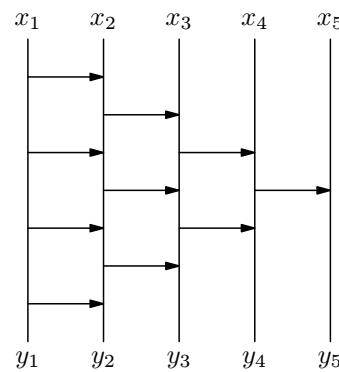
Důsledkem je, že výstup každé vrstvy, a tedy i celé sítě, je nějaká permutace prvků ze vstupu.

Jako rozvíčku zkusíme do řeči komparátorových sítí přeložit *bublinkové třídění*. Z něj získáme obvod na obrázku 15.6. Komparátory kreslíme jako šipky: shora do šipky vedou výstupy, zdola z ní vycházejí výstupy, větší výstup leží ve směru šipky.

Toto nakreslení ovšem poněkud klame – pokud síť necháme počítat, mnohá porovnání budou probíhat paralelně. Skutečný průběh výpočtu znázorňuje obrázek 15.7, na němž jsme všechny operace prováděné současně znázornili vedle sebe. Ihned vidíme, že paralelní bublinkové třídění pracuje v čase $\Theta(n)$ a potřebuje kvadratický počet komparátorů.



Obrázek 15.6: Bublinkové třídění



Obrázek 15.7: Skutečný průběh výpočtu

Bitonické třídění

Nyní vybudujeme rychlejší třídicí algoritmus. Půjdeme na něj menší oklikou. Nejdříve vymyslíme síť, která bude umět třídit jenom něco – totiž bitonické posloupnosti. Z ní pak odvodíme obecné třídění. Bez újmy na obecnosti přitom budeme předpokládat, že každé dva prvky na vstupu jsou navzájem různé a že velikost vstupu je mocnina dvojkou.

Definice: Posloupnost x_0, \dots, x_{n-1} je *čistě bitonická*, pokud ji můžeme rozdělit na nějaké pozici k na rostoucí posloupnost x_0, \dots, x_k a klesající posloupnost x_k, \dots, x_{n-1} . Jak rostoucí, tak klesající část mohou být prázdné či jednoprvkové.

Definice: Posloupnost x_0, \dots, x_{n-1} je *bitonická*, jestliže ji lze získat rotací (cyklickým posunutím) nějaké čistě bitonické posloupnosti. Tedy pokud existuje číslo j takové, že posloupnost $x_j, x_{(j+1) \bmod n}, \dots, x_{(j+n-1) \bmod n}$ je čistě bitonická.

Definice: Separátor řádu n je komparátorová síť S_n se vstupy x_0, \dots, x_{n-1} a výstupy y_0, \dots, y_{n-1} . Dostane-li na vstupu bitonickou posloupnost, vydá na výstup její permutaci s následujícími vlastnostmi:

- $y_0, \dots, y_{n/2-1}$ a $y_{n/2}, \dots, y_{n-1}$ jsou bitonické posloupnosti;
- $y_i < y_j$, kdykoliv $0 \leq i < n/2 \leq j < n$.

Jinak řečeno, separátor rozdělí bitonickou posloupnost na dvě poloviční a navíc jsou všechny prvky v první polovině menší než všechny v té druhé.

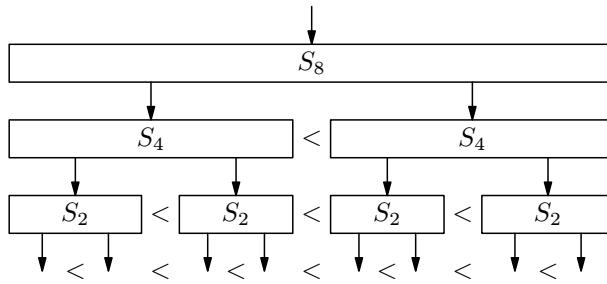
Lemma: Pro každé sudé n existuje separátor S_n konstantní hloubky, složený z $\Theta(n)$ komparátorů.

Důkaz tohoto lemmatu si necháme na konec. Nejprve předvedeme, k čemu jsou separátory dobré.

Definice: Bitonická třídička řádu n je komparátorová síť B_n s n vstupy a n výstupy. Dostane-li na vstupu bitonickou posloupnost, vydá ji setříděnou.

Lemma: Pro libovolné $n = 2^k$ existuje bitonická třídička B_n hloubky $\Theta(\log n)$ s $\Theta(n \log n)$ komparátoři.

Důkaz: Konstrukce bitonické třídičky je snadná: nejprve separátorem S_n zadanou bitonickou posloupnost rozdělíme na dvě bitonické posloupnosti délky $n/2$, každou z nich pak separátorem $S_{n/2}$ na dvě části délky $n/4$, atd., až získáme jednoprvkové posloupnosti ve správném pořadí. Celkem použijeme $\log n$ hladin, každá hladina má konstantní hloubku a leží na ní $n/2$ komparátorů. \square



Obrázek 15.8: Bitonická třídička B_8

Bitonické třídičky nám nyní pomohou ke konstrukci třídičky pro obecné posloupnosti. Ta bude založena na třídění sléváním – nejprve se tedy musíme naučit slít dvě rostoucí posloupnosti do jedné.

Definice: Slévačka řádu n je komparátorová síť M_n s $2 \times n$ vstupy a $2n$ výstupy. Dostane-li dvě setříděné posloupnosti délky n , vydá setříděnou posloupnost vzniklou jejich slitím.

Lemma: Pro $n = 2^k$ existuje slévačka M_n hloubky $\Theta(\log n)$ s $\Theta(n \log n)$ komparátory.

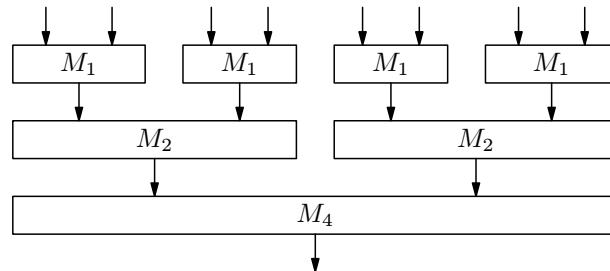
Důkaz: Stačí jednu vstupní posloupnost obrátit a „přilepit“ za tu druhou. Tím vznikne bitonická posloupnost, již setřídíme bitonickou třídičkou B_{2n} . \square

Definice: *Třídicí síť řádu n* je komparátorová síť T_n s n vstupy a n výstupy, která pro každý vstup vydá jeho setříděnou permutaci.

Věta: Pro $n = 2^k$ existuje třídicí síť T_n hloubky $\Theta(\log^2 n)$ složená z $\Theta(n \log^2 n)$ komparátorů.

Důkaz: Síť bude třídit sléváním, podobně jako algoritmus Mergesort z oddílu 3.2. Vstup rozdělíme na n jednoprvkových posloupností. Ty jsou jistě setříděné, takže je slévačkami M_1 můžeme slít do dvouprvkových setříděných posloupností. Na ty pak aplikujeme slévačky M_2 , M_4 , \dots , $M_{n/2}$, až všechny části slijeme do jedné, setříděné.

Cellkem provedeme $\log n$ kroků slévání, i -tý z nich obsahuje slévačky $M_{2^{i-1}}$ a ty, jak už víme, mají hloubku $\Theta(i)$. Celkový počet vrstev tedy činí $\Theta(1+2+3+\dots+\log n) = \Theta(\log^2 n)$. Každý krok přitom potřebuje $\Theta(n \log n)$ komparátorů, což dává celkem $\Theta(n \log^2 n)$ komparátorů. \square

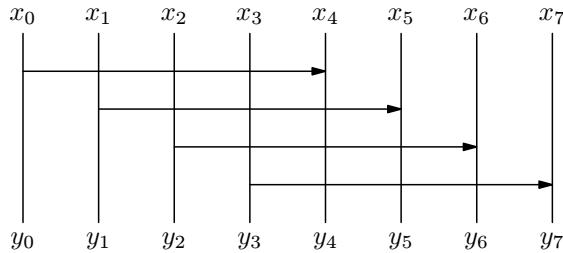


Obrázek 15.9: Třídička T_8

Konstrukce separátoru

Zbývá dokázat, že existují slíbené separátory konstantní hloubky. Vypadají překvapivě jednoduše: pro $i = 0, \dots, n/2 - 1$ zapojíme komparátor se vstupy $x_i, x_{i+n/2}$, jehož minimum přivedeme na y_i a maximum na $y_{i+n/2}$.

Postupně dokážeme, že tato síť skutečně separuje. Pro potřeby důkazu budeme prvky na vstupu indexovat cyklicky (modulo n). Vstup rozdělíme na *horu* a *údolí*: do hory bude patřit $n/2$ největších prvků, do údolí zbytek. Situaci sledujme na obrázku 15.11.



Obrázek 15.10: Separátor S_8

Nejprve nahlédneme, že hora tvoří souvislý úsek. Jistě do ní patří maximum a nepatří minimum. Pokud od maxima vyrazíme libovolným směrem k minimu, budou prvky klesat. Největších $n/2$ prvků tedy dostaneme postupným sléváním dvou klesajících posloupností. Při tom použijeme souvislý úsek prvků na každou stranu od maxima. Prvky hory tedy budou $x_k, x_{k+1}, \dots, x_{k+n/2-1}$ pro nějaké k . Tato posloupnost je nejprve rostoucí, pak klesající, a tedy bitonická.

Podobně tvoří souvislý úsek i údolí: obsahuje prvky $x_{k+n/2}, \dots, x_{k+n-1}$. Údolí roste na obě strany od minima, takže se také jedná o bitonickou posloupnost.

Bez újmy na obecnosti můžeme předpokládat, že je k menší než $n/2$. Jinak vstup zrotujeme (cyklicky posuneme) o $n/2$ prvků. Tím se nezmění ani správný výstup, ani ten spočítaný naší sítí – každému komparátoru se pouze prohodí vstupy, což neovlivní jeho výstup.

Pro $i = 0, \dots, k-1$ komparátory neprohazují, protože jejich levý vstup pochází z údolí a pravý z hory. Naopak pro $i = k, \dots, n/2-1$ vždy prohazují, protože levý vstup je z hory a pravý z údolí.

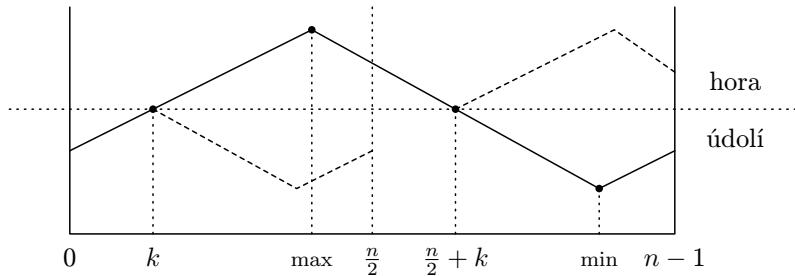
Levá polovina výstupu proto obsahuje prvky $x_0, \dots, x_{k-1}, x_{n/2+k}, \dots, x_{n-1}$. To je rotace údolí, čili bitonická posloupnost.

Podobně pravá polovina výstupu je tvořena prvky $x_{n/2}, \dots, x_{n/2+k-1}, x_k, \dots, x_{n/2-1}$. To je rotace hory, čili opět bitonická posloupnost.

Jelikož všechny prvky údolí jsou menší než všechny prvky hory, levá polovina výstupu je menší než pravá. \square

Shrnutí

Nalezli jsme paralelní třídicí algoritmus o časové složitosti $\Theta(\log^2 n)$, který se skládá z $\Theta(n \log^2 n)$ komparátorů. Dodejme, že jsou známé i třídicí sítě hloubky $\Theta(\log n)$, ale



Obrázek 15.11: Ilustrace činnosti separátoru

jejich konstrukce je mnohem komplikovanější a dává obrovské multiplikativní konstanty, jež brání praktickému použití.

Z dolního odhadu složitosti třídění v oddílu 3.3 navíc plyne, že logaritmický počet hladin je nejnižší možný. Máme-li totiž libovolnou třídicí síť hloubky h , můžeme ji simulovat po hladinách a získat tak sekvenční třídicí algoritmus. Jelikož na každé hladině může ležet nejvýše $n/2$ komparátorů, nás algoritmus provede maximálně $hn/2$ porovnání. Už jsme nicméně dokázali, že pro každý třídicí algoritmus existují vstupy, na kterých porovná $\Omega(n \log n)$ -krát. Proto $h \in \Omega(\log n)$.

Cvičení

1. Jak by vypadala komparátorová síť pro *třídění vkládáním*? Jak se bude její průběh výpočtu lišit od paralelního bublinkového třídění?
2. Navrhněte komparátorovou síť pro *hledání maxima*: dostane-li n prvků, vydá takovou permutaci, v níž bude poslední hodnota největší.
3. Navrhněte komparátorovou síť pro *zatřídění* prvku do setříděné posloupnosti: dostane $(n - 1)$ -prvkovou setříděnou posloupnost a jeden prvek navíc, vydá setříděnou permutaci.
4. Ukažte, jak komparátorovou síť přeložit na booleovský obvod. Každý prvek abecedy Σ reprezentujte číslem o $b = \lceil \log_2 |\Sigma| \rceil$ bitech a pomocí cvičení 15.2.2 sestrojte komparátory o $\mathcal{O}(\log b)$ hladinách.
5. Upravte algoritmus bitonického třídění, aby fungoval i pro vstupy, jejichž délka není mocninou dvojkdy.
6. Dokažte *nula-jedničkový princip*: pro ověření, že komparátorová síť třídí všechny vstupy, ji postačí otestovat na všech posloupnostech nul a jedniček.

- 7.* *Batcherovo třídění:* Stejné složitosti paralelního třídění lze také dosáhnout následujícím rekurzivním algoritmem pro slévání setříděných posloupností:

Procedura BMERGE

Vstup: Setříděné posloupnosti (x_0, \dots, x_{n-1}) a (y_0, \dots, y_{n-1})

1. Je-li $n \leq 1$, vyřešíme triviálně.
2. $(a_0, \dots, a_{n-1}) \leftarrow \text{BMERGE}((x_0, x_2, \dots, x_{n-2}), (y_0, y_2, \dots, y_{n-2}))$
3. $(b_0, \dots, b_{n-1}) \leftarrow \text{BMERGE}((x_1, x_3, \dots, x_{n-1}), (y_1, y_3, \dots, y_{n-1}))$

Výstup: $(a_0, \min(a_1, b_0), \max(a_1, b_0), \min(a_2, b_1), \max(a_2, b_1), \dots, b_{n-1})$

Pomocí předchozího cvičení dokažte, že tato procedura funguje. Zapište tento algoritmus ve formě třídicí sítě.

8. *N-směna bytů:* Jistých n rodin si chce vyměnit byty: i -tá rodina se chce přestěhovat do bytu $(i+1)$ -ní rodiny (modulo n). Stěhováci ovšem umí pouze prohazovat rodiny a každá rodina se v jednom dni může účastnit jen jednoho stěhování. Za kolik dní je možné celou n -směnu uskutečnit?

16 Geometrické algoritmy

16 Geometrické algoritmy

Mnoho praktických problémů má geometrickou povahu: můžeme chtít oplotit jabloňový sad nejkratším možným plotem, nalézt k dané adrese nejbližší poštovní úřadovnu, nebo třeba naplánovat trasu robota trojrozměrnou budovou.

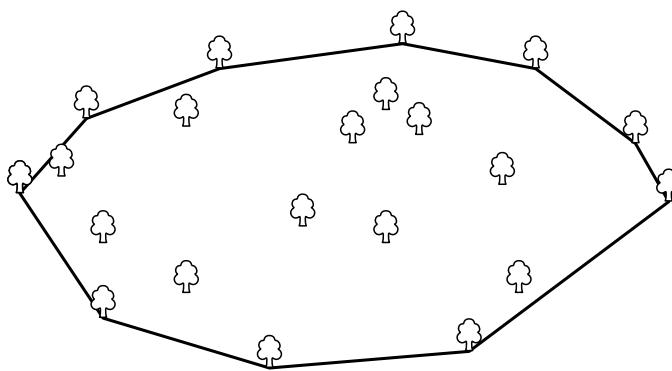
V této kapitole ukážeme několik základních způsobů, jak geometrické algoritmy navrhovat. Také uvidíme, jak je pak volbou vhodné datové struktury výrazně zrychlit. Soustředíme se přitom na problémy v rovině: ty jednorozměrné bývají triviální, vícerozměrné naopak mnohem náročnější.

16.1 Konvexní obal

Byl jest jednou jeden jabloňový sad. Každý podzim v něm dozrávala kulaťoučká červeňoučká jablíčka, tak dobrá, že je za nocí chodili otrhávat všichni tuláci z okolí. Majitel sadu chce, aby mu zbylo aspoň jedno jablíčko. Řekl si, že sad oplotí – postaví plot obklopující všechny jabloně. Chce přitom spotřebovat co nejméně pletiva.

Méně poeticky řečeno: Dostali jsme nějakou množinu n bodů v euklidovské rovině (jabloně). Chceme nalézt co nejkratší uzavřenou křivku (plot), která ohraničuje oblast, uvnitř níž leží všechny body.

Ukážeme, že oplocená oblast má mít tvar konvexního mnohoúhelníku, v jehož vrcholech budou některé ze zadaných bodů. Ostatní body budou ležet uvnitř mnohoúhelníku, případně na jeho hranách. Tomuto mnohoúhelníku se říká *konvexní obal* zadaných bodů. (Místy se budeme odvolávat na geometrickou intuici, trochu formálnější pohled najdete ve cvičeních 4 a 5.)

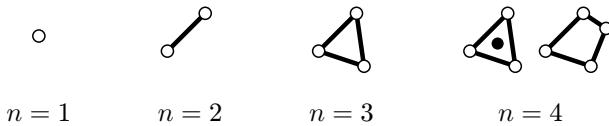


Obrázek 16.1: Ohrazený jabloňový sad

Naším úkolem tedy bude najít konvexní obal a vypsat na výstup jeho vrcholy tak, jak leží na hranici (budť po směru hodinových ručiček, nebo proti němu). Pro jednoduchost budeme konvexní obal říkat přímo tomuto seznamu vrcholů.

Prozatím budeme předpokládat, že všechny body mají různé x -ové souřadnice. Existuje tedy jednoznačně určený nejlevější a nejpravější bod a ty musí oba ležet na konvexním obalu. (Obecně se hodí geometrické problémy řešit nejdříve pro body, které jsou v nějakém vhodném smyslu *v obecné poloze*, a teprve pak se starat o speciální případy.)

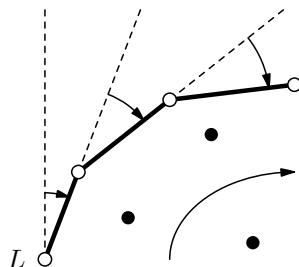
Nejprve se podíváme na případy s malým počtem bodů:



Jak to vypadá obecněji? Sledujme obrázek 16.2. Představíme si, že povedeme polopřímku z nejlevějšího bodu L směrem doleva a pak s ní budeme pomalu otáčet po směru hodinových ručiček. Zastavíme se v okamžiku, kdy polopřímka poprvé narazí na nějaký další bod X . Nalevo od polopřímky žádné další body neleží, takže úsečka LX musí být součástí konvexního obalu.

Nyní pokračujeme z bodu X dál. Vezmeme polopřímku ve směru té předchozí a opět s ní otáčíme, než narazíme na další bod. Tak sestrojíme další úsečku konvexního obalu. Pokračujeme, dokud se nevrátíme do bodu L . Všimneme si, že jsme sestrojili konvexní mnohoúhelník.

Tento postup připomíná namotávání provázku na špulku, proto se mu říká *provázkový algoritmus*. Není moc efektivní, ale evidentně funguje. Nyní najdeme rychlejší algoritmus.



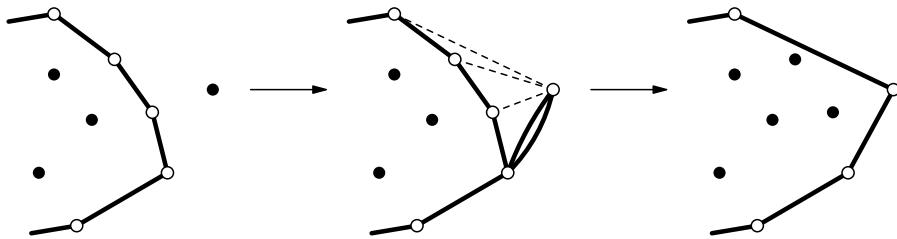
Obrázek 16.2: Provázkový algoritmus

Zametání roviny

Použijeme princip, kterému se obvykle říká *zametání roviny*. Budeme procházet rovinu zleva doprava („zametat ji přímkou“) a udržovat si konvexní obal těch bodů, které jsme už prošli.

Na počátku máme konvexní obal jednobodové množiny, což je samotný bod. Nechť tedy už známe konvexní obal prvních $k - 1$ bodů a chceme přidat k -tý bod. Ten určitě na novém konvexním obalu bude ležet (je nejpravější), ale jeho přidání k minulému obalu může způsobit, že hranice přestane být konvexní. To lze snadno napravit – stačí z hranice odebrat body po směru a proti směru hodinových ručiček, než opět bude konvexní.

Například na následujícím obrázku nemusíme po směru hodinových ručiček odebrat ani jeden bod, obal je v pořádku. Naopak proti směru ručiček musíme odstranit dokonce tři body.



Obrázek 16.3: Přidání bodu do konvexního obalu

Podle tohoto principu už snadno vytvoříme algoritmus. Aby se lépe popisoval, rozdělíme konvexní obal na *horní obálku* a *dolní obálku* – to jsou části, které vedou od nejlevějšího bodu k nejpravějšímu „horem“ a „spodem“.

Obě obálky jsou lomené čáry, navíc horní obálka pořád zatáčí doprava a dolní naopak doleva. Pro udržování bodů v obálkách stačí dva zásobníky. V k -tém kroku algoritmu přidáme k -tý bod zvlášť do horní i dolní obálky. Přidáním k -tého bodu se však může porušit směr, ve kterém obálka zatáčí. Proto budeme nejprve body z obálky odebrát a k -tý bod přidáme až ve chvíli, kdy jeho přidání směr zatáčení neporuší.

Algoritmus KONVEXNÍOBAL

1. Setřídíme body podle x -ové souřadnice, označíme je b_1, \dots, b_n .
2. Vložíme do horní a dolní obálky bod b_1 : $H \leftarrow D \leftarrow (b_1)$.
3. Pro každý další bod $b = b_2, \dots, b_n$:
4. Přepočítáme horní obálku:

5. Dokud $|H| \geq 2$, $H = (\dots, h_{k-1}, h_k)$ a úhel $h_{k-1}h_kb$ je orientovaný doleva:
6. Odebereme poslední bod h_k z obálky H .
7. Přidáme bod b na konec obálky H .
8. Symetricky přepočteme dolní obálku (s orientací doprava).
9. Výsledný obal je tvořen body v obálkách H a D .

Rozebereme časovou složitost algoritmu. Setřídit body podle x -ové souřadnice dokážeme v čase $\mathcal{O}(n \log n)$. Přidání dalšího bodu do obálek trvá lineárně vzhledem k počtu odebraných bodů. Zde využijeme obvyklý argument: Každý bod je odebrán nejvýše jednou, a tedy všechna odebrání trvají dohromady $\mathcal{O}(n)$. Konvexní obal dokážeme sestrojit v čase $\mathcal{O}(n \log n)$ a pokud bychom měli seznam bodů již utříděný, zvládneme to dokonce v $\mathcal{O}(n)$.

Zbývá dořešit případy, kdy body nejsou v obecné poloze. Pokud se to stane, představíme si, že všemi body nepatrн pootočíme. Tím se nezmění, které body leží na konvexním obalu, a x -ové souřadnice se již budou lišit. Pořadí otočených bodů podle x -ové souřadnice přitom odpovídá lexikografickému pořadí původních bodů (nejprve podle x , pak podle y). Takže stačí v našem algoritmu vyměnit třídění podle x za lexikografické.

Orientace úhlu a determinancy

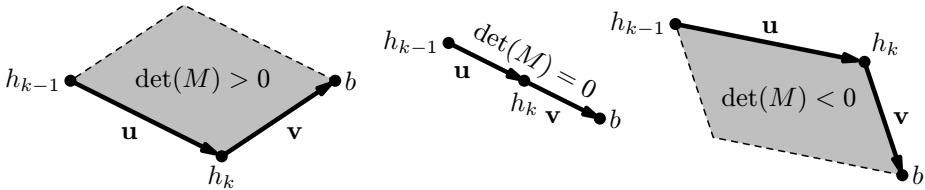
Při přepočítávání obálek jsme potřebovali testovat, zda je nějaký úhel orientovaný doleva nebo doprava. Jak na to? Ukážeme jednoduchý způsob založený na lineární algebře. Budou se k tomu hodit vlastnosti determinantu. Absolutní hodnota determinantu je objem rovnoběžnostěnu určeného rádkovými vektory matice. Důležitější však je, že znaménko determinantu určuje *orientaci* vektorů – zda je levotočivá či pravotočivá. Protože náš problém je rovinný, budeme používat determinancy matic 2×2 .

Uvažme souřadnicový systém v rovině, jehož x -ová souřadnice roste směrem doprava a y -ová směrem nahoru. Chceme zjistit orientaci úhlu $h_{k-1}h_kb$. Označme $\mathbf{u} = (x_1, y_1)$ rozdíl souřadnic bodů h_k a h_{k-1} a podobně $\mathbf{v} = (x_2, y_2)$ rozdíl souřadnic bodů b a h_k . Matici M definujeme následovně:

$$M = \begin{pmatrix} \mathbf{u} \\ \mathbf{v} \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} x_1 & y_1 \\ x_2 & y_2 \end{pmatrix}.$$

Úhel $h_{k-1}h_kb$ je orientován doleva, právě když $\det M = x_1y_2 - x_2y_1$ je nezáporný. Možné situace jsou nakresleny na obrázku 16.4.

Determinant přitom zvládneme spočítat v konstantním čase a pokud jsou souřadnice bodů celočíselné, vystačí si i tento výpočet s celými čísly. Poznamenejme, že k podobnému vzorci se lze také dostat přes vektorový součin vektorů \mathbf{u} a \mathbf{v} .



Obrázek 16.4: Jak vypadají determinanty různých znamének v rovině

Cvičení

1. Vyskytnou-li se na vstupu tři body na společné přímce, může náš algoritmus vydat konvexní obal, jehož některé vnitřní úhly jsou rovny 180° . Definice obalu to připouští, ale někdy to může být nepraktické. Upravte algoritmus, aby takové vrcholy z obalu vynechával.
2. *Barevné body:* V rovině je dána množina červených a množina zelených bodů. Sestrojte přímku, která obě množiny oddělí. Na jedné její straně tedy budou ležet všechny červené body, zatímco na druhé všechny zelené. Navrhněte algoritmus, který takovou přímku naleze. [N97]
3. *Dva ploty:* Všimněte si, že pokud bychom netrvali na tom, aby bylo na nich n jabloní oploceno jediným plotem, mohli bychom ušetřit pletivo. Sestrojte dva uzavřené ploty tak, aby každá jablotna byla oplocena a celkově jste spotřebovali nejméně pletiva.
4. Naznačíme, jak konvexní obal zavést formálně. Pamatujete si na lineární obaly ve vektorových prostorech? Lineární obal $\mathcal{L}(X)$ množiny vektorů X je průnik všech vektorových podprostorů, které tuto množinu obsahují. Ekvivalentně je to množina všech lineárních kombinací vektorů z X , tedy všech součtů tvaru $\sum_i \alpha_i x_i$, kde $x_i \in X$ a $\alpha_i \in \mathbb{R}$.

Podobně můžeme definovat *konvexní obal* $\mathcal{C}(X)$ jako průnik všech konvexních množin, které obsahují X . Konvexní je přitom taková množina, která pro každé dva body obsahuje i celou úsečku mezi nimi. Nyní uvažujme množinu všech *konvexních kombinací*, což jsou součty tvaru $\sum_i \alpha_i x_i$, kde $x_i \in X$, $\alpha_i \in [0, 1]$ a $\sum_i \alpha_i = 1$.

Jak vypadají konvexní kombinace pro 2-bodovou a 3-bodovou množinu X ? Dokažte, že obecně je množina všech konvexních kombinací vždy konvexní a že je rovna $\mathcal{C}(X)$. Pro konečnou X má navíc tvar konvexního mnahoúhelníku, dokonce se to někdy používá jako jeho definice.

- 5.* Hledejme mezi všemi mnahoúhelníky, které obsahují danou konečnou množinu bodů, ten, který má nejmenší obvod. Dokažte, že každý takový mnahoúhelník musí být

konvexní a navíc rovný konvexnímu obalu množiny. (Fyzikální analogie: do bodů zatlučeme hřebíky a natáhneme kolem nich gumičku. Ta zaujme stav o nejnižší energii, tedy nejkratší křivku. My zde nechceme zabíhat do matematické analýzy, takže se omezíme na lomené čáry.)

6. Může jít sestrojit konvexní obal rychleji než v $\Theta(n \log n)$? Nikoliv, alespoň pokud chceme body na konvexním obalu vypisovat v pořadí, v jakém se na jeho hranici nacházejí. Ukažte, že v takovém případě můžeme pomocí konstrukce konvexního obalu třídit reálná čísla. Nás dolní odhad složitosti třídění z oddílu 3.3 sice na tuto situaci nelze přímo použít, ale existuje silnější (a těžší) věta, z níž plyne, že i na třídění n reálných čísel je potřeba $\Omega(n \log n)$ operací. Dále viz oddíl 16.5. [N86]
7. Domyslete detailly provázkového algoritmu a ukažte, že jeho časová složitost je $\Theta(n^2)$. Pozor na to, že neumíme přesně počítat úhly, takže je lepší porovnávat směrnice přímek.

16.2 Průsečíky úseček

Nyní se zaměříme na další geometrický problém. Dostaneme n úseček a zajímá nás, které z nich se protínají a kde. Na první pohled na tom není nic zajímavého: n úseček může mít až $\Theta(n^2)$ průsečíků, takže i triviální algoritmus, který zkusí protnout každou úsečku s každou, bude optimální. V reálných situacích nicméně počet průsečíků bývá mnohem menší. Podobnou situaci jsme už potkali při vyhledávání v textu. Opět budeme hledat algoritmus, který má příznivou složitost nejen vzhledem k počtu bodů n , ale také k počtu průsečíků p .

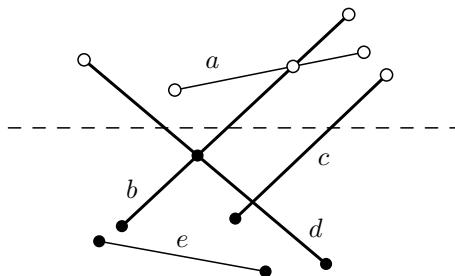
Pro začátek zase předpokládejme, že úsečky leží v obecné poloze. To tentokrát znamená, že žádné tři úsečky se neprotínají v jednom bodě, průnikem každých dvou úseček je nejvýše jeden bod, krajní bod žádné úsečky neleží na jiné úsečce, a konečně také neexistují vodorovné úsečky.

Podobně jako u hledání konvexního obalu, i zde využijeme myšlenku zametání roviny. Budeme posouvat vodorovnou přímkou odshora dolů, všímat si, jaké úsečky zrovna protínají zametací přímku a jaké mezi sebou mají průsečíky.

Namísto spojitého posouvání budeme přímkou skákat po *událostech*, což budou místa, kde se něco zajímavého děje: *začátky úseček, konce úseček a průsečíky úseček*. Pozice začátků a konců úseček známe předem, průsečíkové události budeme objevovat průběžně.

V každém kroku výpočtu si pamatujeme *průřez* P – posloupnost úseček zrovna protátych zametací přímkou. Tyto úsečky máme utříděné zleva doprava. Navíc si udržujeme *kalendář* K budoucích událostí.

V kalendáři jsou naplánovány všechny začátky a konce ležící pod zametací přímkou. Navíc se pro každou dvojici sousedních úseček v průřezu podíváme, zda se pod zametací přímkou protnou, a pokud ano, tak takový průsečík také naplánujeme. Všimněme si, že těsně předtím, než se dvě úsečky protnou, musí v průřezu sousedit, takže na žádný průsečík nezapomeneme. Jen pozor na to, že naplánované průsečíky musíme občas z kalendáře zase vymazat – mezi dvojici sousedních úseček se může dočasně vtěsnat třetí.



Obrázek 16.5: Průřez a události v kalendáři

Jak to vypadá, můžeme sledovat na obrázku 16.5: pro čárkovanou polohu zametací přímky leží v průřezu tučné úsečky. Kroužky odpovídají událostem: plné kroužky jsou naplánované, prázdné už nastaly. O průsečíku úseček c a d dosud nevíme, neboť se ještě nestaly sousedními.

Celý algoritmus bude vypadat následovně:

Algoritmus PRŮSEČÍKY (průsečíky úseček)

1. Inicializujeme průřez P na \emptyset .
2. Do kalendáře K vložíme začátky a konce všech úseček.
3. Dokud K není prázdný:
 4. Odebereme nejvyšší událost.
 5. Pokud je to začátek úsečky: zatřídíme novou úsečku do P .
 6. Pokud je to konec úsečky: odebereme úsečku z P .
 7. Pokud je to průsečík: nahlásíme ho a prohodíme úsečky v P .
 8. Přepočítáme naplánované průsečíkové události v okolí změny v P (nejvýše dvě odebereme a dvě nové přidáme).

Zbývá rozebrat, jaké datové struktury použijeme pro reprezentaci průřezu a kalendáře. S kalendářem je to snadné, ten můžeme uložit například do haldy nebo do vyhledávacího stromu. V každém okamžiku se v kalendáři nachází nejvýše $3n$ událostí: n začátků, n konců a n průsečíků. Proto operace s kalendářem stojí $\mathcal{O}(\log n)$.

Co potřebujeme dělat s průřezem? Vkládat a odebírat úsečky a při plánování průsečíkových událostí také hledat nejbližší další úsečku vlevo či vpravo od aktuální. Nabízí se využít vyhledávací strom. Jenže jako klíče v něm nemohou vystupovat přímo x -ové souřadnice úseček, respektive jejich průsečíků se zametací přímou. Ty se totiž při každém posunutí našeho „koštěte“ mohou všechny změnit.

Uložíme raději do vrcholů místo souřadnic jen odkazy na úsečky. Ty se nemění a mezi událostmi se nemění ani jejich pořadí. Kdykoliv pak operace se stromem navštíví nějaký vrchol, dopočítáme aktuální souřadnici úsečky a podle toho se rozhodneme, zda se vydat doleva, nebo doprava. Jelikož průřez vždy obsahuje nejvýše n úseček, operace se stromem budou trvat $\mathcal{O}(\log n)$.

Při vyhodnocování každé události provedeme $\mathcal{O}(1)$ operací s datovými strukturami, takže jednu událost zpracujeme v čase $\mathcal{O}(\log n)$. Všech $\mathcal{O}(n + p)$ událostí zpracujeme v čase $\mathcal{O}((n + p) \log n)$, což je také časová složitost celého algoritmu.

Na závěr poznamenejme, že existuje efektivnější, byť daleko komplikovanější, algoritmus od Bernarda Chazella dosahující časové složitosti $\mathcal{O}(n \log n + p)$.

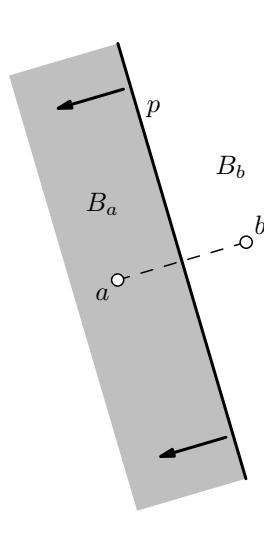
Cvičení

1. Tvrdí jsme, že n úseček může mít $\Theta(n^2)$ průsečíků. Najděte příklad.
2. Popište, jak algoritmus upravit, aby nepotřeboval předpoklad obecné polohy úseček. Především je potřeba v některých případech domyslet, co vůbec má být výstupem algoritmu.
3. Navrhněte algoritmus, který naleze nejdelší vodorovnou úsečku ležící uvnitř daného (ne nutně konvexního) mnohoúhelníku.
4. Je dána množina obdélníků, jejichž strany jsou rovnoběžné s osami souřadnic. Spočítejte obsah jejich sjednocení. [N71]
5. Jak zjistit, zda dva konvexní mnohoúhelníky jsou disjunktní? Mnohoúhelníky uvažujeme včetně vnitřku. Prozradíme, že to jde v lineárním čase.
- 6.* Pro dané dva mnohoúhelníky vypočtěte jejich průnik (to je obecně nějaká množina mnohoúhelníků). Nebo alespoň zjistěte, zda průnik je neprázdný.
7. Mějme množinu parabol tvaru $y = ax^2 + bx + c$, kde $a > 0$. Nalezněte všechny jejich průsečíky.
- 8.* Co když v předchozím cvičení dovolíme i $a < 0$?

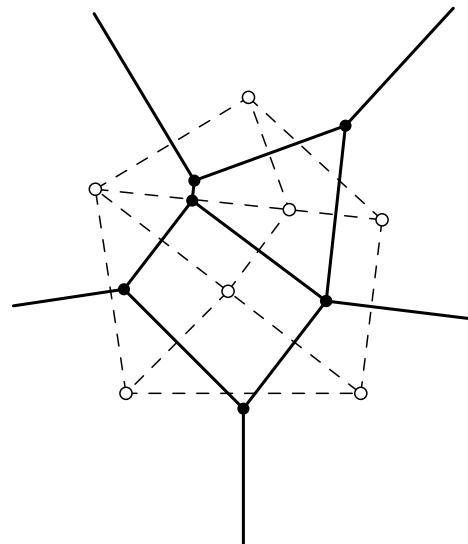
16.3 Voroného diagramy

V daleké Arktidě bydlí Eskymáci a lední medvědi.⁽¹⁾ A navzdory obecnému mínění se spolu přátelí. Představte si medvěda putujícího nezměrnou polární pustinou na cestě za nejbližším iglú, kam by mohl zajít na kus řeči a páru ryb. Proto se medvědovi hodí mít po ruce Voroného diagram Arktidy.

Definice: Voroného diagram⁽²⁾ pro množinu bodů neboli $místo x_1, \dots, x_n \in \mathbb{R}^2$ je systém oblastí $B_1, \dots, B_n \subseteq \mathbb{R}^2$, kde B_i obsahuje ty body roviny, jejichž vzdálenost od x_i je menší nebo rovna vzdálenostem od všech ostatních x_j .



Obrázek 16.6: Body bližší k a než b



Obrázek 16.7: Voroného diagram

Nahlédneme, že Voroného diagram má překvapivě jednoduchou strukturu. Nejprve uvažme, jak budou vypadat oblasti B_a a B_b pro dva body a a b (viz obrázek 16.6). Všechny body stejně vzdálené od a i b leží na přímce p – ose úsečky ab . Oblasti B_a a B_b jsou tedy tvořeny polorovinami ohraničenými osou p . Osa sama leží v obou oblastech.

⁽¹⁾ Ostatně, Arktida se podle medvědů (řecky ἄρκτος) přímo jmenuje. Jen ne podle těch ledních, nýbrž nebeských: daleko na severu se souhvězdí Velké medvědice vyjímá přímo v nadhlavníku.

⁽²⁾ Diagramy tohoto druhu zkoumal začátkem 20. století ruský matematik Georgij Voronoj. Dvojrozměrnou verzi nicméně znal už René Descartes v 17. století.

Nyní obecněji: Oblast B_i má obsahovat body, které mají k x_i blíže než k ostatním bodům. Musí být tedy tvořena průnikem $n - 1$ polorovin, takže je to (možná neomezený) konvexní mnahoúhelník. Příklad Voroného diagramu najdete na obrázku 16.7: zadaná místa jsou označena prázdnými kroužky, hranice oblastí B_i jsou vyznačeny plnými čarami.

Voroného diagram připomíná rovinné nakreslení grafu (viz oddíl A.5). Jeho vrcholy jsou body, které jsou stejně vzdálené od alespoň tří zadaných míst. Jeho stěny jsou oblasti B_i . Hrany jsou tvořeny částmi hranice mezi dvěma oblastmi – těmi body, které mají obě oblasti společné (to může být úsečka, polopřímka nebo přímka). Oproti rovinnému grafu nemusí stěny být omezené, ale pokud nám to vadí, můžeme celý diagram uzavřít do dostatečně velkého obdélníku.

Můžeme také sestrojit duální graf: jeho vrcholy budou odpovídat oblastem (nakreslíme je do jednotlivých míst), stěny vrcholům diagramu a hrany budou úsečky a polopřímky spojující místa v sousedních oblastech (přerušované čáry na obrázku). Každé dvě oblasti sousedí jen jednou úsečkou či polopřímkou, takže nevzniknou násobné hrany.

Lemma: Voroného diagram má lineární kombinatorickou složitost. Tím myslíme, že diagram pro n míst obsahuje $\mathcal{O}(n)$ vrcholů, hran i stěn.

Důkaz: Využijeme tvrzení o rovinných grafech z oddílu A.5, konkrétně Eulerovu formuli a horní odhad počtu hran. Diagram pro n míst má n oblastí, takže po „zavření do krabíčky“ vznikne rovinný graf o $f = n + 1$ stěnách (z toho jedna vnější). Jeho duál má $v' = f$ vrcholů, tudíž pro jeho počet hran musí platit $e' \leq 3v' - 6$. Hrany duálu nicméně odpovídají hranám původního grafu, kde tedy platí $e \leq 3f - 6 = 3n - 3$. Počet vrcholů odhadneme dosazením do Eulerovy formule: $v = e + 2 - f \leq (3n - 3) + 2 - (n + 1) = 2n - 2$. \square

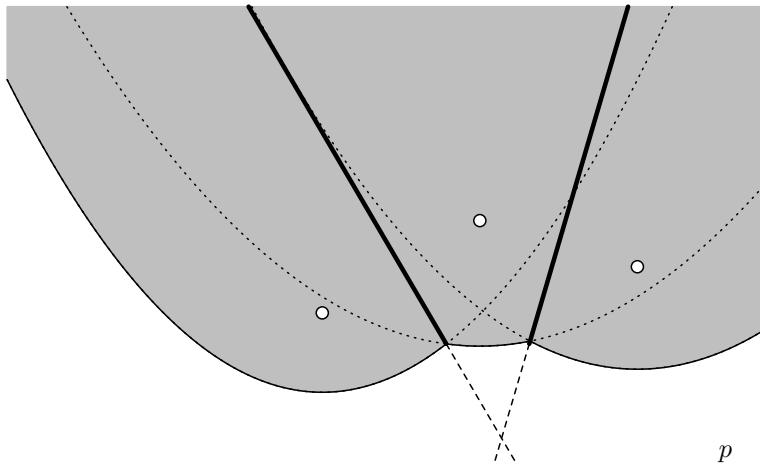
Voroného diagram pro n zadaných míst je tedy velký $\mathcal{O}(n)$. Nyní ukážeme, jak ho zkonstruovat v čase $\mathcal{O}(n \log n)$.

Fortunův algoritmus*

Situaci si zjednodušíme předpokladem obecné polohy: budeme očekávat, že žádné čtyři body neleží na společné kružnici. Vrcholy diagramu proto budou mít stupeň nejvýše 3.

Použijeme osvědčenou strategii zametání roviny přímkou shora dolů. Obvyklá představa, že nad přímou už máme vše hotové, ovšem selže: Pokud přímka narazí na nové místo, hotová část diagramu nad přímou se může poměrně složitě změnit. Pomůžeme si tak, že nebudeeme považovat za hotovou celou oblast nad zametací přímkou, nýbrž jen tu její část, která má blíž k některému z míst nad přímou než ke přímce. V této části se už to, co jsme sestrojili, nemůže přidáváním dalších bodů změnit.

Jak vypadá hranice hotové části? Body mající stejnou vzdálenost od bodu (ohniska) jako od řídicí přímky tvoří parabolu. Hranice tudíž musí být tvořena posloupností parabolic-



Obrázek 16.8: Linie pobřeží ohraničuje šedou oblast, v níž je diagram hotov

kých oblouků. Krajní dva oblouky jdou do nekonečna, ostatní jsou konečné. Vzhledem k charakteristickému tvaru budeme hranici říkat *pobřeží*.

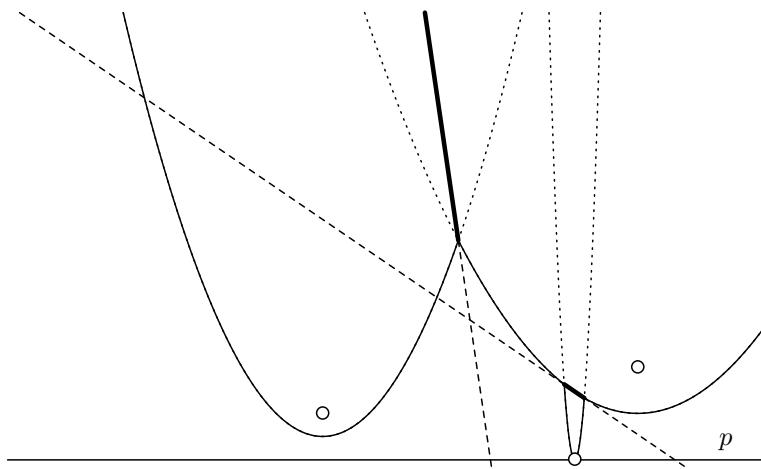
Posouváme-li zametací přímou, pobřeží se mění a průsečíky oblouků vykreslují hrany diagramu. Pro každý průsečík totiž platí, že je vzdálený od zametací přímky stejně jako od dvou různých míst. Tím pádem leží na hraně diagramu oddělující tato dvě místa.

Kdykoliv zametací přímka narazí na nějaké další místo, vznikne nová parabola, zprvu degenerovaná do polopřímky kolmé na zametací přímku. Této situaci říkáme *místní událost* a vidíme ji na obrázku 16.9. Pokračujeme-li v zametání, nová parabola se začne rozevírat a její průsečíky s původním pobřežím vykreslují novou hranu diagramu. Hrana se přitom rozšiřuje na obě strany a teprve časem se propojí s ostatními hranami.

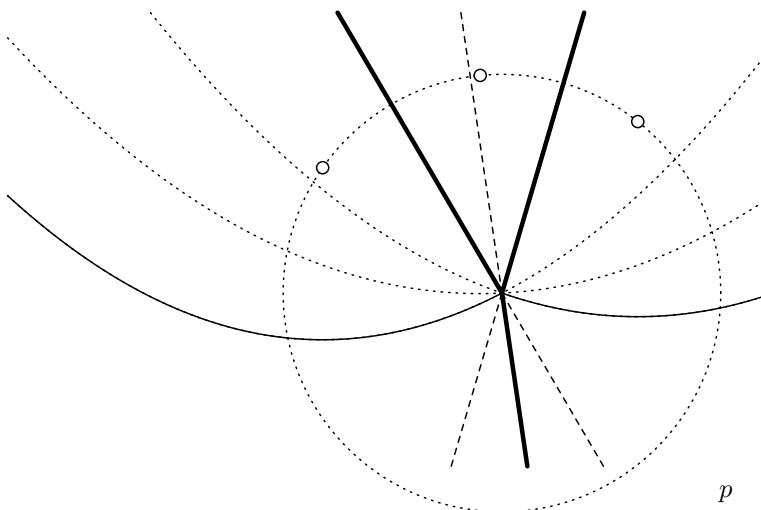
Mimo to se může stát, že nějaká parabola se rozevře natolik, že pohltí jiné a ty zmizí z pobřežní linie. Situaci sledujme na obrázku 16.10. Mějme nějaké tři paraboly jdoucí v pobřeží po sobě. Prostřední z nich je pohlcena v okamžiku, kdy se hrany vykreslované průsečíky parabol setkají v jednom bodě. Tento bod musí být stejně daleko od všech třech ohnisek, takže je středem kružnice opsané trojici ohnisek.

Kde je v tomto okamžiku zametací přímka? Musí být v takové poloze, aby střed kružnice právě vykoukl zpoza pobřeží. Jinými slovy musí být stejně daleko od středu, jako jsou ohniska, čili se kružnice dotýkat zespodu. Této situaci říkáme *kružnicová událost*.

— 16.3 Geometrické algoritmy – Voroného diagramy



Obrázek 16.9: Krátce po místní události: přibyla nová parabola, její průsečíky kreslí tutéž hranu diagramu do obou stran



Obrázek 16.10: Kružnicová událost: parabola se schovává pod dvě sousední, dvě hrany zanikají a jedna nová vzniká

Algoritmus proto bude udržovat nějaký kalendář událostí a vždy skákat zametací přímkou na následující událost. Místní události můžeme všechny naplánovat dopředu, kružnicové budeme plánovat (a přeplánovávat) průběžně, kdykoliv se pobřeží změní.

To je podobné algoritmu na průsečíky úseček a stejně tak budou podobné i datové struktury: kalendář si budeme uchovávat v haldě nebo vyhledávacím stromu, pobřeží ve vyhledávacím stromu s implicitními klíči: v každém vrcholu si uložíme ohniska dvou parabol, jejichž průsečíkem má vrchol být.

Poslední datovou strukturu bude samotný diagram, reprezentovaný grafem se souřadnicemi a vazbami hran na průsečíky v pobřeží.

Algoritmus FORTUNE

1. Vytvoříme kalendář K a vložíme do něj všechny místní události.
2. Založíme prázdnou pobřežní linii P .
3. Dokud kalendář není prázdný:
 4. Odebereme další událost.
 5. Je-li to místní událost:
 6. Najdeme v P parabolu podle x -ové souřadnice místa.
 7. Rozdělíme ji a mezi její části vložíme novou parabolu.
 8. Do diagramu zaznamenáme novou hranu, která zatím není nikam připojena.
 9. Je-li to kružnicová událost:
 10. Smažeme parabolu z P .
 11. Do diagramu zaznamenáme vrchol, v němž dvě hrany končí a jedna začíná.
 12. Po změně pobřeží přepočítáme kružnicové události ($\mathcal{O}(1)$ jich zanikne, $\mathcal{O}(1)$ vznikne).

Věta: Fortunův algoritmus pracuje v čase $\mathcal{O}(n \log n)$ a prostoru $\mathcal{O}(n)$.

Důkaz: Celkově nastane n místních událostí (na každé místo narazíme právě jednou) a n kružnicových (kružnicová událost smaže jednu parabolu z pobřeží a ty přibývají pouze při místních událostech). Z toho plyne, že kalendář i pobřežní linie jsou velké $\mathcal{O}(n)$, takže pracují v čase $\mathcal{O}(\log n)$ na operaci. Jednu událost proto naplánujeme i obsloužíme v čase $\mathcal{O}(\log n)$, což celkem dává $\mathcal{O}(n \log n)$. \square

Cvičení

1. Dokažte, že sestrojíme-li konvexní obal množiny míst, prochází každou jeho hranou právě jedna nekonečná hrana Voroného diagramu.

2. Vymyslete, jak algoritmus upravit, aby nepotřeboval předpoklad obecné polohy.
- 3.* *Navigace robota:* Mějme kruhového robota, který se pohybuje mezi bodovými překážkami v rovině. Jak zjistit, zda se robot může dostat z jednoho místa na druhé? Rozmyslete si, že stačí uvažovat cesty po hranách Voroného diagramu. Jen je potřeba dořešit, jak se z počátečního bodu dostat na diagram a na konci zase zpět.
- 4.* *Delaunayova triangulace* (popsal ji Boris Děloné, ale jeho jméno obvykle potkáváme v pofrancouzštěné podobě) je duálním grafem Voroného diagramu, na obrázku 16.7 je vyznačena čárkovaně. Vznikne tak, že spojíme úsečkami místa, jejichž oblasti ve Voroného diagramu sousedí. Dokažte, že žádné dvě vybrané úsečky se nekříží a že pokud žádná čtyři místa neleží na společné kružnici, jedná se o rozklad vnitřku konvexního obalu míst na trojúhelníky. Může se hodit, že úsečka mezi místy a a b je vybraná právě tehdy, když kružnice s průměrem ab neobsahuje žádná další místa.
- 5.* *Euklidovská minimální kostra:* Představte si, že chceme pospojovat zadaná místa systémem úseček tak, aby se dalo dostat odkudkoliv kamkoliv a celková délka úseček byla nejmenší možná. Hledáme tedy minimální kostru úplného grafu, jehož vrcholy jsou místa a délky hran odpovídají euklidovským vzdálenostem. Můžeme použít libovolný algoritmus z kapitoly 7, ale musíme zpracovat kvadraticky mnoho hran. Dokažte, že hledaná kostra je podgrafem Delaunayovy triangulace, takže stačí zkoumat lineárně mnoho hran.
- 6.** *Obecnější Voroného diagram:* Jak by to dopadlo, kdyby místa nebyla jen bodová, ale mohly by to být i úsečky? Dokažte, že v takovém případě diagram opět tvoří rovinný graf, ovšem jeho hrany jsou kromě úseček tvořeny i parabolickými oblouky. Dokázali byste upravit Fortunův algoritmus, aby fungoval i pro tyto diagramy?

16.4 Lokalizace bodu

Pokračujme v problému z minulého oddílu. Máme nějakou množinu *míst* v rovině a chceme umět pro libovolný bod nalézt nejbližší místo (pokud jich je více, stačí libovolné jedno). To už umíme převést na nalezení oblasti ve Voroného diagramu, do které zadaný bod padne.

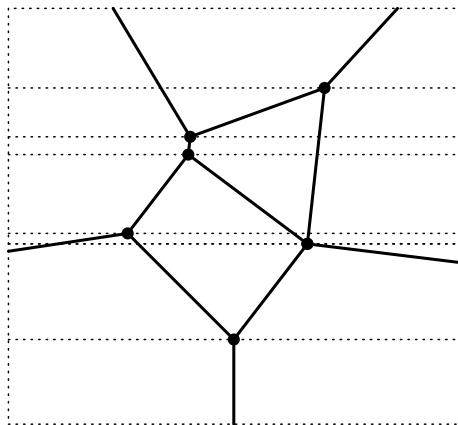
Chceme tedy pro nějaký rozklad roviny na mnohoúhelníkové oblasti vybudovat datovou strukturu, která pro libovolný bod rychle odpoví, do jaké oblasti patří. Tomuto problému se říká *lokalizace bodu*.

Začneme primitivním řešením bez předzpracování. Rovinu zametáme shora dolů vodorovnou přímkou, podobně jako při hledání průsečíků úseček. Udržujeme si průřez hranic oblastí zametačí přímkou. Tento průřez se mění jenom ve vrcholech mnohoúhelníků. Ve chvíli, kdy narazíme na hledaný bod, podíváme se, do kterého intervalu mezi hranicemi

v průřezu patří. Tento interval odpovídá jedné oblasti, kterou nahlásíme. Kalendář událostí i průřez opět ukládáme do vyhledávacích stromů, jednu událost obsloužíme v $\mathcal{O}(\log n)$ a celý algoritmus běží v $\mathcal{O}(n \log n)$.

To je obludeň pomalé, dokonce pomalejší než pokaždé projít všechny oblasti a pro každou zjistit, zda v ní zadaný bod leží. Ale i z ošklivé housenky se může vyklubat krásný motýl ...

Zavedeme předzpracování. Zametání oblastí necháme běžet „naprázdno“, aniž bychom hledali konkrétní bod. Rovinu rozřežeme polohami zametací přímky při jednotlivých událostech na pásy. Pro každý pás si zapamatujeme kopii průřezu (ten se uvnitř pásu nemění) a navíc si uložíme y -ové souřadnice hranic pásů. Nyní na vyhodnocení dotazu stačí najít podle y -ové souřadnice správný pás (což jistě zvládneme v logaritmickém čase) a poté položit dotaz na zapamatovaný průřez pro tento pás.



Obrázek 16.11: Oblasti rozřezané na pásy

Dotaz dokážeme zodpovědět v čase $\mathcal{O}(\log n)$, ovšem předvýpočet vyžaduje čas $\Theta(n^2)$ na zkopírování všech n stromů a spotřebuje na to stejně množství prostoru.

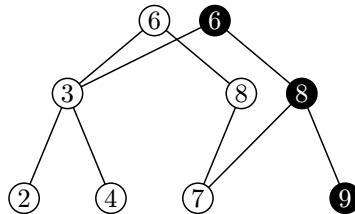
Persistentní vyhledávací stromy

Složitost předvýpočtu zachráníme tím, že si pořídíme *persistentní vyhledávací strom*. Ten si pamatuje historii všech svých změn a umí vyhledávat nejen v aktuálním stavu, ale i ve všech stavech z minulosti. Přesněji řečeno, po každé operaci, která mění stav stromu, vznikne nová verze stromu a operace pro dotazy dostanou jako další parametr identifikátor verze, ve které mají hledat. Upravovat lze vždy jen nejnovější verzi.

Předvýpočet tedy bude udržovat průřez v persistentním stromu a místo aby ho v každém pásu zkopioval, jen si zapamatuje identifikátor verze, která k pásu patří.

Popíšeme jednu z možných konstrukcí persistentního stromu. Uvažujme obyčejný vyhledávací strom, řekněme AVL strom. Rozhodneme se ale, že jeho vrcholy nikdy nebudeme měnit, abychom neporušili zaznamenanou historii. Místo toho si pořídíme kopii vrcholu a tu změníme. Musíme ovšem změnit ukazatel na daný vrchol, aby ukazoval na kopii. Proto zkopírujeme i otce a upravíme v něm ukazatel. Tím pádem musíme upravit i ukazatel na otce, atd., až se dostaneme do kořene. Kopie kořene se pak stane identifikátorem nové verze.

Strom nové verze tedy obsahuje novou cestu mezi kořenem a upravovaným vrcholem. Tato cesta se odkazuje na podstromy z minulé verze. Uchování jedné verze nás proto strojí čas $\mathcal{O}(\log n)$ a prostor také $\mathcal{O}(\log n)$. Ještě nesmíme zapomenout, že po každé operaci následuje vyvážení stromu. To ovšem upravuje pouze vrcholy, které leží v konstantní vzdálenosti od cesty mezi místem úpravy a kořenem, takže jejich zkopirováním časovou ani prostorovou složitost nezhoršíme.



Obrázek 16.12: Vložení prvku 9 do persistentního stromu

Na předzpracování Voroného diagramu a vytvoření persistentního stromu tedy spotrebujeme čas $\mathcal{O}(n \log n)$. Strom spotřebuje paměť $\mathcal{O}(n \log n)$. Dotazy vyřizujeme v čase $\mathcal{O}(\log n)$, neboť nejprve vyhledáme správný pás a poté položíme dotaz na příslušnou verzi stromu.

Poznámka: Persistence datových struktur je přirozená pro striktní funkcionální programovací jazyky (například Haskell). V nich neexistují vedlejší efekty příkazů, takže jednou sestrojená data již nelze modifikovat, pouze vyrobit novou verzi datové struktury s provedenou změnou.

Persistence v konstantním prostoru na verzi*

Spotřeba paměti $\Theta(\log n)$ na uložení jedné verze je zbytečně vysoká. Existuje o něco chytřejší konstrukce persistentního stromu, které stačí konstantní paměť, tedy alespoň amortizovaně. Nastíníme, jak funguje.

Nejprve si pořídíme vyhledávací strom, který při každém vložení nebo smazání prvku provede jen amortizovaně konstantní počet *strukturálních změn* (to jsou změny hodnot a ukazatelů, zkrátka všeho, podle čeho se řídí vyhledávání, a co je tudíž potřeba verzovat; změna znaménka uloženého ve vrcholu AVL-stromu tedy strukturální není). Tuto vlastnost mají třeba (2,4)-stromy (viz cvičení 9.3.7) nebo některé varianty červeno-černých stromů.

Nyní ukážeme, jak jednu strukturální změnu zaznamenat v amortizovaně konstantním prostoru. Každý vrchol stromu si tentokrát bude pamatovat až dvě své verze (spolu s časy jejich vzniku). Při průchodu od kořene porovnáme čas vzniku těchto verzí s aktuálním časem a vybereme si správnou verzi. Pokud potřebujeme zaznamenat novou verzi vrcholu, buďto na ni ve vrcholu ještě je místo, nebo není a v takovém případě vrchol zkopiujeme, což vynutí změnu ukazatele v rodiči, a tedy i vytvoření nové verze rodiče, atd. až případně do kořene. Identifikátorem verze celé datové struktury bude ukazatel na aktuální kopii kořene spolu s časem vzniku verze.

Chod struktury si můžeme představovat tak, že stejně jako v předchozí verzi persistentních stromů propagujeme změny směrem ke kořeni, ale tentokrát se tempo propagování exponenciálně zmenšuje: Změna vrcholu způsobí zkopirování, a tím pádem změnu otce, průměrně v každém druhém případě. Počet všech změn tedy tvoří geometrickou řadu s konstantním součtem. Exaktněji řečeno:

Věta: Uchování jedné strukturální změny stojí amortizovaně konstantní čas i prostor.

Důkaz: Každé vytvoření verze vrcholu stojí konstantní čas a prostor. Jedna operace může v nejhorším případě způsobit vznik nových verzí všech vrcholů až do kořene, ale jednoduchým potenciálovým argumentem lze dokázat, že počet všech vzniklých verzí bude amortizovaně konstantní.

Potenciál struktury definujeme jako počet verzí uchovaných ve všech vrcholech dosažitelných z aktuálního kořene v aktuálním čase. V klidovém stavu struktury jsou ve vrcholu nejvýš dvě verze, během aktualizace dočasně připustíme tři verze.

Strukturální změna způsobí zaznamenání nové verze jednoho vrcholu, což potenciál zvýší o 1, ale možná tím vznikne „tříverzový“ vrchol. Zbytek algoritmu se tříverzových vrcholů snaží zbavit: pokaždé vezme vrchol se 3 verzemi, vytvoří jeho kopii s 1 verzí a upraví ukazatel v otci, čímž přibude nová verze otce. Originálnímu vrcholu zůstanou 2 verze, ale přestane být dosažitelný, takže se už do potenciálu nepočítá.

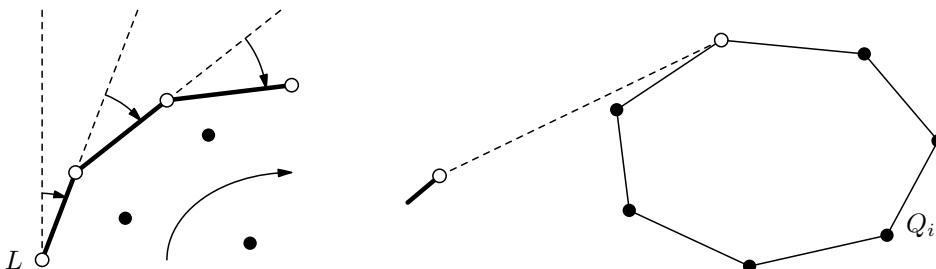
Potenciál tím klesne o 3 (za odpojený originál), zvýší se o 1 (za nově vytvořenou kopii s jednou verzí) a poté ještě o 1 (za novou verzi otce). Celkově tedy klesne o 1. Proto veškeré kopírování vrcholů zaplatíme z konstantního příspěvku od každé strukturální změny. □

Důsledek: Existuje persistentní vyhledávací strom s časem amortizovaně $\mathcal{O}(\log n)$ na operaci a prostorem amortizovaně $\mathcal{O}(1)$ na uložení jedné verze. Pomocí něj lze v čase $\mathcal{O}(n \log n)$ vybudovat datovou strukturu pro lokalizaci bodu, která odpovídá na dotazy v čase $\mathcal{O}(\log n)$ a zabere prostor $\mathcal{O}(n)$.

16.5* Rychlejší algoritmus na konvexní obal

Konvexním obalem naše putování po geometrických algoritmech začalo a také jím skončí. Našli jsme algoritmus pro výpočet konvexního obalu n bodů v čase $\Theta(n \log n)$. Ve cvičení 16.1.6 jsme dokonce dokázali, že tato časová složitost je optimální. Přesto předvedeme ještě rychlejší algoritmus objevený v roce 1996 Timothym Chanem. S naším důkazem optimality je nicméně všechno v pořádku: časová složitost Chanova algoritmu dosahuje $\mathcal{O}(n \log h)$, kde h značí počet bodů ležících na konvexním obalu.

Předpokládejme, že bychom znali velikost konvexního obalu h . Body libovolně rozdělíme do $\lceil n/h \rceil$ množin Q_1, \dots, Q_k tak, aby v každé množině bylo nejvýše h bodů. Pro každou z těchto množin nalezneme konvexní obal pomocí obvyklého algoritmu. To dokážeme pro jednu množinu v čase $\mathcal{O}(h \log h)$ a pro všechny v $\mathcal{O}(n \log h)$. Poté tyto předpočítané obaly slepíme do jednoho pomocí provázkového algoritmu.



Obrázek 16.1.3: Provázkový algoritmus
a jeho použití v předpočítaném obalu

Provázkový algoritmus ovšem běží v časem $\mathcal{O}(nh)$, což je příliš pomalé. Zrychlíme ho pomocí předpočítaných konvexních obalů. Ty umožní rychleji hledat následující bod. Pro každou z množin Q_i najdeme zvlášť kandidáta a poté z nich vybereme toho nejlepšího. Možný kandidát vždy leží na konvexním obalu množiny Q_i . Využijeme toho, že body obalu jsou „usporádané“, i když trochu netypicky do kruhu. Kandidáta můžeme hledat metodou půlení intervalu, jen detaily jsou malíčko složitější, než je obvyklé. Jak půlit, zjistíme podle směru zatačení konvexního obalu. Zbytek ponechme jako cvičení.

Časová složitost půlení je $\mathcal{O}(\log h)$ pro jednu množinu. Množin je $\mathcal{O}(n/h)$, tedy následující bod konvexního obalu nalezneme v čase $\mathcal{O}(n/h \cdot \log h)$. Všech h bodů obalu nalezneme ve slibovaném čase $\mathcal{O}(n \log h)$.

Popsanému algoritmu schází jedna důležitá věc: Ve skutečnosti málokdy známe velikost h . Budeme proto algoritmus iterovat s rostoucí hodnotou h , dokud konvexní obal nesestrojíme. Pokud při slepování konvexních obalů zjistíme, že konvexní obal je větší než h , výpočet ukončíme. Zbývá ještě zvolit, jak rychle má h růst. Pokud by rostlo moc pomalu, budeme počítat zbytečně mnoho fází, naopak při rychlém růstu by nás poslední fáze mohla stát příliš mnoho.

V k -té fázi položíme $h = 2^{2^k}$. Dostáváme celkovou složitost algoritmu:

$$\sum_{m=0}^{\lceil \log \log h \rceil} \mathcal{O}(n \log 2^{2^m}) = \sum_{m=0}^{\lceil \log \log h \rceil} \mathcal{O}(n \cdot 2^m) = \mathcal{O}(n \log h),$$

kde poslední rovnost dostaneme jako součet prvních $\lceil \log \log h \rceil$ členů geometrické řady $\sum_m 2^m$.

Cvičení

1. Domyslete detaily hledání kandidáta „kruhovým“ půlením intervalu.

16.6 Další cvičení

1. Navrhněte algoritmus pro výpočet obsahu konvexního mnohoúhelníku. Mnohoúhelník je zadán seznamem souřadnic vrcholů tak, jak jdou po obvodu ve směru hodinových ručiček.
- 2.* Navrhněte algoritmus pro výpočet obsahu nekonvexního mnohoúhelníku. Vrcholy jsou zadány v pořadí, jak následují na obvodu. Prozradíme, že to stále jde v lineárním čase.
3. Jak o množině bodů v rovině zjistit, zda je středově symetrická?
- 4.* Je dána množina bodů v rovině. Rozložte ji na dvě disjunktní středově symetrické množiny, je-li to možné.
5. Jak k dané množině bodů v rovině najít obdélník s nejmenším možným obvodem, který obsahuje všechny dané body? Obdélník nemusí mít strany rovnoběžné s osami.
6. Vymyslete datovou strukturu, která bude udržovat konvexní obal množiny bodů a bude ho umět rychle přepočítat po přidání bodu do množiny.

7. Je dána množina obdélníků, jejichž strany jsou rovnoběžné s osami souřadnic. Vybudujte datovou strukturu, která bude umět rychle odpovídat na dotazy typu „v kolika obdélnících leží zadaný bod?“.
8. Je dán konvexní mnohoúhelník. Vybudujte datovou strukturu, která bude umět rychle hledat průsečíky se zadanou přímkou. [N60]
- 9.* Je dána lomená čára. Vybudujte datovou strukturu, která umí rychle zjišťovat, zda se čára protíná se zadanou přímkou. Umíte vyjmenovat všechny průsečíky? [N109]
- 10.* Je dána množina bodů v rovině. Vybudujte datovou strukturu, která pro zadaný obdélník rychle spočítá, kolik bodů v něm leží. [N89]

17 Fourierova transformace

17 Fourierova transformace

Co má společného násobení polynomů s kompresí zvuku? Nebo třeba s rozpoznáváním obrazu? V této kapitole ukážeme, že na pozadí všech těchto otázek je společná algebraická struktura, kterou matematici znají pod názvem *diskrétní Fourierova transformace*. Odvodíme efektivní algoritmus pro výpočet této transformace a ukážeme některé jeho zajímavé důsledky.

17.1 Polynomy a jejich násobení

Nejprve stručně připomeňme, jak se pracuje s polynomy.

Definice: *Polynom* je výraz typu

$$P(x) = \sum_{i=0}^{n-1} p_i \cdot x^i,$$

kde x je proměnná a p_0 až p_{n-1} jsou čísla, kterým říkáme *koeficienty* polynomu. Zde budeme značit polynomy velkými písmeny a jejich koeficienty příslušnými malými písmeny s indexy. Zatím budeme předpokládat, že všechna čísla jsou reálná, v obecnosti by to mohly být prvky libovolného komutativního okruhu.

V algoritmech obvykle polynomy reprezentujeme *vektorem koeficientů* (p_0, \dots, p_{n-1}) ; oproti zvyklostem lineární algebry budeme složky vektorů v celé této kapitole indexovat od 0. Počtu koeficientů n budeme říkat *velikost polynomu* $|P|$. Časovou složitost algoritmu budeme vyjadřovat vzhledem k velikostem polynomů zadávaných na vstupu. Budeme předpokládat, že s reálnými čísly umíme pracovat v konstantním čase na operaci.

Pokud přidáme nový koeficient $p_n = 0$, hodnota polynomu se pro žádné x nezmění. Stejně tak je-li nejvyšší koeficient p_{n-1} nulový, můžeme ho vynechat. Takto můžeme každý polynom zmenšit na *normální tvar*, v němž má buďto nenulový nejvyšší koeficient, nebo nemá vůbec žádné koeficienty – to je takzvaný *nulový polynom*, který je pro každé x roven nule. Nejvyšší mocnině s nenulovým koeficientem se říká *stupeň polynomu* $\deg P$, nulovému polynomu přiřazujeme stupeň -1 .

S polynomy zacházíme jako s výrazy. Sčítání a odečítání je přímočaré, ale podívejme se, co se děje při *násobení*:

$$P(x) \cdot Q(x) = \left(\sum_{i=0}^{n-1} p_i \cdot x^i \right) \cdot \left(\sum_{j=0}^{m-1} q_j \cdot x^j \right) = \sum_{i,j} p_i q_j x^{i+j}.$$

Tento součin můžeme zapsat jako polynom $R(x)$, jehož koeficient u x^k je roven $r_k = p_0q_k + p_1q_{k-1} + \dots + p_kq_0$. Nahlédneme, že polynom R má stupeň $\deg P + \deg Q$ a velikost $|P| + |Q| - 1$.

Algoritmus, který počítá součin dvou polynomů velikosti n přímo podle definice, proto spotřebuje čas $\Theta(n)$ na výpočet každého koeficientu, takže celkem $\Theta(n^2)$. Podobně jako u násobení čísel, i zde se budeme snažit najít efektivnější způsob.

Grafy polynomů

Odbočme na chvíli a uvažujme, kdy dva polynomy považujeme za stejné. Na to se dá nahlížet více způsoby. Buďto se na polynomy můžeme dívat jako na výrazy a porovnávat jejich symbolické zápis. Pak jsou si dva polynomy rovny právě tehdy, mají-li po normalizaci stejné vektory koeficientů. Tehdy říkáme, že jsou *identické* a obvykle to značíme $P \equiv Q$.

Nebo můžeme porovnávat polynomy jako reálné funkce. Polynomy P a Q jsou si rovny ($P = Q$) právě tehdy, je-li $P(x) = Q(x)$ pro všechna $x \in \mathbb{R}$. Identicky rovné polynomy si jsou rovny i jako funkce, ale musí to platit i naopak? Následující věta ukáže, že ano, a že dokonce stačí rovnost ověřit pro konečný počet x .

Věta: Budě P a Q polynomy stupně nejvýše d . Pokud platí $P(x_i) = Q(x_i)$ pro navzájem různá čísla x_0, \dots, x_d , pak P a Q jsou identické.

Důkaz: Připomeňme nejprve následující klasické lemma o kořenech polynomů:

Lemma: Polynom R stupně $t \geq 0$ má nejvýše t kořenů (čísel α , pro něž je $R(\alpha) = 0$).

Důkaz: Pokud vydělíme polynom R polynomem $x - \alpha$ (viz cvičení 1), dostaneme $R(x) \equiv (x - \alpha) \cdot R'(x) + \beta$, kde R' je polynom stupně $t - 1$ a β je konstanta. Je-li α kořenem R , musí být $\beta = 0$, takže $R(x) \equiv (x - \alpha) \cdot R'(x)$.

Úplně stejně pokračujeme s R' , až získáme $R(x) = (x - \alpha_1) \cdot \dots \cdot (x - \alpha_k) \cdot R''(x)$, kde $R''(x)$ nemá žádné kořeny. Všechny kořeny polynomu R jsou tedy čísla $\alpha_1, \dots, \alpha_k$. Pravá strana rovnosti má ovšem stupeň aspoň k , takže aby se mohla rovnat R , musí být $k \leq t$. \square

Abychom dokázali větu, stačí uvážit polynom $R(x) \equiv P(x) - Q(x)$. Tento polynom má stupeň nejvýše d , ovšem každé z čísel x_0, \dots, x_d je jeho kořenem. Podle lemmatu musí tedy být identicky nulový, a proto $P \equiv Q$. \square

Díky předchozí větě můžeme polynomy reprezentovat nejen vektorem koeficientů, ale také vektorem funkčních hodnot v nějakých smluvných bodech – tomuto vektoru budeme

říkat *graf polynomu*. Pokud zvolíme dostatečně mnoho bodů, je polynom svým grafem jednoznačně určen.

V této reprezentaci je násobení polynomů triviální: Součin polynomů P a Q má v bodě x hodnotu $P(x) \cdot Q(x)$. Stačí tedy grafy vynásobit po složkách, což zvládneme v lineárním čase. Jen je potřeba dát pozor na to, že součin má vyšší stupeň než jednotliví činitelé, takže musíme polynomy vyhodnocovat ve dvojnásobném počtu bodů.

Algoritmus NÁSOBENÍ POLYNOMŮ

1. Jsou dány polynomy P a Q velikosti n , určené svými koeficienty. Bez újmy na obecnosti předpokládejme, že horních $n/2$ koeficientů je u obou polynomů nulových, takže součin $R \equiv P \cdot Q$ bude také polynom velikosti n .
2. Zvolíme navzájem různá čísla x_0, \dots, x_{n-1} .
3. Spočítáme grafy polynomů P a Q , čili vektory $(P(x_0), \dots, P(x_{n-1}))$ a $(Q(x_0), \dots, Q(x_{n-1}))$.
4. Z toho vypočteme graf součinu R vynásobením po složkách:

$$R(x_i) = P(x_i) \cdot Q(x_i).$$
5. Nalezneme koeficienty polynomu R tak, aby odpovídaly grafu.

Krok 4 trvá $\Theta(n)$, takže rychlosť celého algoritmu stojí a padá s efektivitou převodů mezi koeficientovou a hodnotovou reprezentací polynomů. To obecně neumíme v lepším než kvadratickém čase, ale zde máme možnost volby bodů x_0, \dots, x_{n-1} , takže si je zvolíme tak šikovně, aby převod šel provést rychle.

Vyhodnocení polynomu metodou Rozděl a panuj

Nyní se pokusíme sestrojit algoritmus pro vyhodnocení polynomu založený na metodě Rozděl a panuj. Sice tento pokus nakonec selže, ale bude poučné podívat se, proč a jak selhal.

Uvažujme polynom P velikosti n , který chceme vyhodnotit v n bodech. Body si zvolíme tak, aby byly *spárovány*, tedy aby tvořily dvojice lišící se pouze znaménkem:

$$\pm x_0, \pm x_1, \dots, \pm x_{n/2-1}.$$

Polynom P můžeme rozložit na členy se sudými exponenty a na ty s lichými:

$$P(x) = (p_0x^0 + p_2x^2 + \dots + p_{n-2}x^{n-2}) + (p_1x^1 + p_3x^3 + \dots + p_{n-1}x^{n-1}).$$

Navíc můžeme z druhé závorky vytknout x :

$$P(x) = (p_0x^0 + p_2x^2 + \dots + p_{n-2}x^{n-2}) + x \cdot (p_1x^1 + p_3x^3 + \dots + p_{n-1}x^{n-1}).$$

V obou závorkách se nyní vyskytují pouze sudé mocniny x . Proto můžeme každou závorku považovat za vyhodnocení nějakého polynomu velikosti $n/2$ v bodě x^2 , tedy:

$$P(x) = P_s(x^2) + x \cdot P_\ell(x^2),$$

kde:

$$\begin{aligned} P_s(t) &= p_0 t^0 + p_2 t^1 + \dots + p_{n-2} t^{\frac{n-2}{2}}, \\ P_\ell(t) &= p_1 t^0 + p_3 t^1 + \dots + p_{n-1} t^{\frac{n-2}{2}}. \end{aligned}$$

Navíc pokud podobným způsobem dosadíme do P hodnotu $-x$, dostaneme:

$$P(-x) = P_s(x^2) - x \cdot P_\ell(x^2).$$

Vyhodnocení polynomu P v bodech $\pm x_0, \dots, \pm x_{n/2-1}$ tedy můžeme převést na vyhodnocení polynomů P_s a P_ℓ poloviční velikosti v bodech $x_0^2, \dots, x_{n/2-1}^2$.

To naznačuje algoritmus s časovou složitostí $T(n) = 2T(n/2) + \Theta(n)$ a z Kuchařkové věty víme, že taková rekurence má řešení $T(n) = \Theta(n \log n)$. Jenže ouvej, tento algoritmus nefunguje: druhé mocniny, které předáme rekurzivnímu volání, jsou vždy nezáporné, takže už nemohou být správně spárované. Tedy ... alespoň dokud počítáme s reálnými čísly.

Ukážeme, že v oboru komplexních čísel už můžeme zvolit body, které budou správně spárované i po několikerém umocnění na druhou.

Cvičení

- Odvodte dělení polynomů se zbytkem: Jsou-li P a Q polynomy a $\deg Q > 0$, pak existují polynomy R a S takové, že $P \equiv QR + S$ a $\deg S < \deg Q$. Zkuste pro toto dělení nalézt co nejefektivnější algoritmus.
- Převod grafu na polynom v obecném případě: Hledáme polynom stupně nejvýše n , který prochází body $(x_0, y_0), \dots, (x_n, y_n)$ pro x_i navzájem různá. Pomůže *Lagrangeova interpolace*: definujme polynomy

$$A_j(x) = \prod_{k \neq j} (x - x_k), \quad B_j(x) = \frac{A_j(x)}{\prod_{k \neq j} (x_j - x_k)}, \quad P(x) = \sum_j y_j B_j(x).$$

Dokažte, že $\deg P \leq n$ a $P(x_j) = y_j$ pro všechna j . K tomu pomůže rozmyslet si, jak vyjde $A_j(x_k)$ a $B_j(x_k)$.

- Sestrojte co nejrychlejší algoritmus pro Lagrangeovu interpolaci z předchozího cvičení.

4. *Jiný pohled na interpolaci polynomů:* Hledáme-li polynom $P(x) = \sum_{k=0}^n p_k x^k$ procházející body $(x_0, y_0), \dots, (x_n, y_n)$, řešíme vlastně soustavu rovnic tvaru $\sum_k p_k x_j^k = y_j$ pro $j = 0, \dots, n$. Rovnice jsou lineární v neznámých p_0, \dots, p_n , takže hledáme vektor \mathbf{p} splňující $\mathbf{V}\mathbf{p} = \mathbf{y}$, kde \mathbf{V} je takzvaná *Vandermondova matice* s $\mathbf{V}_{jk} = x_j^k$. Dokažte, že pro x_j navzájem různá je matice \mathbf{V} regulární, takže soustava rovnic má právě jedno řešení. [N41]
- 5.* *Generálové:* Pro odpálení jaderné bomby je potřeba, aby se na tom shodlo alespoň k z celkového počtu n generálů. Vymyslete, jak z odpalovacího kódu odvodit n klíčů pro generály tak, aby libovolná skupina k generálů uměla ze svých klíčů kód vypočítat, ale žádná menší skupina nemohla o kódu zjistit nic než jeho délku. [N123]

17.2 Intermezzo o komplexních číslech

V této kapitole budeme počítat s komplexními čísly. Zopakujme si proto, jak se s nimi zachází.

Základní operace

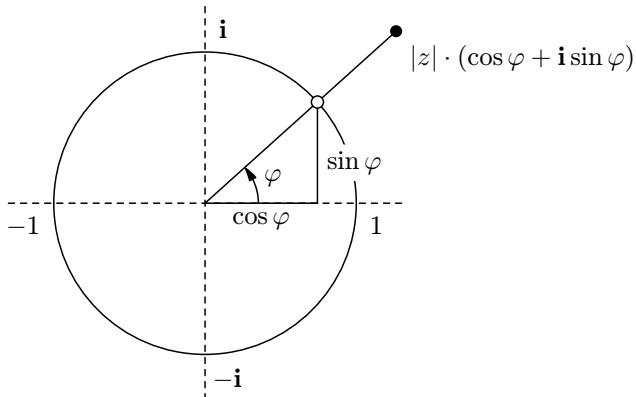
- Definice: $\mathbb{C} = \{a + bi \mid a, b \in \mathbb{R}\}$, $i^2 = -1$.
- Sčítání a odčítání: $(a + bi) \pm (p + qi) = (a \pm p) + (b \pm q)i$.
- Násobení: $(a + bi)(p + qi) = ap + aqi + bp i + bq i^2 = (ap - bq) + (aq + bp)i$. Pro $\alpha \in \mathbb{R}$ je $\alpha(a + bi) = \alpha a + \alpha b i$.
- Komplexní sdružení: $\overline{a + bi} = a - bi$.
 $\bar{x} = x$, $\overline{x \pm y} = \bar{x} \pm \bar{y}$, $\overline{x \cdot y} = \bar{x} \cdot \bar{y}$, $x \cdot \bar{x} = (a + bi)(a - bi) = a^2 + b^2 \in \mathbb{R}$.
- Absolutní hodnota: $|x| = \sqrt{x \cdot \bar{x}}$, takže $|a + bi| = \sqrt{a^2 + b^2}$.
Také $|\alpha x| = |\alpha| \cdot |x|$ pro $\alpha \in \mathbb{R}$ (později uvidíme, že to platí i pro α komplexní).
- Dělení: Podíl x/y rozšíříme číslem \bar{y} na $(x \cdot \bar{y})/(y \cdot \bar{y})$. Nyní je jmenovatel reálný, takže můžeme vydělit každou složku čitatele zvlášť.

Gaussova rovina a goniometrický tvar⁽¹⁾

- Komplexním číslům přiřadíme body v \mathbb{R}^2 : $a + bi \leftrightarrow (a, b)$.
- $|x|$ vyjadřuje vzdálenost od bodu $(0, 0)$.

⁽¹⁾ Ríká se jí podle slavného německého matematika Carla Friedericha Gauße, jenž je známý spíš jako Carolus Fridericus Gauss – svá díla totiž stejně jako většina vědců 18. století psal latinsky.

- $|x| = 1$ pro čísla ležící na jednotkové kružnici (*komplexní jednotky*).
Pak platí $x = \cos \varphi + i \sin \varphi$ pro nějaké $\varphi \in [0, 2\pi)$.
- Pro libovolné $x \in \mathbb{C}$: $x = |x| \cdot (\cos \varphi(x) + i \sin \varphi(x))$.
Číslu $\varphi(x)$ říkáme *argument* čísla x a někdy ho také značíme $\arg x$. Argumenty jsou periodické s periodou 2π , často se normalizují do intervalu $[0, 2\pi)$.
- Navíc $\varphi(\bar{x}) = -\varphi(x)$, uvažujeme-li argumenty modulo 2π .



Obrázek 17.1: Goniometrický tvar komplexního čísla

Exponenciální tvar

- Eulerova formule: $e^{i\varphi} = \cos \varphi + i \sin \varphi$.
- Každé $x \in \mathbb{C}$ lze tedy zapsat jako $|x| \cdot e^{i\varphi(x)}$.
- Násobení: $xy = (|x| \cdot e^{i\varphi(x)}) \cdot (|y| \cdot e^{i\varphi(y)}) = |x| \cdot |y| \cdot e^{i(\varphi(x)+\varphi(y))}$
(absolutní hodnoty se násobí, argumenty sčítají).
- Umocňování: Pro $\alpha \in \mathbb{R}$ je $x^\alpha = (|x| \cdot e^{i\varphi(x)})^\alpha = |x|^\alpha \cdot e^{i\alpha\varphi(x)}$.

Odmocniny z jedničky

Odmocňování v komplexních číslech není obecně jednoznačné: jestliže třeba budeme hledat čtvrtou odmocninu z jedničky, totiž řešit rovnici $x^4 = 1$, nalezneme hned čtyři řešení: $1, -1, i$ a $-i$.

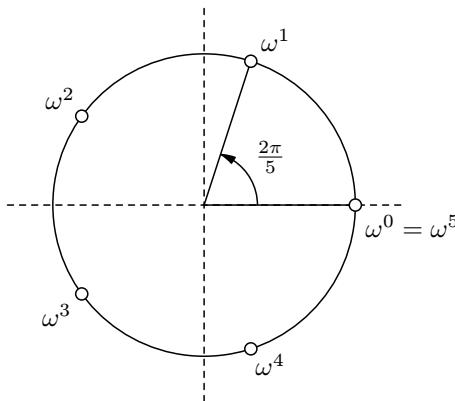
Prozkoumejme nyní obecněji, jak se chovají n -té odmocniny z jedničky, tedy komplexní kořeny rovnice $x^n = 1$:

- Jelikož $|x^n| = |x|^n$, musí být $|x| = 1$. Proto $x = e^{i\varphi}$ pro nějaké φ .
- Má platit $1 = x^n = e^{i\varphi n} = \cos \varphi n + i \sin \varphi n$. To nastane, kdykoliv $\varphi n = 2k\pi$ pro nějaké $k \in \mathbb{Z}$.

Dostáváme tedy n různých n -tých odmocnin z 1, totiž $e^{2k\pi i/n}$ pro $k = 0, \dots, n-1$. Některé z těchto odmocnin jsou ovšem speciální:

Definice: Komplexní číslo x je *primitivní n -tá odmocnina z 1*, pokud $x^n = 1$ a žádné z čísel x^1, x^2, \dots, x^{n-1} není rovno 1.

Příklad: Ze čtyř zmíněných čtvrtých odmocnin z 1 jsou i a $-i$ primitivní a druhé dvě nikoliv (ověřte sami dosazením). Pro obecné $n > 2$ vždy existují alespoň dvě primitivní odmocniny, totiž čísla $\omega = e^{2\pi i/n}$ a $\bar{\omega} = e^{-2\pi i/n}$. Platí totiž, že $\omega^j = e^{2\pi ij/n}$, a to je rovno 1 právě tehdy, je-li j násobkem n (jednotlivé mocniny čísla ω postupně obíhají jednotkovou kružnicí). Analogicky pro $\bar{\omega}$.



Obrázek 17.2: Primitivní pátá odmocnina z jedničky ω a její mocniny

Pozorování: Pro libovolné číslo ω , které je primitivní n -tou odmocninou z jedničky, platí:

- $\omega^j \neq \omega^k$, kdykoliv $0 \leq j < k < n$. Stačí se podívat na podíl $\omega^k / \omega^j = \omega^{k-j}$. Ten nemůže být roven jedné, protože $0 < k - j < n$ a ω je primitivní.
- Pro sudé n je navíc $\omega^{n/2} = -1$. Platí totiž $(\omega^{n/2})^2 = \omega^n = 1$, takže $\omega^{n/2}$ je druhá odmocnina z 1. Takové odmocniny jsou jenom dvě: 1 a -1 , ovšem 1 to být nemůže, protože ω je primitivní.

Cvičení

1. Dokažte, že pro každou primitivní n -tou odmocninu z jedničky α platí, že $\alpha = \omega^t$, kde $\omega = e^{2\pi i/n}$ a t je přirozené číslo nesoudělné s n . Kolik primitivních n -tých odmocnin tedy existuje?

17.3 Rychlá Fourierova transformace

Ukážeme, že primitivních odmocnin lze využít k záchraně párovacího algoritmu na vyhodnocování polynomů z oddílu 17.1.

Nejprve polynomy doplníme nulami tak, aby jejich velikost n byla mocninou dvojkdy. Poté zvolíme nějakou primitivní n -tou odmocnинu z jedničky ω a budeme polynomem vyhodnocovat v bodech $\omega^0, \omega^1, \dots, \omega^{n-1}$. To jsou navzájem různá komplexní čísla, která jsou správně spárovaná: hodnoty $\omega^{n/2}, \dots, \omega^{n-1}$ se od $\omega^0, \dots, \omega^{n/2-1}$ liší pouze znaménkem. To snadno ověříme: pro $0 \leq j < n/2$ je $\omega^{n/2+j} = \omega^{n/2}\omega^j = -\omega^j$. Navíc ω^2 je primitivní $(n/2)$ -tá odmocnina z jedničky, takže se rekursivně voláme na problém téhož druhu, který je správně spárovaný.

Náš plán použít metodu Rozděl a panuj tedy nakonec vyšel: opravdu máme algoritmus o složitosti $\Theta(n \log n)$ pro vyhodnocení polynomu. Ještě ho upravíme tak, aby místo s polynomy pracoval s vektory jejich koeficientů či hodnot. Tomuto algoritmu se říká FFT, vzápětí prozradíme, proč.

Algoritmus FFT (rychlá Fourierova transformace)

Vstup: Číslo $n = 2^k$, primitivní n -tá odmocnina z jedničky ω , vektor (p_0, \dots, p_{n-1}) koeficientů polynomu P

1. Pokud $n = 1$, položíme $y_0 \leftarrow p_0$ a skončíme.
2. Jinak se rekursivně zavoláme na sudou a lichou část koeficientů:
 3. $(s_0, \dots, s_{n/2-1}) \leftarrow \text{FFT}(n/2, \omega^2, (p_0, p_2, p_4, \dots, p_{n-2}))$.
 4. $(\ell_0, \dots, \ell_{n/2-1}) \leftarrow \text{FFT}(n/2, \omega^2, (p_1, p_3, p_5, \dots, p_{n-1}))$.
5. Z grafů obou částí poskládáme graf celého polynomu:
6. Pro $j = 0, \dots, n/2 - 1$:
 7. $y_j \leftarrow s_j + \omega^j \cdot \ell_j$ \triangleq mocninu ω^j průběžně přepočítáváme
 8. $y_{j+n/2} \leftarrow s_j - \omega^j \cdot \ell_j$

Výstup: Graf polynomu P , tedy vektor (y_0, \dots, y_{n-1}) , kde $y_j = P(\omega^j)$

Vyhodnotit polynom v mocninách čísla ω umíme, ale ještě nejsme v cíli. Potřebujeme umět provést dostatečně rychle i opačný převod – z hodnot na koeficienty. K tomu nám pomůže podívat se na vyhodnocování polynomu trochu abstraktněji jako na zobrazení,

které jednomu vektoru komplexních čísel přiřadí jiný vektor. Toto zobrazení matematici potkávají v mnoha různých kontextech už po staletí a nazývají ho Fourierovou transformací.

Definice: Diskrétní Fourierova transformace (DFT) je zobrazení $\mathcal{F} : \mathbb{C}^n \rightarrow \mathbb{C}^n$, které vektoru \mathbf{x} přiřadí vektor \mathbf{y} daný přepisem

$$y_j = \sum_{k=0}^{n-1} x_k \cdot \omega^{jk},$$

kde ω je nějaká pevně zvolená primitivní n -tá odmocnina z jedné. Vektor \mathbf{y} se nazývá *Fourierův obraz* vektoru \mathbf{x} .

Jak to souvisí s naším algoritmem? Pokud označíme \mathbf{p} vektor koeficientů polynomu P , pak jeho Fourierova transformace $\mathcal{F}(\mathbf{p})$ není nic jiného než graf tohoto polynomu v bodech $\omega^0, \dots, \omega^{n-1}$. To ověříme snadno dosazením do definice. Algoritmus tedy počítá diskrétní Fourierovu transformaci v čase $\Theta(n \log n)$. Proto se mu říká FFT – Fast Fourier Transform.

Také si všimněme, že DFT je lineární zobrazení. Jde proto zapsat jako násobení nějakou maticí Ω , kde $\Omega_{jk} = \omega^{jk}$. Pro převod grafu na koeficienty potřebujeme najít inverzní zobrazení určené inverzní maticí Ω^{-1} .

Jelikož $\omega^{-1} = \bar{\omega}$, pojďme zkousit, zda hledanou inverzní maticí není $\bar{\Omega}$.

Lemma: $\Omega \cdot \bar{\Omega} = n \cdot \mathbf{E}$, kde \mathbf{E} je jednotková matici.

Důkaz: Dosazením do definice a elementárními úpravami:

$$\begin{aligned} (\Omega \cdot \bar{\Omega})_{jk} &= \sum_{\ell=0}^{n-1} \Omega_{j\ell} \cdot \bar{\Omega}_{\ell k} = \sum_{\ell=0}^{n-1} \omega^{j\ell} \cdot \overline{\omega^{\ell k}} = \sum_{\ell=0}^{n-1} \omega^{j\ell} \cdot \bar{\omega}^{\ell k} \\ &= \sum_{\ell=0}^{n-1} \omega^{j\ell} \cdot (\omega^{-1})^{\ell k} = \sum_{\ell=0}^{n-1} \omega^{j\ell} \cdot \omega^{-\ell k} = \sum_{\ell=0}^{n-1} \omega^{(j-k)\ell}. \end{aligned}$$

Poslední suma je ovšem geometrická řada. Pokud $j = k$, jsou všechny členy řady jedničky, takže se sečtou na n . Pro $j \neq k$ použijeme známý vztah pro součet geometrické řady s kvocientem $q = \omega^{j-k}$:

$$\sum_{\ell=0}^{n-1} q^\ell = \frac{q^n - 1}{q - 1} = \frac{\omega^{(j-k)n} - 1}{\omega^{j-k} - 1} = 0.$$

Poslední rovnost platí díky tomu, že $\omega^{(j-k)n} = (\omega^n)^{j-k} = 1^{j-k} = 1$, takže čitatel zlomku je nulový; naopak jmenovatel určitě nulový není, jelikož ω je primitivní a $0 < |j-k| < n$. \square

Důsledek: $\Omega^{-1} = (1/n) \cdot \bar{\Omega}$.

Matice Ω tedy je regulární a její inverze se kromě vydelení n liší pouze komplexním sdružením. Navíc číslo $\bar{\omega} = \omega^{-1}$ je také primitivní n -tou odmocninou z jedničky, takže až na faktor $1/n$ se jedná opět o Fourierovu transformaci a můžeme ji spočítat stejným algoritmem FFT. Shrňme, co jsme zjistili, do následujících vět:

Věta: Je-li n mocnina dvojkdy, lze v čase $\Theta(n \log n)$ spočítat diskrétní Fourierovu transformaci v \mathbb{C}^n i její inverzi.

Věta: Polynomy velikosti n nad tělesem \mathbb{C} lze násobit v čase $\Theta(n \log n)$.

Důkaz: Nejprve vektory koeficientů doplníme nulami, tak aby jejich délka byla současně mocnina dvojkdy a alespoň $2n$. Pak pomocí DFT v čase $\Theta(n \log n)$ převedeme oba polynomy na grafy, v $\Theta(n)$ vynásobíme grafy po složkách a výsledný graf pomocí inverzní DFT v čase $\Theta(n \log n)$ převedeme zpět na koeficienty polynomu. \square

Fourierova transformace se kromě násobení polynomů hodí i na ledacos jiného. Své uplatnění nachází nejen v dalších algebraických algoritmech, ale také ve fyzikálních aplikacích – odpovídá totiž spektrálnímu rozkladu signálu na siny a cosiny o různých frekvencích. Na tom jsou založeny například algoritmy pro filtrování zvuku, pro kompresi zvuku a obrazu (MP3, JPEG), nebo třeba rozpoznávání řeči. Něco z toho naznačíme ve zbytku této kapitoly.

Cvičení

1. O jakých vlastnostech vektoru vypovídá nultý a $(n/2)$ -tý koeficient jeho Fourierova obrazu?
2. Spočítejte Fourierovy obrazy následujících vektorů z \mathbb{C}^n :
 - (x, \dots, x)
 - $(1, -1, 1, -1, \dots, 1, -1)$
 - $(1, 0, 1, 0, 1, 0, 1, 0)$
 - $(\omega^0, \omega^1, \omega^2, \dots, \omega^{n-1})$
 - $(\omega^0, \omega^2, \omega^4, \dots, \omega^{2n-2})$
3. Inspirujte se předchozím cvičením a najděte pro každé j vektor, jehož Fourierův obraz má na j -tém místě jedničku a všude jinde nuly. Jak z toho přímo sestrojit inverzní transformaci?
- 4* Co vypovídá o vektoru $(n/4)$ -tý koeficient jeho Fourierova obrazu?

5. Mějme vektor \mathbf{y} , který vznikl rotací vektoru \mathbf{x} o k pozic ($y_j = x_{(j+k) \bmod n}$). Jak spolu souvisí $\mathcal{F}(\mathbf{x})$ a $\mathcal{F}(\mathbf{y})$?
6. *Fourierova báze:* Uvažujme systém vektorů $\mathbf{b}^0, \dots, \mathbf{b}^{n-1}$ se složkami $b_k^j = \bar{\omega}^{jk} / \sqrt{n}$. Dokažte, že tyto vektory tvoří ortonormální bázi prostoru \mathbb{C}^n , pokud použijeme standardní skalární součin nad \mathbb{C} : $\langle \mathbf{x}, \mathbf{y} \rangle = \sum_j \mathbf{x}_j \bar{\mathbf{y}}_j$. Složky vektoru \mathbf{x} vzhledem k této bázi pak jsou $\langle \mathbf{x}, \mathbf{b}^0 \rangle, \dots, \langle \mathbf{x}, \mathbf{b}^{n-1} \rangle$ (to platí pro libovolnou ortonormální bázi). Uvědomte si, že tyto skalární součiny odpovídají definici DFT, tedy až na konstantu $1/\sqrt{n}$.
- 7.* *Volba ω :* Ve Fourierově transformaci máme volnost v tom, jakou primitivní odmocninu ω si vybereme. Ukažte, že Fourierovy obrazy pro různé volby ω se liší pouze pořadím složek. [N72]

17.4* Spektrální rozklad

Ukážeme, jak FFT souvisí s digitálním zpracováním signálu – pro jednoduchost jednorozměrného, tedy třeba zvuku.

Uvažujme reálnou funkci f definovanou na intervalu $[0, 1)$. Pokud její hodnoty *navzorkujeme* v n pravidelně rozmístěných bodech, získáme vektor $\mathbf{f} \in \mathbb{R}^n$ o složkách $\mathbf{f}_j = f(j/n)$. Co o funkci f vypovídá Fourierův obraz vektoru \mathbf{f} ?

Lemma R (DFT reálného vektoru): Je-li \mathbf{x} reálný vektor z \mathbb{R}^n , jeho Fourierův obraz $\mathbf{y} = \mathcal{F}(\mathbf{x})$ je *antisymetrický*: $y_j = \overline{y_{n-j}}$ pro všechna j . (Připomínáme, že vektory v této kapitole indexujeme modulo n , takže $\mathbf{y}_n = \mathbf{y}_0$.)

Důkaz: Z definice DFT víme, že

$$y_{n-j} = \sum_k \mathbf{x}_k \omega^{(n-j)k} = \sum_k \mathbf{x}_k \omega^{nk-jk} = \sum_k \mathbf{x}_k \omega^{-jk} = \sum_k \mathbf{x}_k \bar{\omega}^{jk}.$$

Jelikož komplexní sdružení lze distribuovat přes aritmetické operace, můžeme psát $\overline{y_{n-j}} = \sum_k \overline{\mathbf{x}_k} \cdot \omega^{jk}$, což je pro reálné \mathbf{x} rovno $\sum_k \mathbf{x}_k \omega^{jk} = \mathbf{y}_j$. \square

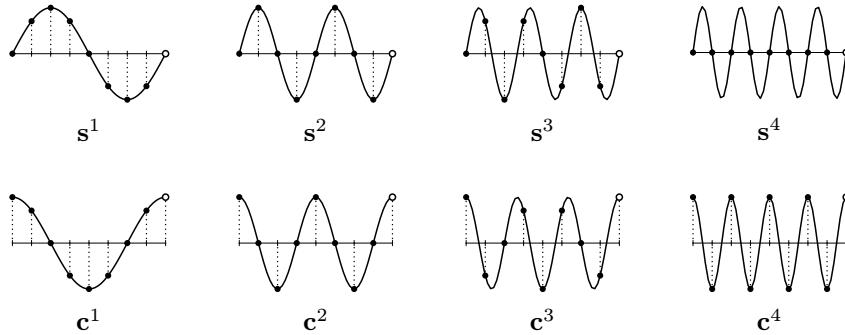
Důsledek: Speciálně $\mathbf{y}_0 = \overline{\mathbf{y}_0}$ a $\mathbf{y}_{n/2} = \overline{\mathbf{y}_{n/2}}$, takže obě tyto hodnoty jsou reálné. (To je vidět i z cvičení 17.3.1.)

Lemma A (o antisymetrických vektorech): Antisymetrické vektory v \mathbb{C}^n tvoří vektorový prostor dimenze n nad tělesem reálných čísel.

Důkaz: Ověříme axiomy vektorového prostoru. (To, že prostor budujeme nad \mathbb{R} , a nikoliv nad \mathbb{C} , je důležité: násobení vektoru komplexním skalárem obecně nezachovává antisimetrii.)

Co se dimenze týče: V antisymetrickém vektoru \mathbf{y} jsou složky \mathbf{y}_0 a $\mathbf{y}_{n/2}$ reálné, u složek $\mathbf{y}_1, \dots, \mathbf{y}_{n/2-1}$ můžeme volit jak reálnou, tak imaginární část. Ostatní složky tím jsou už jednoznačně dány. Vektor je tedy určen n nezávislými reálnými parametry. \square

Definice: V dalším textu zvolme pevné n a $\omega = e^{2\pi i/n}$. Označíme \mathbf{e}^k , \mathbf{s}^k a \mathbf{c}^k vektory získané navzorkováním funkcií $e^{2k\pi i x}$, $\sin 2k\pi x$ a $\cos 2k\pi x$ (komplexní exponenciála, sinus a cosinus s frekvencí k) v n bodech intervalu $[0, 1)$.



Obrázek 17.3: Vektory \mathbf{s}^k a \mathbf{c}^k při vzorkování v 8 bodech

Lemma V (o vzorkování funkcí): Fourierův obraz vektorů \mathbf{e}^k , \mathbf{s}^k a \mathbf{c}^k vypadá pro $0 < k < n/2$ následovně:

$$\begin{aligned}\mathcal{F}(\mathbf{e}^k) &= (0, \dots, 0, n, 0, \dots, 0), \\ \mathcal{F}(\mathbf{s}^k) &= (0, \dots, 0, n/2i, 0, \dots, 0, -n/2i, 0, \dots, 0), \\ \mathcal{F}(\mathbf{c}^k) &= (0, \dots, 0, n/2, 0, \dots, 0, n/2, 0, \dots, 0),\end{aligned}$$

přičemž první vektor má nenulu na pozici $n - k$, další dva na pozicích k a $n - k$.

Zatímco vztah pro $\mathcal{F}(\mathbf{e}^k)$ funguje i s $k = 0$ a $k = n/2$, siny a cosiny se chovají odlišně: \mathbf{s}^0 i $\mathbf{s}^{n/2}$ jsou nulové vektory, takže $\mathcal{F}(\mathbf{s}^0)$ a $\mathcal{F}(\mathbf{s}^{n/2})$ jsou také nulové; \mathbf{c}^0 je vektor samých jedniček s $\mathcal{F}(\mathbf{c}^0) = (n, 0, \dots, 0)$ a $\mathbf{c}^{n/2} = (1, -1, \dots, 1, -1)$ s $\mathcal{F}(\mathbf{c}^{n/2}) = (0, \dots, 0, n, 0, \dots, 0)$ s n na pozici $n/2$.

Důkaz: Pro \mathbf{e}^k si stačí všimnout, že $\mathbf{e}_j^k = e^{2k\pi i \cdot j/n} = e^{jk \cdot 2\pi i/n} = \omega^{jk}$. Proto t -tá složka Fourierova obrazu vyjde $\sum_j \omega^{jk} \omega^{jt} = \sum_j \omega^{j(k+t)}$. To je opět geometrická řada, podobně jako u odvození inverzní FT. Pro $t = n - k$ se sečte na n , všude jinde na 0. Vektory \mathbf{s}^k a \mathbf{c}^k necháváme jako cvičení. \square

Všimněme si nyní, že reálnou lineární kombinací vektorů $\mathcal{F}(\mathbf{s}^1), \dots, \mathcal{F}(\mathbf{s}^{n/2-1})$ a $\mathcal{F}(\mathbf{c}^0), \dots, \mathcal{F}(\mathbf{c}^{n/2})$ můžeme získat libovolný antisymetrický vektor. Jelikož DFT je lineární, plyne z toho, že lineární kombinací $\mathbf{s}^1, \dots, \mathbf{s}^{n/2-1}$ a $\mathbf{c}^0, \dots, \mathbf{c}^{n/2}$ lze získat libovolný reálný vektor. Přesněji to říká následující věta:

Věta: Pro každý vektor $\mathbf{x} \in \mathbb{R}^n$ existují reálné koeficienty $\alpha_0, \dots, \alpha_{n/2}$ a $\beta_0, \dots, \beta_{n/2}$ takové, že:

$$\mathbf{x} = \sum_{k=0}^{n/2} (\alpha_k \mathbf{c}^k + \beta_k \mathbf{s}^k). \quad (*)$$

Tyto koeficienty jdou navíc vypočítat z Fourierova obrazu

$$\mathbf{y} = \mathcal{F}(\mathbf{x}) = (a_0 + b_0 \mathbf{i}, \dots, a_{n-1} + b_{n-1} \mathbf{i})$$

takto:

$$\begin{aligned} \alpha_0 &= a_0/n, \\ \alpha_j &= 2a_j/n \text{ pro } j = 1, \dots, n/2 - 1, \\ \alpha_{n/2} &= a_{n/2}/n, \\ \beta_0 &= \beta_{n/2} = 0, \\ \beta_j &= -2b_j/n \text{ pro } j = 1, \dots, n/2 - 1. \end{aligned}$$

Důkaz: Jelikož DFT má inverzi, můžeme bez obav fourierovat obě strany rovnice (*). Tedy chceme, aby platilo $\mathbf{y} = \mathcal{F}(\sum_k \alpha_k \mathbf{s}^k + \beta_k \mathbf{c}^k)$. Suma na pravé straně je přitom díky linearitě \mathcal{F} rovna $\sum_k (\alpha_k \mathcal{F}(\mathbf{s}^k) + \beta_k \mathcal{F}(\mathbf{c}^k))$. Označme tento vektor \mathbf{z} a za vydatné pomocí lemmatu V vypočítejme jeho složky:

- K \mathbf{z}_0 přispívá pouze \mathbf{c}^0 (ostatní \mathbf{s}^k a \mathbf{c}^k mají nultou složku nulovou). Takže $\mathbf{z}_0 = \alpha_0 \mathbf{c}_0^0 = (a_0/n) \cdot n = a_0$.
- K \mathbf{z}_j pro $j = 1, \dots, n/2 - 1$ přispívají pouze \mathbf{c}^j a \mathbf{s}^j : $\mathbf{z}_j = \alpha_j \mathbf{c}_j^j + \beta_j \mathbf{s}_j^j = 2a_j/n \cdot n/2 - 2b_j/n \cdot n/2 \mathbf{i} = a_j + b_j \mathbf{i}$.
- K $\mathbf{z}_{n/2}$ přispívá pouze $\mathbf{c}^{n/2}$, takže analogicky vyjde $\mathbf{z}_{n/2} = a_{n/2}/n \cdot n = a_{n/2}$.

Vektory \mathbf{z} a \mathbf{y} se tedy shodují v prvních $n/2 + 1$ složkách (nezapomeňte, že $b_0 = b_{n/2} = 0$). Jelikož jsou oba antisymetrické, musí se shodovat i ve zbývajících složkách. \square

Důsledek: Pro libovolnou reálnou funkci f na intervalu $[0, 1]$ existuje lineární kombinace funkcí $\sin 2k\pi x$ a $\cos 2k\pi x$ pro $k = 0, \dots, n/2$, která není při vzorkování v n bodech od dané funkce f rozlišitelná.

To je diskrétní ekvivalent známého tvrzení o spojité Fourierově transformaci, podle nějž každou „dostatečně hladkou“ periodickou funkci lze lineárně nakombinovat ze sinů a cosinů o celočíselných frekvencích.

To se hodí například při zpracování zvuku: jelikož $\alpha \cos x + \beta \sin x = A \sin(x + \varphi)$ pro vhodné A a φ , můžeme kterýkoliv zvuk rozložit na sinusové tóny o různých frekvencích. U každého tónu získáme jeho amplitudu A a fázový posun φ , což je vlastně (až na nějaký násobek n) absolutní hodnota a argument původního komplexního Fourierova koeficientu. Tomu se říká *spektrální rozklad* signálu a díky FFT ho můžeme z navzorkovaného signálu spočítat velmi rychle.

Cvičení

1. Dokažte „inverzní“ lemma **R**: DFT antisymetrického vektoru je vždy reálná.
2. Dokažte zbytek lemmatu **V**: Jak vypadá $\mathcal{F}(\mathbf{s}^k)$ a $\mathcal{F}(\mathbf{c}^k)$? [N17]
- 3.* Analogí DFT pro reálné vektory je *diskrétní cosinová transformace (DCT)*. Z DFT v \mathbb{C}^n odvodíme DCT v $\mathbb{R}^{n/2+1}$. Vektor $(x_0, \dots, x_{n/2})$ doplníme jeho zrcadlovou kopí na $\mathbf{x} = (x_0, x_1, \dots, x_{n/2}, x_{n/2-1}, \dots, x_1)$. To je reálný a antisymetrický vektor, takže jeho Fourierův obraz $\mathbf{y} = \mathcal{F}(\mathbf{x})$ musí být podle lemmatu **R** a cvičení 1 také reálný a antisymetrický: $\mathbf{y} = (y_0, y_1, \dots, y_{n/2}, y_{n/2-1}, \dots, y_1)$. Vektor $(y_0, \dots, y_{n/2})$ prohlásíme za výsledek DCT.
Rozepsáním $\mathcal{F}^{-1}(\mathbf{y})$ podle definice dokažte, že tento výsledek popisuje, jak zapsat vektor \mathbf{x} jako lineární kombinaci cosinových vektorů $\mathbf{c}^0, \dots, \mathbf{c}^{n/2}$. Oproti DFT tedy používáme pouze cosiny, zato však o dvojnásobném rozsahu frekvencí. [N7]
4. *Konvoluce* vektorů \mathbf{x} a \mathbf{y} je vektor $\mathbf{z} = \mathbf{x} * \mathbf{y}$ takový, že $\mathbf{z}_j = \sum_k \mathbf{x}_k \mathbf{y}_{j-k}$, přičemž indexujeme modulo n . Tuto sumu si můžeme představit jako skalární součin vektoru \mathbf{x} s vektorem \mathbf{y} napsaným pozpátku a zrotovaným o j pozic. Konvoluce nám tedy řekne, jak tyto „přetočené skalární součiny“ vypadají pro všechna j . Dokažte následující vlastnosti:
 a) $\mathbf{x} * \mathbf{y} = \mathbf{y} * \mathbf{x}$ (*komutativita*)
 b) $\mathbf{x} * (\mathbf{y} * \mathbf{z}) = (\mathbf{x} * \mathbf{y}) * \mathbf{z}$ (*asociativita*)
 c) $\mathbf{x} * (\alpha \mathbf{y} + \beta \mathbf{z}) = \alpha(\mathbf{x} * \mathbf{y}) + \beta(\mathbf{x} * \mathbf{z})$ (*bilinearita*)
 d) $\mathcal{F}(\mathbf{x} * \mathbf{y}) = \mathcal{F}(\mathbf{x}) \odot \mathcal{F}(\mathbf{y})$, kde \odot je součin vektorů po složkách. To nám dává algoritmus pro výpočet konvoluce v čase $\Theta(n \log n)$. [N122]
5. *Vyhlažování signálu*: Mějme vektor \mathbf{x} naměřených dat. Obvyklý způsob, jak je vyčistit od šumu, je transformace typu $\mathbf{y}_j = \frac{1}{4}\mathbf{x}_{j-1} + \frac{1}{2}\mathbf{x}_j + \frac{1}{4}\mathbf{x}_{j+1}$. Ta „obrousí špičky“ tím, že každou hodnotu zprůměruje s okolními. Pokud budeme \mathbf{x} indexovat cyklicky, jedná se o konvoluci $\mathbf{x} * \mathbf{z}$, kde \mathbf{z} je maska tvaru $(\frac{1}{2}, \frac{1}{4}, 0, \dots, 0, \frac{1}{4})$.

Fourierův obraz $\mathcal{F}(\mathbf{z})$ nám říká, jak vyhlazování ovlivňuje spektrum. Například pro $n = 8$ vyjde $\mathcal{F}(\mathbf{z}) \approx (1, 0.854, 0.5, 0.146, 0, 0.146, 0.5, 0.854)$, takže stejnosměrná složka signálu \mathbf{c}^0 zůstane nezměněna, naopak nejvyšší frekvence \mathbf{c}^4 zcela zmizí a pro ostatní \mathbf{c}^k a \mathbf{s}^k platí, že čím vyšší frekvence, tím víc je tlumena. Tomu se říká *dolní propust* – nízké frekvence propustí, vysoké omezuje. Jak vypadá propust, která vynuluje \mathbf{c}^4 a ostatní frekvence propustí beze změny?

6. Zpět k polynomům: Uvědomte si, že to, co se děje při násobení polynomů s jejich koeficienty, je také konvoluce. Jen musíme doplnit vektory nulami, aby se neprojevila cyklickost indexování. Takže vztah $\mathcal{F}(\mathbf{x} * \mathbf{y}) = \mathcal{F}(\mathbf{x}) \odot \mathcal{F}(\mathbf{y})$ z cvičení 4 je jenom jiný zápis našeho algoritmu na rychlé násobení polynomů.

- 7.** *Diagonalizace:* Mějme vektorový prostor dimenze n a lineární zobrazení f v něm. Zvolíme-li nějakou bázi, můžeme vektory zapisovat jako n -tice čísel a zobrazení f popsat jako násobení n -tice vhodnou maticí \mathbf{A} tvaru $n \times n$. Někdy se povede najít bázi z vlastních vektorů, vzhledem k níž je matice \mathbf{A} *diagonální* – má nenulová čísla pouze na diagonále. Tehdy umíme součin \mathbf{Ax} spočítat v čase $\Theta(n)$. Pro jeden součin se to málodky vyplatí, protože převod mezi bázemi bývá pomalý, ale pokud jich chceme počítat hodně, pomůže to.

Rozmyslete si, že podobně se můžeme dívat na DFT. Konvoluce je bilineární funkce na \mathbb{C}^n , což znamená, že je lineární v každém parametru zvlášt. Zvolíme-li bázi, můžeme každou bilineární funkci popsat trojrozměrnou tabulkou $n \times n \times n$ čísel (to už není matice, ale *tenzor třetího rádu*). Vztah $\mathcal{F}(\mathbf{x} * \mathbf{y}) = \mathcal{F}(\mathbf{x}) \odot \mathcal{F}(\mathbf{y})$ pak můžeme vyložit takto: \mathcal{F} převádí vektory z kanonické báze do *Fourierovy báze* (viz cvičení 17.3.6), vzhledem k níž je tenzor konvoluce diagonální (má jedničky na „télesové úhlopříčce“ a všude jinde nuly). Pomocí FFT pak můžeme mezi bázemi převádět v čase $\Theta(n \log n)$.

- 8.* Při zpracování obrazu se hodí *dvojrozměrná DFT*, která matici $\mathbf{X} \in \mathbb{C}^{n \times n}$ přiřadí matici $\mathbf{Y} \in \mathbb{C}^{n \times n}$ takto (ω je opět primitivní n -tá odmocnina z jedné):

$$\mathbf{Y}_{jk} = \sum_{u,v} \mathbf{X}_{uv} \omega^{ju+kv}.$$

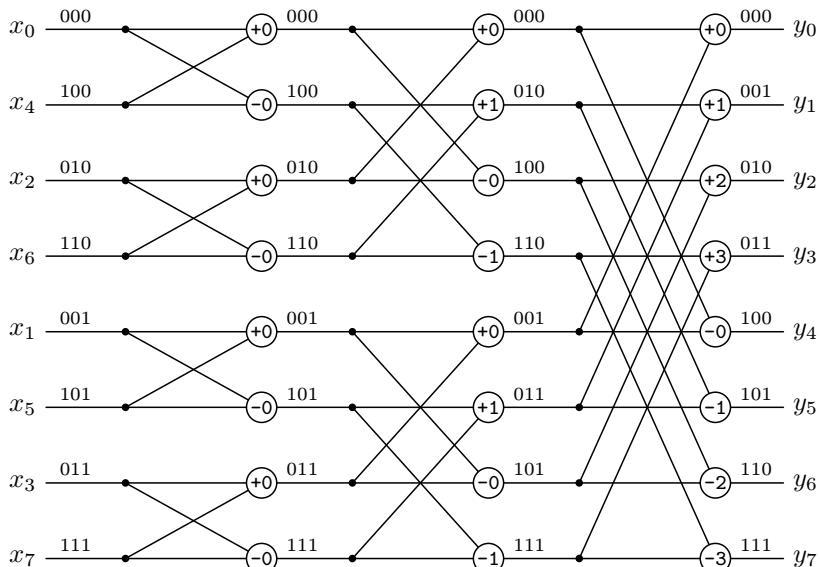
Ověřte, že i tato transformace je bijekce, a odvodte algoritmus na její efektivní výpočet pomocí jednorozměrné FFT. Fyzikální interpretace je podobná: Fourierův obraz popisuje rozklad matice na „prostorové frekvence“. Také lze odvodit dvojrozměrnou cosinovou transformaci, na níž je založený například kompresní algoritmus JPEG. [N21]

17.5* Další varianty FFT

FFT jako hradlová síť

Zkusme průběh algoritmu FFT znázornit graficky. Na levé straně obrázku 17.4 se nachází vstupní vektor x_0, \dots, x_{n-1} (v nějakém pořadí), na pravé straně pak výstupní vektor y_0, \dots, y_{n-1} . Sledujme chod algoritmu pozpátku: Výstup spočítáme z výsledků „polovičních“ transformací vektorů x_0, x_2, \dots, x_{n-2} a x_1, x_3, \dots, x_{n-1} . Kroužky přitom odpovídají výpočtu lineární kombinace $a + \omega^k b$, kde a, b jsou vstupy kroužku (a přichází rovně, b šikmo) a k číslo uvnitř kroužku. Každá z polovičních transformací se počítá analogicky z výsledků transformace velikosti $n/4$ atd. Celkově výpočet probíhá v $\log_2 n$ vrstvách po $\Theta(n)$ operacích.

Čísla nad čarami prozrazují, jak jsme došli k permutaci vstupních hodnot nalevo. Ke každému podproblému jsme napsali ve dvojkové soustavě indexy prvků vstupu, ze kterých podproblém počítáme. V posledním sloupci je to celý vstup. V předposledním nejprve indexy končící 0, pak ty končící 1. O sloupec vlevo jsme každou podrozdělili podle předposlední číslice atd. Až v prvním sloupci jsou čísla uspořádaná podle dvojkových zápisů čtených pozpátku. (Rozmyslete si, proč tomu tak je.)



Obrázek 17.4: Průběh FFT pro vstup velikosti 8

Na obrázek se také můžeme dívat jako na schéma hradlové sítě pro výpočet DFT. Kroužky jsou přitom „hradla“ pracující s komplexními čísly. Všechny operace v jedné vrstvě jsou na sobě nezávislé, takže je síť počítá paralelně. Sít tedy pracuje v čase $\Theta(\log n)$ a prostoru $\Theta(n \log n)$.

Nerekurzivní FFT

Obvod z obrázku 17.4 můžeme vyhodnocovat po hladinách zleva doprava. Tím získáme elegantní nerekurzivní algoritmus pro výpočet FFT. Pracuje v čase $\Theta(n \log n)$ a prostoru $\Theta(n)$:

Algoritmus FFT2 (rychlá Fourierova transformace nerekurzivně)

Vstup: Komplexní čísla x_0, \dots, x_{n-1} , primitivní n -tá odmocnina z jedné ω

1. Předpočítáme tabulkou hodnot $\omega^0, \omega^1, \dots, \omega^{n-1}$.
2. Pro $k = 0, \dots, n - 1$ položíme $y_k \leftarrow x_{r(k)}$, kde r je funkce bitového zrcadlení.
3. $b \leftarrow 1$ \triangleleft velikost bloku
4. Dokud $b < n$, opakujeme:
 5. Pro $j = 0, \dots, n - 1$ s krokem $2b$ opakujeme: \triangleleft začátek bloku
 6. Pro $k = 0, \dots, b - 1$ opakujeme: \triangleleft pozice v bloku
 7. $\alpha \leftarrow \omega^{(nk/2b) \bmod n}$
 8. $(y_{j+k}, y_{j+k+b}) \leftarrow (y_{j+k} + \alpha \cdot y_{j+k+b}, y_{j+k} - \alpha \cdot y_{j+k+b})$
 9. $b \leftarrow 2b$

Výstup: y_0, \dots, y_{n-1}

FFT v konečných tělesech

Nakonec dodejme, že Fourierovu transformaci lze zavést nejen nad tělesem komplexních čísel, ale i v některých konečných tělesech, pokud zaručíme existenci primitivní n -té odmocniny z jedničky. Například v tělese \mathbb{Z}_p pro prvočíslo p tvaru $2^k + 1$ platí $2^k = -1$. Proto $2^{2k} = 1$ a $2^0, 2^1, \dots, 2^{2k-1}$ jsou navzájem různé. Číslo 2 je tedy primitivní $2k$ -tá odmocnina z jedné. To se nám ovšem nehodí pro algoritmus FFT, neboť $2k$ bude málokdy mocnina dvojký.

Zachrání nás ovšem algebraická věta, která říká, že multiplikativní grupa⁽²⁾ libovolného konečného tělesa \mathbb{Z}_p je cyklická, tedy že všech $p - 1$ nenulových prvků tělesa lze zapsat jako mocniny nějakého čísla g (generátoru grupy). Jelikož mezi čísla $g^0, g^1, g^2, \dots, g^{p-2}$ se každý nenulový prvek tělesa vyskytne právě jednou, je g primitivní $(p-1)$ -ní odmocninou z jedničky.

⁽²⁾ To je množina všech nenulových prvků tělesa s operací násobení.

V praxi se hodí například tyto hodnoty:

- $p = 2^{16} + 1 = 65\,537$, $g = 3$, takže funguje $\omega = 3$ pro $n = 2^{16}$ (analogicky $\omega = 3^2$ pro $n = 2^{15}$ atd.),
- $p = 15 \cdot 2^{27} + 1 = 2\,013\,265\,921$, $g = 31$, takže pro $n = 2^{27}$ dostaneme $\omega = g^{15} \pmod{p}$ = 440 564 289.
- $p = 3 \cdot 2^{30} + 1 = 3\,221\,225\,473$, $g = 5$, takže pro $n = 2^{30}$ vyjde $\omega = g^3 \pmod{p} = 125$.

Bližší průzkum našich úvah o FFT dokonce odhalí, že není ani potřeba těleso. Postačí libovolný komutativní okruh, ve kterém existuje příslušná primitivní odmocnina z jedničky, její multiplikativní inverze (ta ovšem existuje vždy, protože $\omega^{-1} = \omega^{n-1}$) a multiplikativní inverze čísla n . To nám poskytuje ještě daleko více volnosti než tělesa, ale není snadné takové okruhy hledat.

Výhodou těchto podob Fourierovy transformace je, že na rozdíl od té klasické komplexní nejsou zatíženy zaokrouhlovacími chybami (komplexní odmocniny z jedničky mají obě složky iracionální). To se hodí například v algoritmech na násobení velkých čísel – viz cvičení 2.

Cvičení

1. Navrhněte, jak počítat bitové zrcadlení v algoritmu FFT2.
- 2.* *Násobení čísel:* Pomocí FFT lze rychle násobit čísla. Každé n -bitové číslo x můžeme rozložit na k -bitové bloky x_0, \dots, x_{m-1} (kde $m = \lceil n/k \rceil$). To je totéž, jako kdybychom ho zapsali v soustavě o základu $B = 2^k$: $x = \sum_j x_j B^j$. Pokud k číslu přiřadíme polynom $X(t) = \sum_j x_j t^j$, bude $X(B) = x$.

To nám umožňuje převést násobení čísel na násobení polynomů: Chceme-li vynásobit čísla x a y , sestrojíme polynomy X a Y , pomocí FFT vypočteme jejich součin Z a pak do něj dosadíme B . Dostaneme $Z(B) = X(B) \cdot Y(B) = xy$.

Na RAMu přitom můžeme zvolit $k \in \Theta(\log n)$, takže s čísly polynomiálně velkými vzhledem k B zvládneme počítat v konstantním čase. Proto FFT ve vhodném konečném tělese poběží v čase $\mathcal{O}(m \log m) = \mathcal{O}(n/\log n \cdot \log(n/\log n)) \subseteq \mathcal{O}(n/\log n \cdot \log n) = \mathcal{O}(n)$. Zbývá domyslet, jak vyhodnotit $Z(B)$. Spočítejte, jak velké jsou koeficienty polynomu Z , a ukažte, že při vyhodnocování od nejnižších řádů jsou přenosy dostatečně malé na to, abychom výpočet $Z(B)$ stihli v čase $\Theta(n)$.

Tím jsme získali algoritmus na násobení n -bitových čísel v čase $\Theta(n)$.

18 Pokročilé haldy

18 Pokročilé haldy

Při analýze Dijkstrova algoritmu v oddílu 6.2 jsme zatoužili po haldě, která by některé operace uměla rychleji než obyčejná binární halda. V této kapitole postupně odvodíme tři datové struktury: binomiální haldu, línou binomiální haldu a Fibonacciho haldu. Poslední z nich bude mít vytoužené vlastnosti.

18.1 Binomiální haldy

Základní funkce binomiální haldy jsou podobné binární haldě, nicméně jich dosahuje jinými metodami. Navíc podporuje operaci MERGE, která umí rychle sloučit dvě binomiální haldy do jedné.

Shrňme na začátek podporované operace spolu s jejich worst-case časovými složitostmi (tedy složitostmi v nejhorším případě). Číslo n udává počet prvků v haldě a haldu zde chápeme jako minimovou.

operace	složitost	činnost
INSERT	$\Theta(\log n)$	vloží nový prvek
MIN	$\Theta(1)$	vrátí minimum množiny
EXTRACTMIN	$\Theta(\log n)$	vrátí a odstraní minimum množiny
MERGE	$\Theta(\log n)$	sloučí dvě haldy do jedné
BUILD	$\Theta(n)$	postaví z n prvků haldu
DECREASE	$\Theta(\log n)$	sniží hodnotu klíče prvku
INCREASE	$\Theta(\log n)$	zvýší hodnotu klíče prvku
DELETE	$\Theta(\log n)$	smaže prvek

Nadále platí, že podle klíče neumíme vyhledávat, takže operace DECREASE, INCREASE a DELETE musí dostat ukazatel na prvek v haldě, nikoliv jeho klíč. Ukazatel se dozvíme při vložení do haldy INSERTem.

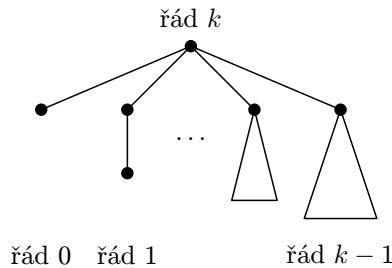
Nyní binomiální haldu definujeme. Na rozdíl od binární haldy nebude mít tvar stromu, nýbrž souboru více tzv. binomiálních stromů.

Binomiální stromy

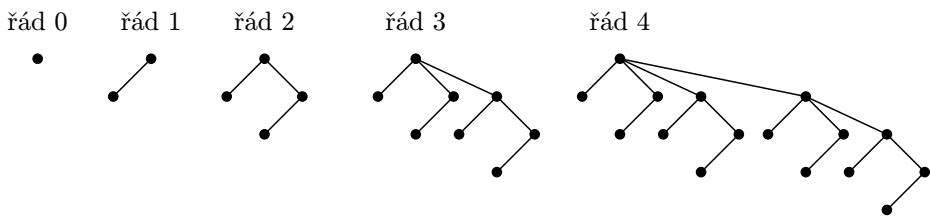
Definice: Řekneme, že zakořeněný strom T je *binomiálním stromem rádu k* , pokud splňuje následující pravidla:

1. Pokud je řád k roven nule, pak T obsahuje pouze kořen.
2. Pokud je řád k nenulový, pak T má kořen s právě k syny. Tito synové jsou kořeny podstromů, které jsou po řadě binomiálními stromy rádů $0, \dots, k-1$.

— 18.1 Pokročilé haldy – Binomiální haldy



Obrázek 18.1: Binomiální strom řádu k

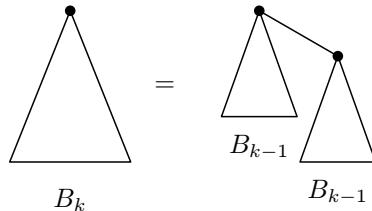


Obrázek 18.2: Příklady binomiálních stromů

Náhled na strukturu binomiálního stromu získáme z obrázku 18.1. Také se podívejme na obrázek 18.2, jak budou vypadat nejmenší binomiální stromy.

Ukážeme, že binomiální stromy je také možné definovat rekurzivně a že tato definice je ekvivalentní s tou předchozí.

Definice: Zakořeněné stromy B_k jsou definovány takto: B_0 obsahuje pouze kořen, B_k pro $k > 0$ se skládá ze stromu B_{k-1} , pod jehož kořenem je napojený další strom B_{k-1} .



Obrázek 18.3: Rekurzivní definice binomiálního stromu

Lemma R (o rekurzivní definici): Strom B_k je binomiální strom řádu k . Každý strom T , který je binomiální strom řádu k , je izomorfní stromu B_k .

Důkaz: Postupujme matematickou indukcí. Pro $k = 0$ tvrzení zjevně platí. Necht nyní $k > 0$. Pod kořenem stromu T jsou dle definice zavěšeny binomiální stromy řádu $0, \dots, k-1$. Odtržením posledního binomiálního podstromu S řádu $k-1$ a použitím indukčního předpokladu dostáváme z T binomiální strom řádu $k-1$, tedy B_{k-1} . Opětovným připojením S zpět dostáváme přesně strom B_k .

Naopak, uvážíme-li strom B_k , z indukce vyplývá, že B_{k-1} je binomiální strom řádu $k-1$, pod jehož kořen jsou dle definice napojeny binomiální stromy řádu $0, \dots, k-2$. Pod kořen B_k jsou tudíž napojeny binomiální stromy řádu $0, \dots, k-1$, tedy strom B_k je binomiální strom řádu k . \square

Lemma V (vlastnosti binomiálních stromů): Binomiální strom T řádu k má 2^k vrcholů, které jsou rozděleny do $k+1$ hladin. Kořen stromu má právě k synů.

Důkaz: Počet synů kořene plyne přímo z definice binomiálního stromu, zbytek dokážeme matematickou indukcí. Pro $k = 0$ má T jistě 1 hladinu a $2^0 = 1$ vrchol. Uvažme $k > 0$. Z indukčního předpokladu vyplývá, že binomiální strom řádu $k-1$ má k hladin a 2^{k-1} vrcholů. Užitím lemmatu R dostáváme, že strom T je složený ze dvou stromů B_{k-1} , z nichž jeden je o hladinu níže než druhý, což dává hloubku $k+1$ stromu T . Složením dvou stromů B_{k-1} dostáváme $2 \cdot 2^{k-1} = 2^k$ vrcholů. \square

Důsledek: Binomiální strom s n vrcholy má hloubku $\mathcal{O}(\log n)$ a počet synů kořene je také $\mathcal{O}(\log n)$.

Od stromu k haldě

Z binomiálních stromů nyní zkonztruujeme binomiální haldu.

Definice: Binomiální halda pro danou množinu prvků se skládá ze souboru binomiálních stromů $\mathcal{T} = T_1, \dots, T_\ell$, kde:

1. Každý strom T_i je binomiální strom.
2. Uchovávané prvky jsou uloženy ve vrcholech stromů T_i . Klíč uložený ve vrcholu $v \in V(T_i)$ značíme $k(v)$.
3. Pro každý strom $T_i \in \mathcal{T}$ platí *haldové uspořádání*, neboli pro každý vrchol $v \in V(T_i)$ a libovolného jeho syna s je $k(v) \leq k(s)$.
4. V souboru \mathcal{T} se žádný řád stromu nevyskytuje více než jednou.
5. Soubor stromů \mathcal{T} je uspořádán vzestupně podle řádu stromu.

Ještě je potřeba doplnit, jak budeme binomiální haldu reprezentovat v paměti počítače. Každý vrchol stromu si bude pamatovat:

- klíč $k(v)$,
- řád podstromu, jehož je vrchol kořenem,
- ukazatel na prvního syna,
- ukazatel na předchůdce a následníka v cyklickém seznamu sourozenců.

Soubor stromu \mathcal{T} bude mít podobu spojového seznamu. Stromy můžeme spojovat ukazateli na sourozence kořene, které by jinak zůstaly nevyužité.

Lemma D (o dvojkovém zápisu): Binomiální strom řádu k se vyskytuje v souboru stromů n -prvkové binomiální haldy právě tehdy, když je ve dvojkovém zápisu čísla n k -tý nejnižší bit roven 1.

Důkaz: Z definice binomiální haldy vyplývá, že binomiální stromy dohromady obsahují $\sum_{i=0}^k b_i 2^i = n$ vrcholů, kde k je maximální řád stromu v \mathcal{T} a $b_i \in \{0, 1\}$. Číslo $b_k b_{k-1} \dots b_0$ tedy tvoří zápis čísla n v dvojkové soustavě. Z vlastností zápisu čísla ve dvojkové soustavě plyne, že pro dané n jsou čísla b_i (a tím i řády binomiálních stromů v \mathcal{T}) určena jednoznačně. \square

Z lemmatu **V** nebo **D** plyne následující důležitá vlastnost:

Důsledek: Binomiální halda s n prvky sestává z nejvýše $\lfloor \log_2 n \rfloor + 1$ binomiálních stromů.

Cvičení

1. Binomiální stromy vděčí za svůj název následující vlastnosti: Počet prvků na i -té hladině (číslujeme od 0) binomiálního stromu řádu k je roven kombinačnímu číslu neboli binomiálnímu koeficientu $\binom{k}{i}$. Dokažte.
2. Kolik má n -prvková binomiální halda listů?
3. Dokažte, že libovolné přirozené číslo x lze zapsat jako konečný součet mocnin dvojký $2^{k_1} + 2^{k_2} + \dots$ tak, že $k_i \neq k_j$ pro různá i, j . Ukažte, že v tomto součtu figuruje nejvýše $\lfloor \log_2 x \rfloor + 1$ sčítanců.
4. Na binomiální strom řádu k lze pohlížet jako na speciální kostru grafu k -rozměrné hyperkrychle. A to neledajakou, ale dokonce je to strom nejkratších cest. Dokažte například užitím cvičení 1.

18.2 Operace s binomiální haldou

Nalezení minima

Jak jsme již ukázali u binární haldy, pokud strom splňuje haldovou podmínu, prvek s nejmenším klíčem se nachází v kořeni stromu. Minimum celé binomiální haldy se proto musí nacházet v kořeni jednoho ze stromů v \mathcal{T} . Operaci MIN tedy postačí projít seznam \mathcal{T} , což potrvá čas $\Theta(\log n)$. Pokud bychom tuto operaci chtěli volat často, můžeme ji urychlit na $\Theta(1)$ tím, že budeme během všech operací udržovat ukazatel na globální minimum. Tuto údržbu v ostatních algoritmech explicitně nepopisujeme, nýbrž ji přenecháváme čtenáři do cvičení 2.

Slévání

Operaci MERGE poněkud netypicky popišeme jako jednu z prvních, protože ji budeme nadále používat jako podprogram ostatních operací. Algoritmus slévání vezme dvě binomiální haldy H_1 a H_2 a vytvoří z nich jedinou binomiální haldu H , jež obsahuje prvky obou hald.

Nejprve popíšeme spojení dvou binomiálních stromů stejného řádu. Při něm je potřeba napojit kořen jednoho stromu jako posledního syna kořene druhého stromu. Přitom musíme dát pozor, aby zůstalo zachováno haldové uspořádání, takže vždy zapojujeme kořen s větším prvkem pod kořen s menším prvkem. Vznikne binomiální strom o jedna vyššího řádu.

Procedura MERGEBINOMTREES (spojení binomiálních stromů)

Vstup: Stromy B_1, B_2 z binomiální haldy ($\text{řád}(B_1) = \text{řád}(B_2)$)

1. Pokud $k(\text{kořen}(B_1)) \leq k(\text{kořen}(B_2))$:
2. Připojíme $\text{kořen}(B_2)$ jako posledního syna pod $\text{kořen}(B_1)$.
3. $B \leftarrow B_1$
4. Jinak:
5. Připojíme $\text{kořen}(B_1)$ jako posledního syna pod $\text{kořen}(B_2)$.
6. $B \leftarrow B_2$
7. $\text{řád}(B) \leftarrow \text{řád}(B) + 1$

Výstup: Výsledný strom B

Algoritmus BHMERGE svým průběhem bude připomínat algoritmus „školního“ sčítání čísel pod sebou, byť ve dvojkové soustavě.

Při sčítání dvojkových čísel procházíme obě čísla současně od nejnižšího řádu k nejvyššímu. Pokud je v daném řádu v obou číslech 0, píšeme do výsledku 0. Pokud je v jednom z čísel 0 a ve druhém 1, píšeme 1. A pokud se setkají dvě 1, píšeme 0 a přenášíme 1 do

vyššího rádu. Díky přenosu se pak ve vyšším rádu mohou setkat až tři 1, a tehdy píšeme 1 a posíláme přenos 1.

Podobně pracuje slévání binomiálních hald: binomiální strom rádu i se chová jako číslice 1 na i -tém rádu čísla. Procházíme tedy oběma haldami od nejnižšího rádu k nejvyššímu a kdykoliv se setkají dva stromy téhož rádu, sloučíme je pomocí MERGEBINOMTREES, což vytvoří strom o jedna vyššího rádu, čili přenos.

Protože udržujeme soubory stromů hald uspořádané dle rádu binomiálních stromů, lze algoritmus realizovat průchodem dvěma ukazateli po těchto seznamech, jako když sléváme setříděné posloupnosti. Rády stromů nepřítomné v haldě při tom přirozeně přeskakujeme.

Procedura BHMERGE (slévání binomiálních hald)

Vstup: Binomiální haldy A, B

1. Založíme prázdnou haldu C .
2. $p \leftarrow$ nedefinováno \triangleleft přenos do vyššího rádu
3. Dokud A i B jsou neprázdné nebo je p definováno:
 4. $r_a \leftarrow$ nejnižší rád stromu v A , nebo $+\infty$ pro $A = \emptyset$
 5. $r_b \leftarrow$ nejnižší rád stromu v B , nebo $+\infty$ pro $B = \emptyset$
 6. $r_p \leftarrow$ rád stromu p (nebo ∞ , pokud p není definováno)
 7. $r \leftarrow \min(r_a, r_b, r_p)$
 8. Pokud $r = +\infty$, skončíme. \triangleleft už není co slévat
 9. $S \leftarrow \emptyset$ \triangleleft sem uložíme stromy, které budeme spojovat
 10. Pokud $r_a = r$, přesuneme strom nejnižšího rádu z A do S .
 11. Pokud $r_b = r$, přesuneme strom nejnižšího rádu z B do S .
 12. Pokud p je definováno, přidáme p do S . \triangleleft musí být $r_p = r$
 13. Pokud $|S| \geq 2$:
 14. Odebereme dva stromy z S a označíme je x a y .
 15. $p \leftarrow$ MERGEBINOMTREES(x, y)
 16. Jinak:
 17. $p \leftarrow$ nedefinováno
 18. Pokud v S zbývá nějaký strom, přesuneme ho na konec haldy C .
 19. Pokud je A nebo B neprázdná, připojíme ji na konec haldy C .

Výstup: Binomiální halda C poskládaná z prvků A a B

Pozorování: Algoritmus BHMERGE je korektní a jeho časová složitost je $\Theta(\log n)$.

Vkládání prvků a postavení haldy

Operaci INSERT vyřešíme snadno. Vytvoříme novou binomiální haldu obsahující pouze vkládaný prvek a následně zavoláme slévání hald.

Snadno nahleďneme, že pouhé přeuspořádání stromů při přidání nového prvku tak, aby v seznamu nebyly dva stromy stejného řádu, může v nejhorším případě vyžadovat čas $\Theta(\log n)$.

Procedura BHINSERT (vkládání do binomiální haldy)

Vstup: Binomiální haldy H , vkládaný prvek x

1. Vytvoříme binomiální haldu H' s jediným prvkem x .
2. $H \leftarrow \text{BHMERGE}(H, H')$

Výstup: Binomiální haldy H s vloženým prvkem x

Tvrzení: Operace INSERT má časovou složitost $\Theta(\log n)$. Pro zpočátku prázdnou binomiální haldu trvá libovolná posloupnost k volání operace INSERT čas $\Theta(k)$.

Důkaz: Jednoprvkovou haldu lze vytvořit v konstantním čase, takže těžiště práce bude ve slévání hald. Slévání zvládneme v čase $\Theta(\log n)$, tedy i vkládání prvku bude mít v nejhorším případě logaritmickou časovou složitost.

Zde je však jedna ze slévaných hald jednoprvková. V nejhorším případě se samozřejmě může stát, že původní haldy obsahují všechny stromy od B_0 až po $B_{\lceil \log_2 n \rceil - 1}$, takže při slévání dojde k řetězové reakci a postupně se všechny stromy sloučí do jediného, což si vyžádá $\Theta(\log n)$ operací. Ukážeme ovšem, že se to nemůže dít často.

Využijeme skutečností dokázaných pro binární počítadlo v kapitole 9. Připomeňme, že provedeme-li posloupnost k inkrementů na počítadle, které bylo zpočátku nulové, strávíme celkově čas $\mathcal{O}(k)$. Opakování volání BHINSERT je ekvivalentní opakovánímu inkrementu binárního počítadla. Operace součtu dvou jedničkových bitů potom odpovídá operaci slití dvou binomiálních stromů. Při použití procedury BHMERGE stačí odhadnout pouze maximální počet volání MERGEBINOMTREES, z čehož vyplývá celková časová složitost $\Theta(k)$ pro k volání procedury BHINSERT. \square

Analýza operace INSERT dává návod na realizaci rychlé operace BUILD pro postavení binomiální haldy: opakováně voláme na zpočátku prázdnou binomiální haldu operaci INSERT.

Důsledek: Časová složitost operace BUILD pro n prvků je $\Theta(n)$.

Na rozdíl od binární haldy, jejíž rychlá stavba vyžadovala speciální postup, zde pro rychlé postavení binomiální haldy stačilo pouze lépe analyzovat časovou složitost INSERTU.

Odstránění minima

Při odstraňování minima z binomiální haldy H opět využijeme operaci MERGE. Nejprve průchodem souboru stromů najdeme binomiální strom M , jehož kořen je minimem haldy H , a tento strom z H odpojíme. Následně ze stromu M odtrhneme kořen a všechny jeho syny (včetně jejich podstromů) vložíme do nové binomiální haldy H' . Tato operace je poměrně jednoduchá, neboť se mezi syny dle definice binomiálního stromu nevyskytuje dva stromy stejného řádu. Nakonec slijeme H s H' , čímž se odtržené prvky začlení zpět.

Procedura BHEXTRACTMIN (odebrání minima z binomiální haldy)

Vstup: Binomiální halda H

1. $M \leftarrow$ strom s nejmenším kořenem v haldě H
2. $m \leftarrow k(kořen(M))$
3. Odebereme M z H .
4. Vytvoříme prázdnou binomiální haldu H' .
5. Pro každého syna s kořene stromu M :
6. Odtrhneme podstrom s kořenem s a vložíme jej do H' .
7. Zrušíme M . \triangleleft zbytek ještě kořen, který zrušíme
8. $H \leftarrow \text{BHMERGE}(H, H')$

Výstup: Binomiální halda H s odstraněným minimem m

Tvrzení: Časová složitost operace BHEXTRACTMIN v n -prvkové binomiální haldě činí $\Theta(\log n)$. Libovolná korektní implementace operace BHEXTRACTMIN má časovou složitost $\Omega(\log n)$.

Důkaz: Nalezení minima trvá čas $\mathcal{O}(\log n)$, protože v souboru stromů je jich jen logaritmický mnoho. Vytvoření haldy H' pro podstromy odstraňovaného kořene zabere nejvýše tolik času, kolik podstromů do ni vkládáme, tedy $\mathcal{O}(\log n)$. Slévání hald má také logaritmickou složitost, takže celková složitost algoritmu v nejhorším případě je $\Theta(\log n)$.

Dolní odhad složitosti odstraňování minima získáme z dolního odhadu složitosti třídění velmi podobně, jako jsme podobnou skutečnost dokázali u binární haldy (viz kapitola 3). Kdyby existoval algoritmus na odstranění minima s časovou složitostí lepší než $\Theta(\log n)$, zkonztruovali bychom třídicí algoritmus takto: Vložili bychom n tříděných prvků operací BUILD do haldy a následně n -násobným odstraněním minima vypsali usporádanou posloupnost. Tento algoritmus by však měl časovou složitost lepší než $\Theta(n \log n)$, což je spor s dolním odhadem složitosti třídění. \square

V úvodu této kapitoly jsme zmínili ještě operace DECREASE, DELETE a INCREASE, které dostanou ukazatel na binomiální haldu a ukazatel na prvek v ní a provedou po řadě snížení klíče prvku, smazání prvku a zvýšení klíče. Tyto operace přenecháme čtenáři jako cvičení 3, 4 a 5.

— 18.3 Pokročilé haldy – Líná binomiální haldy

Cvičení

1. Přeformulujte všechny definice a operace pro maximovou binomiální haldu.
2. U binomiální haldy lze minimum (přesněji referenci na kořen obsahující minimum) udržovat stranou, abychom k němu mohli přistupovat v konstantním čase. Upravte všechny operace tak, aby zároveň udržovaly odkaz na minimum a nezhoršily se jejich časové složitosti.
3. Navrhněte operaci DECREASE s časovou složitostí $\Theta(\log n)$. Nezapomeňte, že bude třeba do reprezentace haldy v paměti doplnit další ukazatele a ty udržovat.
4. Navrhněte operaci DELETE s časovou složitostí $\Theta(\log n)$.
5. Navrhněte operaci INCREASE s časovou složitostí $\Theta(\log n)$.
6. Upravte reprezentaci haldy, aby seznam synů vrcholu byl jednosměrný místo obousměrného cyklického. Tím ušetříme jeden ukazatel, ale trochu se zkomplikují operace.
7. Abychom nemuseli se seznamy synů zacházet jinak než se seznamy stromů, domyslíme si „nadkořen“. To je speciální vrchol bez klíče, jehož syny jsou kořeny stromů. Co se změní v implementaci operací?
- 8.* Pokuste se definovat *trinomiální haldu*, jejíž stromy budou mít velikost mocnin trojky. Od každého řádu se přitom v haldě budou smět vyskytovat až dva stromy. Domyslete operace s touto haldou a srovnejte jejich složitosti s haldou binomiální.

18.3 Líná binomiální haldy

Alternativou k „pilné“ binomiální haldě je tzv. *líná (lazy) binomiální haldy*. Její princip spočívá v odložení některých úkonů při vkládání prvků a odstraňování minima, dokud nejsou opravdu potřeba. Ukážeme, že tento postup sice zhorší časovou složitost v nejhorším případě, ale amortizovaně bude odebírání minima nadále logaritmické, a některé další operace dokonce konstantní.

Definice líné binomiální haldy se téměř neliší od pilné. Pouze povolíme, že se v souboru stromů může vyskytovat více stromů stejného řádu. Reprezentace struktury v paměti bude stejná jako u pilné haldy, tedy pomocí spojových seznamů.

Operace slítí dvou hald, kterou využívá vkládání prvku i vypuštění minima, se značně zjednoduší. Vzhledem k tomu, že se řády stromů mohou v haldě opakovat, slítí realizujeme spojením seznamů stromů obou hald, což jistě zvládneme v konstantním čase.

Procedura LAZYBHMERGE (slévání líných binomiálních hald)

Vstup: Líné binomiální haldy H_1, H_2

1. Založíme novou haldu H .
2. Seznam stromů v $H \leftarrow$ spojení seznamů stromů v H_1 a H_2 .

Výstup: Líná binomiální hálka H poskládaná z prvků H_1 a H_2

Operace INSERT pro vložení nového prvku do haldy je opět realizována jako slití haldy s novou, jednoprvkovou haldou.

Aby hálka nezdegenerovala v obyčejný spojový seznam, musíme čas od času provést tzv. *konsolidaci* a stromy sloučit tak, aby jich bylo v seznamu co nejméně. Nevhodnější čas na tento úklik je při mazání minima, které provedeme podobně jako u pilné binomiální haldy: Odtrhneme minimální kořen, z jeho synů uděláme haldu a tu následně výše popsaným způsobem slijeme s původní haldou. Na závěr provedeme následující konsolidaci.

Všechny stromy rozdělíme do $\lceil \log n \rceil + 1$ příhrádek (číslovaných od 0) tak, že v i -té příhrádce se budou nacházet všechny stromy řádu i . Již však nemůžeme činit žádné předpoklady o počtech stromů v jednotlivých příhrádkách.

Proto budeme procházet příhrádky od nejnižšího řádu k nejvyššímu a kdykoliv v některé objevíme více stromů, budeme je odebírat po dvojicích a slučovat. Sloučené stromy budou mít o jednu vyšší řád, takže je přehodíme o příhrádku výše a vyřešíme v následujícím kroku. Nakonec tedy v každé příhrádce zbude nejvýše jeden strom.

Procedura LAZYBHCONSOLIDATION (konsolidace líné binomiální haldy)

Vstup: Líná binomiální hálka H o n prvcích

1. Připravíme pole $P[0 \dots \lceil \log n \rceil]$ spojových seznamů.
2. Pro každý strom T v H :
3. Odtrhneme T z H .
4. Vložíme T do $P[\text{řád}(T)]$.
5. Pro všechna $i = 0, \dots, \lceil \log n \rceil$:
6. Opakujeme, dokud jsou v $P[i]$ alespoň dva stromy:
7. Odtrhneme dva stromy B_1, B_2 z $P[i]$.
8. $B \leftarrow \text{MERGEBINOM TREES}(B_1, B_2)$
9. Vložíme B do $P[i+1]$.
10. Pokud v $P[i]$ zbyl strom T :
11. Přesuneme T z $P[i]$ do H .

Výstup: Zkonsolidovaná hálka H

Nyní můžeme přesněji popsat mazání minima.

Procedura LAZYBHEXTRACTMIN (odebrání minima z líné binomiální haldy)

Vstup: Líná binomiální hálka H

1. $M \leftarrow$ strom s nejmenším kořenem v haldě H
2. $m \leftarrow k(kořen(M))$
3. Odebereme M z H .
4. Odtrhneme seznam S podstromů kořene stromu M .
5. Připojíme S do seznamu stromů H .
6. Zrušíme M . \triangleleft z bude jen kořen, který zrušíme
7. $H \leftarrow$ LAZYBHCONSOLIDATION(H)

Výstup: Líná binomiální hálka H s odstraněným minimem m

Analýza líné binomiální haldy

Pro účely amortizované analýzy zvolíme potenciál $\Phi = c_\Phi \cdot t$, kde t je celkový počet stromů ve všech haldách, kterých se naše operace týkají, a c_Φ je vhodná konstanta, kterou určíme později. Pro ilustraci a analýzu penízkovou metodou si můžeme představit, že na každém stromu leží položeno c_Φ mincí. Označíme Φ_i hodnotu potenciálu po provedení i -té operace. Zjevně platí, že $\Phi_0 \leq \Phi_k$, kde k je počet provedených operací, neboť na počátku jsou všechny struktury prázdné a na konci je ve strukturách nezáporný počet stromů.

Lemma: Uvažme volání procedury LAZYBHCONSOLIDATION(H) pro haldu H s nejvýše n prvky. Jeho skutečná cena je $\Theta(\log n + \text{počet stromů } H)$ a jeho amortizovaná cena je $\mathcal{O}(\log n)$ vzhledem k potenciálu Φ .

Důkaz: Označme t počet stromů H před provedením konsolidace, A amortizovanou cenu konsolidace a C skutečnou cenu konsolidace. Inicializace pole P zabere čas $\Theta(\log n)$, stejně tak průchod příhrádkami. Vkládání stromů do P trvá lineárně s počtem stromů v H . Stejně tak jejich následné spojování, neboť každým spojením ubude jeden strom. Je tedy $C \leq c_1(\log n + t)$ pro jistou konstantu c_1 .

Abychom ukázali, že amortizovaná cena A konsolidace je logaritmická, stačí ověřit $A = C + \Delta\Phi = \mathcal{O}(\log n)$, kde $\Delta\Phi$ je změna potenciálu. Označme t' počet stromů v H po provedení konsolidace; zřejmě $t' \leq \lceil \log_2 n \rceil$. Tedy platí $A \leq c_1(\log n + t) + c_\Phi(t' - t) \leq c_\Phi(\log n + t) + c_\Phi(t' - t) \in \mathcal{O}(\log n)$, za předpokladu že $c_\Phi \geq c_1$. \square

Lemma: Uvažme volání procedur LAZYBHMERGE(H_1, H_2) a LAZYBHINSERT(H, x). Jejich skutečná cena je $\Theta(1)$ a jejich amortizovaná cena je $\Theta(1)$ vzhledem k potenciálu Φ .

Důkaz: Během slévání dvou hald se provede pouze konstantně mnoho operací, tedy skutečná cena je konstantní. Změna potenciálu je nulová, protože celkový počet stromů se nezmění, a tedy amortizovaná cena je též konstantní.

Vkládání do haldy nejprve založí jednoprvkový strom, což má konstantní skutečnou cenu a zvýší potenciál o c_Φ , takže amortizovaná cena je též konstantní. Poté provedeme slévání, čímž skutečnou ani amortizovanou cenu nezhoršíme. \square

Lemma: Uvažme volání procedury $\text{LAZYBHEXTRACTMIN}(H)$, kde H má nejvýše n prvků. Jeho skutečná cena je $\Theta(\log n + \text{počet stromů } H)$ a jeho amortizovaná cena je $\mathcal{O}(\log n)$ vzhledem k potenciálu Φ .

Důkaz: Označme nejprve s počet synů kořene stromu M , které procedura přepojuje. Je-likož rády stromů jsou nejvýše logaritmické, je s také $\mathcal{O}(\log n)$.

Volbu minimálního stromu M si necháme na konec důkazu. Odtržení M z H , připojení synů kořene M do H a zrušení M lze realizovat za konstantní skutečnou cenu. Potenciál se při tom zvýší o $s - 1$. Amortizovaná cena tedy vyjde $\mathcal{O}(\log n)$.

Označme t počet stromů H a t' počet stromů po provedení konsolidace; je tedy $t' \in \mathcal{O}(\log n)$. Následná konsolidace má podle předchozích lemmat skutečnou cenu $\Theta(\log n + t + s) = \Theta(\log n + t) \leq c_3(\log n + t)$ pro nějakou konstantu c_3 . Konečně započítáme také volbu minimálního stromu. Tu lze realizovat ve skutečném čase $\Theta(t)$, její skutečná cena je tedy nejvýše c_2t pro nějakou konstantu c_2 . Stejně jako u konsolidace se tato cena sečte s poklesem potenciálu a vyjde amortizovaná cena $\mathcal{O}(\log n)$. Přesněji, pro amortizovanou cenu A platí $A \leq c_2t + c_3(\log n + t) + c_\Phi(t' - t) \leq c_\Phi(\log n + t) + c_\Phi(t' - t) \in \mathcal{O}(\log n)$, za předpokladu $c_\Phi \geq c_2 + c_3$. \square

Nyní zbývá stanovit, jaká bude konstanta c_Φ v definici potenciálu Φ : stačí zvolit $c_\Phi = \max(c_1, c_2 + c_3)$ z předchozích důkazů. Poznamenejme ještě, že počet stromů líné binomiální haldy může být až $\Theta(n)$, takže složitost operace LAZYBHEXTRACTMIN v nejhorším případě je také lineární.

Shrňme na závěr složitosti zmínovaných operací líné binomiální haldy. Z nich zbývá ukázat ještě dolní odhad amortizované složitosti EXTRACTMIN , který přenecháme do cvičení 3.

operace	worst-case čas	amortizovaný čas
INSERT	$\Theta(1)$	$\Theta(1)$
EXTRACTMIN	$\Theta(n)$	$\Theta(\log n)$
MERGE	$\Theta(1)$	$\Theta(1)$

To samo o sobě není podstatné vylepšení, ale v příštím oddílu líná binomiální haldy poslouží jako základ pro budování tzv. Fibonacciho haldy.

Cvičení

- Zjistěte, jak by se změnily složitosti jednotlivých operací, kdybychom v implementaci používali místo obousměrného kruhového seznamu pouze jednosměrný lineární a udržovali zároveň ukazatel na poslední prvek seznamu.

2. Navrhněte operace MIN, DECREASE, DELETE a INCREASE pro línou binomiální haldu. Jaká bude jejich skutečná a amortizovaná cena?
3. Ukažte, že složitost EXTRACTMIN musí nutně být $\Omega(\log n)$, a to jak worst-case, tak amortizovaně.
4. *Konsolidace párováním:* Konsolidaci se můžeme pokusit zjednodušit tak, že po spojení dvou stromů stejného rádu výsledný strom rovnou umístíme do výsledné haldy. Může se tedy stát, že ve zkonsolidované haldě se budou řády stromů opakovat. Dokážte, že to neuškodí amortizované složitosti operací vůči potenciálu Φ .

18.4 Fibonacciho haldy

Budeme pokračovat v myšlence dalšího „zlíňování“ již tak dost líné binomiální haldy. Hlavním prostředkem bude zvolnění požadavku na strukturu stromů, ze kterých halda sestává.

Definice: *Fibonacciho hálde* pro danou množinu prvků se skládá ze souboru stromů $\mathcal{T} = T_1, \dots, T_\ell$, kde:

1. Uchovávané prvky jsou uloženy ve vrcholech stromů T_i . Klíč uložený ve vrcholu $v \in V(T_i)$ značíme $k(v)$.
2. Pro každý strom $T_i \in \mathcal{T}$ platí *haldové usporádání*, neboli pro každý vrchol $v \in V(T_i)$ a libovolného jeho syna s je $k(v) \leq k(s)$.

Omezení na tvar stromů tentokrát neplynou přímo z definice, nýbrž z chování jednotlivých operací.

Reprezentaci v paměti zavedeme podobně jako u binomiální haldy. Stromy v souboru \mathcal{T} budeme udržovat v kruhových spojových seznamech. Každý vrchol stromu si bude pamatovat:

- klíč $k(v)$,
- řád, tentokrát definovaný přímo jako počet synů vrcholu,
- ukazatel na otce,
- ukazatel na prvního syna,
- ukazatel na předchůdce a následníka v cyklickém seznamu sourozenců,
- binární značku, jejíž význam určíme vzápětí.

Řádem stromu se rozumí řád jeho kořene.

Operace

Fibonacciho halda podporuje následující operace. Uvádíme u nich časové složitosti v nejhorším případě i amortizované, vše vzhledem k aktuálnímu počtu prvků n .

operace	nejhůře	amortizovaně	činnost
INSERT	$\Theta(1)$	$\Theta(1)$	vloží nový prvek
MIN	$\Theta(1)$	$\Theta(1)$	vrátí minimum množiny
EXTRACTMIN	$\Theta(n)$	$\Theta(\log n)$	vrátí a odstraní minimum
MERGE	$\Theta(1)$	$\Theta(1)$	sloučí dvě haldy do jedné
BUILD	$\Theta(n)$	$\Theta(n)$	postaví z n prvků haldu
DECREASE	$\Theta(n)$	$\Theta(1)$	sníží hodnotu klíče prvku
DELETE	$\Theta(n)$	$\Theta(\log n)$	smaže prvek

Základní operace Fibonacciho haldy se téměř neliší od haldy binomiální.

- MIN bude vracet ukazatel na nejmenší z kořenů stromů tvořících haldu. Tento ukazatel budeme průběžně přepočítávat. V algoritmech jeho přepočet nezmiňujeme, přenecháváme ho čtenáři k rozmyšlení jako cvičení 2.
- MERGE pouze zřetězí spojové seznamy obou hald.
- INSERT vyrobí jednovrcholovou haldu s novým prvkem a tuto novou haldu spojí voláním MERGE s haldou původní. Všechny předchozí operace mají zjevně worst-case časovou složitost $\Theta(1)$.
- Operaci BUILD provedeme jako n -násobné volání INSERT s celkovou složitostí $\Theta(n)$.

Operaci EXTRACTMIN provedeme takřka stejně jako u líné binomiální haldy. Najdeme a odtrhneme kořen s minimálním klíčem, seznam jeho podstromů prohlásíme za novou Fibonacciho haldu a tu připojíme k haldě původní. Potom provedeme konsolidaci: setřídíme přihrádkově stromy dle jejich řádů a následně pospojujeme stromy stejných řádů tak, aby od každého řádu zbyl nejvýše jeden strom. Spojení stromů funguje analogicky ke spojování binomiálních stromů, tedy pod kořen s menším prvkem přivěsíme druhý strom, čímž řád vzroste o 1.

Hlavním rozdílem oproti binomiální haldě a zároveň motivací pro použití Fibonacciho haldy je zcela jinak fungující operace DECREASE pro snížení hodnoty klíče. Pokud dojde ke snížení klíče, může vzniknout porucha v uspořádání haldy mezi modifikovaným prvkem a jeho otcem. U binární nebo binomiální haldy bychom tuto poruchu vyřešili vybublániem sníženého klíče nahoru. Zde však podstrom zakořeněný v prvku se sníženým klíčem odtrhneme a vložíme do spojového seznamu mezi ostatní stromy haldy. Tomuto odtržení a přesunutí budeme říkat operace CUT.

Všimněme si, že pokud bychom používali pouze operace vkládání prvku a odstraňování minima, vznikaly by v souboru stromů haldy pouze binomiální stromy. Opakování snížování klíčů v jednom stromu by však mohlo způsobit, že by strom degeneroval na strom s nevhodnými vlastnostmi, protože by vrcholy mohly mít odtrženo příliš mnoho svých synů.

Každého otce, jemuž byl odtržen jeden syn, proto označíme. Pokud byl odtržen syn vrcholu v , který byl již předtím označený, zavoláme CUT i na v . To může vyústit v kaskádovité odtrhávání podstromů, dokud nenařazíme na neoznačený vrchol, případně kořen.

Co se kořenů stromů týče, algoritmus udržuje invariant, že kořeny nikdy nejsou označené. Operace EXTRACTMIN s tímto invariantem musí počítat a musíme ji tedy ještě upravit: při zařazení odtržených podstromů do haldy z jejich kořenů odstraníme případné označení. Podobně u INSERTu je nově vytvořený prvek neoznačený.

Procedura FHDECREASE (snížení klíče prvku ve Fibonacciho haldě)

Vstup: Fibonacciho halda H , vrchol x , nový klíč t

1. $k(x) \leftarrow t$
2. Pokud je x kořen nebo $k(\text{otec}(x)) \leq k(x)$, skončíme.
3. Zavoláme FH CUT(x).

Výstup: Upravená halda H

Procedura FH CUT (odseknutí podstromu Fibonacciho haldy)

Vstup: Fibonacciho halda H , kořen x podstromu k odseknutí

1. $o \leftarrow \text{otec}(x)$
2. Odtrhneme x i s podstromem, odstraníme případné označení x a vložíme x do H .
3. Pokud o je označený, zavoláme FH CUT(o). $\triangleleft o$ jistě není kořen
4. Jinak není-li o kořen, označíme ho.

Výstup: Upravená halda H

Konečně, operaci DELETE realizujeme snížením klíče mazaného prvku na $-\infty$ voláním DECREASE a následným voláním EXTRACTMIN.

Analýza Fibonacciho haldy

V analýze haldy budeme využívat Fibonacciho čísla F_n zavedená v oddílu 1.4. Bude se nám hodit jejich následující vlastnost, jejíž důkaz přenecháme do cvičení 1.

Lemma: Pro Fibonacciho čísla platí:

$$1 + \sum_{i=0}^d F_i = F_{d+2}.$$

Značení: Označme T_v podstrom zakořeněný ve vrcholu v a $|T_v|$ počet jeho vrcholů.

Tvrzení: Po každé provedené operaci splňuje halda \mathcal{T} definici Fibonacciho haldy a platí, že je-li strom $T \in \mathcal{T}$ řádu k , potom $|T| \geq F_{k+2}$.

Důkaz: Výsledná halda po operacích INSERT, MIN, MERGE splňuje definici Fibonacciho haldy, protože tyto operace nijak nemění strukturu stromů. Ze stejného důvodu je po předchozích operacích zachován vztah pro velikost stromu. Uvažme nyní operace EXTRACTMIN a DECREASE.

Zvolme vrchol v z libovolného stromu haldy. Indukcí podle hloubky T_v ukážeme, že $|T_v| \geq F_{k+2}$, kde k je řád v . Jestliže T_v má hloubku 0, je $|T_v| = 1 = F_2$. Předpokládejme dále, že T_v má kladnou hloubku a řád $k > 0$. Označme x_1, \dots, x_k syny vrcholu v v pořadí, v jakém byly vrcholy připojeny pod v (x_1 první, x_k poslední), a označme r_1, \dots, r_k jejich řády.

Dokážeme, že $r_i \geq i - 2$ pro každé $2 \leq i \leq k$. Než byl x_i připojen pod v , byly x_1, \dots, x_{i-1} už syny vrcholu v a tedy v měl řád alespoň $i - 1$. Stromy jsou spojovány jen tehdy, mají-li stejný řád, musel tedy také x_i mít v okamžiku připojení pod v řád alespoň $i - 1$. Od té doby mohl x_i ztratit pouze jednoho syna, což zaručuje mechanismus označování vrcholů, a tedy $r_i \geq i - 2$.

Jelikož hloubky všech T_{x_i} jsou ostře menší než hloubka T_v , z indukčního předpokladu plyne $|T_{x_i}| \geq F_{r_i+2} \geq F_{(i-2)+2} = F_i$. Vrcholy v a x_1 přispívají do $|T_v|$ každý alespoň 1. Dostáváme tak

$$|T_v| \geq 2 + \sum_{i=2}^k |T_{x_i}| \geq 2 + \sum_{i=2}^k F_i = 1 + \sum_{i=0}^k F_i = F_{k+2}.$$

Korektnost operace DELETE plyne jednoduše z korektnosti předchozích operací. \square

Z předchozího tvrzení a toho, že Fibonacciho čísla rostou alespoň tak rychle jako funkce 1.618^n (viz cvičení 1.4.4), plyne následující důsledek.

Důsledek: Řád každého stromu ve Fibonacciho haldě je nejvýše $\lceil \log_{1.618} n \rceil$.

Nyní přistoupíme k amortizované analýze. Jako potenciál zvolíme $\Phi = c_\Phi(t + 2m)$, kde t je celkový počet stromů ve všech haldách, kterých se operace týkají, m je celkový počet

označených vrcholů v nich a c_Φ je konstanta, kterou určíme později. Pro představu analýzou pomocí penízkové metody: na každém stromu bude položeno c_Φ mincí a na každém označeném vrcholu $2c_\Phi$ mincí.

Lemma: Uvažme volání procedur FHMIN, FHMERGE a FHINSERT. Jejich skutečná cena i amortizovaná cena jsou $\mathcal{O}(1)$ vzhledem k potenciálu Φ .

Důkaz: FHMIN pouze vrací zapamatované minimum a potenciál nemění. Během slévání hald se provede jen konstantně mnoho operací, takže skutečná cena je konstantní. Amortizovaná cena také, neboť potenciál se nemění (počet stromů se nemění, nic se neoznačuje). Konečně FHINSERT kromě slévání vytvoří jednoprvkovou haldu, což stojí konstantní skutečný čas a zvýší potenciál o konstantu. Amortizovaná cena je proto opět konstantní. \square

Z předchozí analýzy FHINSERT snadno vyplýne analýza FHBUILD.

Důsledek: Uvažme volání procedury FHBUILD pro n prvků. Jeho skutečná i amortizovaná cena je $\mathcal{O}(n)$.

Lemma: Uvažme volání procedury FHEXTRACTMIN(H), kde H má n prvků. Potom jeho skutečná cena je $\Theta(\log n + \text{počet stromů } H)$ a jeho amortizovaná cena je $\mathcal{O}(\log n)$ vzhledem k potenciálu Φ .

Důkaz: Označme t počet stromů H před odstraněním minima, A amortizovanou cenu a C skutečnou cenu. Volbu stromu M s nejmenším kořenem lze realizovat v čase nejvýše $c_1 t$ pro vhodnou konstantu c_1 . Odtržení M z H , připojení seznamu synů M do H a zrušení M lze realizovat za konstantní skutečnou cenu. Odznačení synů M trvá čas lineární k jejich počtu, což je $\mathcal{O}(\log n)$. Při konsolidaci zabere inicializace pole příhrádek čas $\Theta(\log n)$, stejně tak průchod příhrádkami, jelikož maximální řád stromu je $\mathcal{O}(\log n)$. Zbývajících operací, tedy vkládání stromů do příhrádek a jejich následné spojování, je $\Theta(\log n + t)$. Je tedy $C \leq c_2(\log n + t)$ pro nějakou konstantu c_2 .

Abychom ukázali, že amortizovaná cena A je logaritmická, stačí ověřit $A = C + \Delta\Phi \in \mathcal{O}(\log n)$, kde $\Delta\Phi$ je změna potenciálu. Označme t' počet stromů v H a m' počet označených vrcholů po provedení konsolidace. Nový počet stromů $t' \leq c_3 \log n$ pro vhodnou konstantu c_3 a $m' \leq m$, jelikož se neoznačují žádné další vrcholy. Tedy za předpokladu $c_1 + c_2 + c_3 \leq c_\Phi$ platí $A \leq c_1 t + c_2(\log n + t) + c_3 t' + 2m' - c_\Phi(t + 2m) \leq c_\Phi(\log n + t) + c_\Phi(t' + 2m') - c_\Phi(t + 2m) \in \mathcal{O}(\log n)$. \square

Z předchozího důkazu vidíme, že v definici potenciálu Φ stačí zvolit konstantu $c_\Phi \geq c_1 + c_2 + c_3$. Zřejmě v nejhorsím případě může v n -prvkové haldě FHEXTRACTMIN trvat čas $\Theta(n)$.

Lemma: Uvažme volání procedury $\text{FH CUT}(v)$, kde v je odsekávaný vrchol. Označme ℓ počet nových stromů, které operace při svém běhu vytvoří. Potom skutečná cena operace je $\mathcal{O}(\ell)$ a její amortizovaná cena je $\mathcal{O}(1)$ vzhledem k potenciálu Φ .

Důkaz: Odtržení jednoho podstromu a jeho vložení do haldy trvá konstantní čas. Skutečná cena C je tedy lineární s počtem nových stromů ℓ . FH CUT udržuje invariant, že kořen stromu nikdy není označený. Každý z ℓ nových stromů možná s výjimkou prvního byl už před zahájením operace označený. Poté, co z kořenů podstromů vznikly kořeny stromů v haldě, byly odznačeny a nově označen mohly být jen jeden vrchol. Počet označených vrcholů m' po konci FH CUT tedy bude $m' = m - (\ell - 1) + 1 = m - \ell + 2$. Změna potenciálu je tudíž $\Delta\Phi = c_\Phi(\ell + 2(m' - m)) = c_\Phi(\ell - 2\ell + 4) = c_\Phi(-\ell + 4)$. Skutečná cena je $C \in \mathcal{O}(\ell)$, a tedy amortizovaná cena $A \in \mathcal{O}(\ell) + \Delta\Phi = \mathcal{O}(1)$ za předpokladu dostatečně velké konstanty c_Φ v definici potenciálu Φ . \square

Důsledek: Složitost procedury FH DECREASE je stejná jako u procedury FH CUT .

Důkaz: Snížení klíče obnáší kromě případného odseknutí podstromu pouze konstantní počet operací, aniž by se změnil potenciál. \square

Poznámka: Po provedení FH DECREASE může být v n -prvkové haldě až $\Theta(n)$ nových stromů. Tuto skutečnost přenecháváme k ověření čtenáři do cvičení 4.

Z analýzy FH DECREASE a FH EXTRACTMIN také plyne analýza složitosti FH DELETE .

Důsledek: Uvažme volání procedury FH DELETE . Jeho skutečná cena je $\Theta(\log n + t + \ell)$, kde t je počet stromů haldy a ℓ počet stromů vzniklých při mazání vrcholu. Amortizovaná cena činí $\mathcal{O}(\log n)$ vzhledem k potenciálu Φ .

Na worst-case složitost FH DELETE případě se vztahují tytéž odhadové hodnoty jako u FH DECREASE . Pro složitost některých operací jsme zatím ukázali pouze horní asymptotický odhad. Dolní odhadové hodnoty worst-case složitosti FH DECREASE , a tedy také FH DELETE , přenecháme do cvičení 4, dolní odhadové hodnoty amortizované složitosti FH EXTRACTMIN , a tedy také FH DELETE , přenecháme do cvičení 5. Tím bude analýza všech operací zmíněných v úvodu tohoto oddílu kompletní.

Cvičení

1. Dokažte, že $1 + \sum_{i=0}^d F_i = F_{d+2}$.
2. Navrhněte operaci FHM MIN s konstantní časovou složitostí pomocí udržování ukazatele na nejmenší prvek v ostatních operacích. Bude třeba též znova provést jejich (amortizovanou) časovou analýzu.

3. O zakořeněném stromu T řekneme, že má Fibonacciho vlastnost, pokud pro každý $v \in V(T)$ řádu k je $|T_v| \geq F_{k+2}$. Dokažte, že pro každé n existuje strom na n vrcholech, který má Fibonacciho vlastnost.
4. Ukažte, že existuje posloupnost $\mathcal{O}(n)$ operací na Fibonacciho haldě taková, že všech n prvků v haldě je uloženo v jediném stromu, všechny vrcholy až na jeden mají řád 1 a všechny vrcholy až na kořen jsou označené. To znamená, že EXTRACTMIN nemůže mít v nejhorším případě lepší než lineární složitost. A také z toho plyne, že stromy ve Fibonacciho haldě nejsou jen „okousané“ binomiální stromy téhož řádu.
5. Dokažte, že při zachování ostatních operací nelze implementovat FHExtractMin v lepším než logaritmickém amortizovaném čase.
6. Bylo by možné ve Fibonacciho haldě také realizovat operaci zvýšení klíče (pro minimovou haldu) tak, aby fungovala v lepším než logaritmickém čase?
- 7.* Ukažte, že označování vrcholů je nezbytné pro zachování časové složitosti. Uvažte haldu, která vrcholy neoznačuje. Najděte posloupnost operací, která vytvoří strom s n vrcholy a řádem $r = \sqrt{n}$, přičemž synové kořene mají řády $0, \dots, r-1$. Dalšími operacemi haldu přimějte, aby strom střídavě rozebírala a znova skládala, což stojí $\Theta(\sqrt{n})$ opakovaně.
- 8.* Ukažte, jak změnit potenciál, aby amortizovaná složitost EXTRACTMINu klesla na $\mathcal{O}(1)$ za cenu zdražení INSERTu na $\mathcal{O}(\log n)$. Pozor, že n značí aktuální počet prvků v haldě, nikoliv maximální přes celou posloupnost operací.

— 18.4 Pokročilé haldy – Fibonacciho haldy

19 Těžké problémy

19 Těžké problémy

Ohlédněme se za předchozími kapitolami: pokaždé, když jsme potkali nějakou úlohu, dovedli jsme ji vyřešit algoritmem s polynomiální časovou složitostí, tedy $\mathcal{O}(n^k)$ pro pevné k . V prvním přiblžení můžeme říci, že polynomialita docela dobře vystihuje praktickou použitelnost algoritmu.⁽¹⁾

Existují tedy polynomiální algoritmy pro všechny úlohy? Zajisté ne – jsou dokonce i takové úlohy, jež nelze vyřešit žádným algoritmem. Ale i mezi těmi algoritmicky řešitelnými se běžně stává, že nejlepší známé algoritmy jsou exponenciální, nebo dokonce horší.

Pojďme si pár takových příkladů předvést. Navíc uvidíme, že ačkoliv je neumíme efektivně řešit, jde mezi nimi nalézt zajímavé vztahy a pomocí nich obtížnost problémů vzájemně porovnávat. Z těchto úvah vyrůstá i skutečná teorie složitosti se svými hierarchiemi složitostních tříd. Následující kapitolu tedy můžete považovat za malou ochutnávku toho, jak se teorie složitosti buduje. Čtenářům toužícím po hlubším porozumění doporučujeme knihu Arory a Baraka [1].

19.1 Problémy a převody

Aby se nám teorie příliš nerozkošatila, omezíme své úvahy na rozhodovací problémy. To jsou úlohy, jejichž výstupem je jediný bit – máme rozhodnout, zda vstup má či nemá určitou vlastnost. Vstup přitom budeme reprezentovat řetězcem nul a jedniček – libovolnou jinou „rozumnou“ reprezentaci dokážeme na binární řetězce převést v polynomiálním čase. Za velikost vstupu budeme vždy považovat délku řetězce.

Nyní tuto představu přetavíme do exaktní definice:

Definice: *Rozhodovací problém* (zkráceně *problém*) je funkce z množiny $\{0, 1\}^*$ všech řetězců nad binární abecedou do množiny $\{0, 1\}$.

Ekvivalentně bychom se na problém mohli také dívat jako na nějakou množinu $A \subseteq \{0, 1\}^*$ vstupů, na něž je odpověď 1. Tento přístup mají rádi v teorii automatů.

Příklad problému: *Bipartitní párování* – je dán bipartitní graf a číslo $k \in \mathbb{N}$. Máme odpovědět, zda v zadaném grafu existuje párování, které obsahuje alespoň k hran. (Je jedno, zda se ptáme na párování o alespoň k hranách nebo o právě k , protože podmnožina párování je zase párování.)

⁽¹⁾ Jistě vás napadne spousta protipříkladů, jako třeba algoritmus se složitostí $\mathcal{O}(1.001^n)$, který nejspíš je použitelný, ačkoliv není polynomiální, a jiný se složitostí $\mathcal{O}(n^{100})$, u kterého je tomu naopak. Ukazuje se, že tyto případy jsou velmi řídké, takže většiny problémů náš zjednodušený pohled funguje překvapivě dobře.

Abychom využili definici, musíme určit, jak celý vstup problému zapsat jedním řetězcem bitů. Nabízí se očíslovat vrcholy grafu od 1 do n , hrany popsat maticí sousednosti a požadovanou velikost množiny k zapsat dvojkově. Musíme to ale udělat opatrně, abychom poznali, kde která část kódu začíná. Třeba takto:

$$\underbrace{\langle 11 \dots 10 \rangle}_t \underbrace{\langle n \text{ dvojkově} \rangle}_t \underbrace{\langle k \text{ dvojkově} \rangle}_t \underbrace{\langle \text{matice sousednosti} \rangle}_{n^2}$$

Počet jedniček na začátku kódu nám řekne, v kolika bitech je uložené n a k a zbytek kódu přečteme jako matici sousednosti.

Rozhodovací problém ovšem odpovědět na všechny řetězce bitů, nejen na ty ve správném tvaru. Dohodněme se tedy, že syntaxi vstupu budeme kontrolovat a na všechny chybě utvořené vstupy odpovíme nulou.

Jak párovací problém vyřešit? Jako správní matematici ho převedeme na nějaký, který už vyřešit umíme. To už jsme ostatně ukázali – umíme ho převést na toky v sítích. Pokaždé, když se ptáme na existenci párování velikosti alespoň k v nějakém bipartitním grafu, doveďme sestrojit určitou síť a zeptat se, zda v této síti existuje tok velikosti alespoň k . Překládáme tedy v polynomiálním čase vstup jednoho problému na vstup jiného problému, přičemž odpověď zůstane stejná.

Podobné převody mezi problémy můžeme definovat i obecněji:

Definice: Jsou-li A, B rozhodovací problémy, říkáme, že A lze *převést* na B (píšeme $A \rightarrow B$) právě tehdy, když existuje funkce $f : \{0, 1\}^* \rightarrow \{0, 1\}^*$ taková, že pro všechna $x \in \{0, 1\}^*$ platí $A(x) = B(f(x))$, a navíc lze funkci f spočítat v čase polynomiálním vzhledem k $|x|$. Funkci f říkáme *převod* nebo také *redukce*.

Pozorování: $A \rightarrow B$ také znamená, že problém B je alespoň tak těžký jako problém A (mnemotechnická pomůcka: obtížnost teče ve směru šipky). Tím myslíme, že kdykoliv umíme vyřešit B , je vyřešit A nanejvýš polynomiálně obtížnější. Speciálně platí:

Lemma: Pokud $A \rightarrow B$ a B lze řešit v polynomiálním čase, pak i A lze řešit v polynomiálním čase.

Důkaz: Nechť existuje algoritmus řešící problém B v čase $\mathcal{O}(b^k)$, kde b je délka vstupu tohoto problému a k konstanta. Mějme dále funkci f převádějící A na B v čase $\mathcal{O}(a^\ell)$ pro vstup délky a . Chceme-li nyní spočítat $A(x)$ pro nějaký vstup x délky a , spočítáme nejprve $f(x)$. To bude trvat $\mathcal{O}(a^\ell)$ a výstup délky také $\mathcal{O}(a^\ell)$ – delší bychom v daném čase ani nestihli vypsat. Tento vstup pak předáme algoritmu pro problém B , který nad ním stráví čas $\mathcal{O}((a^\ell)^k) = \mathcal{O}(a^{k\ell})$. Celkový čas výpočtu proto činí $\mathcal{O}(a^\ell + a^{k\ell})$, což je polynom v délce původního vstupu. \square

Relace převoditelnosti tedy jistým způsobem porovnává problémy podle obtížnosti. Nabízí se představa, že se jedná o uspořádání na množině všech problémů. Je tomu doopravdy tak?

Pozorování: O relaci „ \rightarrow “ platí:

- *Je reflexivní* ($A \rightarrow A$) – úlohu můžeme převést na tutéž identickým zobrazením.
- *Je tranzitivní* ($A \rightarrow B \wedge B \rightarrow C \Rightarrow A \rightarrow C$) – pokud funkce f převádí A na B a funkce g převádí B na C , pak funkce $g \circ f$ převádí A na C . Složení dvou polynomiálně vyčíslitelných funkcí je zase polynomiálně vyčíslitelná funkce, jak už jsme zpozorovali v důkazu předchozího lemmatu.
- *Není antisymetrická* – například problémy „na vstupu je řetězec začínající nulou“ a „na vstupu je řetězec končící nulou“ lze mezi sebou převádět oběma směry.
- Existují navzájem nepřevoditelné problémy – třeba mezi problémy „na každý vstup odpověz 0“ a „na každý vstup odpověz 1“ nemůže existovat převod ani jedním směrem.

Relacím, které jsou reflexivní a tranzitivní, ale obecně nesplňují antisimetrii, se říká *kvaziuspořádání*. Převoditelnost je tedy částečné kvaziuspořádání na množině všech problémů.

Cvičení

1. Nahlédněte, že množina všech polynomů je nejmenší množina funkcí z \mathbb{R} do \mathbb{R} , která obsahuje všechny konstantní funkce, identitu a je uzavřená na sčítání, násobení a skládání funkcí. Pokud tedy prohlásíme za efektivní právě polynomiální algoritmy, platí, že složením efektivních algoritmů (v mnoha možných smyslech) je zase efektivní algoritmus. To je velice příjemná vlastnost.
- 2.* Při kódování vstupu řetězcem bitů se často hodí umět zapsat číslo předem neznámé velikosti *instantním kódem*, tj. takovým, při jehož čtení poznáme, kdy skončil. Dvojkový zápis čísla x zabere $\lfloor \log_2 x \rfloor + 1$ bitů, ale není instantní. Kódování použité v problému párování je instantní a spotřebuje $2\lfloor \log_2 x \rfloor + \mathcal{O}(1)$ bitů. Navrhněte instantní kód, kterému stačí $\lfloor \log_2 x \rfloor + o(\log x)$ bitů. (Připomeňme, že $f \in o(g)$, pokud $\lim_{n \rightarrow \infty} f/g = 0$.)
- 3.* Převoditelnost je pouze kvaziuspořádání, ale můžeme z ní snadno vyrobit skutečné uspořádání: Definujeme relaci $A \sim B \equiv (A \rightarrow B) \wedge (B \rightarrow A)$. Dokažte, že je to ekvivalence, a relaci převoditelnosti zavedte na třídách této ekvivalence. Taková převoditelnost už bude slabě antisymetrická. To je v matematice dost běžný trik, říká se mu *faktORIZACE* kvaziuspořádání. Vyzkoušejte si ho na relaci dělitelnosti na množině celých čísel.

19.2 Příklady převodů

Nyní se podíváme na příklady několika problémů, které se obecně považují za těžké. Uvidíme, že každý z nich je možné převést na všechny ostatní, takže z našeho „polynomiálního“ pohledu jsou stejně obtížné.

Problém SAT – splnitelnost (satisfiability) logických formulí v CNF

Mějme nějakou logickou formuli s proměnnými a logickými spojkami. Zajímá nás, jestli tato formule *splnitelná*, tedy zda lze za proměnné dosadit 0 a 1 tak, aby formule dala výsledek 1 (byla *splněna*).

Zaměříme se na formule ve speciálním tvaru, v takzvané *konjunktivní normální formě (CNF)*:

- formule je složena z jednotlivých *klauzulí* oddělených spojkou \wedge ,
- každá *klauzula* je složená z *literálů* oddělených \vee ,
- každý *literál* je buďto proměnná, nebo její negace.

Vstup problému: Formule ψ v konjunktivní normální formě.

Výstup problému: Existuje-li dosazení 0 a 1 za proměnné tak, aby $\psi(\dots) = 1$.

Příklad: Formule $(x \vee y \vee z) \wedge (\neg x \vee y \vee z) \wedge (x \vee \neg y \vee z) \wedge (x \vee y \vee \neg z)$ je splnitelná, stačí nastavit například $x = y = z = 1$ (jaká jsou ostatní splňující ohodnocení?). Naproti tomu formule $(x \vee y) \wedge (x \vee \neg y) \wedge \neg x$ splnitelná není, což snadno ověříme třeba vyzkoušením všech čtyř možných ohodnocení.

Poznámka: Co kdybychom chtěli zjistit, zda je splnitelná nějaká formule, která není v CNF? V logice se dokazuje, že ke každé formuli lze najít ekvivalentní formuli v CNF, ale při tom se bohužel formule může až exponenciálně prodloužit. Později ukážeme, že pro každou formuli χ existuje nějaká formule χ' v CNF, která je splnitelná právě tehdy, když je χ splnitelná. Formule χ' přitom bude dlouhá $\mathcal{O}(|\chi|)$, ale budou v ní nějaké nové proměnné.

Problém 3-SAT – splnitelnost formulí s krátkými klauzulemi

Pro SAT zatím není známý žádný polynomiální algoritmus. Co kdybychom zkusili problém trochu zjednodušit a uvažovat pouze formule ve speciálním tvaru?

Definujeme problém 3-SAT, což je splnitelnost pro formule v CNF, jejichž každá klauzule obsahuje nejvýše tři literály. Ukážeme, že tento problém je stejně těžký jako původní SAT.

Převod 3-SAT → SAT: Jelikož 3-SAT je speciálním případem SATu, poslouží tu jako převodní funkce identita. (Implicitně předpokládáme, že oba problémy používají stejné kódování formulí do řetězců bitů a že na nekorektní vstupy odpovídají vždy záporně.)

Převod SAT → 3-SAT: Nechť se ve formuli vyskytuje nějaká „dlouhá“ klauzule o $k > 3$ literálech. Můžeme ji zapsat ve tvaru $(\alpha \vee \beta)$, kde α obsahuje 2 literály a β $k - 2$ literálů. Pořídíme si novou proměnnou x a klauzuli nahradíme dvěma novými $(\alpha \vee x)$ a $(\beta \vee \neg x)$. První z nich obsahuje 3 literály, tedy je krátká. Druhá má $k - 1$ literálů, takže může být stále dlouhá, nicméně postup můžeme opakovat.

Takto postupně nahradíme všechny dlouhé klauzule krátkými, což bude trvat nejvýše polynomálně dlouho, neboť klauzuli délky k rozebereme po $k - 3$ krocích.

Zbývá ukázat, že nová formule je splnitelná právě tehdy, byla-li splnitelná formule původní. K tomu stačí nahlédnout, že každý jednotlivý krok převodu splnitelnost zachovává.

Pokud původní formule byla splnitelná, uvažme nějaké splňující ohodnocení proměnných. Ukážeme, že vždy můžeme novou proměnnou x nastavit tak, aby vzniklo splňující ohodnocení nové formule.

Víme, že klauzule $(\alpha \vee \beta)$ byla splněna. Proto v daném ohodnocení:

- Budťo $\alpha = 1$. Pak položíme $x = 0$, takže $(\alpha \vee x)$ bude splněna díky α a $(\beta \vee \neg x)$ díky x .
- Anebo $\alpha = 0$, a tedy $\beta = 1$. Pak položíme $x = 1$, čímž bude $(\alpha \vee x)$ splněna díky x , zatímco $(\beta \vee \neg x)$ díky β .

Ostatní klauzule budou stále splněny.

V opačném směru: pokud dostaneme splňující ohodnocení nové formule, umíme z něj získat splňující ohodnocení formule původní. Ukážeme, že stačí zapomenout proměnnou x . Všechny klauzule, kterých se naše transformace netýká, jsou nadále splněné. Co klauzule $(\alpha \vee \beta)$?

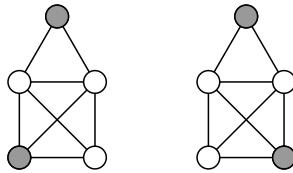
- Budťo $x = 0$, pak musí být $(\alpha \vee x)$ splněna díky α , takže $(\alpha \vee \beta)$ je také splněna díky α .
- Anebo $x = 1$, pak musí být $(\beta \vee \neg x)$ splněna díky β , takže i $(\alpha \vee \beta)$ je splněna.

Tím je převod hotov. SAT a 3-SAT jsou tedy stejně těžké.

Problém NzMna – nezávislá množina vrcholů v grafu

Definice: Množina vrcholů grafu je *nezávislá*, pokud žádné dva vrcholy ležící v této množině nejsou spojeny hranou. (Jinými slovy nezávislá množina indukuje podgraf bez hran.)

Na samotnou existenci nezávislé množiny se nemá smysl ptát – prázdná množina či libovolný jeden vrchol jsou vždy nezávislé. Zajímavé ale je, jestli graf obsahuje dostatečně velkou nezávislou množinu.



Obrázek 19.1: Největší nezávislé množiny

Vstup problému: Neorientovaný graf G a číslo $k \in \mathbb{N}$.

Výstup problému: Zda existuje nezávislá množina $A \subseteq V(G)$ velikosti alespoň k .

Převod 3-SAT → NzMna: Dostaneme formuli a máme vytvořit graf, v němž se bude nezávislá množina určené velikosti nacházet právě tehdy, je-li formule splnitelná. Myšlenka převodu bude jednoduchá: z každé klauzule budeme chtít vybrat jeden literál, jehož nastavením klauzuli splníme. Samozřejmě si musíme dát pozor, abychom v různých klauzulích nevybírali konfliktně, tj. jednou x a podruhé $\neg x$.

Jak to přesně zařídit: pro každou z k klauzul zadáné formule vytvoříme trojúhelník a jeho vrcholům přiřadíme literály klauzule. (Pokud by klauzule obsahovala méně literálů, prostě některé vrcholy trojúhelníku smažeme.) Navíc spojíme hranami všechny dvojice konfliktních literálů (x a $\neg x$) z různých trojúhelníků.

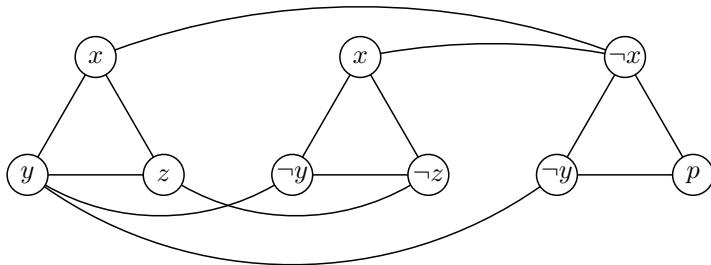
V tomto grafu se budeme ptát po nezávislé množině velikosti alespoň k . Jelikož z každého trojúhelníku můžeme do nezávislé množiny vybrat nejvýše jeden vrchol, jediná možnost, jak dosáhnout požadované velikosti, je vybrat z každého právě jeden vrchol. Ukážeme, že taková nezávislá množina existuje právě tehdy, je-li formule splnitelná.

Máme-li splňující ohodnocení formule, můžeme z každé klauzule vybrat jeden pravdivý literál. Do nezávislé množiny umístíme vrcholy odpovídající těmto literálům. Je jich právě k . Jelikož každé dva vybrané vrcholy leží v různých trojúhelnících a nikdy nemůže být pravdivý současně literál a jeho negace, množina je opravdu nezávislá.

A opačně: Kdykoliv dostaneme nezávislou množinu velikosti k , vybereme literály odpovídající vybraným vrcholům a příslušné proměnné nastavíme tak, abychom tyto literály splnili. Díky hranám mezi konfliktními literály se nikdy nestane, že bychom potřebovali proměnnou nastavit současně na 0 a na 1. Zbývající proměnné ohodnotíme libovolně. Jelikož jsme v každé klauzuli splnili alespoň jeden literál, jsou splněny všechny klauzule, a tedy i celá formule.

Převod je tedy korektní, zbývá rozmyslet si, že běží v polynomiálním čase: Počet vrcholů grafu odpovídá počtu literálů ve formuli, počet hran je maximálně kvadratický. Každý

vrchol i hranu přitom sestrojíme v polynomiálním čase, takže celý převod je také polynomiální.



Obrázek 19.2: Graf pro formuli $(x \vee y \vee z) \wedge (x \vee \neg y \vee \neg z) \wedge (\neg x \vee \neg y \vee p)$

Převod NzMna → SAT: Dostaneme graf a číslo k , chceme vytvořit formuli, která je splnitelná právě tehdy, pokud se v grafu nachází nezávislá množina o alespoň k vrcholech. Tuto formuli sestrojíme následovně.

Vrcholy grafu očíslovujeme od 1 do n a pořídíme si pro ně proměnné v_1, \dots, v_n , které budou indikovat, zda byl příslušný vrchol vybrán do nezávislé množiny (příslušné ohodnocení proměnných tedy bude odpovídat charakteristické funkci nezávislé množiny).

Aby množina byla opravdu nezávislá, pro každou hranu $ij \in E(G)$ přidáme klauzuli $(\neg v_i \vee \neg v_j)$.

Ještě potřebujeme zkontolovat, že množina je dostatečně velká. To neumíme provést přímo, ale použijeme lešt: vyrobíme matici proměnných \mathbf{X} tvaru $k \times n$, která bude popisovat očíslování vrcholů nezávislé množiny čísly od 1 do k . Konkrétně $x_{i,j}$ bude říkat, že v pořadí i -tý prvek nezávislé množiny je vrchol j . K tomu potřebujeme zařídit:

- Aby v každém sloupci byla nejvyšše jedna jednička. Na to si pořídíme klauzule $(x_{i,j} \Rightarrow \neg x_{i',j})$ pro $i' \neq i$. (Jsou to implikace, ale můžeme je zapsat i jako disjunkce, protože $a \Rightarrow b$ je totéž jako $\neg a \vee b$.)
- Aby v každém řádku ležela právě jedna jednička. Nejprve zajistíme nejvyšše jednu klauzulemi $(x_{i,j} \Rightarrow \neg x_{i,j'})$ pro $j' \neq j$. Pak přidáme klauzule $(x_{i,1} \vee x_{i,2} \vee \dots \vee x_{i,n})$, které požadují alespoň jednu jedničku v řádku.
- Vztah mezi očíslováním a nezávislou množinou: přidáme klauzule $x_{i,j} \Rightarrow v_j$. (Všimněte si, že nezávislá množina může obsahovat i neočíslované prvky, ale to nám nevadí. Důležité je, aby jich měla k očíslovaných.)

Správnost převodu je zřejmá, ověrme ještě, že probíhá v polynomiálním čase. To plyně z toho, že vytvoříme polynomiálně mnoho klauzulí a každou z nich stihneme vypsat v lineárním čase.

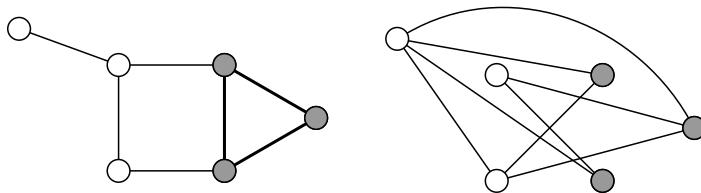
Dokázali jsme tedy, že testování existence nezávislé množiny je stejně těžké jako testování splnitelnosti formule. Pojdme se podívat na další problémy.

Problém Klika – úplný podgraf

Podobně jako nezávislou množinu můžeme v grafu hledat i *kliku* – úplný podgraf dané velikosti.

Vstup problému: Graf G a číslo $k \in N$.

Výstup problému: Existuje-li úplný podgraf grafu G na alespoň k vrcholech.



Obrázek 19.3: Klika v grafu a nezávislá množina v jeho doplňku

Tento problém je ekvivalentní s hledáním nezávislé množiny. Pokud v grafu prohodíme hrany a nehrany, stane se z každé kliky nezávislá množina a naopak. Převodní funkce tedy zneguje hrany a ponechá číslo k .

Problém 3,3-SAT – splnitelnost s malým počtem výskytů

Než se pustíme do dalšího kombinatorického problému, předvedeme ještě jednu speciální variantu SATu, se kterou se nám bude pracovat příjemněji.

Již jsme ukázali, že SAT zůstane stejně těžký, omezíme-li se na formule s klauzulemi délky nejvýše 3. Teď budeme navíc požadovat, aby se každá proměnná vyskytovala v maximálně třech literálech. Tomuto problému se říká 3,3-SAT.

Převod 3-SAT → 3,3-SAT: Pokud se proměnná x vyskytuje v $k > 3$ literálech, nahradíme její výskyty novými proměnnými x_1, \dots, x_k a přidáme klauzule, které zabezpečí, že tyto proměnné budou pokaždé ohodnoceny stejně: $(x_1 \Rightarrow x_2), (x_2 \Rightarrow x_3), (x_3 \Rightarrow x_4), \dots, (x_{k-1} \Rightarrow x_k), (x_k \Rightarrow x_1)$.

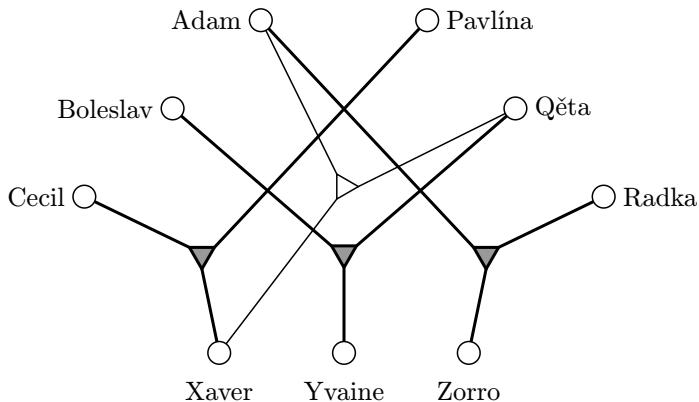
Zesílení: Můžeme dokonce zařídit, aby se každý literál vyskytoval nejvýše dvakrát (tedy že každá proměnná se vyskytuje alespoň jednou pozitivně a alespoň jednou negativně).

Pokud by se nějaká proměnná objevila ve třech stejných literálech, můžeme na ni také použít náš trik a nahradit ji třemi proměnnými. V nových klauzulích se pak bude vyskytovat jak pozitivně, tak negativně (opět připomínáme, že $a \Rightarrow b$ je jen zkratka za $\neg a \vee b$).

Problém 3D-párování

Vstup problému: Tři množiny, např. K (kluci), H (holky), Z (zvířátka) a množina $T \subseteq K \times H \times Z$ kompatibilních trojic (těch, kteří se spolu snesou).

Výstup problému: Zda existuje perfektní podmnožina trojic, tedy taková, v níž se každý prvek množin K , H a Z účastní právě jedné trojice.

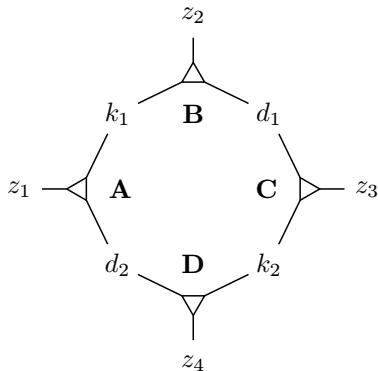


Obrázek 19.4: 3D-párování

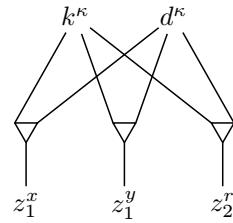
Převod 3,3-SAT → 3D-párování: Uvažujme trochu obecněji. Pokud chceme ukázat, že se na nějaký problém dá převést SAT, potřebujeme obvykle dvě věci: Jednak konstrukci, která bude simulovat proměnné, tedy něco, co nabývá dvou stavů 0/1. Poté potřebujeme cosi, co umí zařídit, aby každá klauzule byla splněna alespoň jednou proměnnou. Jak to provést u 3D-párování?

Uvažujme konfiguraci z obrázku 19.5. V ní se nacházejí 4 zvířátka (z_1 až z_4), 2 kluci (k_1 a k_2), 2 dívky (d_1 a d_2) a 4 trojice (A , B , C a D). Zatímco zvířátka se budou moci účastnit i jiných trojic, kluky a dívčata nikam jinam nezapojíme.

Všimneme si, že existují právě dvě možnosti, jak tuto konfiguraci spárovat. Abychom spárovali kluka k_1 , tak musíme vybrat buď trojici A nebo B . Pokud si vybereme A , k_1 i d_2 už jsou spárovaní, takže si nesmíme vybrat B ani D . Pak jediná možnost, jak spárovat d_1 a k_2 , je použít C . Naopak začneme-li trojicí B , vyloučíme A a C a použijeme D (situace je symetrická).



Obrázek 19.5: Konfigurace pro proměnnou



Obrázek 19.6: Konfigurace pro klauzuli

Vždy si tedy musíme vybrat dvě protější trojice v obrázku a druhé dvě nechat nevyužité. Tyto možnosti budeme používat k reprezentaci proměnných. Pro každou proměnnou si pořídíme jednu kopii obrázku. Volba $A + C$ bude odpovídat nule a nespáruje zvířátko z_2 a z_4 . Volba $B + D$ reprezentuje jedničku a nespáruje z_1 a z_3 . Přes tato nespárovaná zvířátka můžeme předávat informaci o hodnotě proměnné do klauzulí.

Zbývá vymyslet, jak reprezentovat klauzule. Mějme klauzuli tvaru řekněme $(x \vee y \vee \neg r)$. Potřebujeme zajistit, aby x bylo nastavené na 1 nebo y bylo nastavené na 1 nebo r na 0.

Pro takovouto klauzuli přidáme konfiguraci z obrázku 19.6. Pořídíme si novou dvojici kluk a dívka, kteří budou figurovat ve třech trojicích se třemi různými zvířátky, což budou volná zvířátka z obrázků pro příslušné proměnné. Zvolíme je tak, aby se uvolnila při správném nastavení proměnné. Žádné zvířátko přitom nebude vystupovat ve více klauzulích, což můžeme splnit díky tomu, že každý literál se v 3,3-SATu vyskytuje nejvýše dvakrát a máme pro něj dvě volná zvířátka.

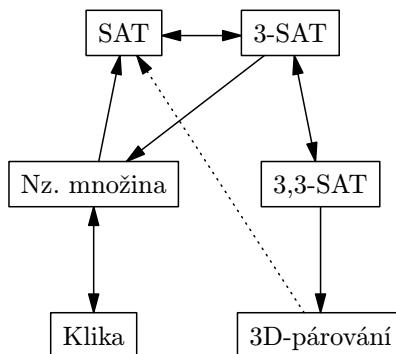
Ještě nám určitě zbude $4p - 3k$ zvířátek, kde p je počet proměnných a k počet klauzulí. Každá proměnná totiž dodá 4 volná zvířátka a každá klauzule použije 3 z nich. Přidáme proto ještě $4p - 3k$ párů lidí, kteří milují úplně všechna zvířátka; ti vytvoří zbývající trojice. Pokud je nějaká klauzule kratší než 3 literály, $3k$ se příslušně sníží.

Snadno ověříme, že celý převod pracuje v polynomiálním čase. Rozmysleme si ještě, že je korektní. Pokud formule byla splnitelná, z každého splňujícího ohodnocení můžeme vyrobit párování v naší konstrukci. Obrázek pro každou proměnnou spárujeme podle ohodnocení (buď $A + C$ nebo $B + D$). Pro každou klauzuli si vybereme trojici, která odpovídá některému z literálů, jimiž je klauzule splněna.

A opačně: Když nám někdo dá párování v naší konstrukci, dokážeme z něj vyrobit splňující ohodnocení dané formule. Podíváme se, v jakém stavu je proměnná, a to je všechno. Z toho, že jsou správně spárovány klausule, už okamžitě víme, že jsou všechny splněné.

Ukázali jsme tedy, že na 3D-párování lze převést 3,3-SAT, a tedy i obecný SAT. Převod v opačném směru ponecháme jako cvičení 2.

Jak je vidět ze schématu (obr. 19.7), všechny problémy z tohoto oddílu jsou navzájem převoditelné.



Obrázek 19.7: Problémy a převody mezi nimi

Cvičení

1. Domyslete detaily kódování vstupu pro libovolný z problémů z tohoto oddílu.
2. Převeďte 3D-párování na SAT. Jde to podobně, jako když jsme na SAT převáděli nezávislou množinu.
3. Co jsme ztratili omezením na rozhodovací problémy? Dokažte pro libovolný problém z tohoto oddílu, že pokud bychom ho dokázali v polynomiálním čase vyřešit, uměli bychom polynomiálně řešit i „zjišťovací“ verzi (najít konkrétní párování, splňující ohodnocení, kliku apod.).

Jak na to, ukážeme na párování: Chceme v grafu G najít párování velikosti k . Zvolíme libovolnou hranu e a otestujeme (zavoláním rozhodovací verze problému), zda i v grafu $G - e$ existuje párování velikosti k . Pokud ano, můžeme hranu e smazat a pokračovat dál. Pokud ne, znamená to, že hrana e leží ve všech párováních velikosti k , takže si ji zapamatujeme, smažeme z grafu včetně krajních vrcholů a všech incidentních hran, načež snížíme k o 1. Tak postupně získáme všech k hran párování.

4. *Vrcholové pokrytí* grafu je množina vrcholů, která obsahuje alespoň jeden vrchol z každé hrany. (Chceme na křízovatky rozmístit strážníky tak, aby každou ulici alespoň jeden hlídál.) Ukažte vzájemné převody mezi problémem nezávislé množiny a problémem „Existuje vrcholové pokrytí velikosti nejvýše k ?“.
5. Zesilte náš převod SATu na nezávislou množinu tak, aby vytvářel grafy, jejichž všechny vrcholy mají stupeň nejvýše 4.
6. Vyřešte SAT pro formule v disjunktivní normální formě (klauzule jsou spojené \vee , literály v klauzuli \wedge) v polynomiálním čase.

19.3 NP-úplné problémy

Všechny problémy, které jsme zatím zkoumali, měly jednu společnou vlastnost. Šlo v nich o to, zda existuje nějaký objekt. Například splňující ohodnocení formule nebo klika v grafu. Kdykoliv nám přitom někdo takový objekt ukáže, umíme snadno ověřit, že má požadovanou vlastnost. Ovšem najít ho už tak snadné není. Podobně se chovají i mnohé další „vyhledávací problémy“, zkusme je tedy popsat obecněji.

Definice: P je třída⁽²⁾ rozhodovacích problémů, které jsou řešitelné v polynomiálním čase. Jinak řečeno, problém L leží v P právě tehdy, když existuje nějaký algoritmus A a polynom f , přičemž pro každý vstup x algoritmus A doběhne v čase nejvýše $f(|x|)$ a vydá výsledek $A(x) = L(x)$.

Třída P tedy zachycuje naši představu o efektivně řešitelných problémech. Nyní definujeme třídu NP , která bude odpovídat naši představě vyhledávacích problémů.

Definice: NP je třída rozhodovacích problémů, v níž problém L leží právě tehdy, pokud existuje nějaký problém $K \in P$ a polynom g , přičemž pro každý vstup x je $L(x) = 1$ právě tehdy, pokud pro nějaký řetězec y délky nejvýše $g(|x|)$ platí $K(x, y) = 1$.⁽³⁾

Co to znamená? Algoritmus K řeší problém L , ale kromě vstupu x má k dispozici ještě polynomiálně dlouhou návodovou *nápowědu* y . Přitom má platit, že je-li $L(x) = 1$, musí existovat alespoň jedna návodová, kterou algoritmus K schválí. Pokud ovšem $L(x) = 0$, nesmí ho přesvědčit žádná návodová.

Jinými slovy y je jakýsi *certifikát*, který stvrzuje kladnou odpověď, a problém K má za úkol certifikáty kontrolovat. Pro kladnou odpověď musí existovat alespoň jeden schválený certifikát, pro zápornou musí být všechny certifikáty odmítnuty.

⁽²⁾ Formálně vzato je to množina, ale v teorii složitosti se pro množiny problémů vžil název *třídy*.

⁽³⁾ Rozhodovací problémy mají na vstupu řetězec bitů. Tak jaképak x, y ? Máme samozřejmě na mysli nějaké binární kódování této dvojice.

To je podobné dokazování v matematice: k pravdivému tvrzení by měl existovat důkaz, u nepravdivého nás žádný „důkaz“ nepřesvědčí.

Příklad: Splnitelnost logických formulí je v NP. Stačí si totiž nechat napovědět, jak ohodnotit jednotlivé proměnné, a pak ověřit, je-li formule splněna. Ná pověda je polynomiálně velká (dokonce lineárně), splnění zkонтrolujeme také v lineárním čase. Podobně to lze dokázat i o ostatních rozhodovacích problémech, se kterými jsme v minulém oddílu potkali.

Pozorování: Třída P leží uvnitř NP. Pokud totiž problém umíme řešit v polynomiálním čase bez ná povědy, tak to zvládneme v polynomiálním čase i s ná povědou. Algoritmus K tedy bude ignorovat ná povědy a odpověď spočítá přímo ze vstupu.

Nevíme ale, zda jsou třídy P a NP skutečně různé. Na to se teoretičtí informatici snaží přijít už od 70. let minulého století a postupně se z toho stal snad vůbec nejslavnější otevřený problém informatiky.

Například pro žádný problém z předchozího oddílu nevíme, zda leží v P. Povede se nám ale dokázat, že tyto problémy jsou v jistém smyslu ty nejtěžší v NP.

Definice: Problém L nazveme **NP-těžký**, je-li na něj převoditelný každý problém z NP. Pokud navíc L leží v NP, budeme říkat, že L je **NP-úplný**.

Lemma: Pokud nějaký NP-těžký problém L leží v P, pak $P = NP$.

Důkaz: Již víme, že $P \subseteq NP$, takže stačí dokázat opačnou inkluzi. Vezměme libovolný problém $A \in NP$. Z NP-těžkosti problému L plyne $A \rightarrow L$. Už jsme ale dříve dokázali (lemma na straně 466), že pokud $L \in P$ a $A \rightarrow L$, pak také $A \in P$. \square

Existují ale vůbec nějaké NP-úplné problémy? Na první pohled zní nepravděpodobně, že by na nějaký problém z NP mohly jít převést všechny ostatní. Stephen Cook ale v roce 1971 dokázal následující překvapivou větu:

Věta (Cookova): SAT je NP-úplný.

Důkaz této věty je značně technický a alespoň v hrubých rysech ho předvedeme v příštím oddílu. Teď především ukážeme, že jakmile známe jeden NP-úplný problém, můžeme pomocí převoditelnosti dokazovat i NP-úplnost dalších.

Lemma: Mějme dva problémy $L, M \in NP$. Pokud L je NP-úplný a $L \rightarrow M$, pak M je také NP-úplný. (Intuitivně: Pokud L je nejtěžší v NP a $M \in NP$ je alespoň tak těžký jako L , pak M je také nejtěžší v NP.)

Důkaz: Jelikož M leží v NP, stačí o něm dokázat, že je NP-těžký, tedy že na něj lze převést libovolný problém z NP. Uvažme tedy nějaký problém $Q \in NP$. Jelikož L je NP-úplný,

musí platit $Q \rightarrow L$. Převoditelnost je ovšem tranzitivní, takže z $Q \rightarrow L$ a $L \rightarrow M$ plyne $Q \rightarrow M$. \square

Důsledek: Všechny problémy z minulého oddílu jsou NP-úplné.

Poznámka (o dvou možných světech): Jestli je $P = NP$, to nevíme a nejspíš ještě dlouho vědět nebudeme. Nechme se ale na chvíli unášet fantazií a zkuste si představit, jak by vypadaly světy, v nichž platí jedna nebo druhá možnost.

- $P = NP$ – to je na první pohled idylický svět, v němž jde každý vyhledávací problém vyřešit v polynomiálním čase, nejspíš tedy i prakticky efektivně. Má to i své stinné stránky: například jsme přišli o veškeré efektivní šifrování – rozmyslete si, že pokud umíme vypočítat nějakou funkci v polynomiálním čase, umíme efektivně spočítat i její inverzi.
- $P \neq NP$ – tehdy jsou P a NP-úplné dvě disjunktní třídy. SAT a ostatní NP-úplné problémy nejsou řešitelné v polynomiálním čase. Je ale stále možné, že aspoň na některé z nich existují prakticky použitelné algoritmy, třeba o složitosti $\Theta((1 + \varepsilon)^n)$ nebo $\Theta(n^{\log n/100})$. Také platí (tomu se říká Ladnerova věta [1]), že třída NP obsahuje i problémy, které svou obtížností leží někde mezi P a NP-úplnými.

Katalog NP-úplných problémů

Pokud se setkáme s problémem, který neumíme zařadit do P , hodí se vyzkoušet, zda je NP-úplný. K tomu se hodí mít alespoň základní zásobu „učebnicových“ NP-úplných problémů, abychom si mohli vybrat, z čeho převádět. U některých jsme už NP-úplnost dokázali, u ostatních alespoň naznačíme, jak na to.

- *Logické problémy:*
 - *SAT:* splnitelnost logických formulí v CNF
 - *3-SAT:* každá klauzule obsahuje max. 3 literály
 - *3,3-SAT:* navíc se každá proměnná vyskytuje nejvýše třikrát
 - *SAT pro obecné formule:* nejen v CNF (viz oddíl 19.4)
 - *Obvodový SAT:* splnitelnost booleovského obvodu (viz oddíl 19.4)
- *Grafové problémy:*
 - *Nezávislá množina:* existuje množina alespoň k vrcholů, mezi nimiž nevede žádná hrana?
 - *Klika:* existuje úplný podgraf na k vrcholech?
 - *Barvení grafu:* lze obarvit vrcholy k barvami (přidělit každému vrcholu číslo od 1 do k) tak, aby vrcholy stejné barvy nebyly nikdy spojeny hranou? To je NP-úplné už pro $k = 3$, viz cvičení 2 a 3.

- *Hamiltonovská cesta*: existuje cesta obsahující všechny vrcholy? (cvičení 5)
- *Hamiltonovská kružnice*: existuje kružnice obsahující všechny vrcholy? (cvičení 4)
- *3D-párování*: máme tři množiny se zadanými trojicemi; zjistěte, zda existuje taková množina disjunktních trojic, ve které jsou všechny prvky právě jednou? (Striktně vzato, není to grafový problém, ale hypergrafový – hrany nejsou páry, ale trojice.)
- *Číselné problémy*:
 - *Součet podmnožiny*: má daná množina přirozených čísel podmnožinu s daným součtem? (cvičení 8)
 - *Batoh*: jsou dány předměty s váhami a cenami a kapacita batohu, chceme najít co nejdražší podmnožinu předmětů, jejíž váha nepřesáhne kapacitu batohu. Aby se jednalo o rozhodovací problém, ptáme se, zda existuje podmnožina s cenou větší nebo rovnou zadámu číslu. (cvičení 9)
 - *Dva loupežníci*: lze rozdělit danou množinu čísel na dvě podmnožiny se stejným součtem? (cvičení 7)
 - *$\mathbf{Ax} = \mathbf{1}$ (soustava nula-jedničkových lineárních rovnic)*: je dána matice $\mathbf{A} \in \{0, 1\}^{m \times n}$. Existuje vektor $\mathbf{x} \in \{0, 1\}^n$ takový, že \mathbf{Ax} je rovno vektoru samých jedniček? (cvičení 1)

Další třídy problémů*

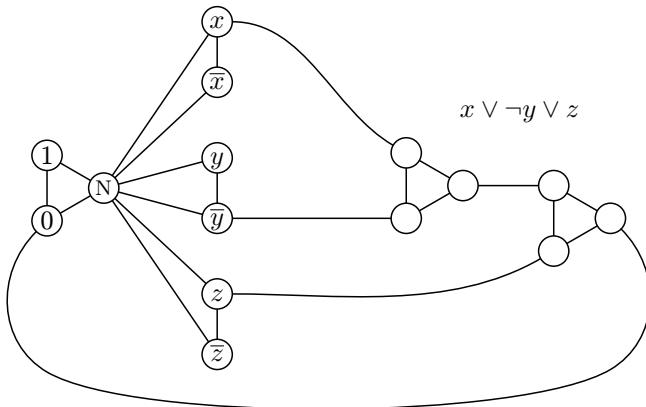
Třída P je uzavřená na negace: kdykoliv nějaký problém L leží v P , pak jeho negace také leží v P . Pro třídu NP to ale tak samozřejmě není: ze schopnosti certifikovat kladnou odpověď vůbec neplyne schopnost certifikovat zápornou. Například u SATu kladnou odpověď certifikujeme tím, že ukážeme splňující ohodnocení. Ale jak ukázat, že formule není splnitelná?

To vede k definici třídy $co\text{-}NP$. Tam patří všechny problémy, jejichž negace leží v NP , tedy je možné certifikovat *negativní* odpovědi. Opět platí $P \subseteq co\text{-}NP$ a neví se, zda inkluze je ostrá. Také se neví, zda NP a $co\text{-}NP$ jsou různé třídy. I v třídě $co\text{-}NP$ funguje převoditelnost a existují úplné problémy: jeden z nich prozkoumáme ve cvičení 14.

Také můžeme obtížnost problémů měřit pomocí prostorové složitosti. Do třídy $PSpace$ patří ty problémy, které jsou řešitelné algoritmem pracujícím v polynomiálním prostoru. Třída $PSpace$ evidentně obsahuje P , ovšem také NP i $co\text{-}NP$ (cvičení 15). Ačkoliv $PSpace$ vypadá mnohem obsáleji, překvapivě se ani u této třídy neví, zda je různá od P . Převoditelnost i úplnost stále fungují. Příkladem $PSpace$ -úplného problému je QSAT – varianta SATu pro formule s kvantifikátory \forall a \exists (proměnné jsou nicméně stále booleovské). Úplnost zde nicméně nebude dokazovat.

Cvičení

1. Dokažte NP-úplnost problému $\mathbf{Ax} = \mathbf{1}$. [N94]
- 2.* Dokažte NP-úplnost problému *barvení grafu třemi barvami* převodem z 3-SATu. Inspirujte se obrázkem 19.8.

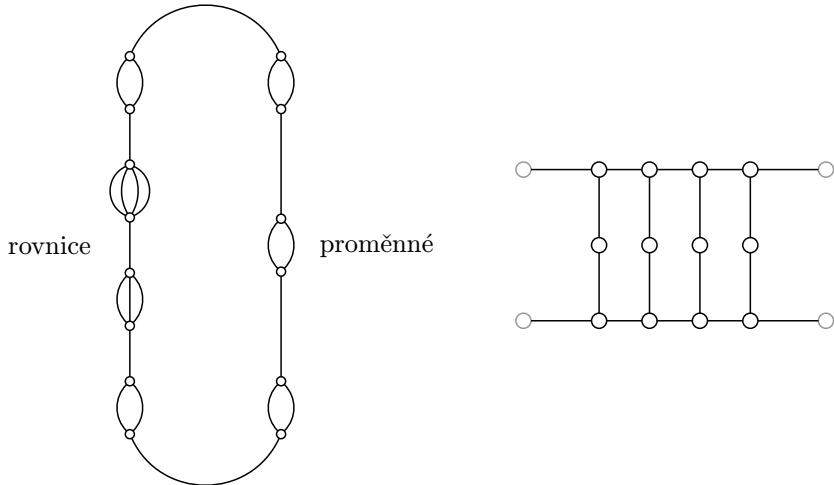


Obrázek 19.8: K důkazu NP-úplnosti barvení grafu

3. Ukažte, že *barvení grafu jednou nebo dvěma barvami* leží v P.
- 4.* Dokažte NP-úplnost problému *hamiltonovské kružnice* podle následujícího návodu. Nejprve budeme převádět problém $\mathbf{Ax} = \mathbf{1}$ na speciální variantu hamiltonovské kružnice. V té budou povoleny paralelní hrany a bude možné dvojice hran párovat – určit, že hledaná kružnice projde právě jednou hranou z dvojice.

Pro danou soustavu rovnic sestrojíme graf podle obrázku 19.9 vlevo. Pro každou proměnnou pořídíme dvě paralelní hrany, které budou odpovídat jejím možným hodnotám. Pro každou rovnici pořídíme paralelní hrany odpovídající jednotlivým výskyty proměnných (s nenulovým koeficientem). Nakonec spárujeme každý výskyt proměnné v rovnici s nulovým stavem příslušné proměnné.

Dokažte, že v tomto grafu existuje párovací hamiltonovská kružnice právě tehdy, má-li soustava rovnic řešení. Vymyslete, jak se zbavit paralelních hran a požadavků na párování. K tomu se může hodit rozmyslet si, jak může hamiltonovská kružnice procházet podgrafem z obrázku 19.9 vpravo.



Obrázek 19.9: K důkazu NP-úplnosti hamiltonovské kružnice

5. Upravte konstrukci z předchozího cvičení na důkaz NP-úplnosti problému *hamiltonovské cesty*. Uvažujte i verzi problému, v níž máme pevně určený jeden nebo oba krajní vrcholy cesty.
6. Dokažte, že uvedené problémy týkající se hamiltonovských cest a kružnic zůstávají NP-úplné i pokud všechny vrcholy mají stupeň nejvýše 3.
7. Převeďte součet podmnožiny na dva loupežníky a opačně.
8. Dokažte NP-úplnost problému *součtu podmnožiny*. [N34]
9. Dokažte NP-úplnost problému batohu. [N54]
10. Pokud bychom definovali P-úplnost analogicky k NP-úplnosti, které problémy z P by byly P-úplné?
11. Převeďte libovolný problém z katalogu na SAT, aniž byste použili Cookovu větu.
12. *Kvadratické rovnice:* Převeďte SAT na řešitelnost soustavy kvadratických rovnic více proměnných, tedy rovnic tvaru

$$\sum_i \alpha_i x_i^2 + \sum_{i,j} \beta_{ij} x_i x_j + \sum_i \gamma_i x_i + \delta = 0,$$

— 19.4* Těžké problémy – Důkaz Cookovy věty

kde x_1, \dots, x_n jsou reálné neznámé a řecká písmena značí celočíselné konstanty.
(Všimněte si, že vůbec není jasné, zda tento problém leží v NP.)

13. *Množinové pokrytí:* Na vstupu dostaneme množiny $A_1, \dots, A_k \subseteq X$ a číslo t . Úkolem je zjistit, zda lze vybrat t -tici množin tak, aby jejich sjednocení bylo celé X . Dokažte, že tento problém je NP-úplný.
- 14.* *Tautologie* říkáme formuli, která je pravdivá pro každé ohodnocení proměnných. Dokažte, že problém, zda zadaná formule je tautologie, je co-NP-úplný. [N53]
- 15.* Ukažte, že libovolný problém z NP nebo co-NP leží v PSPACE. [N31]
- 16.* Dokažte, že QSAT leží v PSPACE.
- 17.* Nechť pro problém L existuje pravděpodobnostní algoritmus, který běží v polynomiálním čase (v nejhorším případě) a vydá správnou odpověď s pravděpodobností větší než $1/2$. Dokažte, že pak L leží v PSPACE. [N25]

19.4* Důkaz Cookovy věty

Zbývá dokázat Cookovu větu. Potřebujeme ukázat, že SAT je NP-úplný, a to přímo z definice NP-úplnosti. Nejprve se nám to povede pro jiný problém, pro takzvaný *obvodový SAT*. V něm máme na vstupu booleovský obvod (hradlovou síť) s jedním výstupem a ptáme se, zda můžeme přivést na vstupy obvodu takové hodnoty, aby vydal výsledek 1. To je obecnější než SAT pro formule (dokonce i neomezíme-li formule na CNF), protože každou formuli můžeme přeložit na lineárně velký obvod (cvičení 15.1.11).

Nejprve tedy dokážeme NP-úplnost obvodového SATu a pak ho převedeme na obyčejný SAT v CNF. Tím bude důkaz Cookovy věty hotov. Začneme lemmatem, v němž bude koncentrováno vše technické.

Budeme se snažit ukázat, že pro každý problém v P existuje polynomiálně velká hradlová síť, která ho řeší. Jenom si musíme dát pozor na to, že pro různé velikosti vstupu potřebujeme různé hradlové sítě, které navíc musíme umět efektivně generovat.

Lemma: Nechť L je problém ležící v P. Potom existuje polynom p a algoritmus, který pro každé n sestrojí v čase $p(n)$ hradlovou síť B_n s n vstupy a jedním výstupem, která řeší L . Tedy pro všechny řetězce $x \in \{0, 1\}^n$ musí platit $B_n(x) = L(x)$.

Náznak důkazu: Vyjdeme z intuice o tom, že počítače jsou jakési složité booleovské obvody, jejichž stav se mění v čase. (Formálněji bychom konstruovali booleovský obvod simulující výpočetní model RAM.)

Uvažme tedy nějaký problém $L \in \mathsf{P}$ a polynomiální algoritmus, který ho řeší. Pro vstup velikosti n algoritmus doběhne v čase T polynomiálním v n a spotřebuje $\mathcal{O}(T)$ buněk paměti. Stačí nám tedy „počítac s pamětí velkou $\mathcal{O}(T)$ “, což je nějaký booleovský obvod velikosti polynomiální v T , a tedy i v n . Vývoj v čase ošetříme tak, že sestojíme T kopí tohoto obvodu, každá z nichž bude odpovídat jednomu kroku výpočtu a bude propojena s „minulou“ a „budoucí“ kopí. Tím sestojíme booleovský obvod, který bude řešit problém L pro vstupy velikosti n a bude polynomiálně velký vzhledem k n . \square

Úprava definice NP: Pro důkaz následující věty si dovolíme drobnou úpravu v definici třídy NP. Budeme chtít, aby ná pověda měla pevnou velikost, závislou pouze na velikosti vstupu (tedy: $|y| = g(|x|)$ namísto $|y| \leq g(|x|)$). Proč je taková úprava bez újmy na obecnosti? Stačí původní ná povědu doplnit na požadovanou délku nějakými „mezerami“, které budeme při ověřování ná povědy ignorovat. Podobně můžeme zaokrouhlit koeficienty polynomu g na celá čísla, aby ho bylo možné vyhodnotit v konstantním čase.

Věta (témař Cookova): Obvodový SAT je NP-úplný.

Důkaz: Obvodový SAT evidentně leží v NP – stačí si nechat poradit vstup, síť topologicky setřídit a v tomto pořadí počítat hodnoty hradel.

Mějme nyní nějaký problém L z NP, o němž chceme dokázat, že se dá převést na obvodový SAT. Když nám někdo předloží nějaký vstup x délky n , spočítáme velikost ná povědy $g(n)$. Víme, že algoritmus K , který kontroluje, zda ná pověda je správně, leží v P. Využijeme předchozí lemma, abychom získali obvod, který pro konkrétní velikost vstupu n počítá to, co kontrolní algoritmus K . Vstupem tohoto obvodu bude x (vstup problému L) a ná pověda y . Na výstupu se dozvímme, zda je ná pověda správná. Velikost tohoto obvodu bude činit $p(n + g(n))$, což je také polynom.

V tomto obvodu zafixujeme vstup x (na místa vstupu dosadíme konkrétní hodnoty z x). Tím získáme obvod, jehož vstup je jen y , a chceme zjistit, zda za y můžeme dosadit nějaké hodnoty tak, aby na výstupu byla 1. Jinými slovy, ptáme se, zda je tento obvod splnitelný.

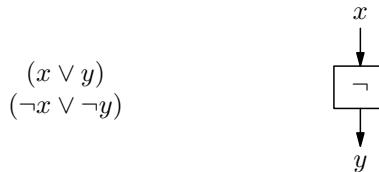
Ukázali jsme tedy, že pro libovolný problém z NP dokážeme sestavit funkci, která pro každý vstup x v polynomiálním čase vytvoří obvod, jenž je splnitelný právě tehdy, když odpověď tohoto problému na vstup x má být kladná. To je přesně převod z daného problému na obvodový SAT. \square

Lemma: Obvodový SAT se dá převést na 3-SAT.

Důkaz: Budeme postupně budovat formuli v konjunktivní normální formě. Každý booleovský obvod se dá v polynomiálním čase převést na ekvivalentní obvod, ve kterém se vyskytují jen hradla AND a NOT (cvičení 15.1.3), takže stačí najít klauzule odpovídající těmto hradlům. Pro každé hradlo v obvodu zavedeme novou proměnnou popisující

jeho výstup. Přidáme klauzule, které nám kontrolují, že toto hradlo máme ohodnocené konzistentně.

Převod hradla NOT: Na vstupu hradla budeme mít nějakou proměnnou x (která přišla buďto přímo ze vstupu celého obvodu, nebo je to výstup nějakého jiného hradla) a na výstupu proměnnou y . Přidáme klauzule, které nám zaručí, že jedna proměnná bude negací té druhé:



Převod hradla AND: Hradlo má vstupy x, y a výstup z . Potřebujeme přidat klauzule, které nám popisují, jak se má hradlo AND chovat. Tyto vztahy přepíšeme do konjunktivní normální formy:

$$\left. \begin{array}{l} x \& y \Rightarrow z \\ \neg x \Rightarrow \neg z \\ \neg y \Rightarrow \neg z \end{array} \right\} \quad \begin{array}{l} (z \vee \neg x \vee \neg y) \\ (\neg z \vee x) \\ (\neg z \vee y) \end{array} \quad \begin{array}{c} x \quad y \\ \downarrow \quad \downarrow \\ \wedge \\ \downarrow \\ z \end{array}$$

Tím v polynomiálním čase vytvoříme formulí, která je splnitelná právě tehdy, je-li splnitelný zadaný obvod. Ve splňujícím ohodnocení formule bude obsaženo jak splňující ohodnocení obvodu, tak výstupy všech hradel obvodu. \square

Poznámka: Tím jsme také odpověděli na otázku, kterou jsme si kladli při zavádění SATu: tedy zda omezením na CNF o něco přijdeme. Teď už víme, že nepřijdeme – libovolná booleovská formule se dá přímočáre převést na obvod a ten zase na formuli v CNF. Zavádíme sice nové proměnné, ale nová formule je splnitelná právě tehdy, kdy ta původní.

Cvičení

- 1.* Dokažte lemma o vztahu mezi problémy z P a hradlovými sítěmi pomocí výpočetního modelu RAM.

19.5 Co si počít s těžkým problémem

NP-úplné problémy jsou obtížné, nicméně v životě velmi běžné. Přesněji řečeno spíš než s rozhodovacím problémem se potkáme s problémem *optimalizačním*, ve kterém jde o nařazení *nejlepšího* objektu s danou vlastností. To může být třeba největší nezávislá množina v grafu nebo barvení grafu nejmenším možným počtem barev. Kdybychom uměli efektivně řešit optimalizační problém, umíme samozřejmě řešit i příslušný rozhodovací, takže pokud $P \neq NP$, jsou i optimalizační problémy těžké.

Ale co naplat, svět nám takové úlohy předkládá a my je potřebujeme vyřešit. Naštěstí situace není zase tak beznadějná. Nabízejí se tyto možnosti, co si počít:

1. *Spokojit se s málem.* Nejsou vstupy, pro které problém potřebujeme řešit, dostatečně malé, aby bychom si mohli dovolit použít algoritmus s exponenciální složitostí? Zvlášť když takový algoritmus vylepšíme prořezáváním neperspektivních větví výpočtu a třeba ho i paralelizujeme.
2. *Vyřešit speciální případ.* Nemají naše vstupy nějaký speciální tvar, kterého bychom mohli využít? Grafové problémy jsou často v P třeba pro stromy nebo i obecněji pro bipartitní grafy. U číselných problémů zase někdy pomůže, jsou-li čísla na vstupu dostatečně malá.
3. *Řešení approximovat.* Opravdu potřebujeme optimální řešení? Nestačilo by nám o kousíček horší? Často existuje polynomální algoritmus, který nalezne nejhůře c -krát horší řešení, než je optimum, přičemž c je konstanta.
4. *Použít heuristiku.* Neumíme-li nic lepšího, můžeme sáhnout po některé z mnoha heuristických technik, které sice nic nezaručují, ale obvykle nějaké uspokojivé řešení najdou. Může pomoci třeba hladový algoritmus nebo evoluční algoritmy. Často platí, že čím déle heuristiku necháme běžet, tím lepší řešení najde.
5. *Kombinace přístupů.* Mnohdy lze předchozí přístupy kombinovat: například použít approximační algoritmus a poté jeho výsledek ještě heuristicky vylepšovat. Tak získáme řešení, které od optima zaručeně není moc daleko, a pokud budeme mít štěstí, bude se od něj lišit jen velmi málo.

Nyní si některé z těchto technik předvedeme na konkrétních příkladech.

Největší nezávislá množina ve stromu

Ukážeme, že hledání největší nezávislé množiny je snadné, pokud graf je strom, nebo dokonce les.

Lemma: Bud T les a ℓ jeho libovolný list. Pak alespoň jedna z největších nezávislých množin obsahuje ℓ .

Důkaz: Mějme největší nezávislou množinu M , která list ℓ neobsahuje. Podívejme se na souseda p listu ℓ . Leží p v M ? Pokud ne, mohli bychom do M přidat list ℓ a dostali bychom větší nezávislou množinu. V opačném případě odebereme z M souseda p a nahradíme ho listem ℓ , čímž dostaneme stejně velkou nezávislou množinu obsahující ℓ . \square

Algoritmus bude přímočaře používat toto lemma. Dostane na vstupu les a najde v něm libovolný list. Tento list umístí do nezávislé množiny a jeho souseda z lesa smaže, protože se nemůže v nezávislé množině vyskytovat. Toto budeme opakovat, dokud nějaké listy zbývají. Zbylé izolované vrcholy také přidáme do nezávislé množiny.

Tento algoritmus jistě pracuje v polynomiálním čase. Šikovnou implementací můžeme složitost snížit až na lineární, například tak, že budeme udržovat seznam listů. My zde ukážeme jinou lineární implementaci založenou na prohledávání do hloubky. Bude pracovat s polem značek M , v němž na počátku bude všechny *false* a postupně obdrží *true* všechny prvky hledané nezávislé množiny.

Algoritmus NZMNAVESTROMU

Vstup: Strom T s kořenem v , pole značek M

1. $M[v] \leftarrow \text{true}$.
2. Pokud je v list, skončíme.
3. Pro všechny syny w vrcholu v :
 4. Zavoláme se rekurzivně na podstrom s kořenem w .
 5. Pokud $M[w] = \text{true}$, položíme $M[v] \leftarrow \text{false}$.

Výstup: Pole M indikující nezávislou množinu

Můžeme si představit, že při návratu z rekurze vrcholy odstraňujeme. Kdykoliv se chystáme vrátit z vrcholu v a některý z jeho synů leží v nezávislé množině, představíme si, že jsme v smazali. Naopak neleží-li žádný syn v nezávislé množině, v se chová jako list, takže ho chceme do nezávislé množiny přidat a ze stromu odtrhnout.

Barvení intervalového grafu

Mějme n přednášek s určenými časy začátku a konce. Chceme je rozvrhnout do co nejménšího počtu poslucháren tak, aby nikdy neprobíhaly dvě přednášky naráz v jedné místnosti.

Chceme tedy obarvit co nejmenším počtem barev graf, jehož vrcholy jsou časové intervaly a dvojice intervalů je spojena hranou, pokud má neprázdný průnik. Takovým grafem se říká *intervalové* a pro jejich barvení existuje pěkný polynomiální algoritmus.

Podobně jako jsme geometrické problémy řešili zametáním roviny, zde budeme „zametat přímku bodem“, tedy procházet ji zleva doprava, a všímat si událostí, což budou začá-

ky a konce intervalů. Pro jednoduchost předpokládejme, že všechny souřadnice začátků a konců jsou navzájem různé.

Kdykoliv interval začne, přidělíme mu barvu. Až skončí, o barvě si poznamenáme, že je momentálně volná. Dalším intervalům budeme přednostně přidělovat volné barvy. Řečeno v pseudokódu:

Algoritmus BARVENÍINTERVALŮ

Vstup: Intervaly $[x_1, y_1], \dots, [x_n, y_n]$

1. $b \leftarrow 0$ \triangleleft počet zatím použitých barev
2. $B \leftarrow \emptyset$ \triangleleft které barvy jsou momentálně volné
3. Setřídíme množinu všech x_i a y_i .
4. Procházíme všechna x_i a y_i ve vzestupném pořadí:
5. Narazíme-li na x_i :
6. Je-li $B \neq \emptyset$, odebereme jednu barvu z B a uložíme ji do c_i .
7. Jinak $b \leftarrow b + 1$ a $c_i \leftarrow b$.
8. Narazíme-li na y_i :
9. Vrátíme barvu c_i do B .

Výstup: Obarvení c_1, \dots, c_n

Tento algoritmus má časovou složitost $\mathcal{O}(n \log n)$ kvůli třídění souřadnic. Samotné obarvování je lineární.

Ještě ovšem potřebujeme dokázat, že jsme použili minimální možný počet barev. Uvažujme okamžik, kdy proměnná b naposledy vzrostla. Tehdy začal interval a množina B byla prázdná, což znamená, že jsme $b - 1$ předchozích barev museli přidělit intervalům, jež začaly a dosud neskončily. Existuje tedy b různých intervalů, které mají společný bod (v grafu tvoří kliku), takže každé obarvení potřebuje alespoň b barev.

Problém batohu s malými čísly

Připomeňme si *problém batohu*. Jeho optimalizační verze vypadá takto: Je dána množina n předmětů s hmotnostmi $h_1, \dots, h_n \in \mathbb{N}$ a cenami $c_1, \dots, c_n \in \mathbb{N}$ a nosnost batohu H . Hledáme podmnožinu předmětů $P \subseteq \{1, \dots, n\}$, která se vejde do batohu (tedy $h(P) \leq H$, kde $h(P) := \sum_{i \in P} h_i$) a její cena $c(P) := \sum_{i \in P} c_i$ je největší možná.

Ukážeme algoritmus, jehož časová složitost bude polynomiální v počtu předmětů n a součtu všech cen $C = \sum_i c_i$.

Použijeme dynamické programování. Představme si problém omezený na prvních k předmětů. Označme $A_k(c)$ (kde $0 \leq c \leq C$) minimum z hmotností těch podmnožin, jejichž cena je právě c ; pokud žádná taková podmnožina neexistuje, položíme $A_k(c) = \infty$.

Tato A_k spočteme indukcí podle k : Pro $k = 0$ je určitě $A_0(0) = 0$ a $A_0(1) = A_0(2) = \dots = A_0(C) = \infty$. Pokud již známe A_{k-1} , spočítáme A_k následovně: $A_k(c)$ odpovídá nějaké podmnožině předmětů z $1, \dots, k$. V této podmnožině jsme buďto k -tý předmět nepoužili, a pak je $A_k(c) = A_{k-1}(c)$, nebo použili, a tehdy bude $A_k(c) = A_{k-1}(c - c_k) + h_k$ (to samozřejmě jen pokud $c \geq c_k$). Z těchto dvou možností si vybereme tu, která dává množinu s menší hmotností:

$$A_k(c) = \min(A_{k-1}(c), A_{k-1}(c - c_k) + h_k).$$

Přechod od A_{k-1} k A_k tedy trvá $\mathcal{O}(C)$, od A_1 až k A_n se dopočítáme v čase $\mathcal{O}(Cn)$.

Jakmile získáme A_n , známe pro každou cenu příslušnou nejlehčí podmnožinu. Maximální cena množiny, která se vejde do batohu, je tedy největší c^* , pro něž je $A_n(c^*) \leq H$. Jeho nalezení nás stojí čas $\mathcal{O}(C)$.

Zbývá zjistit, které předměty do nalezené množiny patří. Upravíme algoritmus, aby si pro každé $A_k(c)$ pamatoval ještě $B_k(c)$, což bude index posledního předmětu, který jsme do příslušné množiny přidali. Pro nalezené c^* tedy bude $i = B_n(c^*)$ poslední předmět v nalezené množině, $i' = B_{i-1}(c^* - c_i)$ ten předposlední a tak dále. Takto v čase $\mathcal{O}(n)$ rekonstruujeme celou množinu od posledního prvku k prvnímu.

Máme tedy algoritmus, který vyřeší problém batohu v čase $\mathcal{O}(nC)$. Tato funkce ovšem není polynomem ve velikosti vstupu: reprezentujeme-li vstup binárně, C může být až exponenciálně velké vzhledem k délce jeho zápisu. To je pěkný příklad tzv. *pseudopolynomiálního* algoritmu, tedy algoritmu, jehož složitost je polynomem v počtu čísel na vstupu a jejich velikosti. Pro některé NP-úplné problémy takové algoritmy existují, pro jiné (např. pro nezávislou množinu) by z jejich existence plynulo $P = NP$.

Problém batohu bez cen

Někdy se uvažuje též zjednodušená verze problému batohu, v níž nerozlišujeme mezi hmotnostmi a cenami. Chceme tedy do batohu naskládat nejtěžší podmnožinu, která se tam ještě vejde. Tento problém zvládneme pro malá čísla vyřešit i jiným algoritmem, opět založeným na dynamickém programování.

Indukcí podle k vytváříme množiny Z_k obsahující všechny hmotnosti menší než H , kterých nabývá nějaká podmnožina prvních k prvků. Jistě je $Z_0 = \{0\}$. Podobnou úvahou jako v předchozím algoritmu dostaneme, že každou další Z_k můžeme zapsat jako sjednocení Z_{k-1} s kopíí Z_{k-1} posunutou o h_k , ignorujíce hodnoty větší než H . Nakonec ze Z_n vyčteme výsledek.

Všechny množiny přitom mají nejvýše $H + 1$ prvků, takže pokud si je budeme udržovat jako setříděné seznamy, spočítáme sjednocení sléváním v čase $\mathcal{O}(H)$ a celý algoritmus doběhne v čase $\mathcal{O}(nH)$.

Cvičení

1. Popište polynomiální algoritmus pro hledání nejmenšího *vrcholového pokrytí stromu*.
(To je množina vrcholů, která obsahuje alespoň jeden vrchol z každé hrany.)
- 2.* Nalezněte polynomiální algoritmus pro hledání nejmenšího *vrcholového pokrytí bipartitního grafu*. [N74]
3. Vážená verze nezávislé množiny: Vrcholy stromu mají celočíselné *váhy*, hledáme nezávislou množinu s maximálním součtem vah. [N101]
4. Ukažte, jak v polynomiálním čase najít největší *nezávislou množinu v intervalovém grafu*.
- 5.* Vyřešte v polynomiálním čase 2-SAT, tedy splnitelnost formulí zadaných v CNF, jejichž klauzule obsahují nejvýše 2 literály. [N99]
6. Problém E3,E3-SAT je dalším zesílením 3,3-SATu. Chceme zjistit splnitelnost formule v CNF, jejíž každá klauzule obsahuje právě tři různé proměnné a každá proměnná se nachází v právě třech klauzulích. Ukažte, že tento problém lze řešit efektivně z toho prostého důvodu, že každá taková formule je splnitelná. [N49]
7. *Hladoví loupežníci*: Pokusíme se řešit problém dvou loupežníků hladovým algoritmem. Probíráme předměty od nejdražšího k nejlevnějšímu a každý dáme tomu loupežníkovi, který má zrovna méně. Je nalezené řešení optimální?
8. *Problém tří loupežníků*: Je dána množina předmětů s cenami, chceme ji rozdělit na 3 části o stejně ceně. Navrhněte pseudopolynomiální algoritmus.
9. Upravte algoritmus z části „Problém batohu bez cen“, aby zvládl i verzi s cenami v čase $\mathcal{O}(nH)$.

19.6 Aproximační algoritmy

Neumíme-li najít přesné řešení problému, ještě není vše ztraceno: můžeme ho *aproximovat*. Co to znamená?

Optimalizační problémy obvykle vypadají tak, že mají nějakou množinu *přípustných řešení*, každé z nich ohodnoceno nějakou *cenou* $c(x)$. Mezi nimi hledáme *optimální řešení* s minimální cenou c^* . Zde si vystačíme s jeho α -*aproximací*, čili s přípustným řešením s cenou $c' \leq \alpha c^*$ pro nějakou konstantu $\alpha > 1$. To je totéž jako říci, že relativní chyba $(c' - c^*)/c^*$ nepřekročí $\alpha - 1$.

Analogicky bychom mohli studovat maximalizační problémy a chtít alespoň α -násobek optima pro $0 < \alpha < 1$.

Aproximace problému obchodního cestujícího

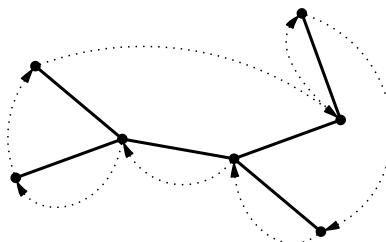
V problému obchodního cestujícího je zadán neorientovaný graf G , jehož hrany jsou ohodnoceny délkami $\ell(e) \geq 0$. Chceme nalézt nejkratší z hamiltonovských kružnic, tedy těch, které navštíví všechny vrcholy. (Obchodní cestující chce navštívit všechna města na mapě a najezdit co nejméně.)

Není překvapivé, že tento problém je těžký – už sama existence hamiltonovské kružnice je NP-úplná. Nyní ukážeme, že pokud je graf úplný a platí v něm trojúhelníková nerovnost (tj. $\ell(x, z) \leq \ell(x, y) + \ell(y, z)$ pro všechny trojice vrcholů x, y, z), můžeme problém obchodního cestujícího 2-aproximovat. To znamená najít v polynomálním čase kružnici, která je přinejhorším dvakrát delší než ta optimální.

Grafy s trojúhelníkovou nerovností přitom nejsou nijak neobvyklé – odpovídají konečným metrickým prostorům.

Algoritmus bude snadný: Najdeme nejmenší kostru a obchodnímu cestujícímu poradíme, ať ji obejde. To můžeme popsat například tak, že kostru zakořeníme, prohledáme ji do hloubky a zaznamenáme, jak jsme procházeli hranami. Každou hranou kostry přitom projdeme dvakrát – jednou dolů, podruhé nahoru. Tím však nedostaneme kružnici, nýbrž jen nějaký uzavřený sled, protože vrcholy navštěvujeme vícekrát.

Sled tedy upravíme tak, že kdykoliv se dostává do již navštíveného vrcholu, přeskočí ho a přesune se až do nejbližšího dalšího nenavštíveného. Tak ze sledu vytvoříme hamiltonovskou kružnici a jelikož v grafu platí trojúhelníková nerovnost, celková délka nevzrostla. (Pořadí vrcholů na kružnici můžeme získat také tak, že během prohledávání budeme vypisovat vrcholy při jejich první návštěvě. Rozmyslete si, že je to totéž.)



Obrázek 19.10: Obchodní cestující obchází kostru

Věta: Nalezená kružnice není delší než dvojnásobek optimální.

Důkaz: Označme T délku minimální kostry, A délku kružnice vydané naším algoritmem a O (optimum) délku nejkratší hamiltonovské kružnice. Z toho, jak jsme kružnici vytvořili,

víme, že $A \leq 2T$. Platí ovšem také $T \leq O$, jelikož z každé hamiltonovské kružnice vznikne vynecháním hrany kostra a ta nemůže být kratší než minimální kostra. Složením obou nerovností získáme $A \leq 2T \leq 2O$. \square

Sestojili jsme 2-aproximační algoritmus pro problém obchodního cestujícího. Dodejme ještě, že trochu složitějším trikem lze tento problém 1.5-aproximovat a že v některých metrických prostorech (třeba v euklidovské rovině) lze v polynomiálním čase najít $(1+\varepsilon)$ -aproximaci pro libovolné $\varepsilon > 0$. Ovšem čím menší je ε , tím déle algoritmus poběží.

Trojúhelníková nerovnost ovšem byla pro tento algoritmus klíčová. To není náhoda – hned dokážeme, že bez tohoto předpokladu je libovolná approximace stejně těžká jako přesné řešení.

Věta: Pokud pro nějaké reálné $t \geq 1$ existuje polynomiální t -aproximační algoritmus pro problém obchodního cestujícího v úplném grafu (bez požadavku trojúhelníkové nerovnosti), pak je $P = NP$.

Důkaz: Ukážeme, že pomocí takového approximačního algoritmu dokážeme v polynomiálním čase zjistit, zda v libovolném grafu existuje hamiltonovská kružnice, což je NP-úplný problém.

Dostali jsme graf G , ve kterém hledáme hamiltonovskou kružnici (zkráceně HK). Doplňme G na úplný graf G' . Všem původním hranám nastavíme délku na 1, těm novým na nějaké dost velké číslo c . Kolik to bude, určíme za chvíli.

Graf G' je úplný, takže v něm určitě nějaké HK existují. Ty, které se vyskytují i v původním grafu G , mají délku přesně n . Jakmile ale použijeme jedinou hranu, která z G nepochází, vzroste délka kružnice alespoň na $n - 1 + c$.

Podle délky nejkratší HK v G' tedy dokážeme rozpoznat, zda existuje HK v G . Potřebujeme to ovšem zjistit i přes zkreslení způsobené approximací. Musí tedy platit $tn < n - 1 + c$. To snadno zajistíme volbou hodnoty c větší než $(t - 1)n + 1$.

Naše konstrukce přidala polynomiálně mnoho hran s polynomiálně velkým ohodnocením, takže graf G' je polynomiálně velký vzhledem ke G . Rozhodujeme tedy existenci HK v polynomiálním čase a $P = NP$. \square

Podobně můžeme dokázat, že pokud $P \neq NP$, neexistuje pro problém obchodního cestujícího ani pseudopolynomiální algoritmus. Stačí původním hranám přiřadit délku 1 a novým délku 2.

Aproximační schéma pro problém batohu

Již víme, jak optimalizační verzi problému batohu vyřešit v čase $\mathcal{O}(nC)$, pokud jsou hmotnosti i ceny na vstupu přirozená čísla a C je součet všech cen. Jak si poradit, pokud je C obrovské? Kdybychom měli štěstí a všechny ceny byly násobky nějakého čísla p , mohli bychom je tímto číslem vydělit. Tak bychom dostali zadání s menšími čísly, jehož řešením by byla stejná množina předmětů jako u zadání původního.

Když nám štěstí přát nebude, můžeme přesto zkousit ceny vydělit a výsledky nějak zaokrouhlit. Optimální řešení nové úlohy pak sice nemusí odpovídat optimálnímu řešení té původní, ale když nastavíme parametry správně, bude alespoň jeho dobrou aproximačí. Budeme se snažit relativní chybu omezit libovolným $\varepsilon > 0$.

Základní myšlenka: Označíme c_{\max} maximum z cen c_i . Zvolíme nějaké přirozené číslo $M < c_{\max}$ a zobrazíme interval cen $[0, c_{\max}]$ na $\{0, \dots, M\}$ (tedy každou cenu znásobíme poměrem M/c_{\max} a zaokrouhlíme). Jak jsme tím zkreslili výsledek? Všimněme si, že efekt je stejný, jako kdybychom jednotlivé ceny zaokrouhlili na násobky čísla c_{\max}/M (prvky z intervalu $[i \cdot c_{\max}/M, (i+1) \cdot c_{\max}/M]$ se zobrazí na stejný prvek). Každé c_i jsme tím tedy změnili o nejvýše c_{\max}/M , celkovou cenu libovolné podmnožiny předmětů pak nejvýše o $n \cdot c_{\max}/M$. Navíc odstraníme-li ze vstupu předměty, které se samy nevejdou do batohu, má optimální řešení původní úlohy cenu $c^* \geq c_{\max}$, takže chyba naší approximace nepřesáhne $n \cdot c^*/M$. Má-li tato chyba být shora omezena $\varepsilon \cdot c^*$, musíme zvolit $M \geq n/\varepsilon$.

Na této myšlence „kvantování cen“ je založen následující algoritmus.

Algoritmus APROXIMACEBATOHU

1. Odstraníme ze vstupu všechny předměty těžší než H .
2. Spočítáme $c_{\max} = \max_i c_i$ a zvolíme $M = \lceil n/\varepsilon \rceil$.
3. Kvantujeme ceny: Pro $i = 1, \dots, n$ položíme $\hat{c}_i \leftarrow \lfloor c_i \cdot M/c_{\max} \rfloor$.
4. Vyřešíme dynamickým programováním problém batohu pro upravené ceny $\hat{c}_1, \dots, \hat{c}_n$ a původní hmotnosti i kapacitu batohu.
5. Vybereme stejné předměty, jaké použilo optimální řešení kvantovaného zadání.

Rozbor algoritmu: Kroky 1–3 a 5 jistě zvládneme v čase $\mathcal{O}(n)$. Krok 4 řeší problém batohu se součtem cen $\hat{C} \leq nM \in \mathcal{O}(n^2/\varepsilon)$, což stihne v čase $\mathcal{O}(n\hat{C}) = \mathcal{O}(n^3/\varepsilon)$. Zbývá dokázat, že výsledek našeho algoritmu má opravdu relativní chybu nejvýše ε .

Označme P množinu předmětů použitych v optimálním řešení původní úlohy a $c(P)$ cenu tohoto řešení. Podobně Q bude množina předmětů v optimálním řešení nakvantované úlohy a $\hat{c}(Q)$ jeho hodnota v nakvantovaných cenách. Potřebujeme odhadnout ohodnocení množiny Q v původních cenách, tedy $c(Q)$, a srovnat ho s $c(P)$.

Nejprve ukážeme, jakou cenu má optimální řešení P původní úlohy v nakvantovaných cenách:

$$\begin{aligned}\hat{c}(P) &= \sum_{i \in P} \hat{c}_i = \sum_{i \in P} \left\lfloor c_i \cdot \frac{M}{c_{\max}} \right\rfloor \geq \sum_{i \in P} \left(c_i \cdot \frac{M}{c_{\max}} - 1 \right) \geq \\ &\geq \left(\sum_{i \in P} c_i \cdot \frac{M}{c_{\max}} \right) - n = c(P) \cdot \frac{M}{c_{\max}} - n.\end{aligned}$$

Nyní naopak spočítejme, jak dopadne optimální řešení Q nakvantovaného problému při přepočtu na původní ceny (to je výsledek našeho algoritmu):

$$c(Q) = \sum_{i \in Q} c_i \geq \sum_{i \in Q} \hat{c}_i \cdot \frac{c_{\max}}{M} = \left(\sum_i \hat{c}_i \right) \cdot \frac{c_{\max}}{M} = \hat{c}(Q) \cdot \frac{c_{\max}}{M} \geq \hat{c}(P) \cdot \frac{c_{\max}}{M}.$$

Poslední nerovnost platí proto, že $\hat{c}(Q)$ je optimální řešení kvantované úlohy, zatímco $\hat{c}(P)$ je nějaké další řešení téže úlohy, které nemůže být lepší.⁽⁴⁾ Teď už stačí složit obě nerovnosti a dosadit za M :

$$\begin{aligned}c(Q) &\geq \left(\frac{c(P) \cdot M}{c_{\max}} - n \right) \cdot \frac{c_{\max}}{M} \geq c(P) - \frac{n \cdot c_{\max}}{n/\varepsilon} \geq c(P) - \varepsilon c_{\max} \geq \\ &\geq c(P) - \varepsilon c(P) = (1 - \varepsilon) \cdot c(P).\end{aligned}$$

Na přechodу mezi řádky jsme využili toho, že každý předmět se vejde do batohu, takže optimum musí být alespoň tak cenné jako nejcennější z předmětů.

Shrňme, co jsme dokázali:

Věta: Existuje algoritmus, který pro každé $\varepsilon > 0$ nalezne $(1 - \varepsilon)$ -aproximaci problému batohu s n předměty v čase $\mathcal{O}(n^3/\varepsilon)$.

Dodejme ještě, že algoritmům, které dovedou pro každé $\varepsilon > 0$ najít v polynomiálním čase $(1 - \varepsilon)$ -aproximaci optimálního řešení, říkáme *polynomiální approximační schémata* (PTAS – Polynomial-Time Approximation Scheme). V našem případě je dokonce složitost polynomiální i v závislosti na $1/\varepsilon$, takže schéma je *plně polynomiální* (FPTAS – Fully Polynomial-Time Approximation Scheme).

⁽⁴⁾ Zde nás zachraňuje, že ačkoliv u obou úloh leží optimum obecně jinde, obě mají stejnou množinu *přípustných řešení*, tedy těch, která se vejdu do batohu. Kdybychom místo cen kvantovali hmotnosti, nebyla by to pravda a algoritmus by nefungoval.

Cvičení

1. *Problém MaxCut:* vrcholy zadaného grafu chceme rozdělit do dvou množin tak, aby mezi množinami vedlo co nejvíce hran. Jinými slovy chceme nalézt bipartitní podgraf s co nejvíce hranami. Rozhodovací verze tohoto problému je NP-úplná, optimalizační verzi zkuste v polynomiálním čase 2-aproximovat. [N39]
- 2.* V problému *MaxE3-SAT* dostaneme formuli v CNF, jejíž každá klauzule obsahuje právě 3 různé proměnné, a chceme nalézt ohodnocení proměnných, při němž je splněno co nejvíce klauzulí. Rozhodovací verze je NP-úplná. Ukažte, že náhodné ohodnocení proměnných splní v průměru $7/8$ klauzulí. Z toho odvodte deterministickou $7/8$ -aproximaci v polynomiálním čase. [N88]
3. *Hladové pokrytí:* Hledejme vrcholové pokrytí následujícím hladovým algoritmem. V každém kroku vybereme vrchol nejvyššího stupně, přidáme ho do pokrytí a odstraníme ho z grafu i se všemi již pokrytými hranami. Je nalezené pokrytí nejmenší? Nebo alespoň $\mathcal{O}(1)$ -aproximace nejmenšího?
- 4.* *Pokrytí jinak:* Uvažujme následující algoritmus pro nejmenší vrcholové pokrytí grafu. Graf projdeme do hloubky, do výstupu vložíme všechny vrcholy vzniklého DFS stromu kromě listů. Dokažte, že vznikne vrcholové pokrytí a že 2-aproximuje to nejmenší. [N121]
- 5.* V daném orientovaném grafu hledáme acyklický podgraf s co nejvíce hranami. Navrhnete polynomiální 2-aproximační algoritmus. [N30]
- 6.* *Obchodní cestující:* Řešení problému obchodního cestujícího hrubou silou by prohledávalo graf do hloubky a zkoušelo všechny hamiltonovské kružnice. To může v grafu na n vrcholech trvat až $n!$ kroků. Pokuste se najít rychlejší algoritmus. Dynamickým programováním lze dosáhnout složitosti $\mathcal{O}(2^n \cdot n^k)$ pro konstantní k . To je sice exponenciální, ale stále mnohem lepsí než faktoriál. [N106]
7. *Konvexní obchodní cestující* chce navštívit všech n vrcholů zadaného konvexního n -úhelníku v rovině. Vzdálenosti měříme v běžném euklidovském smyslu. Najděte polynomiální algoritmus. [N96]

Dodatek A

Základy teorie grafů

A Základy teorie grafů

Jedním ze základních stavebních kamenů algoritmů v naší knize je matematická struktura, které se říká graf. Jelikož teorie grafů zatím není běžnou součástí školní matematiky, připojujeme tento dodatek. Klade si za cíl seznámit čtenáře se základními definicemi a nejdůležitějšími větami o grafech, které souvisejí s tématy probíranými v Průvodci. Základní grafové algoritmy potom čtenář najde v kapitolách 5 až 7.

Na rozdíl od hlavní části knihy je dodatek napsaný zhuštěnou formou a není zamýšlen jako učebnice, spíš jako přehledový text. Jako vhodnou učebnici doporučujeme vynikající Kapitoly z diskrétní matematiky od Jiřího Matouška a Jaroslava Nešetřila [9].

A.1 Základní pojmy a vlastnosti

Definice: Neorientovaný graf je uspořádaná dvojice (V, E) , kde V je neprázdná konečná množina *vrcholů* (někdy též *uzlů*) a $E \subseteq \binom{V}{2}$ je množina *hran*.

Hrana je dvouprvková podmnožina V (čili neuspořádaná dvojice vrcholů). Značíme ji $\{u, v\}$, někdy také krátce uv . Symbolem $\binom{V}{2}$ zde rozumíme množinu všech dvojic vrcholů.

Nechť $e = \{u, v\}$ je hrana grafu. Pak řekneme, že vrcholy u a v jsou *koncové vrcholy* hrany e , vrchol u je *sousedem* v (a naopak) a vrcholy u a v jsou *incidentní* s hranou e .

Množinu vrcholů a hran grafu G budeme značit $V(G)$ a $E(G)$. Pro počet jeho vrcholů a hran se nejčastěji používají písmena $n = |V(G)|$ a $m = |E(G)|$.

Pro graf $G = (V, E)$ a jeho vrchol $v \in V$ značíme symbolem $\deg_G(v)$ počet hran grafu G incidentních s vrcholem v . Toto číslo nazveme *stupněm* vrcholu v v grafu G . Vrchol stupně 0 (tedy bez sousedů) nazveme *izolovaný*.

Symbolem $N_G(v)$ označíme množinu všech sousedů vrcholu v v grafu G . Tuto množinu nazveme *(otevřené) okolí* vrcholu v v grafu G . Platí tedy $\deg_G(v) = |N_G(v)|$. Tam, kde je z kontextu jasné, o který graf jde, píšeme prostě $\deg(v)$ a $N(v)$.

Graf je *r-regulární*, pokud každý jeho vrchol má stupeň r . Graf je *regulární*, pokud je *r-regulární* pro nějaké r .

Možnosti, jak grafy reprezentovat v paměti počítače, blíže rozebíráme v oddílu 5.3.

Základní druhy grafů

Definice: Pro $m \geq 0$ a $n \geq 1$ definujeme následující grafy:

- *Úplný graf* $K_n = (V, \binom{V}{2})$, kde $V = \{1, \dots, n\}$. Každé dva jeho vrcholy jsou sousední.

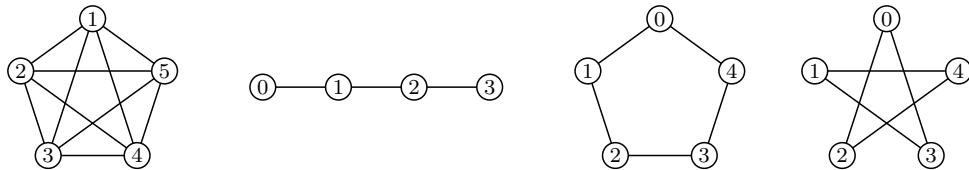
- *Prázdný graf* $E_n = (V, \emptyset)$, kde $V = \{1, \dots, n\}$. Neobsahuje žádné hrany.
- *Cesta* délky m (pozor, index m udává počet hran, ne vrcholů):

$$P_m = (\{0, \dots, m\}, \{\{i, i+1\} \mid 0 \leq i < m\}).$$

- *Kružnice* délky $n \geq 3$ (s n vrcholy i hranami):

$$C_n = (\{0, \dots, n-1\}, \{\{i, (i+1) \bmod n\} \mid 0 \leq i < n\}).$$

Definice: *Doplňek* \overline{G} grafu $G = (V, E)$ je graf $(V, \binom{V}{2} \setminus E)$.



Obrázek A.1: Grafy K_5 , P_3 , C_5 a $\overline{C_5}$

Definice: Graf (V, E) je *bipartitní*, pokud lze jeho vrcholy rozdělit do dvou *partit* – množin A a B ($A \cup B = V$, $A \cap B = \emptyset$) takových, že každá hrana má jeden z koncových vrcholů v A a druhý v B .

Příklad: Všechny cesty a kružnice sudé délky jsou bipartitní, kružnice liché délky nejsou.

Definice: *Úplný bipartitní graf* pro $k, \ell \geq 1$ je graf

$$K_{k,\ell} = (A \cup B, \{\{a,b\} \mid a \in A, b \in B\}), \text{ kde } A = \{a_1, \dots, a_k\}, B = \{b_1, \dots, b_\ell\}.$$

Graf $K_{k,\ell}$ má tedy partity A a B a celkem $k \cdot \ell$ hran, neboť každý vrchol z A sousedí s každým vrcholem z B .

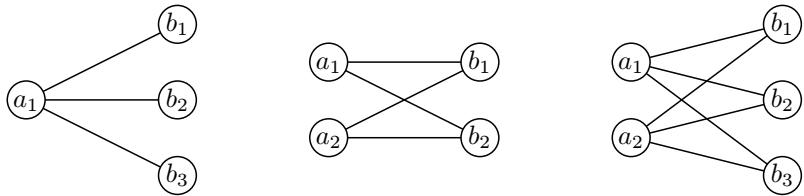
Příklad: *Hvězda* S_n je graf $K_{1,n}$.

Princip sudosti

Mezi stupni vrcholů a počtem hran grafu platí následující souvislost:

Věta (princip sudosti): Pro každý graf $G = (V, E)$ platí

$$\sum_{v \in V} \deg_G(v) = 2|E|.$$



Obrázek A.2: Grafy $S_3 = K_{1,3}, K_{2,2}, K_{2,3}$

Důkaz: Číslo $\deg_G(v)$ udává počet hran obsahujících v . Sečteme-li tedy stupně všech vrcholů, započítáme každou hranu přesně dvakrát, což dává součet $2|E|$. \square

Důsledek: V každém grafu je počet vrcholů lichého stupně sudý. Každý regulární graf lichého stupně musí mít sudý počet vrcholů.

Izomorfismus grafů

Důležitým konceptem je vystihnout, kdy jsou dva grafy „stejné“ a liší se pouze názvy svých vrcholů. To vystihuje následující definice:

Definice: Nechť G a H jsou dva grafy. Funkce $f: V(G) \rightarrow V(H)$ je *izomorfismus grafů* G a H , pokud f je bijekce a pro každou dvojici vrcholů u, v z $V(G)$ platí, že $\{u, v\} \in E(G)$ právě tehdy, když $\{f(u), f(v)\} \in E(H)$.

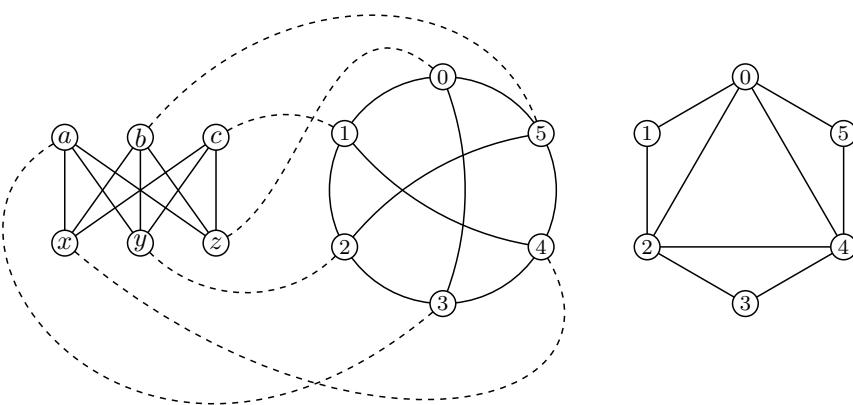
Definice: Kdykoliv mezi grafy G a H existuje izomorfismus, řekneme, že G a H jsou *izomorfní*, a značíme $G \simeq H$.

Příklad: Na obrázku A.3 jsou první dva grafy izomorfní (konkrétní izomorfismus je vyznačen). Třetí s nimi izomorfní není, neboť obsahuje trojúhelník, zatímco první dva grafy jsou bipartitní, a tedy bez trojúhelníků. Také si všimněme, že platí $K_1 \simeq P_0$, $K_2 \simeq P_1$, $K_3 \simeq C_3$, $K_{1,2} \simeq P_2$, $K_{2,2} \simeq C_4$, $\overline{C_5} \simeq C_5$.

Problém rozhodnout, zda dva grafy jsou izomorfní, je výpočetně velmi obtížný. Konkrétně tento problém patří do třídy NP, ale není však známo, že by patřil (pochopitelně za předpokladu $P \neq NP$) do třídy P nebo byl NP-úplný. Nedávno (v roce 2015) László Babai ukázal algoritmus pracující v *kvazipolynomiálním* čase, což znamená v čase $2^{\mathcal{O}(\log^c n)}$ pro nějaké $c > 0$.

Pro některé třídy grafů je nicméně problém izomorfismu efektivně řešitelný, viz například cvičení 5.11.28.

Definice: *Automorfismus* grafu G je izomorfismus grafu G se stejným grafem G .



Obrázek A.3: První dva grafy jsou izomorfní, třetí s nimi izomorfní není.

Všimněme si, že automorfismus vždy existuje: definici splňuje identické zobrazení. Zajímavější otázka je, kolik má daný graf všech automorfismů – vysoký počet může indikovat velkou míru „pravidelnosti“ grafu.

Podgrafy

Často se hodí hovořit pouze o nějaké menší části grafu. To vystihují následující pojmy.

Definice: Graf H je *podgrafem* grafu G (značíme $H \subseteq G$), když platí $V(H) \subseteq V(G)$ a $E(H) \subseteq E(G)$.

Definice: Graf H je *indukovaným podgrafem* (značíme $H \leq G$) grafu G , pokud $V(H) \subseteq V(G)$ a $E(H) = E(G) \cap \binom{V(H)}{2}$. Je-li $G = (V, E)$ a $V' \subseteq V$, pak $G[V']$ označuje graf s množinou vrcholů V' a množinou hran $E(G) \cap \binom{V'}{2}$. Říkáme, že $G[V']$ je *podgraf indukovaný množinou vrcholů V'* .

Definice: *Klika* v grafu G je podmnožina vrcholů, z nichž každé dva jsou sousední. Indukuje tedy podgraf izomorfní s některým úplným grafem. Podobně *nezávislá množina* je podmnožina vrcholů, z nichž žádné dva nejsou sousední; indukuje podgraf izomorfní s prázdným grafem.

Definice: Podgraf grafu G izomorfní s nějakou cestou P_k se nazývá *cesta v grafu G*. *Délka* cesty je počet hran v cestě, tedy číslo k . Má-li cesta P_k v grafu G koncové vrcholy u a v , mluvíme o *cestě z u do v*, nebo o *u, v-cestě*. Podgraf grafu G izomorfní s nějakou kružnicí C_n se nazývá *kružnice (cyklus) v grafu G*.

V předchozí definici připouštíme $u = v$, cesta tedy může mít nulovou délku. Cestu v grafu G lze také zapsat jako posloupnost navzájem různých vrcholů v_0, v_1, \dots, v_k takových, že pro každé $i \in \{0, \dots, k-1\}$ platí $\{v_i, v_{i+1}\} \in E(G)$.

Povolíme-li opakování vrcholů v posloupnosti, získáme *sled*. Kdyby se směly opakovat vrcholy, ale nikoliv hrany, získali bychom *tah*.

Podobně kružnici v grafu odpovídá posloupnost vrcholů v_0, \dots, v_{k-1} takových, že všechny dvojice $\{i, (i+1) \text{ mod } k\}$ tvoří hrany. Povolením opakování vrcholů vznikne *uzavřený sled* a *uzavřený tah*.

Pozorování: Graf je bipartitní, pokud je izomorfní nějakému podgrafu úplného bipartitního grafu.

Efektivním algoritmem na testování bipartitnosti se zabývá cvičení 5.4.1. Rychlé hledání cest v grafu prozkoumáme v oddílu 5.2. Najít cestu nebo kružnici obsahující všechny vrcholy (té se říká hamiltonovská) je ovšem obtížné, což zkoumáme v kapitole 19. Naproti tomu najít tah obsahující všechny hrany (tzv. eulerovský tah) lze v lineárním čase (cvičení 5.11.1).

Operace s grafy

Definice: Pro graf $G = (V, E)$ definujeme následující operace:

- *Přidání vrcholu* v : $G + v$ je graf s množinou vrcholů $V \cup \{v\}$ a množinou hran E .
- *Smažání vrcholu* v : $G - v$ je podgraf indukovaný množinou vrcholů $V \setminus \{v\}$.
- *Přidání hrany* e mezi existující vrcholy: $G + e$ má vrcholy V a hrany $E \cup \{e\}$.
- *Smažání hrany* e : $G - e$ má vrcholy V a hrany $E \setminus \{e\}$.
- *Podrozdělení hrany* $e = \{u, v\}$: smažeme hranu e , přidáme nový vrchol w a hrany $\{u, w\}$ a $\{w, v\}$.
- *Kontrakce hrany* $e = \{u, v\}$: smažeme hranu e a „slepíme“ vrcholy u a v . Přesněji řečeno smažeme u a v , přidáme nový vrchol w a hrany $\{w, s\}$ pro všechny sousedy s vrcholů u i v . (Pokud je vrchol s společným sousedem u i v , stejně do něj vede jen jedna nová hrana.)



Obrázek A.4: Posloupnost tří kontraktí hran

Pozorování: Podgrafy jsou přesně ty grafy, které můžeme získat mazáním vrcholů a hran. Indukované podgrafy získáváme mazáním vrcholů. Každou kružnicí (přesněji graf s ní izomorfní) můžeme získat postupným podrozdělováním hran grafu C_3 . Opačným směrem každou kružnicí můžeme postupně zkonztrahovat na C_3 a každou cestu s aspoň jednou hranou na P_1 .

Souvislost grafu

Definice: Graf G je *souvislý*, jestliže v něm pro každé dva jeho vrcholy u, v existuje u, v -cesta. Jinak je G *nesouvislý*.

Definice: Komponenta souvislosti grafu G je jeho indukovaný podgraf H , který je souvislý a v inkluzi maximální s touto vlastností (tedy neexistuje souvislý podgraf $H' \leq G$ takový, že $H \subseteq H'$ a $H \neq H'$).

Pozorování: Graf je souvislý právě tehdy, když obsahuje jedinou komponentu souvislosti.

Také můžeme na množině vrcholů grafu G zavést relaci *dosažitelnosti* předpisem

$$u \rightsquigarrow v \iff \text{existuje } u, v\text{-cesta v } G.$$

Tato relace je ekvivalence, její ekvivalentní třídy indukují komponenty souvislosti grafu G .

Algoritmy pro testování souvislosti a hledání komponent zkoumáme v oddílu 5.4.

A.2 Orientované grafy a multigrafy

Neorientovaný graf modeluje vztahy mezi dvojicemi objektů, které jsou symetrické. Pro asymetrické vztahy zavedeme jeho orientovanou verzi.

Definice: Orientovaný graf G je uspořádaná dvojice (V, E) , kde V je neprázdná konečná množina *vrcholů* (nebo také *uzlů*) a $E \subseteq V \times V$ je množina *orientovaných hran* (nebo také *šipek*). Orientovaná hrana $(u, v) \in E$ je uspořádaná dvojice různých vrcholů $u, v \in V$, někdy ji zkráceně značíme uv .

Řekne-li se prostě „graf“, myslí se tím obvykle graf neorientovaný.

Většina pojmu pro neorientované grafy má analogii pro grafy orientované.

Definice: Nechť $G = (V, E)$ je orientovaný graf a $u, v, w \in V$ jeho vrcholy. Pak:

- Vrchol u je *předchůdcem* v , pokud $(u, v) \in E$.
- Vrchol w je *následníkem* v , pokud $(v, w) \in E$.
- Vrchol u je *sousedem* v , pokud je jeho předchůdcem nebo následníkem.

- *Vstupní stupeň* $\deg_G^{\text{in}}(v)$ je počet předchůdců vrcholu v .
- *Výstupní stupeň* $\deg_G^{\text{out}}(v)$ je počet následníků vrcholu v .
- *Stupeň* vrcholu v je součet jeho vstupního a výstupního stupně:
 $\deg_G(v) = \deg_G^{\text{in}}(v) + \deg_G^{\text{out}}(v)$.
- Analogicky definujeme *vstupní okolí* (množinu předchůdců) $N_G^{\text{in}}(v)$, *výstupní okolí* (množinu následníků) $N_G^{\text{out}}(v)$ a *okolí* (množinu sousedů) $N_G(v)$.
- Vrchol v je *zdroj*, pokud $\deg_G^{\text{in}}(v) = 0$, a *stok*, pokud $\deg_G^{\text{out}}(v) = 0$.
- Vrchol v je *izolovaný*, pokud $\deg_G(v) = 0$.

V literatuře se také objevuje značení \deg^+ pro \deg^{in} a \deg^- pro \deg^{out} , případně naopak.

Definice: Orientovaná cesta s $m \geq 0$ hranami je graf

$$P_m = (\{0, \dots, m\}, \{(i, i+1) \mid 0 \leq i < m\}).$$

Orientovaná kružnice (nebo též *orientovaný cyklus*) s $n \geq 3$ vrcholy a hranami je graf

$$C_n = (\{0, \dots, n-1\}, \{(i, (i+1) \bmod n) \mid 0 \leq i < n\}).$$

Pojmy *podgraf*, *indukovaný podgraf*, *izomorfismus*, *automorfismus*, *cesta/sled/tah v grafu* lze přirozeně zobecnit na orientované grafy za použití téměř identických definic.

Definici souvislosti nelze do světa orientovaných grafů přímočaře převést. Orientované souvislosti rozeznáváme dva druhy: silnou a slabou. Zavádíme je v oddílu 5.9 včetně algoritmů pro jejich testování.

Multigrafy a jiná rozšíření

Pojem grafu je možné různými způsoby rozšiřovat. Především může být užitečné povolit i orientované hrany tvaru (u, u) , kterým potom říkáme *smyčky*. Také se někdy hodí zachytit existenci více hran mezi dvěma vrcholy (takovým hranám se říká *paralelní* nebo *multihrany*).

Formálně lze takové grafy zavést více způsoby. My definujeme hrany jako abstraktní objekty (třeba je očíslovujeme) a pak každé hraně přiřadíme její konce:

Definice: Multigraf je trojice (V, E, ε) taková, že V a E jsou (disjunktní) množiny vrcholů a hran a $\varepsilon : E \rightarrow \binom{V}{2} \cup V$ je zobrazení, které přiřazuje každé hraně její dva konce, případně její jeden vrchol, pokud se jedná o smyčku. Obvykle se toto zobrazení nazývá *incidence*.

Podobně definujeme *orientovaný multigraf*, v němž zobrazení ε vede z E do $V \times V$.

I do světa multigrafů lze všechny grafové pojmy přímočaře přenést. Zajímavé je rozšíření operace kontrakce hrany, pokud kontrahujeme hranu $\{x, y\}$ do nového vrcholu w a vrcholy

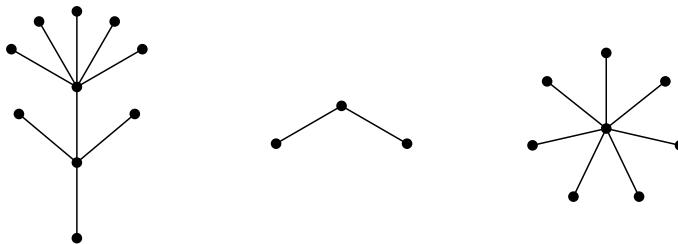
x a y měly nějakého společného souseda s . Tehdy vzniknou mezi w a s dvě paralelní hrany. Kdybychom poté zkontrahovali jednu z nich, z druhé vznikne smyčka.

Někdy je též praktické hrany grafu *ohodnotit* – například jim přiřadit reálná čísla s významem délky hran. Za délku cesty pak budeme považovat součet ohodnocení hran. Ohodnocené grafy zkoumáme v kapitolách 6 a 7 a také je na nich vybudována teorie toků v sítích v kapitole 14.

A.3 Stromy

Mezi nejdůležitější třídy grafů patří *stromy*. V tomto oddílu stromy zavedeme a ukážeme o nich několik nejdůležitějších skutečností.

Definice: Graf G nazveme *stromem*, pokud je souvislý a neobsahuje žádnou kružnici (čili je *acyklický*). Graf G nazveme *lesem*, pokud neobsahuje žádnou kružnici. Vrchol v grafu G nazveme *listem*, pokud $\deg_G(v) = 1$.



Obrázek A.5: Les složený ze tří stromů

Věta (o existenci listů): Každý strom T s aspoň dvěma vrcholy obsahuje aspoň dva listy.

Důkaz: Nechť P je nejdelší cesta v T a nechť u a v jsou její koncové vrcholy. Sporem ukážeme, že u a v jsou listy. Kdyby u nebyl list, vedly by z něj aspoň dvě hrany. Jedna z nich by patřila do u, v -cesty P , takže by zbývala aspoň jedna další hrana $e = \{u, w\}$. Kde může ležet w ? Kdyby $w \in V(P)$, byla by v T kružnice. Kdyby $w \notin V(P)$, cesta P by šla prodloužit o hranu e , a nebyla by tedy nejdelší. To samé platí pro druhý koncový vrchol v . \square

Poznámka: Jelikož každá cesta je strom, více než 2 listy nemusí existovat.

Věta (o trhání listů): Nechť $G = (V, E)$ je graf na aspoň 2 vrcholech a nechť $\ell \in V$ je jeho list. Pak G je strom právě tehdy, když $G - \ell$ je strom.

Důkaz: Nejprve předpokládejme, že G je strom. Zvolme libovolně $x, y \in V \setminus \{v\}$ a cestu P mezi nimi v G (ta existuje, protože G je souvislý). Cesta P nemůže obsahovat jiné vrcholy stupně 1 než x, y ; tedy speciálně neobsahuje v . Dostáváme tedy $P \subseteq G - v$, a tedy $G - v$ je souvislý. Jelikož G neobsahuje kružnici a smazáním vrcholu nemůže kružnice vzniknout, $G - v$ je také acyklický, a tudíž je to strom.

Nyní předpokládejme, že $G - v$ je strom. Pokud do stromu $G - v$ vrátíme list v , zjevně nevytvoříme kružnici. Mezi každými dvěma $x, y \in V \setminus \{v\}$ vede cesta v $G - v$. Cesta v G z libovolného vrcholu x do v vznikne prodloužením cesty mezi x a w do vrcholu v , kde w je (jediný) soused listu v . Graf G je tudíž souvislý, a tedy i strom. \square

Stromy jsme definovali jako souvislé acyklické grafy. Následující věta ukazuje několik ekvivalentních charakterizací stromů.

Věta (charakterizace stromů): Nechť $G = (V, E)$ je graf. Pak následující tvrzení jsou ekvivalentní:

- (1) G je strom (souvislý a acyklický).
- (2) G je minimální souvislý: je souvislý a vynecháním libovolné hrany vznikne nesouvislý graf.
- (3) Pro každé dva vrcholy $u, v \in V$ existuje právě jedna u, v -cesta.
- (4) G je maximální acyklický: je acyklický a pro libovolnou přidanou hranu $e = \{u, v\}$, $u, v \in V$, $e \notin E$, graf $G + e$ obsahuje cyklus.
- (5) G je souvislý a $|V| = |E| + 1$.

Důkaz: (1) \Rightarrow (2): Dokážeme obměněnou implikaci $\neg(2) \Rightarrow \neg(1)$. Kdyby pro nějakou hranu $e = \{x, y\}$ byl $G - e$ souvislý, pak x, y -cesta v $G - e$ spolu s hranou e tvoří cyklus v grafu G .

(2) \Rightarrow (3): Díky souvislosti vždy existuje aspoň jedna cesta. Kdyby mezi nějakými dvěma vrcholy x, y existovaly dvě různé cesty P_1 a P_2 , najdeme hranu $e = \{u, v\}$ ležící na právě jedné z nich. V grafu $G - e$ leží ve stejně komponentě u s x a v s y (obojí díky zbytku P_1). Ale x a y také leží ve stejně komponentě (propojuje je P_2). Proto je $G - e$ souvislý.

(3) \Rightarrow (4): Opět obměnou. Kdyby G nebyl acyklický, mezi vrcholy na kružnici by existovaly alespoň dvě cesty. Kdyby $G + \{x, y\}$ neobsahoval cyklus, nevedla by v G mezi x a y žádná cesta.

(4) \Rightarrow (1): Obměnou. Kdyby G nebyl souvislý, uvažme nějaké dva vrcholy x a y ležící v různých komponentách. Přidáním hrany $\{x, y\}$ by nemohla vzniknout kružnice.

(1) \Rightarrow (5): Budeme indukcí podle n dokazovat, že všechny stromy na n vrcholech splňují (5). Pro $n = 1$ tvrzení platí triviálně, předpokládejme nadále $n > 1$. Nechť G je strom na n vrcholech. Dle Věty o existenci listů v něm existuje list ℓ . Graf $G' = G - \ell$ je dle Věty o trhání listů opět strom. Dle indukčního předpokladu tedy platí $|V(G')| = |E(G')| + 1$. Vrátíme-li list ℓ do grafu G , zvýšíme počet vrcholů i počet hran o jednu. Proto $|V| = |V(G')| + 1 = (|E(G')| + 1) + 1 = |E| + 1$.

(5) \Rightarrow (1): Opět budeme dokazovat indukcí podle počtu vrcholů. Nechť G je souvislý graf, $|V| = n = |E| + 1$. Pro $n = 1$ je G triviálně strom, nadále nechť $n > 1$. Ukážeme nejdříve, že v G existuje list. Dle předpokladu platí $\sum_{u \in V} \deg_G(u) = 2|E| = 2n - 2$. Kdyby všechny stupně v G byly aspoň 2, pak by součet stupňů byl aspoň $2n$. Tedy nějaký vrchol ℓ musí mít stupeň nejvýše 1. Protože G je souvislý, vrchol ℓ nemůže mít stupeň 0, a je to tedy list. Graf $G' = G - \ell$ je souvislý a splňuje $|V(G')| = |E(G')| + 1$, je tedy dle indukčního předpokladu strom, takže dle Věty o trhání listů je G také strom. \square

Mnoho různých datových struktur (například těch popisovaných v kapitole 4) je založeno na stromech. Zde se typicky využívá toho, že strom *zakořeníme*.

Definice: *Zakořeněný strom* je takový, ve kterém je jeden vrchol označen jako *kořen*. Leží-li u na (jediné) cestě z v do kořene, pak u je *předek* v a v je *potomek* u . Pokud je navíc $\{u, v\}$ hrana, říkáme, že u je *otec* v a v je *syn* u . Vrcholy rozdělíme podle vzdálenosti od kořene do *hladin* neboli *vrstev*: vulté leží kořen, v první jeho synové, atd. *Hloubka* zakořeněného stromu je číslo poslední hladiny (tedy maximální délka cesty mezi kořenem a listem).

Důsledek: Každý strom je bipartitní: když ho libovolně zakořeníme, sudé hladiny jsou jedna partita, liché druhá.

Zmíníme ještě jeden koncept, často používaný v nejrůznějších algoritmech.

Definice: Podgraf $K \subseteq G$ nazveme *kostrou* grafu G , pokud $V(K) = V(G)$ a K je strom.

Pozorování: Graf má kostru právě tehdy, když je souvislý.

Ve světě orientovaných grafů mají acyklické grafy složitější strukturu než stromy. Vlastnostem acyklických orientovaných grafů (neboli DAGů) a algoritmům pro ně se věnujeme v oddílu 5.8. Speciálně se ukáže, že díky existenci tzv. topologického uspořádání je pro DAGy řada problémů mnohem jednodušší.

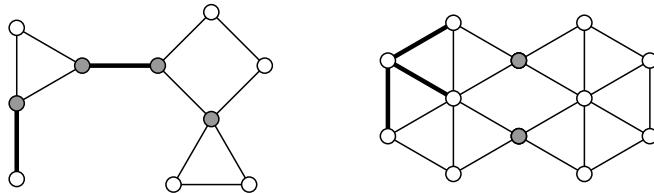
A.4 Míra souvislosti grafů

Pro souvislý graf se často zkoumá, jak snadné je jeho souvislost narušit. Následující pojmy vystihují „slabá místa“ grafu.

Definice: Mějme graf G . *Artikulace* je vrchol v takový, že $G - v$ má více komponent souvislosti než G . *Most* je hrana e taková, že $G - e$ má více komponent než G .

Definice: Řekneme, že graf je (vrcholově) *2-souvislý*, pokud má aspoň tři vrcholy, je souvislý a neobsahuje žádnou artikulaci. Řekneme, že graf je *hranově 2-souvislý*, pokud je souvislý a neobsahuje žádný most.

Algoritmům pro hledání artikulací a mostů se blíže věnujeme v oddílu 5.7.



Obrázek A.6: Nalevo mosty a artikulace, napravo vrcholový řez velikosti 2 a hranový řez velikosti 3

Pojem 2-souvislosti má své přirozené zobecnění, které je postaveno na pojmu řezu.

Definice: *Hranový řez* v grafu $G = (V, E)$ je množina hran $F \subseteq E$ taková, že graf $G' = (V, E \setminus F)$ je nesouvislý. *Vrcholový řez* v grafu $G = (V, E)$ je množina vrcholů $A \subseteq V$ taková, že graf $G[V \setminus A]$ je nesouvislý.

Definice: Graf je (vrcholově) *k-souvislý*, pokud má alespoň $k+1$ vrcholů a neexistuje v něm vrcholový řez velikosti menší než k . Graf je *hranově k-souvislý*, pokud v něm neexistuje hranový řez velikosti menší než k .

Definice: *Vrcholová souvislost* (stupeň vrcholové souvislosti) $k_v(G)$ je rovna největšímu k , pro které je graf G vrcholově k -souvislý. Analogicky pro *hranovou souvislost* (stupeň hranové souvislosti) $k_e(G)$.

Pozorování: Hranová souvislost je tedy rovna velikosti nejmenšího hranového řezu. Podobně vrcholová souvislost pro vrcholové řezy, ale pozor na úplné grafy: v grafu K_n žádné vrcholové řezy neexistují, takže nás omezuje jen požadavek na počet vrcholů v definici k -souvislosti, z nějž vyjde $k_v(K_n) = n - 1$.

Nabízí se přirozená otázka, jak spolu $k_v(G)$ a $k_e(G)$ souvisí a jaký vztah mají k dalším vlastnostem grafů. Zásadní jsou následující věty, které nicméně uvádíme bez důkazu.

Věta: Pro každý graf G platí $k_v(G) \leq k_e(G)$.

Věta (Fordova-Fulkersonova): Pro každý graf G a každé přirozené t platí $k_e(G) \geq t$, právě když mezi každými dvěma různými vrcholy u a v existuje alespoň t hranově disjunktních cest.

Věta (Mengerova): Pro každý graf G a každé přirozené t platí $k_v(G) \geq t$, právě když mezi každými dvěma různými vrcholy u a v existuje alespoň t cest, které jsou až na vrcholy u a v disjunktní.

Vhodným nástrojem pro studium k -souvislosti je teorie toků v sítích, které se věnujeme v kapitole 14 (zejména cvičení 14.2.8).

A.5 Rovinné grafy

Důležitou třídou grafů jsou tzv. rovinné grafy, které lze „nakreslit“ do roviny bez křížení hran. Zavést potřebné pojmy poctivě však vyžaduje použít aparát topologie. V tomto úvodním textu tedy vše maximálně zjednodušíme a potřebná tvrzení uvedeme bez důkazů.

Rovinné nakreslení

Definice: Oblouk je spojitá křivka (v rovině) neprotínající sama sebe. Formálně se definuje pomocí prostého spojitého zobrazení $f : [0, 1] \rightarrow \mathbb{R}^2$. Oblouk je obor hodnot tohoto zobrazení, tedy množina $\{f(x) \mid x \in [0, 1]\}$. Body $f(0)$ a $f(1)$ jsou koncové body oblouku, ostatní body jsou vnitřní.

Definice: Rovinné nakreslení grafu $G = (V, E)$ je dvojice zobrazení (b, γ) taková, že:

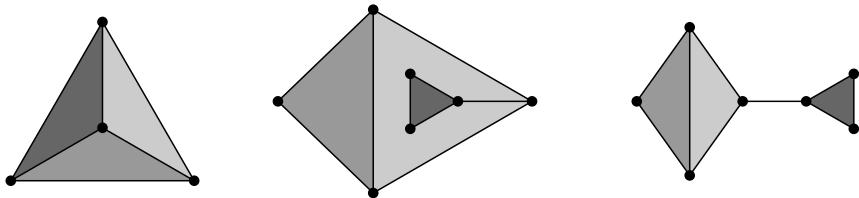
- každému vrcholu $v \in V$ přiřazuje bod $b(v)$ roviny,
- každé hraně $e = \{u, v\} \in E$ přiřazuje oblouk $\gamma(e)$ s koncovými body $b(u)$ a $b(v)$,

a navíc splňuje následující tři podmínky:

- zobrazení b je prosté,
- žádný z bodů $b(v)$ není vnitřním bodem žádného oblouku $\gamma(e)$,
- žádné dva oblouky nemají společný vnitřní bod.

Definice: Graf, který má alespoň jedno rovinné nakreslení, se nazývá rovinný.

Příklad: Všechny lesy jsou rovinné. Grafy K_3 , K_4 a $K_{2,3}$ jsou rovinné, K_5 a $K_{3,3}$ nikoliv. Podgraf rovinného grafu je rovinný. Podrozdrobení i kontrakce hrany zachovávají rovinnost.



Obrázek A.7: Grafy nakreslené do roviny.
Šedé jsou vnitřní stěny, bílá stěna vnější.

Stěny, Eulerova formule a její důsledky

Definice: Uvažme nějaké rovinné nakreslení grafu. Když z roviny smažeme všechny body a oblouky tohoto nakreslení, rovina se rozpadne na části, kterým se říká *stěny nakreslení*. Stěny, které jsou omezené („nesahají do nekonečna“), se nazývají *vnitřní*, neomezená stěna je vždy jen jedna a nazývá se *vnější*.

Na obrázku A.7 vidíme nakreslení grafu K_4 se čtyřmi stěnami (jedna vnější a tři vnitřní) a dvě různá nakreslení jednoho grafu, která se liší stěnami. Také je vidět, že hranice stěny nemusí odpovídat kružnici v grafu – v souvislém grafu to obecně je nějaký uzavřený sled.

Poznámka: „Rozpadnutí roviny na části“ je možné formálně popsat takto: Nechť $U \subseteq \mathbb{R}^2$ je nějaká podmnožina roviny. Definujeme relaci \approx_U na U takovou, že pro libovolné dva body $x, y \in U$ je $x \approx_U y$ právě tehdy, když $x = y$ nebo existuje oblouk $\gamma \subseteq U$ takový, že x, y jsou jeho koncové body. Nahlédneme, že relace \approx_U je ekvivalence. Její ekvivalentní třídy nazýváme *komponenty obloukové souvislosti* množiny U .

Všimněme si, že pojmy týkající se rovinných grafů jsou technicky komplikované a založené na spojité matematice. Proto je překvapivé, že jde o rovinných grafech ukázat řada tvrzení, která jsou svou podstatou čistě kombinatorická. Následující důležitá tvrzení dávají do souvislosti počty vrcholů, hran a stěn a také hustotu rovinných grafů.

Věta (Eulerova formule): Nechť $G = (V, E)$ je souvislý rovinný graf a s je počet stěn v nějakém jeho rovinném nakreslení. Pak $|V| - |E| + s = 2$.

Důsledek: Počet stěn je pro všechna rovinná nakreslení daného grafu stejný, konkrétně, pokud je G souvislý, $s = 2 - |V| + |E|$.

Důsledek: Nechť $G = (V, E)$ je rovinný graf a $|V| \geq 3$. Pak $|E| \leq 3|V| - 6$. Pokud navíc G neobsahuje trojúhelníky, pak $|E| \leq 2|V| - 4$.

Důsledek: Každý rovinný graf obsahuje (alespoň jeden) vrchol stupně nejvýše 5.

— A.5 Základy teorie grafů – Rovinné grafy

To nejlepší na konec: rovinnost grafu jde charakterizovat čistě kombinatorickými prostředky bez použití topologie roviny.

Definice: Řekneme, že graf H je *minorem* grafu G , pokud lze H z G získat posloupností operací smazání vrcholu, smazání hrany a kontrakce hrany.

Věta (Kuratowského, minorová verze): Graf G je rovinný právě tehdy, když ani K_5 , ani $K_{3,3}$ nejsou minory grafu G .

Dodejme ještě, že rozpoznat, zda je graf rovinný, lze v čase $O(n)$, kde n je počet vrcholů (na počtu hran m nezáleží, protože v případě, kdy $m \geq 3n$, můžeme rovnou graf prohlásit za nerovinný a ani nemusíme hrany číst).

Návod k cvičením

Nápowědy k cvičením

1. Upravte Quicksort.
2. Sestavte množinu dvojic (i, z) , které říkají, že na i -té pozici nějakého řetězce se vyskytuje znak z . Setříďte ji lexicograficky.
3. Hodí se obrátit hrany grafu a počítat naopak cesty vedoucí do u .
4. Nalezněte minimum m a maximum M , interval $[m, M]$ rozdělte na $n + 1$ příhrádek a prvky do nich rozházejte. Všimněte si, že alespoň jedna příhrádka zůstane prázdná.
5. Funkce $r / \log r$ je rostoucí.
6. Postupně přidávejte prvky a pamatujte si, který vrchol stromu odpovídá zatím poslednímu prvku.
7. Využijte toho, že $\omega^k + \omega^{-k} = 2 \cos(2k\pi/n)$.
8. Počítejte prefixové součty a pamatujte si jejich průběžné minimum.
9. Průběh algoritmu rozdělte na fáze, i -tá fáze končí umístěním čísla i . Jaký je střední počet pokusů v i -té fázi?
10. Zadané číslo rozdělte na horních a dolních $n/2$ cifer, každé převeďte zvlášť a potom násobte číslem $z^{n/2}$ zapsaným v nové soustavě a sčítejte.
11. Kolik je korektních rozmístění?
12. Vymyslete, jak pro dané k ověřit, že posloupnost obsahuje všechna čísla od 1 do k . Stačí na to řádově n operací.
13. Máme co do činění s *vnějškově rovinou grafem* – to je rovinný graf, jehož všechny vrcholy leží na vnější stěně. Každý takový graf musí obsahovat alespoň jeden vrchol stupně nejvýš 2.
14. Dokud existuje nějaký dosažitelný vrchol x mimo strom, hledejte nejkratší cestu z v_0 do x a pokoušejte se ji do stromu přidat.
15. Použijeme stejnou posloupnost tahů jako u rekurzivního algoritmu. Pokud pořadové číslo tahu zapíšeme ve dvojkové soustavě, počet nul na konci čísla prozradí, který disk se má pohnout. Když si sloupy uspořádáme cyklicky, bude se každý disk pohybovat buďto vždy po směru hodinových ručiček, nebo naopak vždy proti směru.
16. Opět uvažte, jak se pohybuje největší disk.
17. Využijte toho, že $e^{ix} = \cos x + i \sin x$ a $e^{-x} = \cos x - i \sin x$.
18. Libovolný algoritmus, který by největší disk přenesl vícekrát, je nutně pomalejší než ten náš.
19. Využijte toho, že $\sum_{i=1}^n i \ln i \leq \int_1^{n+1} x \ln x \, dx$.
20. Úsek, který nám zůstal v ruce při odkládání i -té nejstarší položky na zásobníku, má nejvýše $n/2^i$ prvků.
21. Transformujte nejdříve řádky a pak sloupce.

22. Hodí se postupně odtrhávat vrcholy stupně nejvýše 5 a počítat trojúhelníky, kterých se tyto vrcholy účastní.
23. Pokud prvních $m = 2^k - 1$ indexů obsadíme čísla 1 až m v tomto pořadí, může na indexech $m + 1$ až $2m + 1$ ležet libovolná permutace čísel $\{m + 1, \dots, 2m + 1\}$.
24. Zlogaritmuje obě strany nerovnosti.
25. Vyzkoušejte všechny možnosti, jaká náhodná čísla mohlo program vygenerovat.
26. Touto návodou se neříďte.
27. Použijte binární vyhledávání a předchozí cvičení.
28. Vrchol stupně nejvýše 5 odstraníme, rekurzivně obarvíme zbytek grafu, a pak vrchol vrátíme zpět a dobarvíme.
29. Rozdělte přičtení čísla k na přímé zpracování jeho $\log k$ číslic, které zaplatíme přímo, a případné další přenosy, na které postačí uložené penízky.
30. Libovolné očíslování vrcholů rozdělí hrany na „dopředné“ a „zpětné“.
31. V polynomiálním prostoru můžeme postupně vyzkoušet všechny možné certifikáty.
32. Jak často je pole potřeba orat?
33. Nechť $T(n) = a \cdot T(n/b + k) + \Theta(n^c)$. Podproblémy na i -té hladině budou velké maximálně $n/b^i + k + k/b + k/b^2 + \dots = n/b^i + kb/(b-1)$. Rekurzi ovšem musíme zastavit už pro $n = \lceil kb/(b-1) \rceil$, jinak by se nám algoritmus mohlo zacyklit.
34. Převodem z $\mathbf{Ax} = \mathbf{1}$.
35. Libovolný korektní algoritmus musí porovnat každé dva prvky, které sousedí v seříděném pořadí.
36. Provedeme-li BFS, graf tvořený stromovými a dopřednými hranami je DAG.
37. Dokažte, že $h(v)$ je rovno délce nějaké v_0v -cesty, a využijte toho, že takových cest je pouze konečně mnoho.
38. Zkuste algoritmus zkřížit s klasickým binárním vyhledáváním.
39. Použijte hladový algoritmus.
40. Spočítejte, z kolika hradel může do výstupu síť vést cesta délky k .
41. Dokažte, že $\det \mathbf{V} = \prod_{0 \leq i < j \leq n} (x_j - x_i)$.
42. Představte si permutaci jako graf a uvažujte o jeho cyklech.
43. Zkoušeli jste to vypnout a zapnout?
44. Formule má stromovou strukturu a v každém stromu se nachází vrchol, jehož odebráním vzniknou komponenty nejvýše poloviční velikosti. Použijte myšlenku skládání bloků z oddílu 15.2.
45. Úlohu převeďte na hledání nejkratší cesty v grafu, jehož vrcholy odpovídají proměnným a hrany nerovnicím. Všimněte si, že pokud jsou z vrcholu v dosažitelné všechny ostatní vrcholy, pak pro každou hranu xy platí $d(v, y) - d(v, x) \leq \ell(x, y)$.
46. Ukažte, že pomocí okénkových mediánů můžeme třídit.
47. Nejprve dokažte, že všechny cesty vedou do Říma.
48. Inverzní matice je opět trojúhelníková. Bloky, rekurze.

49. Použijte Hallovu větu.
50. Vrcholy grafu budou všechny kombinace polohy Thésea s polohou Mínóaura.
51. Odřízněte všechny podstromy ležící vpravo od cesty z kořene do x a pak je pospojte operací JOIN z předchozího cvičení.
52. Předpočítejte součty všech podmatic s levým horním rohem $(1, 1)$.
53. Formule není tautologie právě tehdy, je-li její negace splnitelná.
54. Převodem ze součtu podmnožiny.
55. Uvažte graf komponent silné souvislosti.
56. Nejprve pomocí rotací doprava strom přeskádejte na cestu. Potom ukažte, jak cestu délky $2^k - 1$ rotacemi přetvarovat na dokonale vyvážený strom (v tomto případě úplný binární). Nakonec domyslete, co si počít pro obecnou délku cesty.
57. Použijte analogii invariantu \mathbf{F} .
58. Podobně jako jsme u sčítáčky předpovídali přenosy, zde můžeme předpovídat stav automatu pro jednotlivé pozice ve vstupu.
59. Maximální medián hledejte půlením intervalu. V každém kroku testujte, zda existuje podmatice s mediánem větším nebo rovným středu intervalu, pomocí dvojrozměrných prefixových součtů.
60. Když se přímka dotýká mnohoúhelníku ve vrcholu, její směr (úhel vůči x -ové ose) leží mezi směry stran mnohoúhelníku vedoucích z bodu dotyku.
61. Pamatujte si minimum, náhradu za minimum, náhradu za tuto náhradu, a tak dále.
62. Udržujte si vstupní stupně vrcholů a frontu všech vrcholů, kterým už vstupní stupeň klesl na nulu.
63. Necht T je kostra nalezená algoritmem a T' nějaká lehčí. Uspořádejte hrany obou koster podle vah a najděte první místo, kde se liší. Co algoritmus udělal, když tuto hranu potkal?
64. Hodí se minimové stromy z cvičení 9.3.4.
65. Použijte metodu dvou jezdci.
66. Opět se hodí, že každý sled je možné zjednodušit na cestu.
67. Pokud matici orámujeme vrstvou jedniček, platí, že největší nulová podmatice přiléhá z každé strany k nějaké jedničce. Pro každou jedničku hledejte největší podmatice, která se jedničky dotýká zdola. Jiné řešení je založené na předvýpočtu z cvičení 9.3.8.
68. Máme pole, v němž jsou za sebou dvě setříděné posloupnosti a chceme je slít do jedné, uložené v tomtéž poli. Pole rozdělte na $\Theta(\sqrt{n})$ bloků velkých $\Theta(\sqrt{n})$ a poriďte si odkladiště na $\mathcal{O}(1)$ bloků. Pak slívejte do odkladiště a kdykoliv z jedné ze vstupních posloupností přečtěte celý blok, nahraďte ho hotovým blokem z odkladiště. Výstup tedy ukládáme na přeskáčku do bloků vstupu, tak nakonec bloky setřídíme podle jejich prvních prvků.

69. i -tý krok trvá $\mathcal{O}(n/i)$.
70. Mohou se hodit Fibonacciho čísla z oddílu 1.4.
71. Ke kvadratickému řešení postačí přímočaré zametání, pro zrychlení na $\mathcal{O}(n \log n)$ se inspirujte cvičeními 8.5.8 a 8.5.9 z kapitoly o stromech.
72. Použijte cvičení 17.2.1.
73. Hrany vedoucí z vrcholu si místo v poli pamatujte v nějaké slovníkové datové struktuře.
74. Vzpomeňte si na síť z algoritmu na největší párování. Jak v ní vypadají řezy?
75. Upravte Mergesort.
76. Pro jiné než mourovaté kočky je úloha NP-úplná.
77. Před počítáním listů ověřte, že strom není jehličnatý.
78. Má-li vrchol stupeň právě 5, jeho okolí nemůže indukovat úplný graf (protože K_5 není rovinný). Můžete tedy dva sousedy ztotožnit.
79. Úspěšné hledání prvku projde tytéž příhrádky, jaké jsme prošli při jeho vkládání. Průměrujte přes všechny hledané prvky a použijte lemma o harmonických číslech ze strany 274.
80. Co algoritmus udělá po 1729 krocích?
81. Podívejte se na levý dolní prvek matice. Co plyne z $A_{i,j} < i + j$ a co z $A_{i,j} > i + j$?
82. Zvolte nějakou minimální kostru a vyčkejte na první okamžik, kdy se od ní algoritmus odchylí.
83. Co když mince padne na hranu?
84. Otrháním všech listů se excentricita zbylých vrcholů sníží o 1.
85. Uvažujte o *nepostavených* továrnách.
86. Hledejte konvexní obal bodů ležících na parabole $y = x^2$.
87. Zamyslete se nad grafem komponent a nahlédněte, že úlohu stačí vyřešit pro bipartitní grafy orientované z jedné partity do druhé. Pak hledejte největší párování.
88. Linearita střední hodnoty.
89. Zametejte rovinu shora dolů. V persistentním intervalovém stromu udržujte, kolik už jste viděli bodů se kterou x -ovou souřadnicí.
90. Shora odhadněte počet všech booleovských obvodů s $\mathcal{O}(n^k)$ hradly a ukažte, že pro dost velké n je to méně než počet n -vstupových booleovských funkcí.
91. Zkuste nedělit pole na poloviny, ale podle rovnoměrného rozložení čísel odhadnout lepší místo pro dělení.
92. Lineární kombinaci není těžké najít zkusmo, ale existuje i obecný postup. Bude se nám hodit *Lagrangeova interpolační formule* z cvičení 17.1.2. Nyní se stačí na zadaná čísla podívat jako na polynomy: pokud označíme $f(t) = X_2t^2 + X_1t^1 + X_0$, $g(t) = Y_2t^2 + Y_1t + Y_0$, bude platit $X = f(10^n)$, $Y = g(10^n)$, a tedy $XY = h(10^n)$, kde $h = f \cdot g$. Naše mezivýsledky W_i ovšem nejsou ničím jiným než hodnotami $h(0)$,

- $h(1), h(-1), h(2), h(-2)$. Interpolacní formule pak ukazuje, jak $h(10^n)$ spočítat jako lineární kombinaci těchto hodnot.
93. Spočítejte četnost jednotlivých klíčů a podle toho si naplánujte, kde ve výstupním poli bude která příhrádka.
 94. Například převodem z 3D-párování.
 95. Využijte toho, že $\binom{n}{k} = \binom{n}{k-1} \cdot \frac{n-k+1}{k}$.
 96. Použijte dynamické programování.
 97. Sestrojte konvexní obaly červených, zelených a všech bodů.
 98. Pětice nechť jsou pouze myšlené, do i -té pětice patří prvky $i, k+i, 2k+i, 3k+i, 4k+i$, kde $k = \lfloor n/5 \rfloor$. Medián pětice vždy prohodte s jejím prvním prvkem, takže mediány pětic budou tvořit souvislý úsek. Zbytek je podobný Quicksortu na místě.
 99. Na každou klauzuli se můžeme podívat jako na implikaci.
 100. Spočítejte $(\mathbf{A} + \mathbf{E})^n$, kde \mathbf{A} je matice sousednosti a \mathbf{E} jednotková matice téže velikosti (tou jsme efektivně do grafu přidali smyčky). Použijte algoritmus na rychlé umocňování z oddílu 1.4.
 101. Pro každý podstrom spočítejte dvě maximální váhy nezávislé množiny: jednu pro případ, kdy kořen v množině leží, druhou když neleží.
 102. Vytvořte cyklus z ukazatelů přes vrchol a jeho dva syny.
 103. Rozšířte dvojkovou soustavu o číslici -1 .
 104. Jak z k -tice vybrané rovnoměrně náhodně z $n - 1$ hodnot získat k -tici vybranou rovnoměrně náhodně z n hodnot?
 105. Jak u polosouvislého grafu vypadá graf komponent silné souvislosti?
 106. Stavy dynamického programování budou odpovídat trojicím (U, x, y) , kde U je množina vrcholů a x a y její prvky. Pro každý z nich spočítáme, jaká je nejkratší cesta z x do y , která navštíví všechny vrcholy v U .
 107. Stačí si vždy pamatovat dva sousední řádky tabulky.
 108. Využijte toho, že $1 + \alpha \leq e^\alpha$ pro každé $\alpha \in \mathbb{R}$.
 109. Vybudujte nad úsečkami lomené čáry binární strom. Do vnitřních vrcholů uložte datovou strukturu z cvičení 16.6.8 pro konvexní obal listů.
 110. Zkuste stromy vhodně zakořenit a zakódovat do posloupnosti závorek tak, aby kódy podstromů byly seřazeny v lexikografickém uspořádání.
 111. Jak vypadají mocniny matice sousednosti?
 112. Vhodně doplňte zdroj a spotřebič a hledejte maximální tok.
 113. Najděte číslo $\tau > 0$, pro které posloupnost $a_n = \tau^n$ splňuje rekurenci $a_{n+2} = a_n - a_{n+1}$. Donuťte Fordův-Fulkersonův algoritmus k tomu, aby se rezervy na vybraných hranách vyvýjely podle této posloupnosti. Jelikož všechny prvky posloupnosti jsou nenulové, algoritmus se nikdy nezastaví.

114. Napovíme potenciál pro $(2, 4)$ -stromy: je to součet příspěvků vrcholů. Vrcholy s 0 až 4 klíči přispějí po řadě 2, 1, 0, 2, 4. Přitom 0 a 4 klíče se objevují pouze dočasně během štěpení a slučování.
115. Rozdělte vstup na bloky velikosti $k/2$ a počítejte pro ně prefixové a suffixové součty. Výpočty těchto součtů vhodně rozdělte mezi jednotlivé operace.
116. Abecedu zakódujte $0 \rightarrow -1$, $1 \rightarrow 1$, $? \rightarrow 0$ a zamyslete se, o čem vypovídá konvoluce jehly a sena (viz cvičení 17.4.4).
117. Představte si, jak se v průběhu vyhledávání prvku mění velikost podstromu, v němž se nacházíte. Uvažujte o skoromediánech podobně jako v analýze Quickselectu (oddíl 11.2).
118. Tříďte uspořádané dvojice (e, m) lexikograficky.
119. Uvažte číslo q , které je řešením rovnice $\beta_1^q + \dots + \beta_a^q = 1$, a dokažte, že strom rekurze má řádově n^q listů.
120. Graf tvořený hranami z cvičení 6.6.7 je acyklický.
121. Najděte v G párování obsahující alespoň kolik hran, kolik je polovina počtu vrcholů vráceného pokrytí. Jak velikost párování souvisí s velikostí nejmenšího vrcholového pokrytí?
122. Rozepište $\mathcal{F}^{-1}(\mathcal{F}(\mathbf{x}) \odot \mathcal{F}(\mathbf{y}))$ podle definice.
123. Nechť odpalovací kód K je číslo z nějakého konečného tělesa \mathbb{Z}_p . Pro $n = 2$ zvolíme náhodné $x \in \mathbb{Z}_p$ a položíme $y = K - x$. Pro $n > 2$ náhodně zvolíme vhodný polynom nad \mathbb{Z}_p .
124. Nejprve vyřešte tuto úlohu: Hledejte matici nul a jedniček, která má zadáno řádkové a sloupcové součty.
125. Doplňte hrany mezi vrcholy lichého stupně.

Rejstřík

Rejstřík

Symboly

\leftrightarrow (relace) 131
 \coloneqq značí je definováno jako
 ε viz slovo prázdné
 ε -sít 265
 $f^\Delta(v)$ viz přebytek
 $\varphi(x)$ viz argument komplexního čísla
 $f^-(v)$ viz odtok
 $f^+(v)$ viz přítok
 G^T 132
 $[n]$ 282
 $[a, b]$ značí uzavřený interval
 $\#x : \varphi(x)$ značí počet x , pro něž platí
podmínka $\varphi(x)$
 $\langle i, j \rangle$ 98
 ω viz odmocnina primitivní
 Ω 51
 \oplus viz XOR
 Σ viz abeceda
 Σ^* 319
 $|\alpha|$ viz délka slova
 \rightarrow viz převod problémů
 $2 \uparrow k$ 180
 Θ 51
 \equiv 424
 (a, b) značí otevřený interval

Číslice

2-SAT 489
3D-párování 473
3-SAT 468
3,3-SAT 472

A

abeceda 319, 382
Adělson-Velškij, Georgij Maximovič 191
adresa buňky 40
adresace otevřená 279
Agaronová, Cecilia 289

Aho, Alfred Vaino 325
algoritmus 11, 30
 A^* 159
ACHLEDEJ 327
ACKONSTRUKCE 328
Aho-Corasicková 324
APROXIMACEBATOHU 492
aproximační 489
BARVENÍINTERVALŮ 487
Bellmanův-Fordův 152
BFS 111
BINSEARCH 26
BORŮVKA 173
BUBBLE SORT 62
BUCKET SORT 73
COUNTING SORT 72
DFS 119
DIJKSTRA 147
obousměrný 157
DINIC 363
DVOJICESESOUCTEM 28
EDIT 307
EDIT2 308
EUKLIDES 31
FFT 430
FFT2 439
FIB 299
FIB2 300
FIB3 301
FLOYDWARSHALL 155
FORDFULKERSON 355
FORTUNE 413
GOLDBERG 369
HANOJ 244
HEAPSORT 90
hladový 169
HVĚZDIČKY1 43
HVĚZDIČKY2 43, 55
HVĚZDIČKY3 43

- HVĚZDIČKY 4 44
INC 223
inkrementální 25, 320
JARNÍK 168
JARNÍK2 172
KASAI 339
KGGRAMY 334
KMPHLEDEJ 322
KMPKONSTRUKCE 324
KOMPONENTY 115
KOMPSILNÉSOUVISLOSTI 133
KOMPSSTARJAN 136
KONVEXNÍOBAL 403
KRUSKAL 175
LEXBUCKETSORT 74
LINEARSELECT 263
MAXSOUČET1 23
MAXSOUČET2 24
MAXSOUČET3 25
MERGESORT 66, 246
MERGESORT1 64
MOCNINA 34
MOSTY 124
NÁSOB 251
NÁSOBNÍPOLYNOMŮ 425
NRP 303
NRP2 303
NZMNAVESTROMU 486
ODČÍTACÍEUKLIDES 30
OPENFIND 279
OPENINSERT 279
OPTSTROM 312
OPTSTROMREKO 313
OPTSTROM2 312
Papeho 153
pravděpodobnostní 269
provázkový 402
PRŮSEČÍKY 407
pseudopolynomiální 488
QUICKSELECT 257, 272
QUICKSORT 259, 273
QUICKSORT2 261
RABINKARP 331
randomizovaný 269
RELAXACE 150
SELECTSORT 62
SKEW 342
Strassenův 115, 255
SUFFIXOVÉPOLE 338
TŘÍDĚNÍŘETĚZCŮ 76
tří Indů 367
al-Chorézmí, Abú Abd Alláh Muhammad Ibn Músá 30
Alman, Josh 256
ALU *viz jednotka aritmeticko-logická*
amortizace 219
AND 54, 381
antisymetrie 433
aproximace 489
argument komplexního čísla 428
architektura
 harvardská 40
 von Neumannova 39
arita 382
artikulace 123, 507
assembler 41
automat vyhledávací 321, 325
automorfismus grafu 499
AVL strom *viz strom AVL*
- B**
 $\mathcal{B}(G)$ 127
Babai, László 499
barvení grafu 139, 478
 intervalového 486
batoh *viz problém batohu*
báze Fourierova 433, 437
běh 64
Bellman, Richard Ernest 152, 299
BFS *viz prohledávání grafu do šířky*
blok
 grafu *viz komponenta 2-souvislosti*

kanonický 389
matice 255
posloupnosti 94
bootstrapping 323
Borůvka, Otakar 173
B-strom 205
Bubblesort *viz* třídění bublinkové
Bucketsort *viz* třídění přihrádkové
budík 147
buňka paměti 40
BVS *viz* strom vyhledávací binární

C
 $\mathcal{C}(G)$ 131
cache *viz* kešování
cena instrukce 57
certifikát 164, 358, 476
cesta 498, 500
 hamiltonovská 479, 501
 nasycená 355
 nejkratší 143
 v DAGu 129
 orientovaná 503
 zlepšující 354
cirkulace 378
CNF 468
co-NP 479
Cook, Stephen 477
Corasicková, Margaret 325
Counting sort *viz* třídění počítáním
cyklus 500
 orientovaný 503
 záporný 145
Chan, Timothy 418
Chazelle, Bernard 408

Č

čísla
 Fibonacciho *viz* posloupnost
 Fibonacciho
 harmonická 274

komplexní 427
Pišvejcova 67
číslo
 kombinační 25
 Šeherezádino 108

D
 $d(u, v)$ 143
DAG *viz* graf acyklický orientovaný
DCT *viz* transformace cosinová
 $\deg(v)$ *viz* stupeň vrcholu
 $\deg P$ *viz* stupeň polynomu
Delaunay *viz* Děloné, Boris
dělení polynomů 426
dělitel největší společný 30
délka
 cesty a sledu 143
 hrany 143
 redukovaná 161
 slova 319
Děloné, Boris 414
Descartes, René 409
DFS *viz* prohledávání grafu do hloubky
 klasifikace hran 121
 strom 120
DFT *viz* transformace Fourierova
diagram Voroného 409
Dijkstra, Edsger Wybe 146
Dinic, Jefim 362
disk 66, 204
divide et impera 243
doplňek grafu 498
dosažitelnost v grafu 111, 502

E

$\mathbb{E}[X]$ *viz* hodnota střední
 $E(G)$ značí množinu hran grafu
Euklidés z Alexandrie 30
exponenciální složitost 47
E3,E3-SAT 489

F

\mathcal{F} viz transformace Fourierova
faktor naplnění 278
FFT 430
nerekurzivní 439
v konečném tělese 439
Fibonacci 33
floating point 77
Floyd, Robert 154
Ford, Lester Randolph, Jr. 152, 355
formule
Eulerova
komplexní 428
o grafech 509
v CNF 468
v DNF 476
FPTAS viz schéma approximační plně
polynomiální
fronta 81
Fulkerson, Delbert Ray 355
funkce
Ackermannova inverzní 182
booleovská 381, 385
 c -univerzální 282
hešovací 276
(k, c)-nezávislé 287
věžová 180
zpětná 321

G

Gauss, Carolus Fridericus 427
gcd 30
generátor
náhodný 269
pseudonáhodný 269
Goldberg, Andrew Vladislav 368
graf 497
acyklický orientovaný 127, 314
bipartitní 116, 498
blokový 127
intervalový 486, 489

komponent 131
 k -souvislý 359, 507
neorientovaný 497
ohodnocený 143, 504
orientovaný 502
polosouvislý 134
polynomu 425
prázdný 498
regulární 497
rovinný 139, 410, 508
řídký 112
souvislý 115, 392, 502
silně 131
slabě 130
úplný 497

H

$h(v)$ 147, 149, 186
halda 84, 148, 221
binární 84
binomiální 445
lílná 451
 d -regulární 91
Fibonacciho 455
maximová 85
minimová 84
Hart, Peter 159
Heapsort viz třídění haldou
hešování 276
dvojité 281
okénkové 330
s lineárním přidáváním 280
univerzální 281
heuristika 156, 485
hladina (ve stromu) 506
hloubka
hradlové sítě 384
písmenková 344
stromu 186, 506
Hoare, Sir Charles Antony Richard 259
hodnota střední 270

- hradlo 381
hrana 497
dopředná 117, 121
automatu 321, 325
kritická 164
nasycená 355
příčná 117, 122
stromová 117, 121
záporná 145
zkratková 326
zpětná 117, 121
automatu 321, 325
hustota datové struktury 221, 278
- I**
in (vrcholu) 119
indikátor události 273
indukce topologická 129
in-order 186, 345
Insertsort *viz* třídění vkládáním
instrukce
modelu RAM 52
počítače 40
random 269
interpolace Lagrangeova 426, 516
interval kanonický 99
interval (v posloupnosti) *viz* úsek
posloupnosti
invariant 31
inverze
matice 266
v posloupnosti 266
izomorfismus grafů 499
- J**
Jarník, Vojtěch 168
jazyk regulární 392
jednotka
aritmeticko-logická 39
komplexní 428
řídicí 39
- jehla 319
jev náhodný 270
jevy nezávislé 270
- K**
 $k(v)$ 186
kalendář událostí 406
kapacita
datové struktury 219
hrany 351
řezu 356
Karacuba, Anatolij Alexejevič 251
Kärkkäinen, Juha 340
Karp, Richard Manning 331
Kasai, Toru 339
keřík 177
kešování 204, 301, 313
 k -gram 334
klauzule 468
klíč 82, 186
klika v grafu 472, 500
Knuth, Donald Erwin 314, 321
kód
instantní 467
strojový 41
koeficient polynomu 423
koeficienty Bézoutovy 32
kolize (v hešování) 281
kombinace
konvexní 405
lineární 405
komparátor (funkce) 61
komparátor (hradlo) 392
kompilátor 41
komponenta
silné souvislosti 131, 134
souvislosti 115, 502
stoková 132
zdrojová 132
2-souvislosti 126
komprese cest 179

kompresor 391
kondenzace 131
kongruence lineární 32, 277, 284
konkatenace *viz zřetězení*
konstanta multiplikativní 46
konstantní složitost 47
kontrakce hrany 501, 503
konvoluce 436
kořen
komponenty silné souvislosti 135
polynomu 424
stromu 84, 506
Kosaraju, Sambasiva Rao 134
kostra
euklidovská 414
grafu 167, 490, 506
minimální 167
Kruskal, Joseph 174
kružnice 498, 500
hamiltonovská 479, 490, 501
orientovaná 503
kubická složitost 47
kvadratická složitost 47
kvaziuspořádání 467

L

$\ell(v)$ 186
 $L(v)$ 186
 $L[i]$ 333
Landis, Jevgenij Michailovič 191
LCP 333
lemma
o džbánu 271
o společném prefixu 335
řezové 170
ušaté 127
Leonardo z Pisy *viz Fibonacci*
les 504
Levenštejn, Vladimir Josifovič 307
linearita střední hodnoty 270
lineární složitost 47

líné vyhodnocování 102
list 504
literál 53, 468
 \log^* *viz logaritmus iterovaný*
logaritmická složitost 47
logaritmus iterovaný 180
lokalizace bodu 414
low (vrcholu) 124

M

$m(v)$ *viz mohutnost vrcholu*
majorita 381
Manber, Udi 333
Master theorem *viz věta kuchařková*
matice
dosažitelnosti 115
incidence 114
sousednosti 112
Vandermondova 427
vzdáleností 154
MaxCut 494
MaxE3-SAT 494
McCreight, Edward 342
medián 215, 258
memoizace 301
Mergesort *viz třídění sléváním*
metoda
agregační 220
dvou jezdců 28
Newtonova 252
penízková 224
účetní 221
metrika 145, 182, 309
mince ideální 271
minimum intervalové 96
minor grafu 510
míra velikosti vstupu 46
místo (ve Voroného diagramu) 409
množina nezávislá 469, 476, 500
vážená 489
ve stromu 485

v intervalovém grafu 489
množina (datová struktura) 82
množství informace 68
mocnina
 matice 115
 permutace 33
model
 porovnávací 61
 RAM 52
mohutnost vrcholu 228, 232
Morris, James Hiram 321
most 123, 168, 507
multigraf 503
Myers, Gene 333

N
nadposloupnost společná nejkratší 310
nakreslení rovinné 508
ná pověda 476
následník
 prvku 191
 vrcholu 502
násobení
 čísel 248, 440
 matic 34, 314
 paralelní 390
 polynomů 423
nerovnice lineární 164
nerovnost
 Jensenova 295
 Knuthova 314
 trojúhelníková 144
neuniformita 384
Nilsson, Nils 159
NOT 381
notace asymptotická 50
NP 476
NP-těžkost 477
NP-úplnost 477
NRP *viz podposloupnost rostoucí nejdélší*

NVS *viz strom vyhledávací náhodný*
NzMna *viz množina nezávislá*

O

o (asymptotické malé o) 51
 \mathcal{O} (asymptotické velké \mathcal{O}) 50
obal
 konvexní 401, 418
 lineární 405
obraz Fourierův 431
obsah mnogoúhelníku 419
obvod (hradlová síť) 383
odhad dolní
 složitosti haldy 91
 složitosti třídění *viz složitost třídění*
 složitosti vyhledávání *viz složitost vyhledávání*
odhad funkce asymptotický 50
odmocnina
 celočíselná 29
 komplexní 428
 primitivní 429
odtok 352
ohodnocení hrany 143
okolí vrcholu 497, 503
opakování slova 320
operace
 CUT 456
 DECREASE 88
 DELETE 82, 91
 DEQUEUE 81
 editační 307
 elementární 42
 ENQUEUE 81
 EXTRACTMIN 84
 FIND 176
 GET 82
 INCREASE 88
 INDEX 83
 INSERT 82, 84
 JOIN 190, 205, 290

- MAKEHEAP 89
- MAX 82
- MEMBER 82
- MERGE 443
- MIN 82, 84
- POP 81
- PRED 82
- PUSH 81
- RANK 83
- SET 82
- SPLAY 230
- SPLIT 191, 205, 292
- SUCC 82
- UNION 176
- OR 54, 381
 - paralelní 384
- orientace
 - vektorů 404
 - vyvážená 138
- otec (ve stromu) 506
- out (vrcholu) 119

- P**
- P 476
- palindrom 346
- paměť
 - operační 39
 - pomocná 61
 - vnitřní a vnější 66
- párování 359, 465
 - 3D 473
- partita grafu 498
- patnáctka (hlavolam) 108
- permanent matice 378
- permutace náhodná 271, 275
- písmeno *viz znak*
- pivot 257
- pobřeží 411
- počítadlo binární 222
- podgraf 500
- podposloupnost
 - rostoucí nejdelší 302
 - společná nejdelší 310
- podrozdělení hrany 501
- podstrovo 320
 - opakovane nejdelší 335
 - společně nejdelší 335
 - větvící 344
 - vlastní 320
- podstrom 186
- pokrytí
 - množinové 482
 - vrcholové 476, 494
 - bipartitního grafu 489
 - stromu 489
- pole
 - LCP 333
 - nafukovací 219
 - rankové 333
 - společných prefixů 333
 - suffixové 333, 345
- poloha obecná 402
- polynom 277, 423
- pořadí symetrické 186
- posloupnost
 - bitonická 393
 - Fibonacciho 33, 192, 197, 299
 - vyhledávací 279
- postulát Bertrandův 284
- posun bitový 54
- potenciál 225, 323, 372
 - v grafu 161
- potomek (ve stromu) 506
- Pr [...] *viz pravděpodobnost*
- Prášil, baron 323
- Pratt, Vaughan 321
- pravděpodobnost 270
- prefix 320
- princip nula-jedničkový 397
- priorita 81, 289
- problém
 - batohu 479, 487

- dvou loupežníků 479, 489
obchodního cestujícího 490
optimalizační 485
rozhodovací 465
- procedura
- ABDELETE 203
 - ABDELETE2 203
 - ABINSERT 201
 - ABINSERT2 201
 - ACKROK 327
 - ARRAYAPPEND 219
 - BHEXTRACTMIN 450
 - BHINSERT 449
 - BHMERGE 448
 - BLOUKUJÍCÍTOK 365
 - BMERGE 398
 - BUBBLEDOWN 87
 - BUBBLEUP 86
 - BVSDELETE 188
 - BVSFIND 187
 - BVSINSERT 187
 - BVSMIN 187
 - BVSSHOW 186
 - ČIŠTĚNÍSÍTĚ 364
 - DFS2 120
 - FHCUT 457
 - FHDECREASE 457
 - FIND 176, 177
 - HEAPEXTRACTMIN 87
 - HEAPINSERT 86
 - HsBUBBLEDOWN 90
 - INTCANON 99
 - INTCANON2 101
 - INTINC RANGE 102
 - INTLAZYEVAL 103
 - INTUPDATE 102
 - KMPKROK 322
 - KOŘEN 177
 - KOŘENSKOMPRESÍ 179
 - KSST 137
 - LAZYBHCONSOLIDATION 452
 - LAZYBHEXTRACTMIN 453
 - LAZYBHMERGE 452
 - LLRBDELETE 214
 - LLRBDELETEMAX 213
 - LLRBDELETEMIN 212
 - LLRBFIXUP 210
 - LLRBINSERT 210
 - MAKEHEAP 88
 - MERGE 65
 - MERGEBINOMTREES 447
 - MOSTY2 124
 - MOVEREDLEFT 212
 - MOVEREDRIGHT 213
 - SOUČETÚSEKU 95
 - TREAPJOIN 291
 - TREAPSPLIT 292
 - UNION 176, 178
- programování dynamické 299
- prohledávání grafu
- do hloubky 119
 - do šírky 110
 - spojité 149
- proměnná náhodná 270
- prostor
- metrický 145
 - pravděpodobnostní 270
 - stavový 108
- průřez 406
- průsečík úseček 406
- průtok 362
- prvek k -tý nejmenší 257, 262
- přebytek 352
- předek (ve stromu) 506
- předchůdce vrcholu 502
- předtřídění 67
- překladač *viz kompilátor*
- převedení přebytku 368
- nasycené 372
 - nenasycené 372
- převod problémů 466
- přítok 352

pseudokód 11, 42
PSPACE 479
PTAS *viz schéma aproximační polynomiální*
půlení intervalu 26

Q
QSAT 479
Quicksort 259

R
 $r(v)$ 186, *viz rank vrcholu*
 $R(v)$ 186
 $R[i]$ 333
 \mathbb{R}_0^+ značí nezáporná reálná čísla
Rabin, Michael Oser 331
Radixsort *viz třídění číslicové*
RAM 52
 interaktivní 58
Random Access Machine 52
Random Access Memory 52
rank vrcholu 179, 232
Raphael, Bertram 159
redukce *viz převod problémů*
registro procesoru 41
registry RAMu 53
Reingold, Edward 230
rekurence lineární 35
rekurze 530
relaxace 150
repräsentace posloupnosti stromem 216
rezerva hrany 355
rotace
 řetězce 324, 392
 ve stromu 193
rovina Gaussova 427
rovnoměrně náhodně 272
rovnováha stromu 228
rozděl a panuj 77, 243, 310, 425
rozklad spektrální 436

Ř
řada harmonická 274
radič 39
řazení *viz třídění*
řešení
 optimální 489
 přípustné 489
řetězec *viz slovo*
řez 356, 359, 507
 elementární 169
 maximální 494
 minimální 357
 zlatý 34, 277, 302

S
Sanders, Peter 340
SAT *viz splnitelnost formule*
E3,E3-SAT 489
MaxE3-SAT 494
obvodový *viz splnitelnost obvodu*
2-SAT 489
3-SAT 468
3,3-SAT 472
sčítání paralelní 386
Sedgewick, Robert 206
Seidel, Raimund 289
Selectsort *viz třídění výběrem*
seno 319
separátor 393, 395
seznam sousedů 113
Sharir, Micha 134
schéma aproximační
 plně polynomiální 493
 polynomiální 493
Schönhage, Arnold 251
sít 351
 hradlová 382
 komparátorová 392
 pročistěná *viz síť vrstevnatá*
rezerv 362
tíidicí 395

- vrstevnatá 363
sítě Eratosthenovo 275
skoromedián 258, 272
skoro všechno 50
Sleator, Daniel Dominic Kaplan 230
sled 501
slévačka 394
slévání posloupností 65
slovník 82, 92
slovo 319
 Fibonacciho 346
 prázdné 320
 univerzální 347
složitost
 amortizovaná 219
 asymptotická 47
 časová 46
 haldy 91
 obvodu 384
 paměťová 48
 polynomiální 465
 problému 49
 prostorová 48
 průměrná 49, 71, 272
 třídění 69, 397, 406
 vyhledávání 68
 worst-case 227
smyčka (v grafu) 503
součet
 podmnožiny 479
 prefixový 94
soused vrcholu 497, 502
souvislost 502
 hranová 507
 silná 131
 slabá 130
 vrcholová 507
spád hrany 370
splayování 230
splnitelnost
 formule 468, 477
obvodu 482
spotřebič *viz stok v síti*
stav
 automatu 321
 dynamického programování 314
 koncový 325
stěny nakreslení grafu 509
stok
 v grafu 132, 503
 v síti 351
Strassen, Volker 255
stroj
 registrový 58
 Turingův 53
strom 504
 (a,b) 198
 AVL 191
 B 205
 binární 84
 vyhledávací 185
 binomiální 443
 červeno-černý 206
 DFS 120
 intervalový 98, 216
 LLRB 206
 minimový 227, 345
 nejkratších cest 118, 145
 persistentní 415
 písmenkový 92
 komprimovaný 94, 343
 rekurzivních volání 247
 rozhodovací 69
 splay 230
 suffixový 343
 uložený v poli 84
 úplný 190
 v rovnováze 228
 vyhledávací
 binární 185
 náhodný 293
 obecný 198

optimální 311
vyvážený
dokonale 189, 314
hloubkově 191
líné 228
zakořeněný 506
struktura datová 81
dynamická 94
globální 95
lokální 95
statická 94
stupeň
polynomu 423
vrcholu 497, 503
vstupní 503
výstupní 503
substruktura optimální 304
suffix 320
suma teleskopická 226
syn (ve stromu) 84, 506

Š

štruple 323

T

$T(v)$ 186
tabulka hešovací 276
tah 501
eulerovský 138, 501
takt (hradlové sítě) 383
Tarjan, Robert Endre 134, 230
tenzor 437
tok
blokující 363
v síti 352
transformace
Burrowsova-Wheelerova 336
cosinová 436
Fourierova 431
treap 289
triangulace Delaunayova 414

trie *viz strom písmenkový*
třída problémů 476
třídění 61
Batcherovo 398
bublinkové 62, 392
číslicové 75
floatů 77
haldou 90
lexikografické 73
na místě 61
paralelní 392
písmenkovým stromem 93
počítáním 72
přihrádkové 73
rekurzivní 77
řetězců 75
seznamu 67
sléváním 64, 245, 395
stabilní 61
vkládáním 63
vnější 66
výběrem 62
třídička bitonická 394

U

událost 406
Ukkonen, Esko 342
Unicode 319
uniformita 384
Union-Find 176
univerzum 82
úsek
nejbohatší 23
posloupnosti 23, 94
uspořádání
haldové 84, 445, 455
topologické 128
uzávěr tranzitivní 256

V

$V(G)$ značí množinu vrcholů grafu

- váha
 hrany 167
 ve splay stromu 239
- Vassilevska Williams, Virginia 256
- veličina náhodná 270
- velikost
 polynomu 423
 toku 353
- verze datové struktury 415
- věta
 Cookova 477, 482
 Fordova-Fulkersonova 508
 kuchařková 254
 Kuratowského 510
 Ladnerova 478
 Mengerova 508
 věže Hanojské 243
 vlna 368
- von Neumann, John 39
- Voronoj, Georgij 409
- vrchol 497
 externí 198
 interní 198
 izolovaný 497, 503
 skrytý 344
- vrstva
 grafu 116
 hradlové sítě 383
 stromu 506
- vyhledávání binární 26, 68, 259
- vyhodnocování líné 102
- výhybka (hradlo) 386
- výška vrcholu 369
- využívání stromů 189
- vzdálenost
- editační 307, 347
- Levenštejnova 307
- v grafu 143
- vzorkování
 náhodné 286
 reálné funkce 433
- W**
- Warshall, Stephen 154
- w(e)* viz váha hrany
- Wiener, Peter 342
- X**
- $X[i]$ 333
- XOR 54, 381
- Z**
- zag 231
- zákon
 Kirchhoffův 352
 Mooreův 48
- zametání roviny 403
- zařízení vstupní a výstupní 39
- zásobník 81
- zdroj
 v grafu 128, 503
 v síti 351
- zig 231
- změna strukturální 228, 417
- znak 319
- znaménko vrcholu 193
- zřetězení 320
- zvednutí vrcholu 369

— Rejstřík

Literatura

Literatura

- [1] ARORA, Sanjeev a BARAK, Boaz. *Computational Complexity: A Modern Approach*. Cambridge University Press, 2009. ISBN 978-0521424264.
- [2] CORMEN, Thomas H., LEISERSON, Charles E., RIVEST, Ronald L. a STEIN, Clifford. *Introduction to Algorithms*. MIT Press, 3. vydání, 2009. ISBN 978-0262033848.
- [3] DASGUPTA, Sanjoy, PAPADIMITRIOU, Christos a VAZIRANI, Umesh. *Algorithms*. McGraw-Hill Education, 2006. ISBN 978-0073523408.
- [4] DEMEL, Jiří. *Grafy a jejich aplikace*. Vydáno vlastním nákladem, 2. vydání, 2015. ISBN 978-80-260-7684-1.
- [5] GRAHAM, Ronald L., KNUTH, Donald E. a PATASHNIK, Oren. *Concrete Mathematics: A Foundation for Computer Science*. Addison-Wesley Professional, 2. vydání, 1994. ISBN 978-0201558029.
- [6] KLEINBERG, Jon a TARDOS, Éva. *Algorithm Design*. Pearson, 2005. ISBN 978-0321295354.
- [7] LAAKSONEN, Antti. *Competitive Programmer's Handbook*. Preprint, 2017. Dostupné online na <https://cses.fi/book.html>.
- [8] MAREŠ, Martin. *Krajinou grafových algoritmů*, ITI Series, svazek 330. Institut teoretické informatiky MFF UK Praha, 2007. ISBN 978-80-239-9049-2. Dostupné online na <http://mj.ucw.cz/vyuka/ga/>.
- [9] MATOUŠEK, Jiří a NEŠETŘIL, Jaroslav. *Kapitoly z diskrétní matematiky*. Karolinum, 2010. ISBN 978-80-246-1740-4.
- [10] SKIENA, Steven S. *The Algorithm Design Manual*. Springer, 2. vydání, 2008. ISBN 978-1848000698.
- [11] TÖPFER, Pavel. *Algoritmy a programovací techniky*. Prometheus, 1995. ISBN 80-85849-83-6.

PRŮVODCE LABYRINTEM ALGORITMŮ

Martin Mareš, Tomáš Valla

Vydavatel:

CZ.NIC, z. s. p. o.

Milešovská 5, 130 00 Praha 3

Edice CZ.NIC

www.nic.cz

2. vydání, Praha 2022.

Zapracována errata 2025-03-18.

Kniha vysla jako 28. publikace v Edici CZ.NIC.

© 2017, 2022 Martin Mareš, Tomáš Valla

Toto autorské dílo podléhá licenci Creative Commons BY-ND 4.0

(<http://creativecommons.org/licenses/by-nd/4.0/>).

Dílo však může být překládáno a následně šířeno v písemné či elektronické formě, na území kteréhokoli státu, za předpokladu, že nedojde ke změně díla a i nadále zůstane zachováno označení autora a prvního vydavatele díla, sdružení CZ.NIC, z. s. p. o. Překlad může být šířen pod licencí CC BY-ND 4.0.

ISBN 978-80-88168-63-8 (tištěná verze)

ISBN 978-80-88168-64-5 (ve formátu EPUB)

ISBN 978-80-88168-65-2 (ve formátu MOBI)

ISBN 978-80-88168-66-9 (ve formátu PDF)

O knize Chceme-li napsat počítačový program, obvykle začínáme algoritmem – popisem řešení úlohy pomocí řady elementárních kroků srozumitelných počítači. Často bývá nalezení vhodného algoritmu důležitější než detaily programu. Tato kniha vypráví o tom, jak algoritmy navrhovat a jak jejich chování zkoumat. Mimo to obsahuje mnoho příkladů algoritmů a datových struktur s aplikacemi a cvičeními. Je určena každému, kdo už umí trochu programovat v jakémkoliv jazyce a chtěl by se naučit algoritmicky myslit. Hodit se může jak studentovi informatiky, tak zkušenému programátorovi z praxe.

O autorech Martin Mareš se dlouhodobě pohybuje po křivolaké hranici mezi teoretickou a praktickou informatikou. Na Matematicko-fyzikální fakultě Univerzity Karlovy se zabývá návrhem a teoretickou analýzou algoritmů a také jejich chováním na reálných počítačích. Především ovšem o algoritmech rád vypráví. Tomáš Valla se zabývá teoretickou informatikou, diskrétní matematikou a teorií her. To však neznamená, že také rád neprogramuje. Působí na Fakultě informačních technologií ČVUT, kde přednáší a pracuje ve výše zmíněných oblastech. Do práce na Průvodci se pustil proto, že má rád elegantní poznatky a jejich elegantní výklad.

O edici Edice CZ.NIC je jednou z osvětových aktivit správce české národní domény. Ediční program je zaměřen na vydávání odborných, ale i populárně naučných publikací spojených s Internetem a jeho technologiemi. Kromě tištěných verzí vychází v této edici současně i elektronická podoba knih. Ty je možné najít na stránkách knihy.nic.cz.

