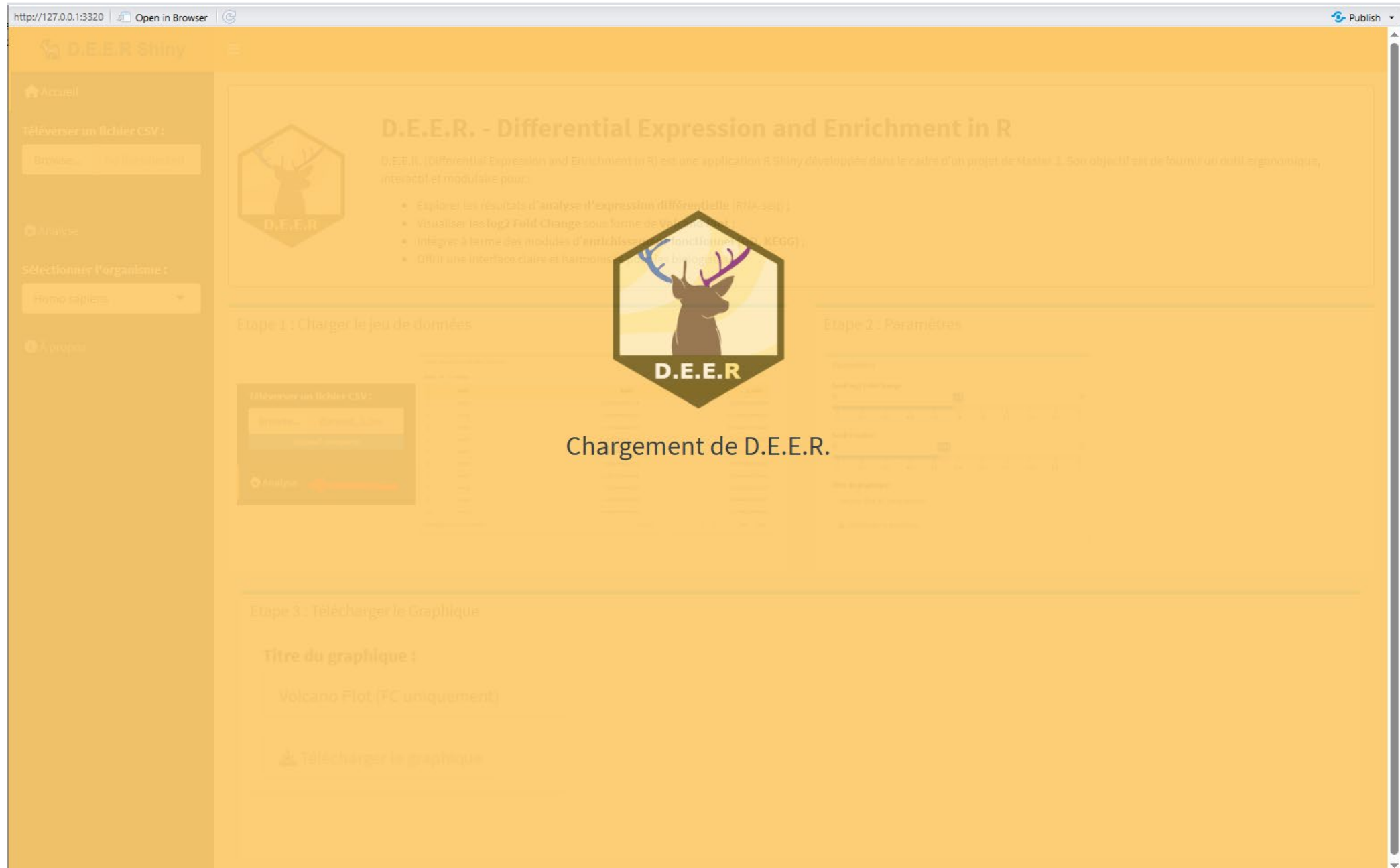




Ecran de chargement



Page d'Accueil

 D.E.E.R Shiny



[Accueil](#)

Téléverser un fichier CSV :


Browse... No file selected

[Analyse](#)

Sélectionner l'organisme :

Homo sapiens

[À propos](#)



D.E.E.R. - Differential Expression and Enrichment in R

D.E.E.R. (Differential Expression and Enrichment in R) est une application R Shiny développée dans le cadre d'un projet de Master 2. Son objectif est de fournir un outil ergonomique, interactif et modulaire pour :

- Explorer les résultats d'**analyse d'expression différentielle** (RNA-seq) ;
- Visualiser les **log2 Fold Change** sous forme de **Volcano Plot** ;
- Intégrer à terme des modules d'**enrichissement fonctionnel** (GO, KEGG) ;
- Offrir une interface claire et harmonisée pour les biologistes.

Etape 1 : Charger le jeu de données

Téléverser un fichier CSV :

Browse... dataset_1.csv

Upload complete

[Analyse](#)

	Gene	logFC	p_value
1	Gene1	6.254682252347679	0.02476802200662
2	Gene2	-5.8026978181024	0.817284227674873
3	Gene3	-4.4887223838384	0.967122710003983
4	Gene4	8.449233301138	0.78130207188807
5	Gene5	5.5533224638384	0.34532242584823
6	Gene6	-5.5857388013138	0.78955030094835
7	Gene7	-4.8222274612408	0.02659447072865
8	Gene8	-1.3030998181082	0.987962113757207
9	Gene9	-4.4284487210318	0.38448310234827
10	Gene10	-4.8809101817584	0.34788832266885

Etape 2 : Paramètres

Paramètres

Seuil log2 Fold Change

0

1.5

3

Seuil P-valeur

0

0.44

1

Titre du graphique :

Volcano Plot (FC uniquement)

Télécharger le graphique

Etape 3 : Télécharger le Graphique

Titre du graphique :

Volcano Plot (FC uniquement)


Télécharger le graphique

Onglet « Analyse »

http://127.0.0.1:3320

Open in Browser

Publish

 D.E.E.R Shiny

Accueil

Téléverser un fichier CSV :

Browse...

dataset_1.csv


Upload complete

Analyse

Sélectionner l'organisme :

Homo sapiens

À propos

 FICHER CHARGÉ
1000 lignes
Visualisation active du tableau

Volcano Plot (à venir)

Le graphique Volcano sera affiché ici.

Table associée au fichier importé

Show

10

entries

Search:

	Gene	log2FC	p_value
1	Gene1	0.245480207287979	0.526708038290963
2	Gene2	-2.50366769195534	0.0172561276704073
3	Gene3	-1.49972229285345	0.0671237150672823

Paramètres

Seuil log2 Fold Change

0

1

3

00.30.60.91.21.51.82.12.42.73

Seuil P-valeur

0

0.05

1

00.10.20.30.40.50.60.70.80.91

Titre du graphique :


Volcano Plot (FC uniquement)

Télécharger le graphique

Onglet « À propos »

http://127.0.0.1:3320

Open in Browser

 **D.E.E.R Shiny**

☰

🏠 Accueil

Téléverser un fichier CSV :

Browse...

dataset_1.csv

Upload complete


🔍 Analyse

Sélectionner l'organisme :

Homo sapiens

À propos

À propos de D.E.E.R.



D.E.E.R. - Differential Expression and Enrichment in R

Application Shiny pour l'analyse et la visualisation des résultats d'expression différentielle et d'enrichissement fonctionnel en bioinformatique.

- **Auteur :** Philippe Stocker
- **Affiliation :** Université de Rouen Normandie
- **Contact :** philippe.stocker@univ-rouen.fr

[GitHub du projet](#)