

MS cluster 5

gene_name	cell_group	marker_score	mean_expression	fraction_expressing	specificity	pseudo_R2	marker_test_p_value
ENSG00000219507-FTH1P8	1	0.277254525908516	1.40811076546818	0.482912332838039	0.574130141342866	0.145935641929155	7.51338507496952E-53
ENSG00000251372-LINC00499	1	0.304468511007036	2.58529362058057	0.766716196136701	0.397107185867704	0.0796384804788718	2.39018529114822E-29
ENSG00000179399-GPC5	1	0.338954404973186	5.59397384018707	0.988112927191679	0.343032051950307	0.0550899944422231	9.86611671723671E-21
ENSG00000164741-DLC1	1	0.288683651602245	2.31899336964163	0.729569093610698	0.395690626330572	0.0528375778172916	6.07031620400336E-20
ENSG00000145934-TENM2	1	0.322679659806451	3.43724335493045	0.88112927191679	0.366211485749986	0.0523064883797243	9.3162289564893E-20
ENSG00000148948-LRRC4C	1	0.306335184903408	2.79802608425224	0.811292719167905	0.377588973333321	0.0461311157264748	1.35489479315192E-17
ENSG00000125148-MT2A	1	0.305405566730954	2.82911409625226	0.787518573551263	0.387807446056476	0.0433882307762763	1.23700150235233E-16
ENSG00000138639-ARHGAP24	1	0.281974264013294	2.45659849252759	0.777117384843982	0.362846423864143	0.0406962482065724	1.0840869249497E-15
ENSG00000125462-C1orf61	1	0.267466268568668	2.02643105255143	0.702823179791976	0.380559828217154	0.0402717295479175	1.52663811104165E-15
ENSG00000179915-NRXN1	1	0.331112678237864	5.36070086979823	0.985141158989599	0.336106836280667	0.0392586206666466	3.45588118514327E-15
ENSG00000182985-CADM1	1	0.332116921264737	4.25021326981667	0.976225854383358	0.340205004583208	0.0368922236390758	2.3306768457457E-14
ENSG00000110436-SLC1A2	1	0.329492686624628	5.38978703568716	0.989598811292719	0.332955822970532	0.0345294237214145	1.56825123492065E-13
ENSG00000135821-GLUL	1	0.263587057288606	2.2139588489557	0.728083209509658	0.36202875419435	0.0313492472751575	2.04359627119319E-12
ENSG00000234377-RNF219-AS1	1	0.31308614254331	3.61503444861505	0.915304606240713	0.342056775863065	0.0296348646963399	8.16349067409432E-12
ENSG00000197959-DNM3	1	0.285031508755871	2.47122735266473	0.783060921248143	0.363996594673057	0.0275299593037783	4.47601987412402E-11
ENSG00000113448-PDE4D	1	0.303528779690317	3.04462604560974	0.86924219910847	0.349187809797579	0.0264309619352341	1.08897501114412E-10
ENSG00000080573-COL5A3	1	0.269994162697044	2.28585038334651	0.716196136701337	0.376983550819732	0.0250279169428539	3.39075749509072E-10
ENSG00000144642-RBMS3	1	0.271680469270686	2.39233564197333	0.768202080237742	0.35365755477596	0.0209323527778342	9.3954978319836E-09
ENSG00000182621-PLCB1	1	0.287053106203848	2.8814928541712	0.832095096582467	0.344976322277125	0.01925693042067	3.66949913992148E-08
ENSG00000170624-SGCD	1	0.276580635175142	2.65314666833896	0.790490341753343	0.349884901264794	0.0176250334273513	1.38696152183602E-07
ENSG00000171885-AQP4	1	0.273611024652866	2.55579102823693	0.794947994056464	0.344187326339025	0.016309070598098	4.06182715878071E-07
ENSG00000198363-ASPH	1	0.278018159457508	2.51079984850047	0.799405646359584	0.347781080510972	0.0163041362500593	4.07824315698894E-07

ASD cluster 5

gene_name	cell_group	marker_score	mean_expression	fraction_expressing	specificity	pseudo_R2	marker_test_p_value
ENSG00000179399-GPC5	3	0.234773510007224	5.30374422640668	0.933415536374846	0.251520893812231	0.00796481539941858	7.07768334951166E-05
ENSG00000165995-CACNB2	3	0.180124041116466	3.1636423073627	0.732429099876695	0.245926931558003	0.00694452780501045	0.000207034016106926
ENSG00000175497-DPP10	3	0.179476465875602	3.40364394656029	0.573366214549938	0.313022395322825	0.00677120021311193	0.000248641857481515
ENSG00000135298-BAI3	3	0.230053326234583	4.35425222644907	0.900123304562269	0.255579791200338	0.00646611532158797	0.000343431270047857
ENSG00000113448-PDE4D	3	0.148984723700965	2.28928411871455	0.61652281134402	0.241653221842964	0.00639600564668764	0.000369935175333694
ENSG00000234377-RNF219-AS1	3	0.194337338845353	3.38042963589083	0.770653514180025	0.25217213088573	0.0063848542829971	0.000374336988991862
ENSG00000046889-PREX2	3	0.169124233905149	2.58290554003084	0.674475955610358	0.250749092682039	0.00582412935912835	0.000679636356423706
ENSG00000110436-SLC1A2	3	0.241786984673662	5.92799691933526	0.950678175092478	0.254331056511465	0.00571897357263525	0.000760353447191825
ENSG00000166833-NAV2	3	0.15431796797317	1.90289110701534	0.541307028360049	0.285083990948157	0.00538643311298263	0.00108523920706978
ENSG00000163288-GABRB1	3	0.179191129585467	2.85746231068728	0.710234278668311	0.252298621690649	0.00525616497028292	0.00124801604569728
ENSG000000080573-COL5A3	3	0.159532395139383	2.61565373240033	0.646115906288533	0.24690987110313	0.00469922533214955	0.00227461509408098
ENSG00000079215-SLC1A3	3	0.231028756915259	4.73256027618143	0.913686806411837	0.252853335841127	0.00428975421631908	0.00354804827495248
ENSG00000125462-C1orf61	3	0.178015934104362	2.705690387292	0.699136868064118	0.254622438375022	0.00414484891388904	0.00415576360021881
ENSG00000154310-TNIF	3	0.201211150617793	3.36434163605938	0.791615289765721	0.254177948833381	0.00384909795376696	0.00574641053766523
ENSG00000182985-CADM1	3	0.199318525382354	3.61241826939937	0.797780517879161	0.249841304613739	0.0036072270482751	0.00750194844960992
ENSG00000175161-CADM2	3	0.233371794979672	4.46321723705877	0.909987669543773	0.256455996922105	0.00283075006370319	0.0178631019163753
ENSG00000185942-NKAIN3	3	0.205383247988654	3.53113204623589	0.797780517879161	0.257443298483459	0.00216033661664853	0.0385457710991471
ENSG00000179915-NRXN1	3	0.246324876068787	5.51294606081278	0.959309494451295	0.25677310345988	0.00204517650869738	0.0441048395991026
ENSG00000069667-RORA	3	0.230253108055712	4.48092862431693	0.903822441430333	0.254754803046634	0.00196968953302157	0.048201647270695