

Upregulated genes in MS

	baseMean	log2FoldChange	lfcSE	stat	pvalue	padj
ENSG00000229807-XIST	1.38153547577005	1.25206860126603	0.0754656927056377	16.5912291582596	8.06527118184852E-62	1.20616130524545E-57
ENSG00000257585-LINC00609	0.923218571233399	1.24220174625004	0.105235070388383	11.8040662838495	3.71896225998832E-32	7.41561074641672E-29
ENSG00000131711-MAP1B	0.876029441375581	1.15903821416179	0.0999510151497672	11.5960624554446	4.31477621812299E-31	7.59146804023875E-28
ENSG00000109846-CRYAB	0.538805844120951	1.3745542433868	0.120470294263063	11.4099019330464	3.73149771778789E-30	6.20050537439088E-27
ENSG00000167996-FTH1	1.84479008827051	0.642672099936102	0.0563652063220015	11.4019293438698	4.08954206024653E-30	6.43780015905124E-27
ENSG00000125148-MT2A	2.12330097512823	0.520189340602424	0.0471361239885006	11.0358955422243	2.5648350058469E-28	3.48700977385821E-25
ENSG00000133083-DCLK1	0.734558349476213	1.33645601753439	0.126844108395686	10.5362088506732	5.88226052385623E-26	6.76686201032845E-23
ENSG00000162840-MT2P1	0.788090602807767	1.00663645680615	0.0963884493890525	10.4435382370668	1.56853125564157E-25	1.73758406874961E-22
ENSG00000080824-HSP90AA1	1.25489872903042	0.733418837071485	0.0707737645475874	10.3628631564221	3.65843878581275E-25	3.9079965744164E-22
ENSG00000232287-SLC6A1-AS1	0.59700868886999	1.06893079423161	0.110169300771405	9.70261939348767	2.93855863769331E-22	2.66340269252748E-19
ENSG00000034510-TMSB10	0.569260091507552	1.15643930278493	0.120875529566289	9.56719120019019	1.0984943046665E-21	9.38741847216426E-19
ENSG00000052126-PLEKHA5	1.1274373756223	0.764717351274953	0.0839786625771397	9.10609109275242	8.54036226683119E-20	6.38605588502302E-17
ENSG00000205542-TMSB4X	0.657402197747443	0.980175827924555	0.108518780793024	9.03231515099699	1.68077567636526E-19	1.2261463531728E-16
ENSG00000123560-PLP1	0.526755309877803	1.11877883149052	0.125843021839242	8.89027309690401	6.0958896972473E-19	3.96365347872754E-16
ENSG00000131095-GFAP	1.89652106307187	0.500182059002911	0.0568858139895223	8.79273801188885	1.45958552858211E-18	9.28855386380661E-16
ENSG00000078018-MAP2	0.76056890028536	0.846799055462419	0.099186105419033	8.53747661413798	1.37184725084989E-17	8.20639025458404E-15
ENSG00000137818-RPLP1	0.477626839866092	1.00323582102504	0.121218472106822	8.27626188969741	1.27102292266972E-16	7.04005474389837E-14
ENSG00000184408-KCND2	0.595189211868401	0.982040417915368	0.122043762839302	8.04662520286635	8.51083138689408E-16	4.46594678564916E-13
ENSG00000174944-P2RY14	0.511805419847117	0.924700837302177	0.1159184666715	7.97716588093492	1.49731535992732E-15	7.59062752803832E-13
ENSG00000144713-RPL32	0.525464205444147	0.9216092843799	0.117059955543342	7.87296800261187	3.46325252019819E-15	1.7264313813188E-12
ENSG00000142192-APP	0.607268555217121	0.868381324337283	0.110502305503575	7.8584905570969	3.88790025721043E-15	1.90634584742892E-12
ENSG00000172292-CERS6	0.56906817474645	0.927371426746099	0.118523812720746	7.82434690091416	5.10299129235794E-15	2.46178176700687E-12
ENSG00000224731-AC016716.2	0.681899684461588	0.771878275642716	0.0993430277305837	7.76982837422707	7.85925414838364E-15	3.6164660242793E-12

ENSG00000218175-AC016 739.2	0.444753923095842	0.980131223874797	0.126241467481978	7.76394035513504	8.23306278271943E-15	3.73107436107785E-12
ENSG00000096384-HSP90 AB1	0.559060249271175	0.907849209254069	0.117624207837448	7.71821741412855	1.17967856440171E-14	5.11365012481957E-12
ENSG00000118181-RPS25	0.526291896599308	0.885429612808841	0.115004912089921	7.69905908120285	1.37071787190818E-14	5.85688164982479E-12
ENSG00000150991-UBC	0.546678749607483	0.916713428692158	0.119290767027975	7.68469724465079	1.53359227845046E-14	6.37079792339627E-12
ENSG00000146677-AC004 453.8	0.479273400544515	0.908427604395409	0.120228710595584	7.55582921828967	4.16199658629593E-14	1.63796470915936E-11
ENSG00000124172-ATP5E	0.507981396643262	0.900517765691359	0.119511035773927	7.53501766476879	4.88268722396121E-14	1.87232275472666E-11
ENSG00000197756-RPL37 A	0.74294284792315	0.724946504164246	0.0963148237733901	7.52684245023283	5.19820287574805E-14	1.96807908878005E-11
ENSG00000219507-FTH1 P8	0.481886022450472	0.999342970165771	0.132980260418342	7.51497227499737	5.69229961589353E-14	2.10193433964661E-11
ENSG00000198668-CALM I	0.990954268819576	0.61856609331732	0.0823090654507491	7.5151636084053	5.68398063991103E-14	2.10193433964661E-11
ENSG00000177600-RPLP2	0.562294456932472	0.829605558959555	0.111886531488865	7.41470441455339	1.2189636354663E-13	4.392674980337E-11
ENSG00000087086-FTL	1.21474796594355	0.517408677420616	0.0706856310849954	7.31985651791752	2.48236230204215E-13	8.437210960691E-11
ENSG00000075624-ACTB	0.895230556015019	0.657253637573582	0.090010735891815	7.30194716287558	2.83632659582297E-13	9.5319694922545E-11
ENSG00000120594-PLXD C2	1.01443153072012	0.613353636945177	0.0852627006965502	7.19369234066491	6.30622095016101E-13	2.07273701779468E-10
ENSG000000259481-RP11-3 9M21.1	0.533505585593029	0.794829482580863	0.111416104854311	7.13388323546397	9.75761150848817E-13	3.13817376579442E-10
ENSG000000041982-TNC	0.478722449534099	1.0846554033062	0.15235284699773	7.11936419095837	1.08426063994678E-12	3.4500250788094E-10
ENSG000000259255-RP11-6 27D16.1	0.534827905031866	0.970475738086323	0.137552853032038	7.05529341409069	1.72236894508959E-12	5.2567403211867E-10
ENSG00000125144-MT1G	0.457365833914377	0.891532096329684	0.127332509365186	7.00160627301229	2.53044375422003E-12	7.64500734229507E-10
ENSG00000198242-RPL23 A	0.455816311186842	0.867044056276688	0.12395265144543	6.99496175487946	2.65331298438815E-12	7.93605913630495E-10
ENSG00000228842-PCDH 9-AS2	0.932713238125463	0.56965656471675	0.0815429439902698	6.9859700525986	2.82894419758477E-12	8.37759613363964E-10
ENSG00000204389-HSPA1 A	0.493919900465558	0.915211447119699	0.13206661369382	6.92992287393319	4.21070120418069E-12	1.19944831444804E-09
ENSG00000154188-ANGP T1	0.4111432275203685	1.00757576813837	0.145870648787602	6.90732355352361	4.93882649972312E-12	1.39358774157282E-09
ENSG000000038427-VCAN	0.497897346036774	0.934789561997394	0.136976705602898	6.8244418485826	8.82678191843329E-12	2.33636324938354E-09
ENSG00000127184-COX7 C	0.552153281632709	0.761909796014269	0.112276796108726	6.78599516926415	1.15289008423288E-11	3.02481951047415E-09
ENSG00000130066-SAT1	0.662898876387016	0.694514608050871	0.102553844880813	6.77219473202617	1.26843247607161E-11	3.27058753097429E-09
ENSG00000100364-KIAA0 930	0.924173343239691	0.548262453638017	0.0822035483781453	6.66957162379353	2.56551153629179E-11	6.50291949580402E-09

ENSG00000106211-HSPB1	0.483200198844479	0.875402578993469	0.131370015154314	6.66364069430283	2.67126075689439E-11	6.71406800325304E-09
ENSG00000257545-RP11-144F15.1	0.491012093184521	0.789736942629877	0.119622659664236	6.60190088438562	4.0591888026586E-11	1.00339121559933E-08
ENSG00000154529-CNTNAP3B	0.702764694594579	0.649166285734578	0.0983502861775504	6.60055309409723	4.09626649258645E-11	1.00425680978083E-08
ENSG00000088986-DYNL1.1	0.62294737113954	0.703053938290999	0.106888156917602	6.57747273940713	4.78511550839401E-11	1.15421616819407E-08
ENSG00000185008-ROBO2	0.736905397079199	0.671601743295592	0.103603740955231	6.48240823259271	9.0269990673815E-11	2.10935579769829E-08
ENSG00000123416-TUBA1B	0.454853704584387	0.8846016590891	0.137741056762573	6.42220758196958	1.34312091795765E-10	3.09021128123947E-08
ENSG00000167552-TUBA1A	0.450090825325498	0.849085931587849	0.13262742902926	6.40203868688827	1.53315803843662E-10	3.50051579615568E-08
ENSG00000113657-DPYS1.3	0.453454643117003	0.856354432281573	0.133824953528788	6.39906392418327	1.56332387604849E-10	3.54234978277351E-08
ENSG00000139970-RTN1	0.530469093527788	0.794591775095472	0.124266433622496	6.39425910869324	1.61327661505899E-10	3.62805289897852E-08
ENSG00000172809-RPL38	0.450928510217496	0.807938250539357	0.127112173706108	6.35610443109378	2.06934371473485E-10	4.58474596353476E-08
ENSG00000249307-LINC01088	0.457910924400104	1.02395404121818	0.162964218693519	6.28330592707527	3.31447906481591E-10	6.98141329779183E-08
ENSG00000157445-CACNA2D3	1.02415235217541	0.523249617460347	0.0834667718203462	6.26895716760903	3.63474086096673E-10	7.54965966329964E-08
ENSG00000026508-CD44	0.623729843720003	0.815243651309262	0.130176747107271	6.26259043512179	3.78634153447932E-10	7.75681337645728E-08
ENSG00000133112-TPT1	0.448912551414521	0.802729803935926	0.130131536915711	6.16860311467672	6.88959151271622E-10	1.36468663672412E-07
ENSG00000115268-RPS15	0.447029410607899	0.796853929493426	0.130369248764652	6.11228443090853	9.82149295827983E-10	1.90753801546851E-07
ENSG00000102362-SYTL4	0.409882197268548	0.834011468804793	0.137661530091546	6.05842073853289	1.37464453707151E-09	2.65262052282637E-07
ENSG00000189337-KAZN	0.596403019065908	0.749461772031889	0.12393840411709	6.04705036643717	1.47521651203264E-09	2.81042839967492E-07
ENSG00000151320-AKAP6	0.946982196877126	0.517402112178817	0.0863360757648742	5.99288429077897	2.06151537239352E-09	3.87798269108743E-07
ENSG00000181234-TMEM132C	0.694294138969327	0.632008929551316	0.10549118085491	5.99110678664754	2.08417724787396E-09	3.89610884274437E-07
ENSG00000149925-ALDOA	0.431144859424061	0.796692045961901	0.133105071625019	5.98543719060029	2.1580939150249E-09	4.00922913033508E-07
ENSG00000279118-RP11-51713.2	0.804152697044789	0.538839204437503	0.0900927432853606	5.98093902780581	2.21854913297984E-09	4.09609904737204E-07
ENSG00000103769-RAB11A	0.823434193407054	0.532988851037195	0.0901214471930165	5.91411775596182	3.33659123607339E-09	6.01189420909368E-07
ENSG00000138326-RPS24	0.536086869114338	0.679192170781998	0.114872917134854	5.91255265141971	3.36846119875319E-09	6.03297451824598E-07
ENSG00000132639-SNAP25	0.745287551316261	0.625994405433268	0.106393374251284	5.88377246081857	4.01019067413193E-09	7.05557665078153E-07
ENSG00000089220-PEBP1	0.538989247698822	0.704963305632335	0.120130428603244	5.86831591153833	4.40243831737888E-09	7.70040526741534E-07

ENSG00000071082-RPL31	0.473686901652879	0.71127893455859	0.121407640953064	5.85860106476798	4.6678251040764E-09	8.11713074784449E-07
ENSG00000174776-WDR49	0.489053444144023	0.776442327568594	0.136263875465026	5.69807900236831	1.21164905485053E-08	2.02460464975304E-06
ENSG00000183023-SLC8A1	0.496492485734435	0.750956998712287	0.132891276261056	5.65091268472042	1.59598150535637E-08	2.59433732745701E-06
ENSG00000162804-SNED1	0.603477967848855	0.66780045617887	0.120722331601008	5.53170608389156	3.17130977748737E-08	4.91470857226151E-06
ENSG00000233762-AC007969.5	0.398299271205778	0.73695381993621	0.137082685302826	5.37598033120102	7.61671069423335E-08	1.10055950176096E-05
ENSG00000240922-LSAM P-AS1	0.484792842695771	0.642605690337213	0.119621748310728	5.3719804250644	7.78765645531209E-08	1.11985002201146E-05
ENSG00000008988-RPS20	0.426255146072974	0.69820949837293	0.130698048778551	5.34215701686522	9.18470426054555E-08	1.30816430682342E-05
ENSG00000178980-SEPWI	0.469218467492267	0.658394560050067	0.124254624099273	5.29875298261772	1.16596245636234E-07	1.65279322605675E-05
ENSG00000109475-RPL34	0.396847094877799	0.705693526915402	0.135946344246682	5.19097097333402	2.0920024091747E-07	2.92391551674837E-05
ENSG00000172428-MYEOV2	0.404678853312048	0.674193530623386	0.134263310424227	5.02142788296492	5.12887608833609E-07	6.66976886096229E-05
ENSG00000185641-CTD-2287O16.1	0.335528425066162	0.734147688243843	0.146935533724946	4.99639310949877	5.84125281741413E-07	7.49836359522989E-05
ENSG00000010404-IDS	0.495177877512293	0.625381406893014	0.127004958261222	4.92407080365111	8.47621446383907E-07	0.000106971972410729
ENSG00000184009-ACTG1	0.629633181083197	0.529040276124437	0.108270256613641	4.88629373081011	1.02751869245664E-06	0.000128590310005766
ENSG00000173812-EIF1	0.457802597227974	0.620450788837992	0.127493659322593	4.86652271285182	1.13578876048023E-06	0.000141547674274849
ENSG00000112769-LAMA4	0.304493924045705	0.787805992500988	0.162489173799836	4.84835988809603	1.24486408221738E-06	0.000153225862959349
ENSG00000160307-S100B	0.414228794205382	0.662004923271342	0.136900781739021	4.83565480680268	1.32708046606969E-06	0.000162012149959773
ENSG00000196091-MYBPC1	0.45009502022738	0.598356561334224	0.124027344375923	4.82439226885824	1.40430795899918E-06	0.000169366334893812
ENSG00000221932-HEPN1	0.397204340124839	0.624362052807802	0.130871953283946	4.77078577296969	1.83508630515556E-06	0.0002174878336859
ENSG00000142534-RPS11	0.488780467073025	0.574228775107679	0.120923813732769	4.74868230981097	2.04746271344351E-06	0.000238286419296091
ENSG00000138735-PDE5A	0.519765246168234	0.544082654049132	0.114841096371208	4.73769992834674	2.16157564070069E-06	0.00025059196671844
ENSG00000156467-UQCRB	0.452382783996415	0.594747758466874	0.125824237505625	4.72681392915482	2.28070077709571E-06	0.000262368308626664
ENSG00000103034-NDRG4	0.515207485273428	0.597211948238552	0.126413805038058	4.72426210142758	2.30952396169548E-06	0.000264666136759815
ENSG00000206560-ANKRD28	0.517385503006462	0.55623220050453	0.117857054860955	4.7195494674524	2.36367562967139E-06	0.000269837931616303
ENSG00000147403-RPL10	0.376875352086743	0.659553015117964	0.139925342460051	4.71360658182599	2.43370334873141E-06	0.000276775920762572
ENSG00000110958-PTGES3	0.459622444367965	0.592613843822151	0.126199652721801	4.69584369719727	2.65508515938512E-06	0.000297429202686176

ENSG00000234287-RP11-7 6IN21.2	0.28548127154229	0.753272517608802	0.164155271788297	4.58878054541106	4.45842829360766E-06	0.000474560819437029
ENSG00000156508-EEF1 A1	0.388880174237323	0.616062243873654	0.138149677273333	4.45938243239438	8.2196145077498E-06	0.000839073958794527
ENSG00000152208-GRID2	0.450854235778291	0.603323871301159	0.138196651378641	4.36569095764941	1.2672153958993E-05	0.0012386409310898
ENSG00000142676-RPL11	0.33356397719071	0.651272219029531	0.149665635148569	4.3515147507511	1.35200223883085E-05	0.00129828850043716
ENSG00000165802-NSMF	0.485378833474848	0.547274437925862	0.126004976331694	4.34327638366617	1.40373352658778E-05	0.00133712324140893
ENSG00000168843-FSTL5	0.342473702029168	0.657811991934614	0.1529492347063	4.30085180352668	1.70142821980751E-05	0.00159030368920133
ENSG00000178209-PLEC	0.512858463598969	0.504322724652203	0.120818767987217	4.17420846987584	2.99023852452823E-05	0.00263829009642004
ENSG00000170315-UBB	0.320290135531087	0.655072577733585	0.158674490857008	4.12840510277051	3.65288138676499E-05	0.00314863637689167
ENSG00000142089-IFITM 3	0.487433718499698	0.512623279469818	0.12556237044714	4.08261868300443	4.45310572818843E-05	0.00379465505214005
ENSG00000092096-SLC22 A17	0.354848477511902	0.603474255030753	0.148135224671093	4.07380659374337	4.62508949363813E-05	0.00389680075365398
ENSG00000111371-SLC38 A1	0.317185599689731	0.72386178605018	0.179526656821796	4.03205740509448	5.52906766273023E-05	0.00458193677512882
ENSG00000227008-RP3-4 17G15.1	0.360193461096654	0.571298331117194	0.142421380992007	4.01132419260319	6.03791310272285E-05	0.00496137310171539
ENSG00000187514-PTMA	0.430281573292636	0.522318075036446	0.13161748193539	3.96845515774908	7.23400660515542E-05	0.00587959612935323
ENSG00000182463-TSHZ 2	0.327299693196462	0.680837406809914	0.173276665316264	3.92919269058677	8.52315230955476E-05	0.00674411337510007
ENSG00000165084-C8orf3 4	0.299930240936478	0.698520553959068	0.177999919026002	3.92427456024308	8.69914784163566E-05	0.00686521139692144
ENSG00000240583-AQP1	0.385520304588766	0.593747965557728	0.151868195308208	3.90962679416022	9.24388252795299E-05	0.00723781482751503
ENSG00000108107-RPL28	0.332084842449166	0.583995007069666	0.152922917381971	3.81888481509259	0.000134056336277248	0.0102026081884288
ENSG00000161011-SQST M1	0.400066558692776	0.506543117247404	0.133116162774831	3.80527132609911	0.000141648828905864	0.0107258644875301
ENSG00000166681-NGFR AP1	0.335297026875583	0.589415900807687	0.155660471802835	3.7865483380666	0.00015275439150944	0.0114508367169107
ENSG00000203879-GDI1	0.428139212225599	0.511025349870082	0.135314996586395	3.77656108163743	0.000159008578219104	0.0118898664363335
ENSG00000120694-HSPH 1	0.321363351825813	0.604961545090266	0.160665209402658	3.76535497223991	0.000166312635521099	0.0123128983377131
ENSG00000182899-RPL35 A	0.311389232324528	0.580961615114503	0.156822490470431	3.70458097796911	0.00021174045912921	0.0153298954901415
ENSG00000166441-RPL27 A	0.341210111216679	0.544719441109962	0.148085216758792	3.67841877151873	0.000234684407390095	0.016712882440566
ENSG00000137198-GMPR	0.327947003570696	0.579480010614968	0.157682156838495	3.67498785045474	0.000237860733458421	0.0168988468829961
ENSG00000170027-VWH AG	0.344418039051481	0.582390621749864	0.158909976722298	3.66490911245689	0.000247426433871972	0.0174540675403554

ENSG00000196262-PP1A	0.373769274002047	0.538828722172548	0.147685407555013	3.64848992932381	0.000263786241120765	0.0184773922059065
ENSG00000117450-PRDX1	0.318913652506186	0.557034372323035	0.152828630245285	3.64482997347429	0.000267568636375245	0.0186617940426526
ENSG00000119139-TJP2	0.399655458308339	0.516480422031068	0.142045846742039	3.63601213183667	0.000276891296686406	0.0192153565751518
ENSG00000163531-NEASC	0.330660056362887	0.583559006787053	0.161630120770772	3.61045951091426	0.000305655015293026	0.02087246919501
ENSG00000248527-MTATP6P1	0.369805400172214	0.533869739402255	0.148050777452445	3.60599078632827	0.00031096416985261	0.0211135589252902
ENSG00000187094-CKK	0.344307059220808	0.595684704358935	0.165206037668755	3.60570783468162	0.000311303225879405	0.0211135589252902
ENSG00000125691-RPL23	0.308292222630666	0.552204361289714	0.155215716339956	3.55765752535179	0.000374176715513848	0.0247602335420778
ENSG00000229117-RPL41	0.357801565057371	0.503490288755107	0.142383710383696	3.53615092202823	0.000406002676092623	0.0266890989932535
ENSG00000105290-APLP1	0.332093849150265	0.57752827524058	0.164671037079731	3.50716364870497	0.000452910521402183	0.0295131888782991
ENSG00000145592-RPL37	0.344292685512889	0.505070182643173	0.14453164081875	3.49453019271094	0.000474896891713046	0.0308116399807749
ENSG00000156482-RPL30	0.282826762307246	0.567565758640416	0.163776709820052	3.46548516736002	0.00052927572124058	0.0339713236530166
ENSG00000143947-RPS27A	0.328558163761065	0.529074120225662	0.153485880604422	3.44705401006391	0.000566735271079556	0.0362201964914306
ENSG00000154134-ROBO3	0.288178901901091	0.548024393010587	0.160647809298498	3.41134059283876	0.000646442876051921	0.0406199714762877
ENSG00000184076-UQCR10	0.340661072588004	0.503528897610135	0.148552780948667	3.38956224443977	0.000700043141573778	0.0438039547373885
ENSG00000232112-TMA7	0.309231140375434	0.53588316907307	0.15821938062759	3.38696287994205	0.000706709490167953	0.0441287700436816
ENSG00000173915-USMG5	0.30084392758022	0.533593371984275	0.15807088210856	3.37565884915992	0.000736391681911986	0.0456960066514263

Downregulated genes in MS

	baseMean	log2FoldChange	lfcSE	stat	pvalue	padj
ENSG00000172987-HPSE2	2.16074127639172	-0.658741446199171	0.049230120248002	-13.3808620186319	7.82347325589593E-41	2.34000085083847E-37
ENSG00000197360-ZNF98	1.72525259606884	-0.678011325837691	0.0570996114125791	-11.8741845883793	1.61198171378205E-32	3.44388378994436E-29
ENSG00000176728-TTTY14	0.598657223619887	-1.32839256868281	0.113796409342756	-11.6734137426223	1.74286437101523E-31	3.25806708356659E-28
ENSG00000183878-UTY	0.566313604763574	-1.24809120664955	0.11364291488512	-10.9825694625242	4.63548259025676E-28	6.02814279454695E-25
ENSG00000230876-LINC00486	0.427918486358925	-1.67474652233011	0.154909945368136	-10.811097495065	3.04999028129297E-27	3.64900837253891E-24
ENSG00000112715-VEGFA	0.685499959001824	-0.960394299035211	0.100701526105792	-9.53703817781537	1.46969745069235E-21	1.22107363195022E-18

ENSG00000188559-RALG APA2	1.22634915216745	-0.574580621109328	0.0646227555256296	-8.89130487296302	6.03954170421919E-19	3.96365347872754E-16
ENSG00000226179-LINC0 0685	0.474552840442847	-1.06129776463621	0.12749118353971	-8.32447966337727	8.46999695810249E-17	4.77995488711029E-14
ENSG00000183166-CALN 1	0.566044329076589	-0.873912709025831	0.1170042805442	-7.46906613126598	8.07659444620402E-14	2.94598707178003E-11
ENSG00000114933-INO80 D	0.494520264952554	-0.882193326308821	0.124025875543687	-7.1129780172209	1.13565373486685E-12	3.57551612735447E-10
ENSG00000165246-NLGN 4Y	0.360101728462851	-1.07812775175905	0.151745631282938	-7.10483552405422	1.20465917102266E-12	3.75326622971748E-10
ENSG00000106536-POU6F 2	0.505919293919585	-0.840808641494969	0.120968074273753	-6.95066567392156	3.63566551812418E-12	1.06325923448462E-09
ENSG00000237978-KCNM B2-AS1	0.963845764132546	-0.575453289923899	0.0828938685676681	-6.94204890985566	3.86453359265007E-12	1.11142499765542E-09
ENSG00000273184-RP11-2 12P7.3	0.463570957454142	-0.95851499759054	0.140242380598692	-6.83470284445159	8.2175185281944E-12	2.23441799252995E-09
ENSG00000108854-SMUR F2	0.817873480824046	-0.589590466408409	0.086995946590761	-6.77721766948419	1.22512242530085E-11	3.1863836296303E-09
ENSG00000105088-OLFM 2	1.01818818873493	-0.504976028975312	0.0748442513044562	-6.74702492408053	1.50907360842739E-11	3.85781125026182E-09
ENSG00000128487-SPECC 1	0.582928932531153	-0.6783349381657	0.106993485946577	-6.33996483210577	2.29817615417412E-10	5.01740501980642E-08
ENSG00000184156-KCNQ 3	0.88618042534298	-0.541848919376051	0.0876785741771021	-6.17994674823942	6.41232273791032E-10	1.27861715393932E-07
ENSG00000156076-WIF1	0.786997399039368	-0.591875362309045	0.098467991185337	-6.01084022517545	1.84564236469449E-09	3.49387108405141E-07
ENSG00000152977-ZIC1	0.358146472357699	-0.908161484665632	0.153202624542367	-5.92784547509163	3.06935118252252E-09	5.56389659813627E-07
ENSG00000180537-RNF18 2	0.514904280232986	-0.661088807932071	0.114773756131411	-5.75993005905596	8.41487966803987E-09	1.42197203881962E-06
ENSG00000122870-BICC1	0.507452900695862	-0.681562633908058	0.120461040798076	-5.65795073156086	1.53191094135211E-08	2.50379542381649E-06
ENSG00000114374-USP9Y	0.285685587939837	-0.898195050041838	0.174263840728831	-5.15422503191299	2.54681959928103E-07	3.5103859085021E-05
ENSG00000154274-C4orf1 9	0.488446787304204	-0.622129826963411	0.121280138096814	-5.12969260033975	2.90215704452455E-07	3.9636309224534E-05
ENSG00000255794-RMST	0.513406145053505	-0.595154684819028	0.118988397187949	-5.00178755983195	5.68011628885192E-07	7.32294302584314E-05
ENSG00000143514-TP53B P2	0.57871718935188	-0.512938488446884	0.106958019090577	-4.7956992173958	1.62108370360068E-06	0.000193946454298785
ENSG00000171316-CHD7	0.438122276738251	-0.518504519906805	0.127313407488509	-4.07266233883186	4.64787829272465E-05	0.00390500111616276
ENSG00000079931-MOXD 1	0.324332355322541	-0.678229051867262	0.167469818525146	-4.04985840338404	5.12486328162635E-05	0.00428169443445375
ENSG00000241859-KALP	0.250954946533193	-0.764735986798126	0.188967872175951	-4.04691008049277	5.18981659125021E-05	0.00432388340513353
ENSG00000070882-OSBPL 3	0.36263378357678	-0.575813528446675	0.145629117089926	-3.95397252934734	7.68642383701473E-05	0.00617516002882325

Upregulated genes in ASD

	baseMean	log2FoldChange	lfcSE	stat	pvalue	padj
ENSG00000198840 MT-ND3	1.79480078212772	0.979481326737036	0.04556245512725	21.4975537205243	1.6411361222968E-102	4.95130768096944E-99
ENSG00000198886 MT-ND4	2.29986517974133	0.629106114327616	0.0350473729274769	17.9501646422805	4.78483169952678E-72	7.21791861873614E-69
ENSG00000198763 MT-ND2	1.52099435444533	0.744199101224393	0.0492825288626151	15.1006678918405	1.60301416754416E-51	6.04536717935093E-49
ENSG00000204389 HSPA1A	0.712839313400466	1.13146629397505	0.0818948739717347	13.816081997581	2.03867810517541E-43	4.73130141793401E-41
ENSG00000106211 HSPB1	0.671703987385601	1.17981370287785	0.0862905772821849	13.672567040775	1.48077674052726E-42	2.97833561744717E-40
ENSG00000248527 MTATP6P1	0.672383775106029	1.14192918419728	0.0845101188474399	13.5123367446533	1.32255873602377E-41	2.34715276857866E-39
ENSG00000198899 MT-ATP6	1.46348334099536	0.65681637325544	0.0502961002840634	13.058992040056	5.64705140587816E-39	8.96692320607074E-37
ENSG00000185650 ZFP36L1	0.94976014430417	0.744823306966411	0.066160633617552	11.2578019018369	2.11980210653796E-29	1.88101263394854E-27
ENSG00000236824 BCYRN1	1.54700916556856	0.51687658954689	0.0464660325322009	11.123751294856	9.6142642028664E-29	8.05728752779109E-27
ENSG00000170345 FOS	0.700523012514569	0.980844122424712	0.0902362251751018	10.8697379630121	1.60661610693235E-27	1.27556863016181E-25
ENSG00000072274 TFRC	0.621215330652106	0.836711338610302	0.0866536707819681	9.65580951227764	4.64476178731821E-22	2.45846426532264E-20
ENSG00000198888 MT-ND1	1.19596194117015	0.532397314097616	0.0563701914600895	9.44466038357448	3.56558700135413E-21	1.85471999708369E-19
ENSG00000204388 HSPA1B	0.47000184013019	0.906271636875057	0.102284950357109	8.86026374076518	7.98253625956083E-19	3.64898665077197E-17
ENSG00000197921 HES5	0.476925053942578	0.939803832025455	0.106570421467024	8.81861795316501	1.15881091756432E-18	5.2181082661068E-17
ENSG00000125398 SOX9	0.728829214862063	0.582605973515573	0.0720303728245436	8.08833760911836	6.04845590455689E-16	2.30989765367698E-14
ENSG00000279118 RP11-517I3.2	0.668954817350188	0.591176859232675	0.0741538687563804	7.97229961358973	1.55748649742718E-15	5.66136959366001E-14
ENSG00000080224 EPHA6	0.632401264290193	0.518890272310736	0.0798258853021178	6.50027582339847	8.01728783770055E-11	1.91969503224941E-09
ENSG00000004799 PDK4	0.416234879287443	0.509136092807536	0.0994036092720424	5.12190750955692	3.02460247761316E-07	4.75272170570776E-06
ENSG00000212907 MT-ND4L	0.391246882614564	0.532068368000284	0.105588762731373	5.03906243653896	4.67817864961127E-07	7.03687168125315E-06
ENSG00000132002 DNAJB1	0.395891695792208	0.520407655411954	0.11053045367247	4.70827394732366	2.49823208332246E-06	3.31182786843304E-05
ENSG00000141232 TOB1	0.30966606011066	0.530276091484358	0.121559607514514	4.36227215871066	1.28718606559319E-05	0.00014599399849228

Downregulated genes in ASD

	baseMean	log2FoldChange	lfcSE	stat	pvalue	padj
ENSG00000205542 TMSB4X	1.08659143172178	-0.583242938654265	0.0557778622452157	-10.4565308740259	1.36771936120567E-25	8.97045502773371E-24

ENSG0000016681 NGFRAP1	0.61603545926675	-0.718634738149412	0.0784718494921528	-9.15786671016688	5.29333423309785E-20	2.61803104610757E-18
ENSG00000117632 STMN1	0.668507797616254	-0.645791527733375	0.076419569765895	-8.45060407578456	2.897994464034E-17	1.18152017540413E-15
ENSG00000115268 RPS15	0.549117425974583	-0.698317492193701	0.0829796726534475	-8.41552478894587	3.9113987293868E-17	1.57342532887466E-15
ENSG00000233762 AC007969.5	0.492039299347248	-0.712080877780985	0.0883244845157996	-8.06210057929755	7.49944557315455E-16	2.79331201163053E-14
ENSG00000089220 PEBP1	0.73386355976602	-0.548600287485829	0.0711098703919719	-7.71482614806966	1.21147254952159E-14	4.20116400219153E-13
ENSG00000135940 COX5B	0.367636366612271	-0.738292499445532	0.10248843667846	-7.20366631956536	5.86147063168765E-13	1.7508967223566E-11
ENSG00000245832 RP11-179A16.1	0.687884683149755	-0.516629415813209	0.071792056269778	-7.19619192786224	6.19174582956997E-13	1.83142129096202E-11
ENSG00000189043 NDUFA4	0.497426409155639	-0.572231709366939	0.0825372614713586	-6.93301060837244	4.11977297626668E-12	1.12994136994514E-10
ENSG00000187094 CCK	0.514397139974613	-0.626220332059202	0.0935349941525545	-6.69503791316696	2.15615723637515E-11	5.51281896791851E-10
ENSG00000231373 GNA14-AS1	0.371284331362022	-0.608591232356741	0.0978477219387072	-6.21977926821811	4.97854761943187E-10	1.13789986119893E-08
ENSG00000141002 TCF25	0.373402567857236	-0.596444611528007	0.0968501146149642	-6.15842958884687	7.34698361602676E-10	1.60820524163574E-08
ENSG00000052802 MSMO1	0.504866536855404	-0.509912204006898	0.0834964532902157	-6.10699238007815	1.01526084050526E-09	2.12711246930859E-08
ENSG00000172757 CFL1	0.444492758767164	-0.510241177024839	0.0937160076215262	-5.44454666790179	5.19374865377959E-08	9.05753739216938E-07
ENSG00000106153 CHCHD2	0.311026246560838	-0.610922924005842	0.114082484049335	-5.35509836673656	8.55098848794069E-08	1.44934450944478E-06
ENSG00000133169 BEX1	0.374903153623623	-0.567814616333167	0.109212626263039	-5.19916639460335	2.00184263829635E-07	3.21253151050005E-06
ENSG00000169567 HINT1	0.342061933817291	-0.534351696278451	0.110100696439161	-4.85329987511678	1.21423868778587E-06	1.66516278229544E-05
ENSG00000167468 GPX4	0.269707936536504	-0.540721676370451	0.130669524072259	-4.1380856034299	3.50215714416E-05	0.000365605816745008