## Symulator tomografu komputerowego

Marcin Pastwa 136779 Piotr Tomaszewski 136821

#### 1 Zastosowany model tomografu

Aplikacja symuluje działanie tomografu komputerowego o równoległym modelu układu emiter/detektor.

### 2 Zastosowany język programowania oraz dodatkowe biblioteki

Aplikacja została napisana w języku Python, wykorzystane zostały następujące biblioteki:

numpy Obliczenia macierzowe i wektorowe.

scikit-image Odczyt i zapis plików graficznych.

pydicom Obsługa plików DICOM.

tkinter Interfejs użytkownika.

pillow Wyświetlanie obrazów w interfejsie użytkownika.

#### 3 Opis głównych funkcji progamu

#### 3.1 Pozyskiwanie odczytów dla poszczególnych detektorów

Generowanie sinogramu odbywa się iteracyjnie. W każdej iteracji zmienia się aktualna wartość kąta  $\alpha$ , zaczynając od wartości  $0^{\circ}$ , kończąc na wartości mniejszej od  $180^{\circ}$ , z krokiem definiowanym przez parametr  $\Delta\alpha$ . Każda iteracja zaczyna się od wyznaczenia aktualnego położenia emiterów i detektorów. Wartości te są zapisywane, gdyż aplikacja oferuje wizualizację aktualnego stanu skanera.

```
def radon_transform_step(self):
      # Wyznaczenie aktualnego położenia emiterów i detektorów
      self.current_emitters, self.current_detectors =
          self._calculate_emitters_detectors_position()
      # Wyznaczenie linii łączących odpowiadające emitery i detektory
      self.current_scan_lines =
          self._calculate_scan_lines(self.current_emitters, self.current_detectors)
      self.scan_lines.append(self.current_scan_lines)
      # Wyznaczanie całki po każdej z linii skanera
9
      for line_id, line in enumerate(self.current_scan_lines):
          line_integral = np.sum([self.input_image[point] for point
               in self.current_scan_lines[line_id]])
12
           self.radon_result[line_id, self.current_radon_iteration] += line_integral
      self.current_alpha += self.delta_alpha
14
      self.current_radon_iteration += 1
```

Listing 1: Krok transformaty Radona

```
def _calculate_emitters_detectors_position(self):
       emitters = []
2
       detectors = []
3
       # Promień obrotu jest połową średnicy okręgu opisanego na obrazie wejściowym
4
      r = self.circumcircle_diameter // 2
5
       # Poniżej wyznaczane są kąty lpha' dla poszczególnych emiterów i detektorów. Gdy wartość kąta lpha' emitera
      zmienimy o pewną wartość x, a detektora o wartość -x, uzyskamy efekt przesunięcia łączącej je linii względem
       środka okręgu, jednocześnie nie zmieniając nachylenia tej linii
       angles = np.linspace(start=self.current_alpha - self.em_det_spread / 2,
                             stop=self.current_alpha + self.em_det_spread / 2, num=self.em_det_no)
       angles_rad = [math.radians(x) for x in angles]
9
       for i in range(self.em_det_no):
10
           angle_rad = angles_rad[i]
           emitter_a = int(self.input_image_center + r * math.cos(angle_rad))
12
           emitter_b = int(self.input_image_center - r * math.sin(angle_rad))
14
           emitters.append((emitter_a, emitter_b))
       # Detektory są umieszczane w odwrotnej kolejności. Dzięki temu wszystkie linie łączące odpowiadające sobie
15
       emitery i detektory będą (w danej iteracji) tak samo nachylone
16
      for i in range(self.em_det_no - 1, -1, -1):
           angle_rad = angles_rad[i]
17
           detector_a = int(self.input_image_center - r * math.cos(angle_rad))
18
           detector_b = int(self.input_image_center + r * math.sin(angle_rad))
19
           detectors.append((detector_a, detector_b))
20
       return emitters, detectors
21
```

Listing 2: Wyznaczanie położenia emiterów i detektorów

```
1
       def _bresenham(x1, y1, x2, y2):
2
           delta_x = x2 - x1
           delta_y = y2 - y1
3
           j = y1
4
           error = delta_y - delta_x
5
           points = []
6
           for i in range(x1, x2 + 1):
               points.append((i, j))
8
9
                if error >= 0:
                   j += 1
                    error -= delta x
11
                error += delta_y
12
           return points
14
       # Poniższa funkcja ma na celu obejście ograniczeń algorytmu Bresenhama, umożliwiając generowanie dowolnych
       def generate_line(x1, y1, x2, y2):
16
           delta_y = abs(y1 - y2)delta_x = abs(x1 - x2)
17
18
19
           if delta_y > delta_x:
               points = generate_line(y1, x1, y2, x2)
20
                for i in range(len(points)):
21
                    points[i] = (points[i][1], points[i][0])
22
23
           elif y2 < y1 and x2 < x1:
                points = _bresenham(x1, y1, x1 + delta_x, y1 + delta_y)
24
                for i in range(len(points)):
25
                    points[i] = (2 * x1 - points[i][0], 2 * y1 - points[i][1])
26
           elif y2 < y1:</pre>
27
               points = _bresenham(x1, y1, x2, y1 + delta_y)
28
                for i in range(len(points)):
29
                    points[i] = (points[i][0], 2 * y1 - points[i][1])
30
           elif x2 < x1:
31
32
               points = _bresenham(x1, y1, x1 + delta_x, y2)
                for i in range(len(points)):
33
                    points[i] = (2 * x1 - points[i][0], points[i][1])
34
35
36
               points = _bresenham(x1, y1, x2, y2)
           return points
37
```

Listing 3: Algorytm Bresenhama

# 3.2 Ustalanie jasności poszczególnych punktów obrazu wynikowego oraz jego przetwarzanie końcowe

Odtwarzanie obrazu wygląda bardzo podobnie do generowania sinogramu. Jednak, zamiast wyznaczać całkę po kolejnych liniach skanujących, dodajemy jej wartość do każdego piksela obrazu wynikowego, który do tej linii należy.

```
def iradon_step(self):
    for s, line in enumerate(self.scan_lines[self.current_iradon_iteration]):
        for point in line:
            self.iradon_result[point] += self.radon_result[s, self.current_iradon_iteration]
        self.current_iradon_iteration += 1
```

Listing 4: Krok odtwarzania obrazu

Następnie, wynikowy obraz zostaje poddany normalizacji. Przyjęliśmy, że pracujemy z obrazami 8-bitowymi.

Listing 5: Normalizacja odtworzonego obrazu

#### 3.3 Odczyt i zapis plików DICOM

Aplikacja wspiera obsługę plików DICOM. Mimo, że pliki te, z zasady, przechowują wynik badania tomografem, tj. już odtworzony obraz, uznaliśmy że może on posłużyć za dane wejściowe naszego symulatora.

Program umożliwia odczyt i zapis podstawowych informacji o badaniu i pacjencie, komentarza i obrazu w formacie DICOM.

```
def dicom_load(path):
    # zbiór danych DICOM
    ds = pydicom.dcmread(path)
    image = ds.pixel_array
    # Przyjęliśmy, że pracujemy z obrazami 8-bitowymi
    if image.dtype != np.uint8:
        img_max = np.max(image)
        img_min = np.min(image)
        image = 255 * (image - img_min) / (img_max - img_min)
    return ds, image.astype(np.uint8)
```

Listing 6: Wczytywanie plików DICOM

Aby ułatwić dalszą pracę i zwiększyć czytelność danych pozyskanych z pliku DICOM, interesujące nas pola zostają odpowiednio sformatowane i umieszczone w słowniku data.

Zbiór danych dataset jest obiektem dostarczanym przez bibiliotekę pydicom, który przechowuje w swojej strukturze poszczególne pola zdefiniowane w standardzie DICOM.

```
def dicom_read_dataset(dataset):
      data = \{\}
      if dataset.get('StudyDate'):
          data['StudyDate'] = dicom_date_dataset_to_display(dataset.get('StudyDate'))
          data['StudyDate'] = ''
6
      if dataset.get('StudyTime'):
          data['StudyTime'] = dicom_time_dataset_to_display(dataset.get('StudyTime'))
9
          data['StudyTime'] = ''
      data['PatientID'] = str(dataset.get('PatientID') or '')
      if dataset.get('PatientName'):
12
13
          patient_name = dataset.get('PatientName')
14
              data['PatientGivenName'] = patient_name.given_name
15
          except AttributeError:
16
              data['PatientGivenName'] = ''
17
18
              data['PatientFamilyName'] = patient_name.family_name
19
```

```
except AttributeError:
               data['PatientFamilyName'] = ''
21
22
           data['PatientGivenName'] = ''
23
           data['PatientFamilyName'] = ''
24
       sex = dataset.get('PatientSex')
25
      if sex:
26
          if sex == 'F':
27
               data['PatientSex'] = 'Kobieta'
28
           elif sex == 'M':
29
               data['PatientSex'] = 'Mezczyzna'
30
      else:
31
          data['PatientSex'] = 'Nieznana'
32
      bday = dataset.get('PatientBirthDate')
34
      if bday:
           data['PatientBirthDate'] = dicom_date_dataset_to_display(bday)
35
36
          data['PatientBirthDate'] = ''
37
      data['ImageComments'] = dataset.get('ImageComments') or ''
38
   return data
39
```

Listing 7: Odczyt interesujących wartości ze zbioru danych DICOM

Jeżeli użytkownik otworzy obraz wejściowy, który nie jest plikiem DICOM, zostaje utworzony i zainicjalizowany nowy zbiór danych, który jest następnie umieszczany w pliku tymczasowym.

```
def dicom_create_new_dataset():
    suffix = '.dcm'
    file_name = tempfile.NamedTemporaryFile(suffix=suffix).name
    file_meta = Dataset()
    # Ustawienie niektórych wymaganych wartości (pozostałe ustawiane przy zapisie)
    file_meta.MediaStorageSOPClassUID = '1.2.840.10008.5.1.4.1.1.2'
    file_meta.MediaStorageSOPInstanceUID = "1.3.6.1.4.1.5962.1.1.1.1.1.20040119072730.12322"
    file_meta.ImplementationClassUID = "1.3.6.1.4.1.5962.2"
    file_meta.TransferSyntaxUID = '1.2.840.10008.1.2'
    return FileDataset(file_name, {}, file_meta=file_meta, preamble=b"\0" * 128)
```

Listing 8: Tworzenie nowego pliku DICOM

Po zatwierdzeniu przez użytkownika wprowadzenia danych o badaniu i pacjencie oraz komentarza, zostają one sformatowane tak, aby spełniać warunki standardu DICOM, a następnie są zapisywane do przechowywanego w pamięci zbioru danych.

```
def dicom_store_data(data, dataset):
      if data.get('StudyDate'):
2
          dataset.StudyDate = dicom_date_display_to_dataset(data.get('StudyDate'))
      if data.get('StudyTime'):
          dataset.StudyTime = dicom_time_display_to_dataset(data.get('StudyTime'))
5
      if data.get('PatientGivenName') or data.get('PatientFamilyName'):
6
          patient_given_name = data.get('PatientGivenName') or ''
          patient_family_name = data.get('PatientFamilyName') or ''
          dataset.PatientName = '^'.join((patient_family_name, patient_given_name))
9
      if data.get('PatientID'):
10
          dataset.PatientID = data.get('PatientID')
      if data.get('PatientSex'):
          if data.get('PatientSex') == 'Mezczyzna':
              dataset.PatientSex = 'M'
14
          elif data.get('PatientSex') == 'Kobieta':
15
              dataset.PatientSex = 'F'
16
      if data.get('PatientBirthDate'):
17
          dataset.PatientBirthDate = dicom_date_display_to_dataset(data.get('PatientBirthDate'))
18
      if data.get('ImageComments'):
19
          dataset.ImageComments = data.get('ImageComments')
      return dataset
21
```

Listing 9: Wpisywanie danych do zbioru danych DICOM

Użytkownik posiada wybór, czy umieścić w pliku DICOM obraz wyjściowy, czy też wejściowy. Ta druga opcja może być przydatna, gdy ma on zamiar jedynie uzupełnić dane w już istniejącym pliku.

```
def dicom_save(file_name, dataset, image):
       # Upewnienie się, że wyjściowy obraz ma właściwy format
      if image.dtype != np.uint8:
          img_max = np.max(image)
           img_min = np.min(image)
           image = ((image - img_min) / (img_max - img_min) * 255)
6
          image = image.astype(np.uint8)
      dataset.SpecificCharacterSet = 'utf-8'
8
9
      # Konwersja obrazu i ustawienie jego parametrów
      dataset.PixelData = image.tobytes()
      dataset.Rows, dataset.Columns = image.shape
      dataset.BitsStored = 8
12
      dataset.BitsAllocated = 8
13
      dataset.HighBit = 7
14
15
      dataset.SamplesPerPixel = 1
      dataset.PhotometricInterpretation = "MONOCHROME2"
16
17
      dataset.PixelRepresentation = 0
      dataset.save_as(file_name, write_like_original=False)
18
19
```

Listing 10: Zapis pliku DICOM

## 4 Wygląd aplikacji

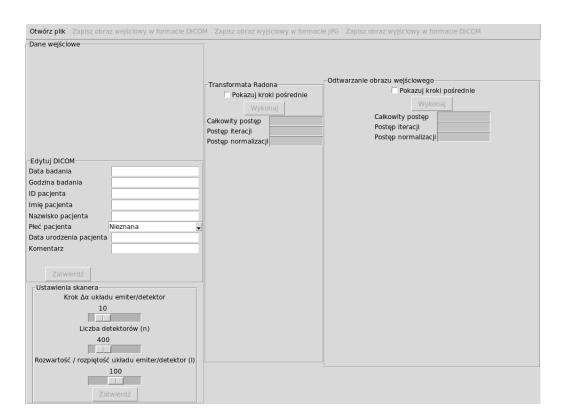


Figure 1: Ekran aplikacji

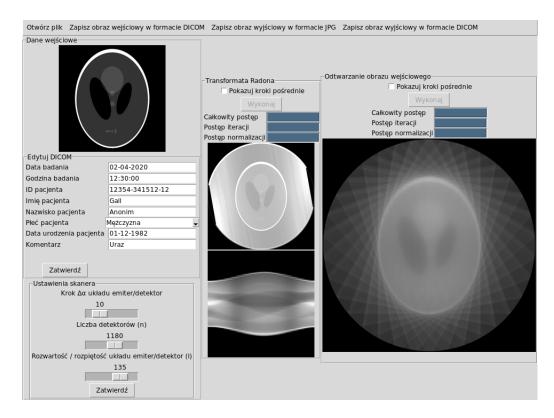


Figure 2: Przykład działania

## 5 Sprawdzenie poprawności pliku DICOM

Poprawność tworzonych plików DICOM weryfikowana była za pomocą https://www.ofoct.com/viewer/dicom-viewer-online.html

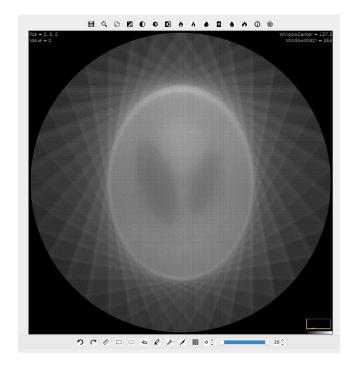


Figure 3: Weryfikacja poprawności obrazu

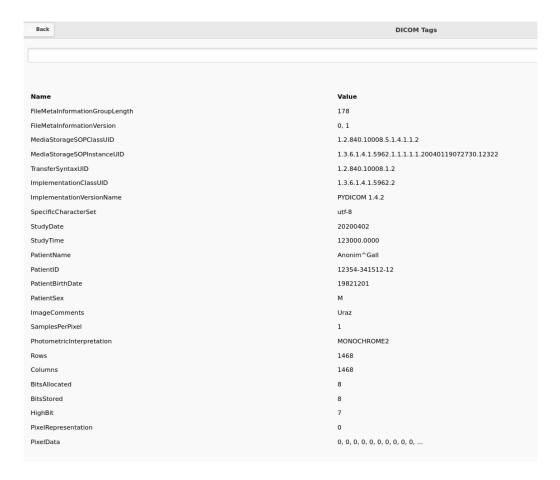


Figure 4: Weryfikacja poprawności tagów