

# La réduction du coût de maintenance par l'IoT et la maintenance prédictive

Utilisation de capteurs et IA pour analyser les vibrations des moteurs

# La maintenance traditionnelle

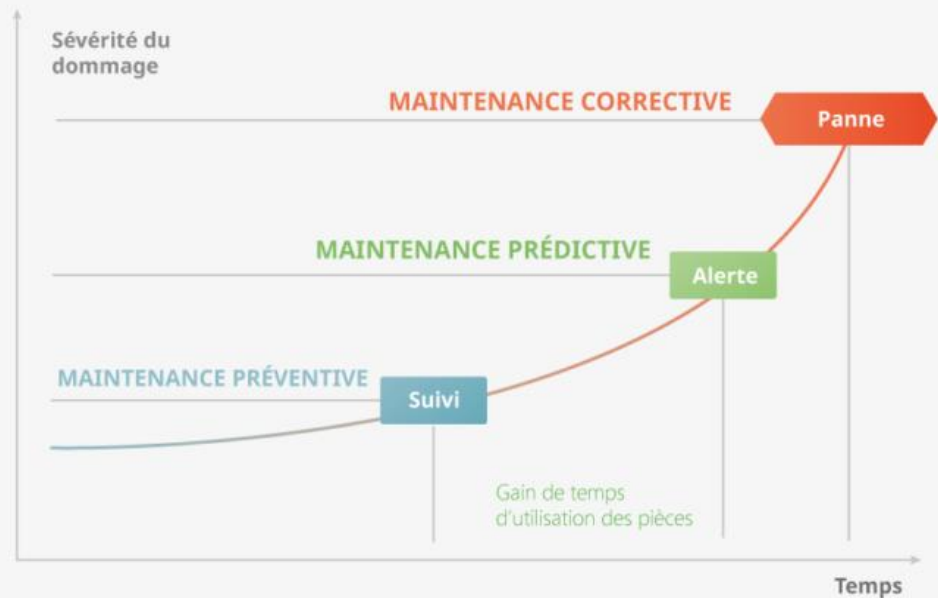
Coût des pannes :  
22 milliards € par an en France.

90% des tâches de maintenance :  
interventions d'urgence.

-10% couts maintenance = +40% ventes

## Maintenance industrielle

DU PRÉVENTIF AU PRÉDICTIF



# Introduction à la Maintenance Prédictive

Réduire les coûts de maintenance avec l'IoT et la maintenance prédictive

- Optimisation des coûts

- Planification des interventions
- Reduction du surstock de matériel

- Prévention proactive des pannes

- Anticipation du type de défaillance

- Amélioration de la productivité

- Suppression des temps d'arrêt offrant plus de fluidité

- Optimisation des ressources

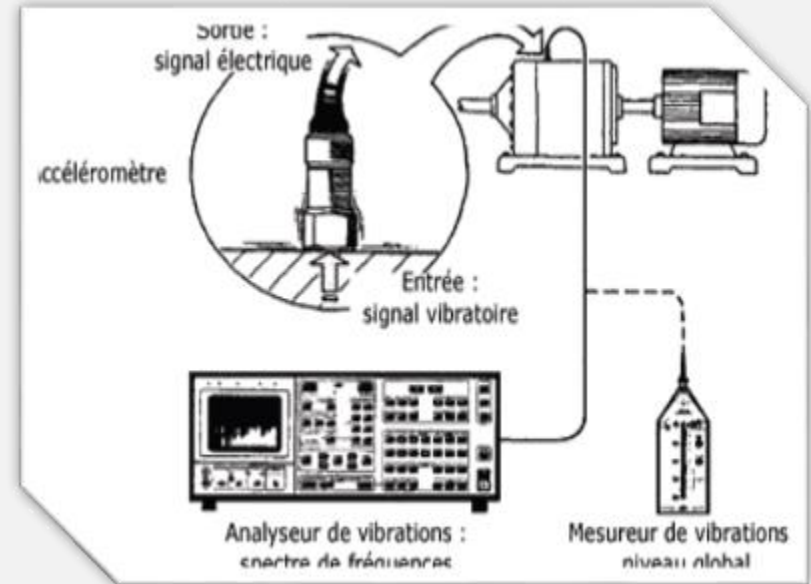
- Augmentation durée de vie des machines
- Reduction des interventions humaines inutiles ou imprévues

# Pourquoi et comment analyser les vibrations

parametre Défaut	Température	Pression	Débit	Analyse de l'huile	Vibration
Déséquilibre					x
Désalignement ou arbre fléchi	x				x
Roulement endommagé	x			x	x
Palier lisse endommagé	x	x	x	x	x
Dentures endommagées ou usées				x	x
Jeux mécaniques excessifs					x

Tableau paramètres/défauts

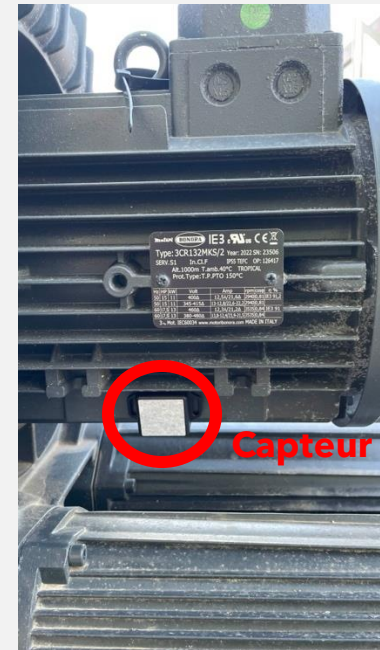
<https://www.maxicours.com/se/cours/mesure-des-vibrations-introduction/>



Mesure des vibrations

# Mesure des paramètres de fonctionnement

- Utilisation d'une turbine d'extraction de gaz
- Capteur de vibration



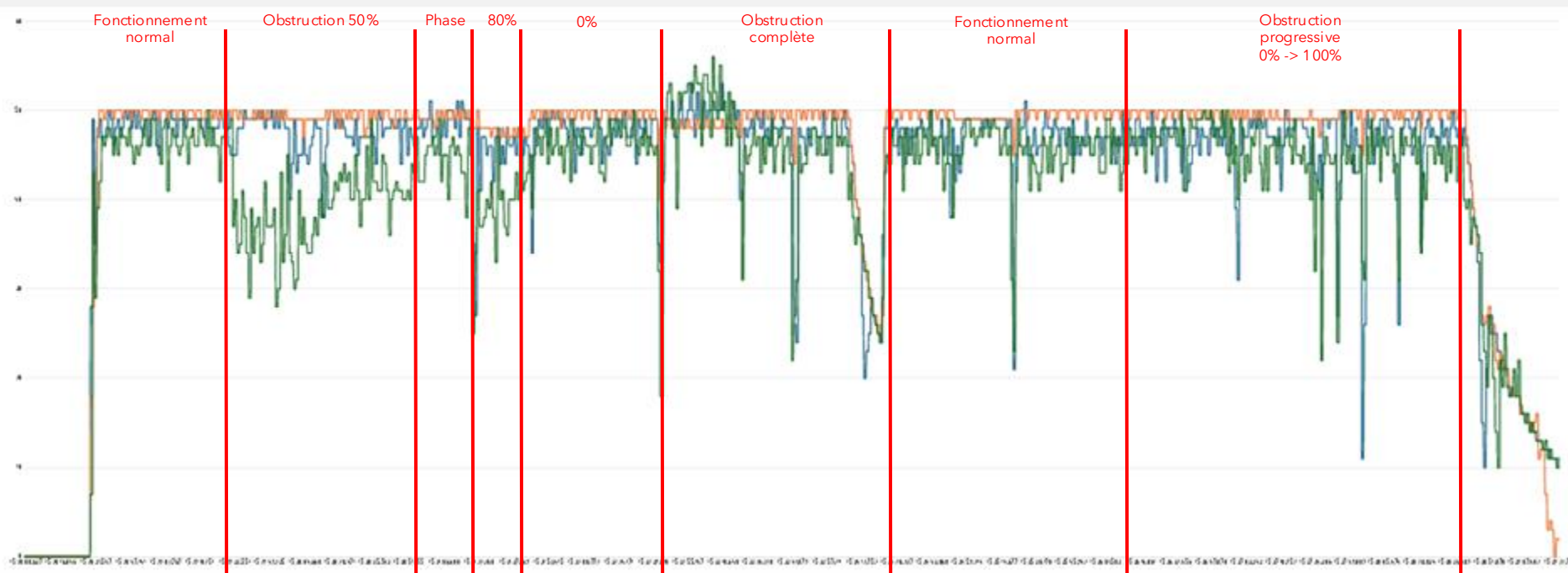
# Simulation de défaillance

- **Obstruction entrée/sortie**
- **Suppression phase**



# Analyse des données

## Vitesse de vibration sur 3 axes



# Algorithme d'identification d'anomalies

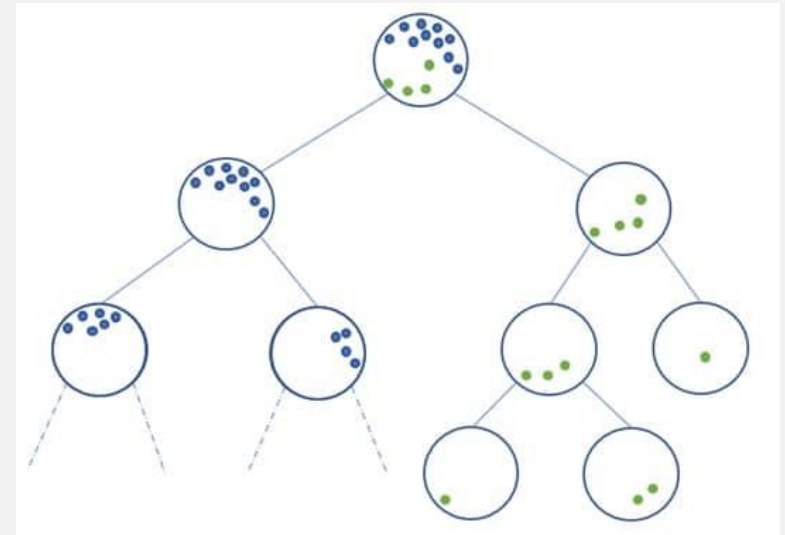
## *Isolation Forest :*

**Principe** : Isole chaque point de données par des divisions aléatoires dans l'espace.

**Identification des Anomalies** : Les anomalies sont isolées rapidement car elles nécessitent moins de divisions.

### **Avantages :**

**Rapide et efficace** même pour de grands ensembles de données.

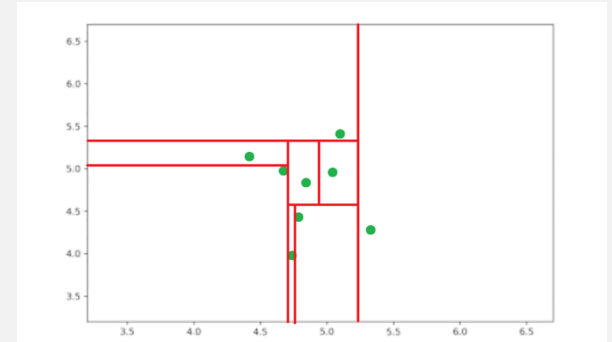
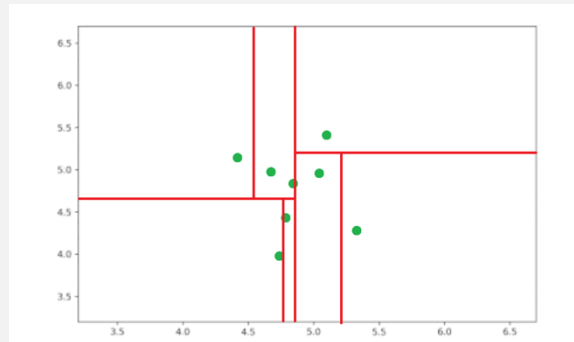
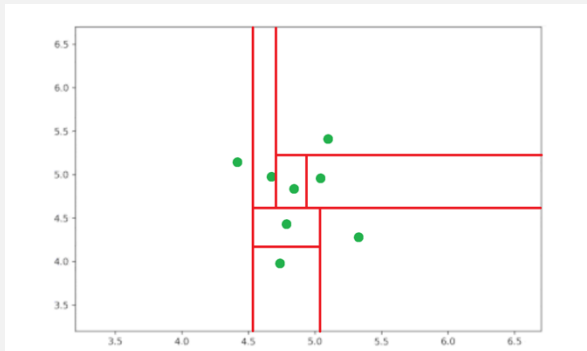


<https://www.crossdata.tech/les-pannes-dans-lindustrie-4-0-lenjeu-de-la-maintenance-predictive-resolu-grace-a-lintelligence-artificielle/>



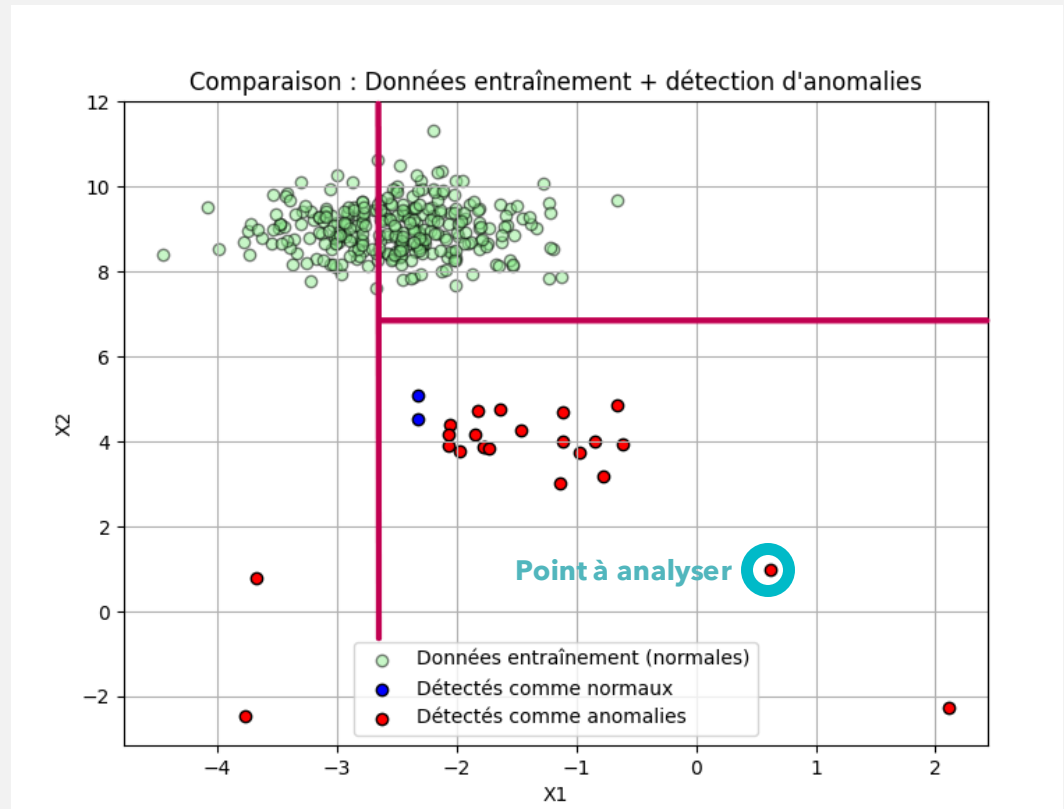
# Phase d'entrainement

- Construire une forêt d'arbres de découpes.

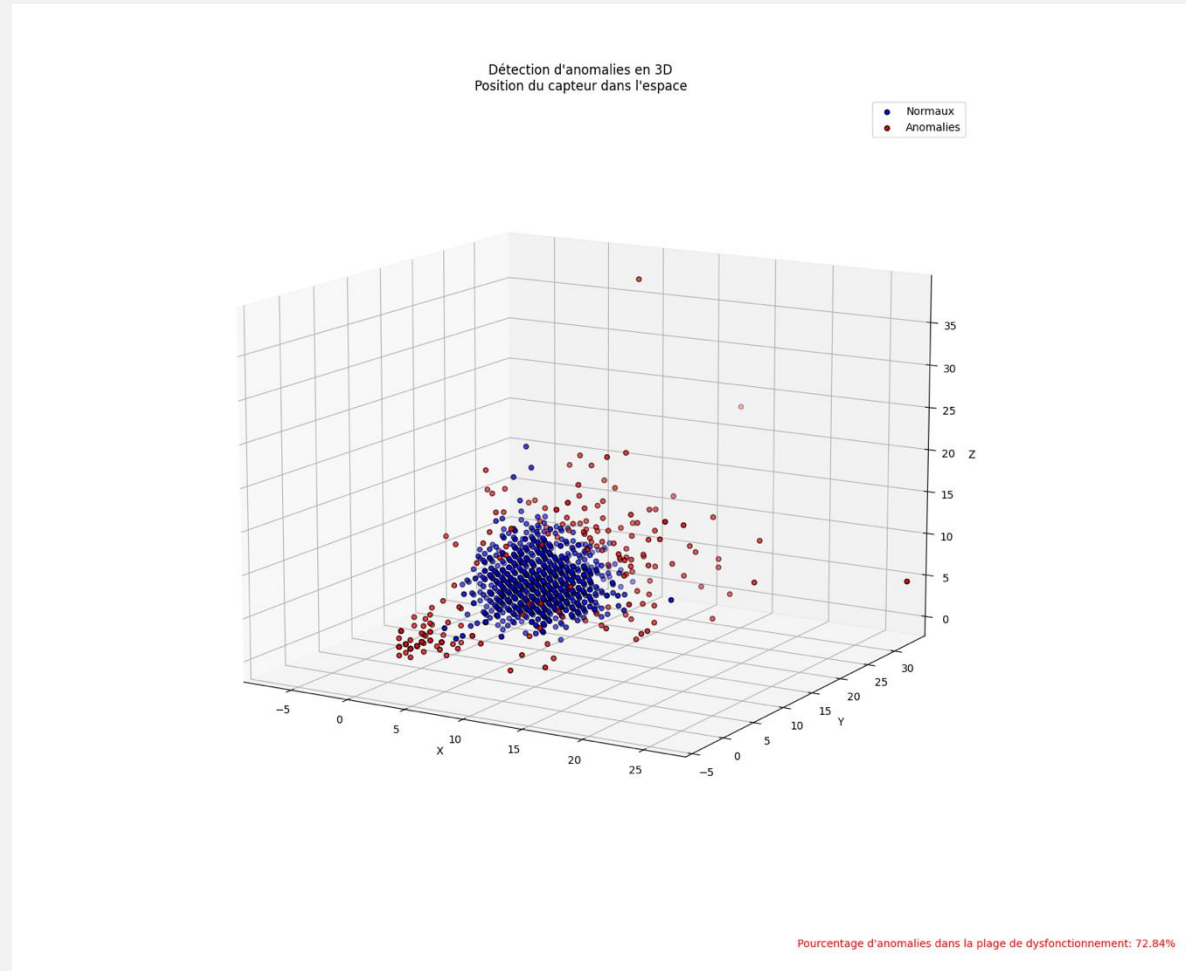


# Phase de prédiction

- **Teste chaque point en calquant les slices d'entraînement.**
- **Attribue un score d'anomalies à chaque point.**
- **Score > 0.6 : anomalies**  
**Sinon : normal**



# Visualisation de la prédiction sur nos données



# Conclusion

- **L'Isolation Forest permet une détection efficace des anomalies dans les vibrations moteur.**
- **Taux d'anomalies détectées : ~74%**
- **Perspectives prometteuses pour réduire les coûts de maintenance et améliorer la fiabilité.**
- **Temps d'exécution court par point (quelques millisecondes), adapté au traitement quasi temps réel**

# Perspectives futures

- **Ajout d'autres capteurs.**
- **Intégration sur les plateformes IoT industrielles.**
- **Classification des anomalies détectées.**
- **Développer un système hybride qui apprend et s'adapte en continu.**

## ANNEXES : CODE

```
1 import numpy as np
2 import random
3 import math
4 import pickle
5
6 EULER_CONSTANT = 0.5772156649
7
8 # ISOLATION FOREST
9 class IsolationTree:
10     def __init__(self, max_depth):
11         self.max_depth = max_depth
12         self.root = None
13
14     class Node:
15         def __init__(self, feature=None, split=None, left=None, right=None, size=0, is_leaf=False):
16             self.feature = feature
17             self.split = split
18             self.left = left
19             self.right = right
20             self.size = size
21             self.is_leaf = is_leaf
22
23     def fit(self, X, current_depth=0):
24         if current_depth >= self.max_depth or len(X) <= 1:
25             return self.Node(size=len(X), is_leaf=True)
26
27         q = random.randint(0, X.shape[1] - 1) # dimension aleatoire
28         min_val, max_val = X[:, q].min(), X[:, q].max()
29         if min_val == max_val:
30             return self.Node(size=len(X), is_leaf=True)
31
32         p = random.uniform(min_val, max_val) # seuil aleatoire
33
34         left = X[X[:, q] < p]
35         right = X[X[:, q] >= p]
36
37         return self.Node(
38             feature=q,
39             split=p,
40             left=self.fit(left, current_depth + 1),
41             right=self.fit(right, current_depth + 1),
42             size=len(X)
43         )
44
```

```
45     def path_length(self, x, node=None, current_depth=0):
46         if node is None:
47             node = self.root
48         if node.is_leaf:
49             if node.size <= 1:
50                 return current_depth
51             return current_depth + c_factor(node.size)
52         if x[node.feature] < node.split:
53             return self.path_length(x, node.left, current_depth + 1)
54         else:
55             return self.path_length(x, node.right, current_depth + 1)
56
57     def train(self, X):
58         self.root = self.fit(X)
59
60
61 class IsolationForestManual:
62     def __init__(self, n_trees=100, sample_size=256):
63         self.n_trees = n_trees
64         self.sample_size = sample_size
65         self.trees = []
66
67     def fit(self, X):
68         self.trees = []
69         height_limit = math.ceil(math.log2(self.sample_size))
70         for _ in range(self.n_trees):
71             sample = X[np.random.choice(X.shape[0], self.sample_size, replace=False)]
72             tree = IsolationTree(max_depth=height_limit)
73             tree.train(sample)
74             self.trees.append(tree)
75
76     def anomaly_score(self, X):
77         scores = []
78         for x in X:
79             path_lengths = [tree.path_length(x, tree.root) for tree in self.trees]
80             avg_path_len = np.mean(path_lengths)
81             score = 2 * (-avg_path_len / c_factor(self.sample_size))
82             scores.append(score)
83         return np.array(scores)
84
85     def predict(self, X, threshold=0.5):
86         scores = self.anomaly_score(X)
87         return (scores > threshold).astype(int)
88
89
90     def c_factor(n):
91         if n <= 1:
92             return 0
93         return 2 * (math.log(n - 1) + EULER_CONSTANT) - (2 * (n - 1) / n)
94
```

```

1  import pandas as pd
2  import numpy as np
3  import pickle
4  from isolation_forest import IsolationForestManual
5
6  df_train = pd.read_csv('donnees_entrainement.csv')
7  X_train = df_train[['X', 'Y', 'Z']].values
8
9  def generer_donnees_proches_alea(X, prob=0.5, bruit_std=0.05):
10     np.random.seed(42)
11     X_synthetique = []
12     n_features = X.shape[1]
13
14     for point in X:
15         if np.random.rand() < prob:
16             # Creation de points
17             bruit = np.random.normal(0, bruit_std, size=n_features)
18             nouveau_point = point + bruit
19             X_synthetique.append(nouveau_point)
20     return np.array(X_synthetique)
21
22
23  X_synthetique = generer_donnees_proches_alea(X_train, prob=0.5, bruit_std=0.05)
24
25  X_train_etendu = np.vstack([X_train, X_synthetique])
26
27  # Créer le modèle Isolation Forest
28  model = IsolationForestManual(n_trees=100, sample_size=64)
29  model.fit(X_train_etendu)
30
31  # Sauvegarde
32  with open('isolation_forest_model.pkl', 'wb') as f:
33      pickle.dump(model, f)
34
35  print("Enregistré.")

```

```

1  import pandas as pd
2  import pickle
3  import numpy as np
4  import matplotlib.pyplot as plt
5  from mpl_toolkits.mplot3d import Axes3D
6  from scipy.spatial.distance import pdist, squareform
7  import time
8
9  # Charger le modèle entraîné
10 with open("isolation_forest_model.pkl", "rb") as f:
11     model = pickle.load(f)
12
13 def afficher_comparaison_3D(model):
14     df_test = pd.read_csv('donnees_a_predire.csv')
15     X_test = df_test[['X', 'Y', 'Z']].values
16
17     # Prédiction du modèle
18     scores = model.anomaly_score(X_test)
19     labels = (scores > 0.6).astype(int) # 1 = anomalie, 0 = normal
20
21     # Récupérer les indices des anomalies
22     anomalies_indices = np.where(labels == 1)[0]
23
24     # Plages de dysfonctionnement
25     plage_1 = (1833 <= anomalies_indices) & (anomalies_indices <= 7670)
26     plage_2 = (9757 <= anomalies_indices) & (anomalies_indices <= 12650)
27
28     anomalies_dans_plage_1 = np.sum(plage_1)
29     anomalies_dans_plage_2 = np.sum(plage_2)
30     total_anomalies = len(anomalies_indices)
31
32     # Calculer le pourcentage d'anomalies dans les plages
33     pourcentage_plage_1 = (anomalies_dans_plage_1 / total_anomalies) * 100 if total_anomalies > 0 else 0
34     pourcentage_plage_2 = (anomalies_dans_plage_2 / total_anomalies) * 100 if total_anomalies > 0 else 0
35     pourcentage_plage_combinee = pourcentage_plage_2 + pourcentage_plage_1
36
37
38     print(f"Pourcentage d'anomalies dans la plage 1833-7670 : {pourcentage_plage_1:.2f}%")
39     print(f"Pourcentage d'anomalies dans la plage 9757-12650 : {pourcentage_plage_2:.2f}%")
40     print(f"Pourcentage d'anomalies dans la plage de dysfonctionnement : {pourcentage_plage_1+pourcentage_plage_2:.2f}%")
41

```



```

42     # Regroupage par paquet de 10 (pour affichage plus clair)
43     grouped_points = []
44     grouped_labels = []
45
46     for i in range(0, len(X_test), 10):
47         group = X_test[i:i+10]
48         group_labels = labels[i:i+10]
49
50         if len(group) < 10:
51             grouped_points.append(group)
52             grouped_labels.append(group_labels)
53         else:
54             # Calcul des distances entre les points du groupe
55             dist_matrix = squareform(pdist(group))
56             seuil_distance = 3 # Distance pour définir la proximité
57             proche = np.any(dist_matrix < seuil_distance, axis=1)
58
59             if np.all(proche): # Tous les points sont proches les uns des autres
60                 grouped_points.append(group[0:1]) # Garder un seul point du groupe
61                 grouped_labels.append(group_labels[0:1]) # Garder le label associé au point
62             else:
63                 grouped_points.append(group)
64                 grouped_labels.append(group_labels)
65
66     X_grouped = np.vstack(grouped_points)
67     labels_grouped = np.concatenate(grouped_labels)

```

```

69 # Affichage
70 fig = plt.figure(figsize=(10, 7))
71 ax = fig.add_subplot(111, projection='3d')
72
73 # Points testés normaux (en bleu)
74 ax.scatter(X_grouped[labels_grouped == 0][:, 0], X_grouped[labels_grouped == 0][:, 1], X_grouped[labels_grouped == 0][:, 2],
75           color='blue', edgecolors='k', label='Normaux')
76
77 # Points anomalies (en rouge)
78 ax.scatter(X_grouped[labels_grouped == 1][:, 0], X_grouped[labels_grouped == 1][:, 1], X_grouped[labels_grouped == 1][:, 2],
79           color='red', edgecolors='k', label='Anomalies')
80
81 ax.set_title("Détection d'anomalies en 3D\nPosition du capteur dans l'espace")
82 ax.set_xlabel("X")
83 ax.set_ylabel("Y")
84 ax.set_zlabel("Z")
85 ax.legend()
86
87 fig.text(0.72, 0.05, f"Pourcentage d'anomalies dans la plage de dysfonctionnement: {pourcentage_plage_combinee:.2f}%",
88         ha='center', va='top', fontsize=10, color='red')
89
90 plt.show()
91
92 afficher_comparaison_3D(model)

```

**Score d'anomalies :**

$$S(x_i, N) = 2^{\frac{-E(h(x_i))}{c(N)}}$$

**Profondeur moyenne d'un arbre**

$$c(N) = 2H_{N-1} - \frac{2(N-1)}{N}$$