Statystyki bronchoskopii w ramach NFZ - analiza z wykorzystaniem package nfzapir1

Mikołaj Kamiński

2 czerwca 2022

1. Wstęp

nfzapir1 to package R przygotowany przez Centrum e-Zdrowia. Package umożliwia błyskawiczne przetwarzanie danych udostępnionych przez NFZ w ramach API dla statystyk świadczeń szpitalnych.

W tym krótkim materiale przedstawimy Państwu przykładowe wykorzystanie package analizując dane dotyczące bronchoskopii.

2. Wprowadzenie do wykorzystania package

Oryginalna instrukcja API znajduje się pod linkiem: https://api.nfz.gov.pl/app-stat-api-jgp/ Natomiast package nfzapir1 https://github.com/PolishNHF/nfzapir1

```
library(nfzapir1)
```

Na początek zidentyfikujmy Jednorodną Grupę Pacjentów (JGP) dotyczącą hospitalizacji rozliczanych jako bronchoskopię.

Możemy zastosować bazę danych wgranej do package'u:

```
jgp[[2]] %>%
  filter(str detect(Nazwa, "Bronchos"))
## # A tibble: 2 x 11
       Lp. 'Kod grupy' Kod
                                       Nazwa
                                                'Taryfa\nustalona~ 'Wartość punktow~
     <dbl> <chr>
##
                       <chr>>
                                       <chr>>
                                                                   <chr>
## 1
       109 D05
                       5.51.01.0004005 Bronch~ <NA>
                                                                   826
       551 PZD03
                       5.51.01.0018029 Bronch~ <NA>
                                                                   935
## # ... with 5 more variables: Wartość punktowa - hospitalizacja planowa <dbl>,
       Wartość punktowa - "leczenie jednego dnia" <dbl>,
## #
       Liczba dni pobytu finansowana grupą - typ umowy hospitalizacja <dbl>,
       Wartość punktowa hospitalizacji < 3 dni - typ umowy hospitalizacja/ hospitalizacja planowa <dbl>
## #
       Wartość punktowa osobodnia ponad ryczałt finansowany grupą - typ umowy hospitalizacja <dbl>
```

Uzyskujemy dwie JGP: 1) 5.51.01.0004005 "Bronchoskopia *" 2) 5.51.01.0018029 "Bronchoskopia < 18 r.ż. *" W tym przykładzie będziemy analizować pierwszą grupę, dotyczącą bronchoskopii u osób dorosłych.

Funkcja index_tables pozwala zidentyfikować wszystkie dane dostępne dla danej JGP:

```
index_tables(name='5.51.01.0004005')
## # A tibble: 129 x 4
##
     year name
                                                full_name
                                                               link
##
      <chr> <chr>
                                                <chr>
                                                               <chr>
##
  1 2009 33323130-3636-5254-4450-503030303030 hospitalizati~ https://api.nfz.go~
   2 2009 33323130-3636-5254-4750-503030303030 hospitalizati~ https://api.nfz.go~
##
## 3 2009 33323130-3636-3179-4430-353030303030 icd-9-procedu~ https://api.nfz.go~
## 4 2009 33323130-3636-5254-4250-503030303030 hospitalizati~ https://api.nfz.go~
## 5 2009 33323130-3636-5254-4150-503030303030 general-data
                                                              https://api.nfz.go~
## 6 2009 33323130-3636-5254-4350-503030303030 hospitalizati~ https://api.nfz.go~
## 7 2009 33323130-3636-3330-3030-303030303030 icd-9-procedu~ https://api.nfz.go~
## 8 2009 33323130-3636-5254-4b50-503030303030 hospitalizati~ https://api.nfz.go~
## 9 2009 33323130-3636-5254-4950-503030303030 product-categ~ https://api.nfz.go~
## 10 2009 33323130-3636-5254-4a50-503030303030 histograms
                                                            https://api.nfz.go~
## # ... with 119 more rows
```

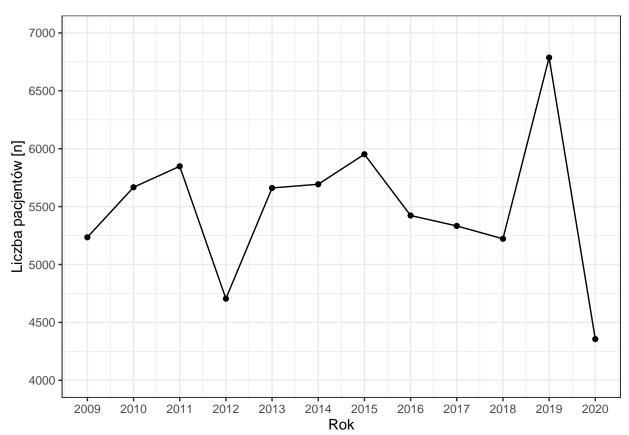
Dane są dostępne dla lat: 2009-2020:

```
index_tables(name='5.51.01.0004005') %>%
  select(year) %>%
  unique()
## New names:
## * ' ' -> ...1
## * '' -> ...2
## * ' ' -> ...3
## * ' ' -> ...4
## # A tibble: 12 x 1
##
      year
##
      <chr>
  1 2009
##
## 2 2010
## 3 2011
## 4 2012
## 5 2013
## 6 2014
## 7 2015
## 8 2016
## 9 2017
## 10 2018
## 11 2019
## 12 2020
```

Wykorzystajmy funkcję basic_data() by uzyskać liczbę hospitalizacji.

```
b <- basic_data(name = '5.51.01.0004005')</pre>
b
## # A tibble: 12 x 15
##
      branch 'hospital-types' 'number-of-patie~ 'number-of-hospi~ 'ratio-of-rehosp~
##
      <lg1> <lg1>
                                             <int>
                                                                <int>
                                                                                   <dbl>
## 1 NA
             NA
                                              4999
                                                                 5235
                                                                                    1.05
## 2 NA
                                              5416
                                                                                    1.05
             NΑ
                                                                 5667
## 3 NA
             NA
                                              5615
                                                                 5848
                                                                                    1.04
## 4 NA
                                              4546
                                                                 4705
                                                                                    1.04
```

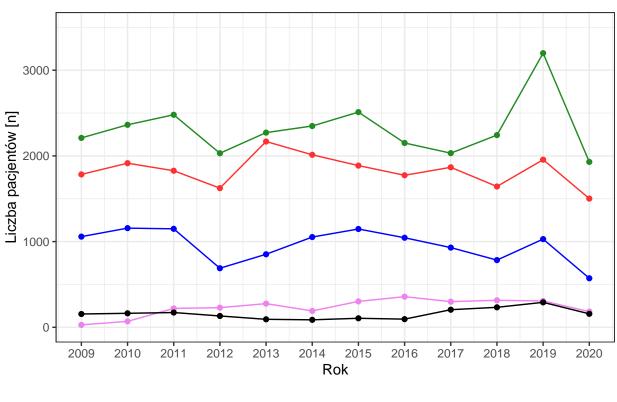
```
5 NA
             NA
                                            5470
                                                               5661
                                                                                  1.03
##
    6 NA
             NA
                                            5481
                                                               5693
                                                                                  1.04
    7 NA
                                            5689
                                                               5952
                                                                                  1.05
##
   8 NA
                                                                                  1.05
##
                                            5176
                                                               5423
   9 NA
                                            4982
                                                                                  1.07
##
                                                               5333
## 10 NA
             NA
                                            5010
                                                               5222
                                                                                  1.04
## 11 NA
             NA
                                            6512
                                                               6787
                                                                                  1.04
## 12 NA
                                            4188
                                                               4356
                                                                                  1.04
## # ... with 10 more variables: percentage <dbl>, percentage-of-sections <dbl>,
       duration-of-hospitalization-mediana <int>,
## #
## #
       duration-of-hospitalization-mode <int>,
## #
       average-value-of-hospitalization <dbl>,
## #
       average-value-of-hospitalization-points <dbl>, average-value-of-drg <dbl>,
## #
       average-value-of-drg-points <dbl>, year <int>, jgp <chr>
b %>% select('number-of-hospitalizations', year) %>%
  ggplot() + geom_line(aes(x=year, y='number-of-hospitalizations')) + geom_point(aes(x=year, y='number-
  theme_bw() + xlab('Rok') +
  ylab('Liczba pacjentów [n]') + scale_y_continuous(limits = c(4000, 7000), breaks = seq(4000, 7000, by
  scale_x_continuous(limits = c(2009, 2020), breaks = seq(2009, 2020, by=1))
```



Możemy również powtórzyć analizę z podziałem na rodzaje szpitali:

```
b1 <- basic_data(name = '5.51.01.0004005', division = 'hospitalType')
b1 %>% select('number-of-hospitalizations', year, 'hospital-types') %>%
```

```
ggplot() + geom_line(aes(x=year, y='number-of-hospitalizations', col='hospital-types')) +
geom_point(aes(x=year, y='number-of-hospitalizations', col='hospital-types'))+ theme_bw() +
xlab('Rok') + ylab('Liczba pacjentów [n]') + ylim(0,3500) +
scale_x_continuous(limits = c(2009, 2020), breaks = seq(2009, 2020, by=1))+
scale_color_manual("hospital-types",labels = c('Powiatowe', 'Prywatne', 'Kliniczne', 'Wojewódzkie', "Inne
theme(legend.position = "bottom")
```



hospital-types - Powiatowe - Prywatne - Kliniczne - Wojewódzkie - Inne

Funkcja hospitalization_admission() pozwala na uzyskanie informacji nt. charakteru przyjęcia pacjenta do szpitala. Poniżej uprościliśmy podział na przyjęcia planowe oraz pilne.

```
adm <- hospitalization_admission(name = '5.51.01.0004005')

adm %>%

mutate(planned_admission = if_else(grepl("plan", 'type-of-admission-name'), 1, 0)) %>%

group_by(year, planned_admission) %>% summarize(total = sum(as.numeric('number-of-hospitalizations'))

ggplot() + geom_line(aes(x=year, y = total, col=as.factor(planned_admission))) +

geom_point(aes(x=year, y = total, col=as.factor(planned_admission))) + theme_bw() + xlab('Years') +

ylab('Liczba pacjentów [n]') + theme(legend.position = "bottom") +

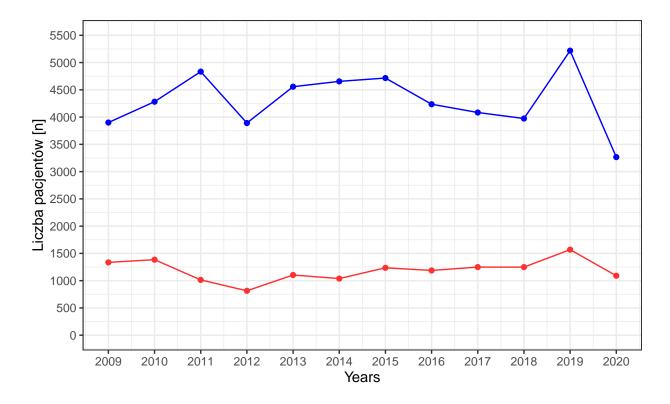
scale_y_continuous(limits = c(0, 5500), breaks = seq(0, 5500, by=500)) +

scale_x_continuous(limits = c(2009, 2020), breaks = seq(2009, 2020, by=1)) +

scale_color_manual("planned_admission", labels = c('Pilne', 'Planowe'), values = c("firebrick1", "blue"

theme(legend.position = "bottom")

## 'summarise()' has grouped output by 'year'. You can override using the '.groups' argument.
```



Rodzaj przyjecia szpitala 🔸 Pilne 🔸 Planowe