- Reto - Entrega 2

Maestría en Inteligencia Artificial Aplicada

Curso: Inteligencia Artificial y Aprendizaje Automático

Tecnológico de Monterrey

Prof: María de la Paz Rico Fernández

Genaro Ramos Higuera - A00351269

Gerardo Aaron Castañeda Jaramillo - A01137646

```
import numpy as np
import pandas as pd
import seaborn as sns
import matplotlib.pyplot as plt
from sklearn.preprocessing import OneHotEncoder
from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier
from sklearn.tree import DecisionTreeClassifier
from sklearn.inspection import permutation importance
from sklearn.model selection import train test split
from sklearn import metrics
from sklearn.metrics import accuracy score, f1 score, precision score, recall score
from sklearn.model_selection import RepeatedStratifiedKFold, cross_validate, StratifiedKFold
from sklearn.model selection import GridSearchCV
from sklearn.metrics import get_scorer
from sklearn.metrics import confusion_matrix
from sklearn.model_selection import learning_curve
from sklearn.model selection import validation curve
from sklearn.metrics import classification_report
from sklearn.metrics import RocCurveDisplay, precision recall curve, roc curve
```

- AGUAS SUBTERRANEAS

```
url = 'https://github.com/PosgradoMNA/actividades-del-projecto-equipo-52/blob/main/aguas_subt
data_asb = pd.read_csv(url,sep=",")
```

```
print(data_asb.shape)
data asb.head()
```

(1054, 34)

	CLAVE	LONGITUD	LATITUD	ORGANISMO_DE_CUENCA	SUBTIPO	ALC_mg/L	COND_mS/cm		
0	DLAGU6	-102.02210	22.20887	6.0	5.0	229.990	940.0		
1	DLAGU6516	-102.20075	21.99958	6.0	5.0	231.990	608.0		
2	DLAGU7	-102.28801	22.36685	6.0	5.0	204.920	532.0		
3	DLAGU9	-102.29449	22.18435	6.0	5.0	327.000	686.0		
4	DLBAJ107	-110.24480	23.45138	10.0	5.0	309.885	1841.0		
5 rows × 34 columns									

Selecciona tus variables independientes X y dependiente Y (semáforo)

Separamos las columnas en base a su tipo de variable:

```
#definimos variables numéricas #16
num_nom_geo = ['LONGITUD','LATITUD']
num_nom_cal = ['ALC_mg/L','COND_mS/cm','SDT_M_mg/L','FLUO_mg/L','DUR_mg/L','CF_NMP/100_mL','N
               'HG TOT mg/L', 'PB TOT mg/L', 'MN TOT mg/L', 'FE TOT mg/L']
#definimos variables categóricas #16
cat nom = ['ORGANISMO DE CUENCA', 'SUBTIPO']
cat nom cal = ['CALIDAD ALC', 'CALIDAD COND', 'CALIDAD SDT', 'CALIDAD FLUO', 'CALIDAD DUR', 'CALI
               'CALIDAD_CD', 'CALIDAD_CR', 'CALIDAD_HG', 'CALIDAD_PB', 'CALIDAD_MN', 'CALIDAD_FE']
#VARIABLE CATEGORICA DE SALIDA Y #1
y nom = ['SEMAFORO']
```

Generamos los datos en Y, y dos tipos de X. Una donde se utilizarán los datos numéricos de calidad, y otra donde se utilizarán los datos categóricos de calidad. Utilizar las variables numéricas y categorías de calidad, donde las categóricas son dependientes de las numéricas, puede afectar la correlación entre variables y eventualmente el modelo.

```
Y = data asb[['SEMAFORO']]
X_num = data_asb[num_nom_geo + cat_nom + num_nom_cal]
X cat = data asb[num nom geo + cat nom + cat nom cal]
```

Cambia a label encoding el semáforo, ej, de ["clase 1", "clase 2", "clase 3"] a [1,2,3

Previamente en la parte 1 del reto ya se cambiaron los valores del semáforo a 1:verde, 2:amarillo, 3:rojo

```
Y.value_counts()
     SEMAFORO
                  427
     3
                  382
     2
                  245
     dtype: int64
```

Realiza un análisis general de las features importances a traves de decision trees o random forest.

Definimos modelos a usar:

```
def get_models():
  modelos = list()
  nombres = list()
 modelos.append(DecisionTreeClassifier())
  nombres.append('DTC')
 modelos.append(RandomForestClassifier())
  nombres.append('RFC')
  return modelos, nombres
```

Obtenemos los feature importance con variables de calidad numéricas:

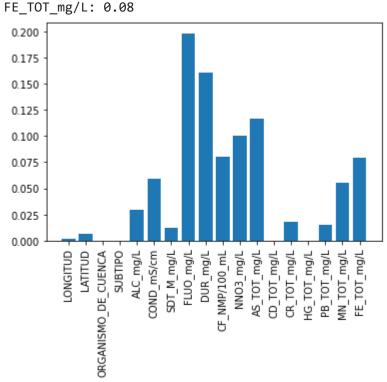
```
modelos, nombres = get models()
for m in range(len(modelos)):
 modelos[m].fit(X num, np.ravel(Y))
 importance = permutation_importance(modelos[m], X_num, Y, n_repeats=10)
 print('\033[1m' + nombres[m] + '\033[0m')
 for i,v in enumerate(importance['importances_mean']):
   print(X_num.columns[i]+':', v.round(3))
 f = plt.figure()
  plt.bar(X_num.columns, importance['importances_mean'])
 plt.xticks(rotation='vertical')
 plt.show()
```

DTC

LONGITUD: 0.002 LATITUD: 0.006

ORGANISMO_DE_CUENCA: 0.0

SUBTIPO: 0.0 ALC mg/L: 0.029 COND mS/cm: 0.059 SDT_M_mg/L: 0.012 FLUO mg/L: 0.198 DUR mg/L: 0.161 CF NMP/100 mL: 0.08 NNO3 mg/L: 0.1 AS_TOT_mg/L: 0.116 CD TOT mg/L: 0.0 CR_TOT_mg/L: 0.018 HG_TOT_mg/L: 0.0 PB TOT mg/L: 0.015 MN_TOT_mg/L: 0.056



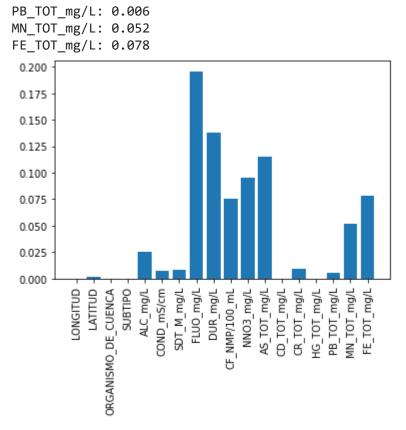
RFC

LONGITUD: 0.0 LATITUD: 0.002

ORGANISMO DE CUENCA: 0.0

SUBTIPO: 0.0 ALC mg/L: 0.026 COND mS/cm: 0.008 SDT_M_mg/L: 0.009 FLUO mg/L: 0.196 DUR_mg/L: 0.137 CF_NMP/100_mL: 0.075 NNO3 mg/L: 0.095 AS_TOT_mg/L: 0.115

CD TOT mg/L: 0.0 CR_TOT_mg/L: 0.009 HG_TOT_mg/L: 0.0



Obtenemos los feature importance con las variables de calidad categóricas:

```
modelos, nombres = get models()
for m in range(len(modelos)):
 modelos[m].fit(X cat, np.ravel(Y))
 importance = permutation_importance(modelos[m], X_cat, Y, n_repeats=10)
 print('\033[1m' + nombres[m] + '\033[0m')
 for i,v in enumerate(importance['importances_mean']):
   print(X_cat.columns[i]+':', v.round(3))
 f = plt.figure()
 plt.bar(X_cat.columns, importance['importances_mean'])
 plt.xticks(rotation='vertical')
 plt.show()
```

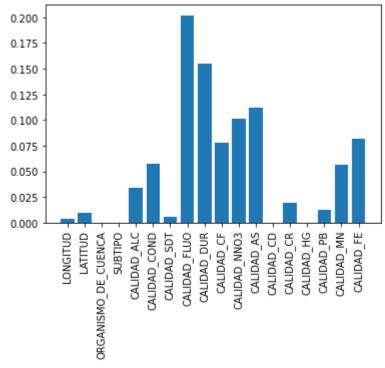
DTC

LONGITUD: 0.004 LATITUD: 0.009

ORGANISMO_DE_CUENCA: 0.0

SUBTIPO: 0.0

CALIDAD ALC: 0.034 CALIDAD COND: 0.058 CALIDAD_SDT: 0.006 CALIDAD FLUO: 0.202 CALIDAD DUR: 0.155 CALIDAD CF: 0.077 CALIDAD NNO3: 0.101 CALIDAD_AS: 0.112 CALIDAD CD: 0.0 CALIDAD CR: 0.019 CALIDAD_HG: 0.0 CALIDAD PB: 0.013 CALIDAD MN: 0.057 CALIDAD_FE: 0.082



RFC

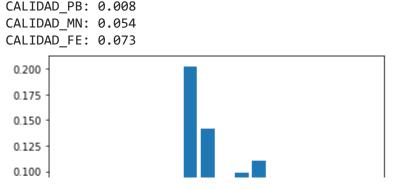
LONGITUD: 0.001 LATITUD: 0.002

ORGANISMO DE CUENCA: 0.0

SUBTIPO: 0.0

CALIDAD ALC: 0.025 CALIDAD COND: 0.011 CALIDAD_SDT: 0.011 CALIDAD FLUO: 0.202 CALIDAD DUR: 0.142 CALIDAD_CF: 0.077 CALIDAD NNO3: 0.098 CALIDAD_AS: 0.11 CALIDAD CD: 0.0 CALIDAD_CR: 0.017

CALIDAD HG: 0.0



Y donde observamos que las variables de ubicación geográfica, así como organismo de cuenca y subtipo no tienen ninguna importancia significativa. Mientras que las de calidad, con algunas excepciones como las de CD y HG, son las que tienen mayor importancia.

Selecciona las variables de mayor importancia.

```
7 8388803000000
```

Removemos de nuestras listas de columnas las variables que no tienen feature importance

```
num_nom_cal.remove('CD_TOT_mg/L')
num nom cal.remove('HG TOT mg/L')
cat nom cal.remove('CALIDAD CD')
cat nom cal.remove('CALIDAD HG')
```

Observamos con cuales nos quedamos:

```
print(num nom cal)
print(cat_nom_cal)
     ['ALC_mg/L', 'COND_mS/cm', 'SDT_M_mg/L', 'FLUO_mg/L', 'DUR_mg/L', 'CF_NMP/100_mL', 'NNO:
      'CALIDAD ALC', 'CALIDAD COND', 'CALIDAD SDT', 'CALIDAD FLUO', 'CALIDAD DUR', 'CALIDAD (
```

Generamos nuevas dataframes con las columnas a utilizar:

```
X_num = data_asb[num_nom_cal]
X_cat = data_asb[cat_nom_cal]
```

Realiza tu clasificador, recuerda dividir los datos de manera balanceada (auxiliate de train test split)

Comenzamos con variables numéricas:

```
score list = list()
grid splits = list()
def get_scores(yreal, ypred, model, aver='micro'):
 temp list = list()
 temp_list.append(model)
 accu = accuracy score(yreal,ypred)
 f1 = f1 score(yreal,ypred,average=aver)
 precision = precision_score(yreal,ypred,average=aver)
 recall = recall score(yreal,ypred,average=aver)
 temp list.append(accu)
 temp list.append(f1)
 temp list.append(precision)
 temp list.append(recall)
 print('Accuracy:', accu)
 print('f1_score:', f1)
 print('Precision:', precision)
 print('Recall:', recall)
 return temp_list
```

Sabemos de la parte 1 que las clases de salida tienen diferentes proporciones, por lo que utilizamos el parámetro stratify:

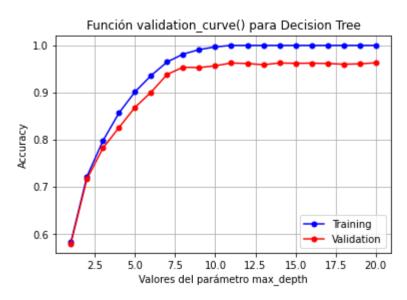
```
Xtv_num, Xtest_num, ytv_num, ytest_num = train_test_split(X_num, Y, test_size=0.15, stratify=
print(Xtv_num.shape, ': dimensión de datos de entrada de entrenamiento y validación')
print(Xtest_num.shape, ': dimensión de datos de entrada de prueba')
print(ytv num.shape, ': dimensión de variable de salida para entrenamiento y validación')
print(ytest num.shape, ': dimensión de variable de salida para prueba')
     (895, 12) : dimensión de datos de entrada de entrenamiento y validación
     (159, 12) : dimensión de datos de entrada de prueba
     (895, 1) : dimensión de variable de salida para entrenamiento y validación
     (159, 1) : dimensión de variable de salida para prueba
```

▼ Decision Tree variables numéricas de calidad de entrada:

Comenzamos viendo la curva de aprendizaje para el parámetro de max_depth:

```
#obtenemos el modelo y los parametros de cross validation
modeloVC = DecisionTreeClassifier()
cvVC = RepeatedStratifiedKFold(n splits=5, n repeats=3, random state=1)
```

```
delta max depth = np.linspace(1, 20, 20)
train scores, valid scores = validation curve(modeloVC,
                                              Xtv_num,
                                              np.ravel(ytv num),
                                              param name="max depth",
                                              param_range=delta_max_depth,
                                              cv=cvVC,
                                              scoring='accuracy')
train_mean = np.mean(train_scores, axis=1)
train std = np.std(train scores, axis=1)
valid mean = np.mean(valid scores, axis=1)
valid_std = np.std(valid_scores, axis=1)
# Curva de entrenamiento con la métrica de exactitud (accuracy):
plt.plot(delta_max_depth, train_mean, color='blue', marker='o', markersize=5, label='Training
# Curva de validación:
plt.plot(delta max depth, valid mean, color='red', marker='o', markersize=5, label='Validatio
plt.title('Función validation curve() para Decision Tree')
plt.xlabel('Valores del parámetro max depth')
plt.ylabel('Accuracy')
plt.grid(b=True)
plt.legend(loc='lower right')
plt.show()
```



Y observamos que después de max_depth= 11 ya no existen cambios significativos para las curvas de training o validación, así que nos quedamos con un máximo de 11 para el gridsearch para este parámetro y un minimo de 3 que donde la curva está cerca el 80% de accuracy.

```
#obtenemos el modelo y los parámetros
modeloDTC iter = DecisionTreeClassifier()
cvSVM = RepeatedStratifiedKFold(n splits=5, n repeats=3, random state=1)
dicc_grid = [{'ccp_alpha':[0.0001,0.01,0.1,1.0,10.,100],'criterion':['gini','entropy'],
             'max depth':[3,4,5,6,7,8,9,10,11],'min samples split':[2,3,4,5,6],'class weight'
grid1 = GridSearchCV(estimator=modeloDTC_iter,
                    param grid=dicc grid,
                    cv=cvSVM,
                    scoring='accuracy',
                    n jobs=-1,
                    error_score='raise')
```

Corremos el grid search:

```
grid1.fit(Xtv_num, np.ravel(ytv_num))
print('Mejor valor de accuracy obtenido con la mejor combinación:', grid1.best score )
print('Mejor combinación de valores encontrados de los hiperparámetros:', grid1.best params )
print('Métrica utilizada:', grid1.scoring)
print('Mejor Index:',grid1.best_index_)
grid splits.append(grid1)
     Mejor valor de accuracy obtenido con la mejor combinación: 0.9627560521415269
     Mejor combinación de valores encontrados de los hiperparámetros: {'ccp_alpha': 0.0001,
     Métrica utilizada: accuracy
     Mejor Index: 119
```

Observamos un accuracy del 96.27% máximo con los hiper parámetros. Ahora probamos el modelo con sus hiper parámetros para los datos de prueba:

```
model DTC num = DecisionTreeClassifier(**grid1.best params )
model DTC num.fit(Xtv num, ytv num)
#realizamos las predicciones
yhat num = model DTC num.predict(Xtest num)
score_list.append(get_scores(ytest_num,yhat_num, 'DTC num'))
     Accuracy: 0.9622641509433962
     f1 score: 0.9622641509433962
     Precision: 0.9622641509433962
     Recall: 0.9622641509433962
```

Donde observamos que accuracy disminuye cerca de 0.05%. Lo que sugiere que el modelo está prediciendo bien. Es un valor muy aceptable.

Random Forest variables numéricas de calidad de entrada:

Comenzamos viendo la curva de aprendizaje para el parámetro de max_depth:

```
#obtenemos el modelo y los parametros de cross validation
modeloVC = RandomForestClassifier()
cvVC = RepeatedStratifiedKFold(n splits=5, n repeats=3, random state=1)
delta max depth = np.linspace(1, 20, 20)
train scores, valid scores = validation curve(modeloVC,
                                              Xtv num,
                                              np.ravel(ytv_num),
                                              param name="max depth",
                                              param_range=delta_max_depth,
                                              cv=cvVC,
                                              scoring='accuracy')
train mean = np.mean(train scores, axis=1)
train_std = np.std(train_scores, axis=1)
valid mean = np.mean(valid scores, axis=1)
valid std = np.std(valid scores, axis=1)
# Curva de entrenamiento con la métrica de exactitud (accuracy):
plt.plot(delta_max_depth, train_mean, color='blue', marker='o', markersize=5, label='Training
# Curva de validación:
plt.plot(delta max depth, valid mean, color='red', marker='o', markersize=5, label='Validatio
plt.title('Función validation_curve() para Random Forest')
plt.xlabel('Valores del parámetro max depth')
plt.ylabel('Accuracy')
plt.grid(b=True)
plt.legend(loc='lower right')
plt.show()
```



vaiores dei parametro max_deptri

Y observamos que después de max_depth=11, se alcanza un punto alto, y ya no existen cambios significativos para las curvas de training o validación, así como que previo a 4 la métrica de accuracy aún sigue pudiendo subir. Por lo que nos quedamos con un mínimo de 4 y un máximo de 11 para el gridsearch de este parámetro:

```
#obtenemos el modelo y los parámetros
modeloRFC iter = RandomForestClassifier()
cvSVM = RepeatedStratifiedKFold(n_splits=5, n_repeats=3, random_state=1)
dicc grid = [{'ccp alpha':[0.0001,0.01,0.1,1.0,10.,100],'criterion':['gini','entropy'],
             'max_depth':[4,5,6,7,8,9,10,11], 'min_samples_split':[2,3,4,5,6], 'class_weight':[
grid2 = GridSearchCV(estimator=modeloDTC_iter,
                    param grid=dicc grid,
                    cv=cvSVM,
                    scoring='accuracy',
                    n jobs=-1,
                    error_score='raise')
```

Corremos el grid search:

```
grid2.fit(Xtv num, np.ravel(ytv num))
print('Mejor valor de accuracy obtenido con la mejor combinación:', grid2.best score )
print('Mejor combinación de valores encontrados de los hiperparámetros:', grid2.best params )
print('Métrica utilizada:', grid2.scoring)
print('Mejor Index:',grid2.best index )
grid_splits.append(grid2)
     Mejor valor de accuracy obtenido con la mejor combinación: 0.9616387337057727
     Mejor combinación de valores encontrados de los hiperparámetros: {'ccp_alpha': 0.0001,
     Métrica utilizada: accuracy
     Mejor Index: 115
```

Observamos un accuracy del 96.16% máximo con los hiper parámetros. Ahora probamos el modelo con sus hiper parámetros para los datos de prueba:

```
model RFC num = RandomForestClassifier(**grid2.best params )
model_RFC_num.fit(Xtv_num, np.ravel(ytv_num))
yhat num = model RFC num.predict(Xtest num)
score list.append(get scores(ytest num, yhat num, 'RFC num'))
     Accuracy: 0.9811320754716981
     f1 score: 0.9811320754716981
     Precision: 0.9811320754716981
     Recall: 0.9811320754716981
```

Donde observamos que accuracy aumenta cerca de 1.8%. Lo cual es muy buena indicación de que está generalizando correctamente.

Comenzamos con variables categóricas:

Particionamos los datos:

```
Xtv_cat, Xtest_cat, ytv_cat, ytest_cat = train_test_split(X_cat, Y, test_size=0.15, stratify=
print(Xtv cat.shape, ': dimensión de datos de entrada de entrenamiento y validación')
print(Xtest cat.shape, ': dimensión de datos de entrada de prueba')
print(ytv_cat.shape, ': dimensión de variable de salida para entrenamiento y validación')
print(ytest cat.shape, ': dimensión de variable de salida para prueba')
     (895, 12) : dimensión de datos de entrada de entrenamiento y validación
     (159, 12) : dimensión de datos de entrada de prueba
     (895, 1) : dimensión de variable de salida para entrenamiento y validación
     (159, 1) : dimensión de variable de salida para prueba
```

Decision Tree variables categóricas de calidad de entrada:

Comenzamos viendo la curva de aprendizaje para el parámetro de max_depth:

```
#obtenemos el modelo y los parametros de cross validation
modeloVC = DecisionTreeClassifier()
cvVC = RepeatedStratifiedKFold(n splits=5, n repeats=3, random state=1)
delta max depth = np.linspace(1, 20, 20)
train scores, valid scores = validation curve(modeloVC,
                                              Xtv cat,
                                              np.ravel(ytv_cat),
```

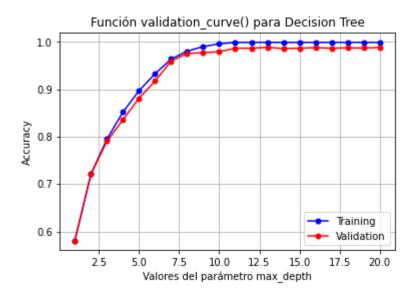
```
param_name="max_depth",
param_range=delta_max_depth,
cv=cvVC,
scoring='accuracy')
```

```
train_mean = np.mean(train_scores, axis=1)
train_std = np.std(train_scores, axis=1)
valid_mean = np.mean(valid_scores, axis=1)
valid_std = np.std(valid_scores, axis=1)

# Curva de entrenamiento con la métrica de exactitud (accuracy):
plt.plot(delta_max_depth, train_mean, color='blue', marker='o', markersize=5, label='Training

# Curva de validación:
plt.plot(delta_max_depth, valid_mean, color='red', marker='o', markersize=5, label='Validatio

plt.title('Función validation_curve() para Decision Tree')
plt.xlabel('Valores del parámetro max_depth')
plt.ylabel('Accuracy')
plt.grid(b=True)
plt.legend(loc='lower right')
plt.show()
```



Y observamos que después de max_depth 10 ya no existen cambios significativos para las curvas de training o validación, así que nos quedamos con un máximo de 10 para el gridsearch para este parámetro:

```
grid3 = GridSearchCV(estimator=modeloDTC iter,
                    param_grid=dicc_grid,
                    cv=cvSVM,
                    scoring='accuracy',
                    n jobs=-1,
                    error score='raise')
```

Corremos el grid search:

```
grid3.fit(Xtv_cat, np.ravel(ytv_cat))
print('Mejor valor de accuracy obtenido con la mejor combinación:', grid3.best_score_)
print('Mejor combinación de valores encontrados de los hiperparámetros:', grid3.best params )
print('Métrica utilizada:', grid3.scoring)
print('Mejor Index:',grid3.best_index_)
grid_splits.append(grid3)
     Mejor valor de accuracy obtenido con la mejor combinación: 0.980633147113594
     Mejor combinación de valores encontrados de los hiperparámetros: {'ccp alpha': 0.0001,
     Métrica utilizada: accuracy
     Mejor Index: 198
```

Observamos un accuracy del 98.06% con los hiper parámetros. Ahora probamos el modelo con sus hiper parámetros para los datos de prueba:

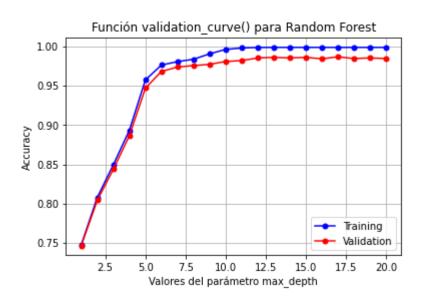
```
model DTC cat = DecisionTreeClassifier(**grid3.best params )
model_DTC_cat.fit(Xtv_cat, np.ravel(ytv_cat))
yhat cat = model DTC cat.predict(Xtest cat)
score_list.append(get_scores(ytest_cat,yhat_cat, 'DTC cat'))
     Accuracy: 0.9937106918238994
     f1 score: 0.9937106918238994
     Precision: 0.9937106918238994
     Recall: 0.9937106918238994
```

Donde observamos que accuracy incrementa a 99.37%. Lo cual es muy buena indicación de que está generalizando correctamente.

Random Forest variables categóricas de calidad de entrada:

Comenzamos viendo la curva de aprendizaje para el parámetro de max_depth:

```
#obtenemos el modelo y los parametros de cross validation
modeloVC = RandomForestClassifier()
cvVC = RepeatedStratifiedKFold(n splits=5, n repeats=3, random state=1)
delta max depth = np.linspace(1, 20, 20)
train scores, valid scores = validation curve(modeloVC,
                                              Xtv cat,
                                              np.ravel(ytv_cat),
                                              param name="max depth",
                                              param_range=delta_max_depth,
                                              cv=cvVC,
                                              scoring='accuracy')
train_mean = np.mean(train_scores, axis=1)
train std = np.std(train scores, axis=1)
valid mean = np.mean(valid scores, axis=1)
valid_std = np.std(valid_scores, axis=1)
# Curva de entrenamiento con la métrica de exactitud (accuracy):
plt.plot(delta max depth, train mean, color='blue', marker='o', markersize=5, label='Training
# Curva de validación:
plt.plot(delta max depth, valid mean, color='red', marker='o', markersize=5, label='Validatio
plt.title('Función validation curve() para Random Forest')
plt.xlabel('Valores del parámetro max depth')
plt.ylabel('Accuracy')
plt.grid(b=True)
plt.legend(loc='lower right')
plt.show()
```



Y observamos que después de max_depth 10 ya no existen cambios significativos para las curvas de training o validación, así como que previo a 4 la métrica de accuracy aún sigue pudiendo subir. Por lo que nos quedamos con un mínimo de 4 y un máximo de 10 para el gridsearch de este parámetro:

```
#obtenemos el modelo y los parámetros
modeloRFC iter = RandomForestClassifier()
cvSVM = RepeatedStratifiedKFold(n splits=5, n repeats=3, random state=1)
dicc_grid = [{'ccp_alpha':[0.0001,0.01,0.1,1.0,10.,100],'criterion':['gini','entropy'],
             'max depth':[4,5,6,7,8,9,10],'min samples split':[2,3,4,5,6],'class weight':['ba
grid4 = GridSearchCV(estimator=modeloDTC iter,
                    param_grid=dicc_grid,
                    cv=cvSVM,
                    scoring='accuracy',
                    n jobs=-1,
                    error score='raise')
```

Corremos el grid search:

```
grid4.fit(Xtv_cat, np.ravel(ytv_cat))
print('Mejor valor de accuracy obtenido con la mejor combinación:', grid4.best_score_)
print('Mejor combinación de valores encontrados de los hiperparámetros:', grid4.best params )
print('Métrica utilizada:', grid4.scoring)
print('Mejor Index:',grid4.best_index_)
grid_splits.append(grid4)
     Mejor valor de accuracy obtenido con la mejor combinación: 0.9810055865921787
     Mejor combinación de valores encontrados de los hiperparámetros: {'ccp alpha': 0.0001,
     Métrica utilizada: accuracy
     Mejor Index: 103
```

Observamos un accuracy del 98.10% máximo con los hiper parámetros. Ahora probamos el modelo con sus hiper parámetros para los datos de prueba:

```
model_RFC_cat = RandomForestClassifier(**grid4.best_params_)
model_RFC_cat.fit(Xtv_cat, np.ravel(ytv_cat))
#realizamos las predicciones
yhat cat = model RFC cat.predict(Xtest cat)
```

```
score list.append(get scores(ytest cat, yhat cat, 'RFC cat'))
     Accuracy: 0.9937106918238994
     f1 score: 0.9937106918238994
     Precision: 0.9937106918238994
     Recall: 0.9937106918238994
```

Donde observamos que accuracy incrementa a 99.37%. Lo cual es muy buena indicación de que está generalizando perfectamente.

▼ Explora que clasificador es el más optimo, ejemplo:

Obtenemos los resultados de cada split del cross validation hecho en cada gridsearch:

```
tot_resultados_cv = list()
for grid in grid splits:
 indx = grid.best_index_
 resultados cv = list()
 for i in range(15):
   resultados_cv.append(grid.cv_results_['split' + str(i) + '_test_score'][indx])
 tot_resultados_cv.append(resultados_cv)
```

Generamos una lista con los nombres de cada modelo:

```
scores = list()
for scor in score list:
  scores.append(scor[0])
```

Visualizamos en boxplots la distribución de los resultados de accuracy para cada modelo:

```
sns.set(rc={'figure.figsize':(8,4)})
plt.boxplot(tot_resultados_cv, labels=scores, showmeans=True)
plt.show()
```



Donde observamos que los resultados con menos varianza para cada split, son los de los modelos categóricos. Así mismo, el promedio más alto es también para los categóricos. Por lo que nos quedamos con el modelo de Random Forest con variables categóricas de calidad, ya que entre los dos modelos con variables categóricas, es el que arroja mejores resultados para los datos de prueba:

```
best_RFC_model = RandomForestClassifier(**grid4.best_params_)
best_RFC_model.fit(Xtv_cat, np.ravel(ytv_cat))
yhat = best_RFC_model.predict(Xtest_cat)
print('Accuracy:',accuracy_score(ytest_cat,yhat))
print('F1-score:',f1 score(ytest cat,yhat,average='micro'))
print('Precision:',precision score(ytest cat,yhat,average='micro'))
print('Recall:',recall_score(ytest_cat,yhat,average='micro'))
     Accuracy: 1.0
     F1-score: 1.0
     Precision: 1.0
     Recall: 1.0
```

Un 100% en todas las métricas.

Determina el grado de exactitud a través del reporte de clasificación y análisis de la gráfica de Precision Recall.

Reporte de clasificacion:

```
target_names = ['Verde', 'Amarillo', 'Rojo']
print(classification_report(ytest_cat, yhat, target_names=target_names))
```

	precision	recall	f1-score	support
Verde	1.00	1.00	1.00	64
Amarillo	1.00	1.00	1.00	37
Rojo	1.00	1.00	1.00	58
accuracy			1.00	159
macro avg	1.00	1.00	1.00	159
weighted avg	1.00	1.00	1.00	159

Validamos que tenemos un 100% de exactitud

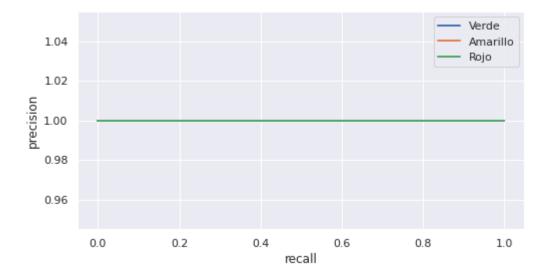
Grafica de Precision-Recall

Aplicamos one-hot encoder a los datos de Y de prueba, así como a las predicciones. Ya que es necesario hacer una curva para cada clase

```
Y_ohe = OneHotEncoder()
Y_fitted = Y_ohe.fit(Y)
y_test_multicolum = Y_fitted.transform(ytest_cat).toarray()
y_hat_multicolum = Y_fitted.transform(pd.DataFrame(yhat,columns=['SEMAFORO'])).toarray()
```

Generamos las curvas de precision vs. recall de cada clase:

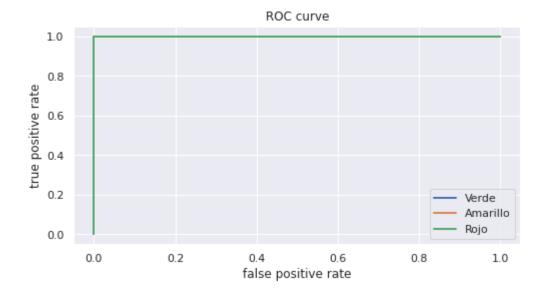
```
precision = dict()
recall = dict()
clases = ['Verde', 'Amarillo', 'Rojo']
for i in range(3):
    precision[i], recall[i], _ = precision_recall_curve(y_test_multicolum[:, i],
                                                         y_hat_multicolum[:, i])
    plt.plot(recall[i], precision[i], lw=2, label=clases[i])
plt.xlabel("recall")
plt.ylabel("precision")
plt.legend(loc="best")
plt.show()
```



Observamos una exactitud del 100% para cada clase con los datos de prueba.

Generamos como complemento una curva de ROC para cada clase:

```
fpr = dict()
tpr = dict()
for i in range(3):
    fpr[i], tpr[i], _ = roc_curve(y_test_multicolum[:, i],
                                  y hat multicolum[:, i])
    plt.plot(fpr[i], tpr[i], lw=2, label=clases[i])
plt.xlabel("false positive rate")
plt.ylabel("true positive rate")
plt.legend(loc="best")
plt.title("ROC curve")
plt.show()
```



Donde igual obtenemos un 100% de area bajo la curva.

Visualiza los resultados del modelo o las predicciones a través de una matriz de confusión.

Generamos la matriz de confusión:

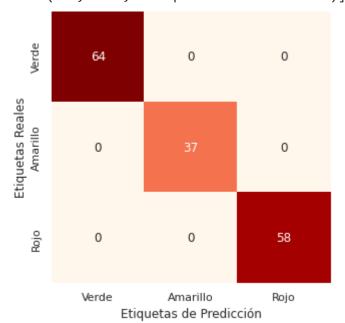
```
cm = confusion matrix(ytest cat, yhat)
```

La visualizamos:

```
df_cm = pd.DataFrame(cm, index = ['Verde', 'Amarillo', 'Rojo'], columns = ['Verde', 'Amarillo', '
plt.figure(figsize = (5,5))
```

```
ax = sns.heatmap(df_cm, annot=True, cmap='OrRd', cbar=False)
ax.set(ylabel="Etiquetas Reales", xlabel="Etiquetas de Predicción")
```

[Text(21.49999999999996, 0.5, 'Etiquetas Reales'), Text(0.5, 21.5, 'Etiquetas de Predicción')]



Y encontramos que el modelo consiguió predecir con un 100% de exactitud los datos de prueba. Lo cual nos dice que nuestro modelo generaliza y predice correctamente.

- AGUAS SUPERFICIALES

```
url = 'https://github.com/PosgradoMNA/actividades-del-projecto-equipo-52/blob/main/aguas_supe
data_asp = pd.read_csv(url,sep=",")
print(data asp.shape)
data_asp.head()
```

(3479, 35)

LONGITUD LATITUD ORGANISMO DE CUENCA SUBTIPO GRUPO DBO mg/L DQO mg CLAVE

Selecciona tus variables independientes X y dependiente Y (semáforo)

```
I DEDUTO - 103.04230 22.30470
                                                         10.0
                                                                                         1.0000
Separamos las columnas en base a su tipo de variable:
      3 DLBAJ102 -109.88604 22.89609
                                                        10.0
                                                                  2.0
                                                                          0.0
                                                                              1.000000
                                                                                        1.0000
#definimos variables numéricas
num nom geo = ['LONGITUD','LATITUD']
num_nom_cal = ['DBO_mg/L','DQO_mg/L','SST_mg/L','COLI_FEC_NMP_100mL','E_COLI_NMP_100mL','ENTE
              'OD_PORC_MED','OD_PORC_FON','TOX_D_48_UT','TOX_V_15_UT','TOX_D_48_SUP_UT','TOX_
#definimos variables categóricas
cat nom = ['ORGANISMO DE CUENCA', 'SUBTIPO', 'GRUPO']
cat_nom_cal = ['CALIDAD_DBO', 'CALIDAD_DQO', 'CALIDAD_SST', 'CALIDAD_COLI_FEC', 'CALIDAD_E_COLI',
               'CALIDAD OD PORC MED','CALIDAD OD PORC FON','CALIDAD TOX D 48','CALIDAD TOX V
#VARIABLE CATEGORICA DE SALIDA Y
y_nom = ['SEMAFORO']
```

Generamos los datos en Y, y dos tipos de X. Una donde se utilizarán los datos numéricos de calidad, y otra donde se utilizarán los datos categóricos de calidad. Utilizar las variables numéricas y categorías de calidad, donde las categóricas son dependientes de las numéricas, puede afectar la correlación entre variables y eventualmente el modelo.

```
Y = data_asp[['SEMAFORO']]
X_num = data_asp[num_nom_geo + cat_nom + num_nom_cal]
X cat = data asp[num nom geo + cat nom + cat nom cal]
```

Cambia a label encoding el semáforo, ej, de ["clase 1", "clase 2", "clase 3"] a [1,2,3]

Previamente en la parte 1 del reto ya se cambiaron los valores del semáforo a 1:verde, 2:amarillo, 3:rojo

```
Y.value_counts()
     SEMAFORO
     1
                  1259
     2
                  1129
```

1091 dtvno. int6/

Realiza un análisis general de las features importances a traves de decision trees o random forest.

Definimos modelos a usar:

```
def get_models():
 modelos = list()
  nombres = list()
 modelos.append(DecisionTreeClassifier())
  nombres.append('DTC')
 modelos.append(RandomForestClassifier())
  nombres.append('RFC')
  return modelos, nombres
```

Obtenemos los feature importance con variables de calidad numéricas:

```
modelos, nombres = get models()
for m in range(len(modelos)):
 modelos[m].fit(X_num, np.ravel(Y))
 importance = permutation_importance(modelos[m], X_num, Y, n_repeats=10)
 print('\033[1m' + nombres[m] + '\033[0m')
 for i,v in enumerate(importance['importances_mean']):
   print(X_num.columns[i]+':', v.round(3))
 f = plt.figure()
 plt.bar(X_num.columns, importance['importances_mean'])
 plt.xticks(rotation='vertical')
 plt.show()
```

DTC

LONGITUD: 0.0 LATITUD: 0.005

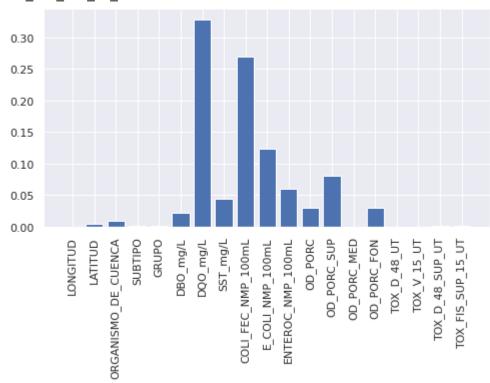
ORGANISMO DE CUENCA: 0.009

SUBTIPO: 0.001 GRUPO: 0.001 DBO mg/L: 0.022 DQO_mg/L: 0.329 SST mg/L: 0.045

COLI_FEC_NMP_100mL: 0.27 E COLI NMP 100mL: 0.124 ENTEROC NMP 100mL: 0.06

OD PORC: 0.029 OD PORC SUP: 0.081 OD PORC MED: 0.0 OD_PORC_FON: 0.03 TOX D 48 UT: 0.0 TOX_V_15_UT: 0.0

TOX_D_48_SUP_UT: 0.001 TOX FIS SUP 15 UT: 0.001



RFC

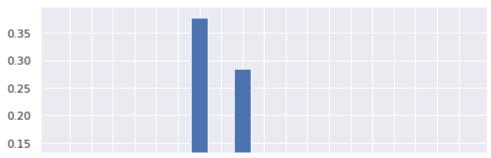
LONGITUD: 0.002 LATITUD: 0.001

ORGANISMO_DE_CUENCA: 0.0

SUBTIPO: 0.001 GRUPO: 0.002 DBO_mg/L: 0.002 DQO mg/L: 0.378 SST_mg/L: 0.033

COLI_FEC_NMP_100mL: 0.285 E COLI NMP 100mL: 0.009 ENTEROC_NMP_100mL: 0.056

OD PORC: 0.004 OD PORC SUP: 0.014 OD PORC MED: 0.0 OD PORC FON: 0.008 TOX D 48 UT: 0.0 TOX V 15 UT: 0.0 TOX D 48 SUP UT: 0.001 TOX FIS SUP 15 UT: 0.0



Y donde observamos que las variables de ubicación geográfica, así como organismo de cuenca, subtipo y grupo no tienen una importancia significativa. Mientras que las de calidad, son algunas las que dan la mayor importancia. Pero vemos que OD_PORC_MED, TOX_D_48_UT, TOX_V_15_UT, TOX_D_48_SUP_UT, y TOX_FIS_SUP_15_UT no tienen efecto alguno.

Obtenemos los feature importance con las variables de calidad categóricas:

```
E 0 E
modelos, nombres = get models()
for m in range(len(modelos)):
 modelos[m].fit(X cat, np.ravel(Y))
 importance = permutation_importance(modelos[m], X_cat, Y, n_repeats=10)
 print('\033[1m' + nombres[m] + '\033[0m')
 for i,v in enumerate(importance['importances mean']):
   print(X_cat.columns[i]+':', v.round(3))
 f = plt.figure()
 plt.bar(X cat.columns, importance['importances mean'])
 plt.xticks(rotation='vertical')
 plt.show()
```

DTC

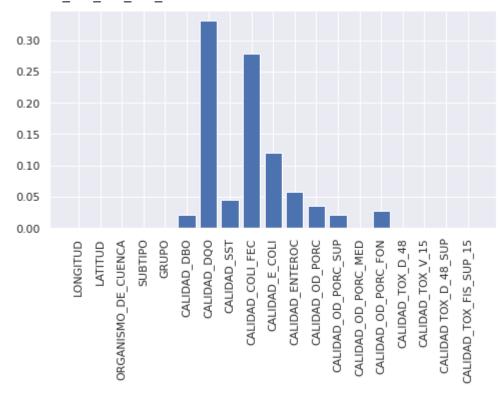
LONGITUD: 0.0 LATITUD: 0.0

ORGANISMO_DE_CUENCA: 0.0

SUBTIPO: 0.0 GRUPO: 0.0

CALIDAD DBO: 0.021 CALIDAD_DQO: 0.332 CALIDAD SST: 0.046 CALIDAD_COLI_FEC: 0.279 CALIDAD E COLI: 0.12 CALIDAD ENTEROC: 0.058 CALIDAD_OD_PORC: 0.036 CALIDAD OD PORC SUP: 0.021 CALIDAD OD PORC MED: 0.0 CALIDAD_OD_PORC_FON: 0.027 CALIDAD TOX D 48: 0.0

CALIDAD_TOX_V_15: 0.0 CALIDAD TOX_D_48_SUP: 0.001 CALIDAD TOX FIS SUP 15: 0.001



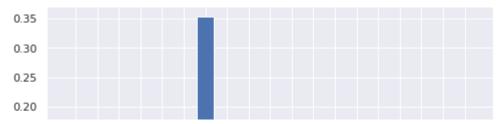
RFC

LONGITUD: 0.0 LATITUD: 0.0

ORGANISMO_DE_CUENCA: 0.0

SUBTIPO: 0.0 GRUPO: 0.0

CALIDAD DBO: 0.002 CALIDAD_DQO: 0.353 CALIDAD SST: 0.039 CALIDAD_COLI_FEC: 0.132 CALIDAD E COLI: 0.024 CALIDAD ENTEROC: 0.053 CALIDAD OD PORC: 0.011 CALIDAD OD PORC SUP: 0.019 CALIDAD OD PORC MED: 0.0 CALIDAD OD PORC FON: 0.024 CALIDAD TOX D 48: 0.0 CALIDAD TOX V 15: 0.0 CALIDAD TOX D 48 SUP: 0.001 CALIDAD TOX FIS SUP 15: 0.0



Y donde observamos que las variables de ubicación geográfica, así como organismo de cuenca, subtipo y grupo no tienen una importancia significativa. Mientras que las de calidad, son algunas las que dan la mayor importancia. Pero vemos que CALIDAD_OD_PORC_MED, CALIDAD_TOX_D_48, CALIDAD_TOX_V_15, TOX_D_48_SUP, y CALIDAD_TOX_FIS_SUP_15 no tienen efecto alguno.

Selecciona las variables de mayor importancia.

Removemos de nuestras listas de columnas las variables que no tienen feature importance

Generamos nuevas dataframes con las columnas a utilizar:

```
X_num = data_asp[num_nom_cal]
X cat = data asp[cat nom cal]
```

Realiza tu clasificador, recuerda dividir los datos de manera balanceada (auxiliate de train test split)

Comenzamos con variables numéricas:

```
score list = list()
grid_splits = list()
```

```
def get scores(yreal, ypred, model, aver='micro'):
 temp list = list()
 temp list.append(model)
 accu = accuracy_score(yreal,ypred)
 f1 = f1 score(yreal,ypred,average=aver)
  precision = precision score(yreal,ypred,average=aver)
 recall = recall_score(yreal,ypred,average=aver)
 temp list.append(accu)
 temp list.append(f1)
 temp list.append(precision)
 temp list.append(recall)
 print('Accuracy:', accu)
 print('f1_score:', f1)
 print('Precision:', precision)
 print('Recall:', recall)
 return temp list
```

Sabemos de la parte 1 que las clases de salida tienen diferentes proporciones, por lo que utilizamos el parámetro stratify:

```
Xtv num, Xtest num, ytv num, ytest num = train test split(X num, Y, test size=0.15, stratify=
print(Xtv_num.shape, ': dimensión de datos de entrada de entrenamiento y validación')
print(Xtest num.shape, ': dimensión de datos de entrada de prueba')
print(ytv num.shape, ': dimensión de variable de salida para entrenamiento y validación')
print(ytest_num.shape, ': dimensión de variable de salida para prueba')
     (2957, 9) : dimensión de datos de entrada de entrenamiento y validación
     (522, 9) : dimensión de datos de entrada de prueba
     (2957, 1) : dimensión de variable de salida para entrenamiento y validación
     (522, 1) : dimensión de variable de salida para prueba
```

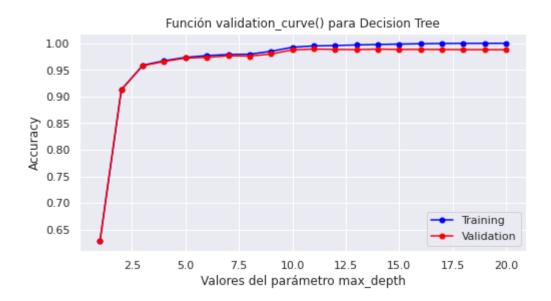
Decision Tree variables numéricas de calidad de entrada:

Comenzamos viendo la curva de aprendizaje para el parámetro de max_depth:

```
#obtenemos el modelo y los parametros de cross validation
modeloVC = DecisionTreeClassifier()
cvVC = RepeatedStratifiedKFold(n_splits=5, n_repeats=3, random_state=1)
delta max depth = np.linspace(1, 20, 20)
train scores, valid scores = validation curve(modeloVC,
                                              Xtv_num,
                                              np.ravel(ytv num),
```

```
param name="max depth",
param range=delta max depth,
cv=cvVC,
scoring='accuracy')
```

```
train mean = np.mean(train scores, axis=1)
train std = np.std(train scores, axis=1)
valid_mean = np.mean(valid_scores, axis=1)
valid std = np.std(valid scores, axis=1)
# Curva de entrenamiento con la métrica de exactitud (accuracy):
plt.plot(delta max depth, train mean, color='blue', marker='o', markersize=5, label='Training
# Curva de validación:
plt.plot(delta_max_depth, valid_mean, color='red', marker='o', markersize=5, label='Validatio
plt.title('Función validation_curve() para Decision Tree')
plt.xlabel('Valores del parámetro max depth')
plt.ylabel('Accuracy')
plt.grid(b=True)
plt.legend(loc='lower right')
plt.show()
```



Y observamos que después de max_depth 10 ya no existen cambios significativos para las curvas de training o validación, así que nos quedamos minimo de 2, ya que con ello estamos por arriba del 90% y con un máximo de 10 para el gridsearch para este parámetro:

```
#obtenemos el modelo y los parámetros
modeloDTC iter = DecisionTreeClassifier()
cvSVM = RepeatedStratifiedKFold(n_splits=5, n_repeats=3, random_state=1)
dicc grid = [{'ccp alpha':[0.0001,0.01,0.1,1.0,10.,100],'criterion':['gini','entropy'],
```

```
'max_depth':[2,3,4,5,6,7,8,9,10], 'min_samples_split':[2,3,4,5,6], 'class_weight':
grid1 = GridSearchCV(estimator=modeloDTC_iter,
                    param grid=dicc grid,
                    cv=cvSVM,
                    scoring='accuracy',
                    n jobs=-1,
                    error_score='raise')
```

Corremos el grid search:

```
grid1.fit(Xtv num, np.ravel(ytv num))
print('Mejor valor de accuracy obtenido con la mejor combinación:', grid1.best_score_)
print('Mejor combinación de valores encontrados de los hiperparámetros:', grid1.best params )
print('Métrica utilizada:', grid1.scoring)
print('Mejor Index:',grid1.best_index_)
grid_splits.append(grid1)
     Mejor valor de accuracy obtenido con la mejor combinación: 0.9897415816832059
     Mejor combinación de valores encontrados de los hiperparámetros: {'ccp alpha': 0.0001,
     Métrica utilizada: accuracy
     Mejor Index: 40
```

Observamos un accuracy del 98.97% máximo con los hiper parámetros. Ahora probamos el modelo con sus hiper parámetros para los datos de prueba:

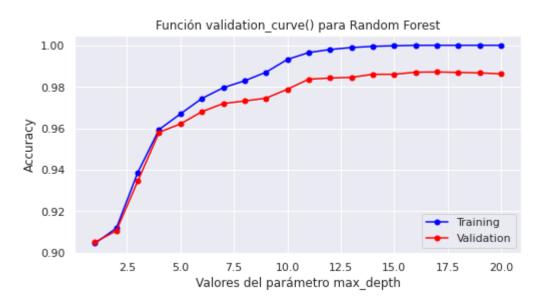
```
model DTC num = DecisionTreeClassifier(**grid1.best params )
model_DTC_num.fit(Xtv_num, ytv_num)
#realizamos las predicciones
yhat_num = model_DTC_num.predict(Xtest_num)
score list.append(get scores(ytest num, yhat num, 'DTC num'))
     Accuracy: 0.9885057471264368
     f1 score: 0.9885057471264368
     Precision: 0.9885057471264368
     Recall: 0.9885057471264368
```

Donde observamos que accuracy disminuye una muy pequeña cantidad. Lo que sugiere que el modelo practicamente esta prediciendo bien. Es un valor muy aceptable.

Random Forest variables numéricas de calidad de entrada:

Comenzamos viendo la curva de aprendizaje para el parámetro de max_depth:

```
#obtenemos el modelo y los parametros de cross validation
modeloVC = RandomForestClassifier()
cvVC = RepeatedStratifiedKFold(n splits=5, n repeats=3, random state=1)
delta max depth = np.linspace(1, 20, 20)
train scores, valid scores = validation curve(modeloVC,
                                              Xtv num,
                                              np.ravel(ytv_num),
                                              param name="max depth",
                                              param range=delta max depth,
                                              cv=cvVC,
                                              scoring='accuracy')
train_mean = np.mean(train_scores, axis=1)
train std = np.std(train scores, axis=1)
valid mean = np.mean(valid scores, axis=1)
valid_std = np.std(valid_scores, axis=1)
# Curva de entrenamiento con la métrica de exactitud (accuracy):
plt.plot(delta max depth, train mean, color='blue', marker='o', markersize=5, label='Training
# Curva de validación:
plt.plot(delta max depth, valid mean, color='red', marker='o', markersize=5, label='Validatio
plt.title('Función validation curve() para Random Forest')
plt.xlabel('Valores del parámetro max depth')
plt.ylabel('Accuracy')
plt.grid(b=True)
plt.legend(loc='lower right')
plt.show()
```



Y observamos que después de max_depth 12 ya no existen cambios significativos para las curvas de training o validación, así como que previo a 4 la métrica de accuracy aún sigue pudiendo subir. Por lo que nos quedamos con un mínimo de 4 y un máximo de 12 para el gridsearch de este parámetro:

```
#obtenemos el modelo y los parámetros
modeloRFC iter = RandomForestClassifier()
cvSVM = RepeatedStratifiedKFold(n splits=5, n repeats=3, random state=1)
dicc_grid = [{'ccp_alpha':[0.0001,0.01,0.1,1.0,10.,100],'criterion':['gini','entropy'],
             'max depth':[4,5,6,7,8,9,10,11,12],'min samples split':[2,3,4,5,6],'class weight
grid2 = GridSearchCV(estimator=modeloDTC iter,
                    param_grid=dicc_grid,
                    cv=cvSVM,
                    scoring='accuracy',
                    n jobs=-1,
                    error score='raise')
```

Corremos el grid search:

```
grid2.fit(Xtv_num, np.ravel(ytv_num))
print('Mejor valor de accuracy obtenido con la mejor combinación:', grid2.best_score_)
print('Mejor combinación de valores encontrados de los hiperparámetros:', grid2.best params )
print('Métrica utilizada:', grid2.scoring)
print('Mejor Index:',grid2.best_index_)
grid_splits.append(grid2)
     Mejor valor de accuracy obtenido con la mejor combinación: 0.9897415816832059
     Mejor combinación de valores encontrados de los hiperparámetros: {'ccp alpha': 0.0001,
     Métrica utilizada: accuracy
     Mejor Index: 38
```

Observamos un accuracy del 98.97% máximo con los hiper parámetros. Ahora probamos el modelo con sus hiper parámetros para los datos de prueba:

```
model_RFC_num = RandomForestClassifier(**grid2.best_params_)
model_RFC_num.fit(Xtv_num, np.ravel(ytv_num))
yhat_num = model_RFC_num.predict(Xtest_num)
score_list.append(get_scores(ytest_num,yhat_num, 'RFC num'))
```

Accuracy: 0.9827586206896551 f1 score: 0.9827586206896551 Precision: 0.9827586206896551 Recall: 0.9827586206896551

Donde observamos que el accuracy disminuye 0.7% aproximadamente con los datos de prueba. Lo cual indica que está prediciendo bien, quizás un muy pequeño sobreentrenamiento, pero muy dentro de valores aceptables.

Comenzamos con variables categóricas:

Particionamos los datos:

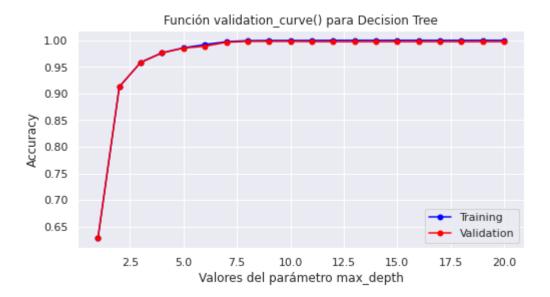
```
Xtv_cat, Xtest_cat, ytv_cat, ytest_cat = train_test_split(X_cat, Y, test_size=0.15, stratify=
print(Xtv_cat.shape, ': dimensión de datos de entrada de entrenamiento y validación')
print(Xtest_cat.shape, ': dimensión de datos de entrada de prueba')
print(ytv cat.shape, ': dimensión de variable de salida para entrenamiento y validación')
print(ytest cat.shape, ': dimensión de variable de salida para prueba')
     (2957, 9) : dimensión de datos de entrada de entrenamiento y validación
     (522, 9) : dimensión de datos de entrada de prueba
     (2957, 1) : dimensión de variable de salida para entrenamiento y validación
     (522, 1) : dimensión de variable de salida para prueba
```

Decision Tree variables categóricas de calidad de entrada:

Comenzamos viendo la curva de aprendizaje para el parámetro de max_depth:

```
#obtenemos el modelo y los parametros de cross validation
modeloVC = DecisionTreeClassifier()
cvVC = RepeatedStratifiedKFold(n_splits=5, n_repeats=3, random_state=1)
delta max depth = np.linspace(1, 20, 20)
train scores, valid scores = validation curve(modeloVC,
                                              Xtv_cat,
                                              np.ravel(ytv cat),
                                              param name="max depth",
                                              param range=delta max depth,
                                              cv=cvVC,
                                              scoring='accuracy')
train mean = np.mean(train scores, axis=1)
train std = np.std(train scores, axis=1)
valid mean = np.mean(valid scores, axis=1)
```

```
valid std = np.std(valid scores, axis=1)
# Curva de entrenamiento con la métrica de exactitud (accuracy):
plt.plot(delta_max_depth, train_mean, color='blue', marker='o', markersize=5, label='Training
# Curva de validación:
plt.plot(delta_max_depth, valid_mean, color='red', marker='o', markersize=5, label='Validatio
plt.title('Función validation_curve() para Decision Tree')
plt.xlabel('Valores del parámetro max depth')
plt.ylabel('Accuracy')
plt.grid(b=True)
plt.legend(loc='lower right')
plt.show()
```



Y observamos que después de max_depth=7 ya no existen cambios significativos para las curvas de training o validación, así que nos quedamos con un máximo de 7 para el gridsearch para este parámetro:

```
#obtenemos el modelo y los parámetros
modeloDTC iter = DecisionTreeClassifier()
cvSVM = RepeatedStratifiedKFold(n_splits=5, n_repeats=3, random_state=1)
dicc_grid = [{'ccp_alpha':[0.0001,0.01,0.1,1.0,10.,100],'criterion':['gini','entropy'],
             'max_depth':[1,2,3,4,5,6,7],'min_samples_split':[2,3,4,5,6],'class_weight':['bal
grid3 = GridSearchCV(estimator=modeloDTC_iter,
                    param_grid=dicc_grid,
                    cv=cvSVM,
                    scoring='accuracy',
                    n jobs=-1,
                    error score='raise')
```

Corremos el grid search:

```
grid3.fit(Xtv_cat, np.ravel(ytv_cat))
print('Mejor valor de accuracy obtenido con la mejor combinación:', grid3.best_score_)
print('Mejor combinación de valores encontrados de los hiperparámetros:', grid3.best params )
print('Métrica utilizada:', grid3.scoring)
print('Mejor Index:',grid3.best_index_)
grid_splits.append(grid3)
     Mejor valor de accuracy obtenido con la mejor combinación: 0.9962794012286398
     Mejor combinación de valores encontrados de los hiperparámetros: {'ccp alpha': 0.01, 'cl
     Métrica utilizada: accuracy
     Mejor Index: 205
```

Observamos un accuracy del 99.62% máximo con los hiper parámetros. Ahora probamos el modelo con sus hiper parámetros para los datos de prueba:

```
model DTC cat = DecisionTreeClassifier(**grid3.best params )
model_DTC_cat.fit(Xtv_cat, np.ravel(ytv_cat))
yhat cat = model DTC cat.predict(Xtest cat)
score list.append(get scores(ytest cat, yhat cat, 'DTC cat'))
     Accuracy: 0.9923371647509579
     f1 score: 0.9923371647509579
     Precision: 0.9923371647509579
     Recall: 0.9923371647509579
```

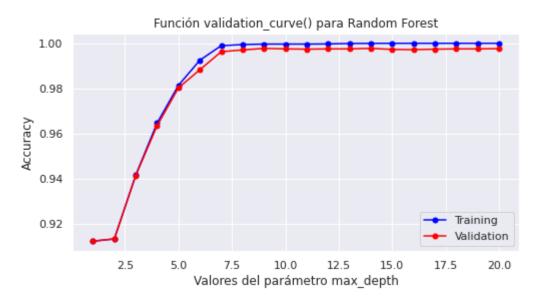
Donde observamos que el accuracy disminuye centésimas con los datos de prueba. Lo cual indica que el modelo está prediciendo bien.

Random Forest variables categóricas de calidad de entrada:

Comenzamos viendo la curva de aprendizaje para el parámetro de max_depth:

```
#obtenemos el modelo y los parametros de cross validation
modeloVC = RandomForestClassifier()
cvVC = RepeatedStratifiedKFold(n_splits=5, n_repeats=3, random_state=1)
delta max depth = np.linspace(1, 20, 20)
```

```
train scores, valid scores = validation curve(modeloVC,
                                              Xtv cat,
                                               np.ravel(ytv_cat),
                                               param_name="max_depth",
                                               param range=delta max depth,
                                               cv=cvVC,
                                               scoring='accuracy')
train_mean = np.mean(train_scores, axis=1)
train std = np.std(train scores, axis=1)
valid mean = np.mean(valid scores, axis=1)
valid_std = np.std(valid_scores, axis=1)
# Curva de entrenamiento con la métrica de exactitud (accuracy):
plt.plot(delta max depth, train mean, color='blue', marker='o', markersize=5, label='Training
# Curva de validación:
plt.plot(delta max depth, valid mean, color='red', marker='o', markersize=5, label='Validatio
plt.title('Función validation curve() para Random Forest')
plt.xlabel('Valores del parámetro max_depth')
plt.ylabel('Accuracy')
plt.grid(b=True)
plt.legend(loc='lower right')
plt.show()
```



Y observamos que después de max_depth 8 ya no existen cambios significativos para las curvas de training o validación, así como que previo a 4 la métrica de accuracy aún sigue pudiendo subir. Por lo que nos quedamos con un mínimo de 4 y un máximo de 8 para el gridsearch de este parámetro:

```
#obtenemos el modelo y los parámetros
modeloRFC iter = RandomForestClassifier()
cvSVM = RepeatedStratifiedKFold(n splits=5, n repeats=3, random state=1)
dicc_grid = [{'ccp_alpha':[0.0001,0.01,0.1,1.0,10.,100],'criterion':['gini','entropy'],
             'max depth':[4,5,6,7,8],'min samples split':[2,3,4,5,6],'class weight':['balance
grid4 = GridSearchCV(estimator=modeloDTC_iter,
                    param grid=dicc grid,
                    cv=cvSVM,
                    scoring='accuracy',
                    n jobs=-1,
                    error_score='raise')
```

Corremos el grid search:

```
grid4.fit(Xtv cat, np.ravel(ytv cat))
print('Mejor valor de accuracy obtenido con la mejor combinación:', grid4.best_score_)
print('Mejor combinación de valores encontrados de los hiperparámetros:', grid4.best params )
print('Métrica utilizada:', grid4.scoring)
print('Mejor Index:',grid4.best index )
grid_splits.append(grid4)
     Mejor valor de accuracy obtenido con la mejor combinación: 0.9979708769683387
     Mejor combinación de valores encontrados de los hiperparámetros: {'ccp alpha': 0.01, 'cl
     Métrica utilizada: accuracy
     Mejor Index: 145
```

Observamos un accuracy del 99.79% máximo con los hiper parámetros. Ahora probamos el modelo con sus hiper parámetros para los datos de prueba:

```
model RFC cat = RandomForestClassifier(**grid4.best params )
model_RFC_cat.fit(Xtv_cat, np.ravel(ytv_cat))
#realizamos las predicciones
yhat_cat = model_RFC_cat.predict(Xtest_cat)
score_list.append(get_scores(ytest_cat,yhat_cat, 'RFC cat'))
     Accuracy: 0.9961685823754789
     f1 score: 0.9961685823754789
     Precision: 0.9961685823754789
     Recall: 0.9961685823754789
```

Donde observamos que el accuracy disminuye aproximadamente en 0.18% con los datos de prueba. Lo cual indica que el modelo esta prediciendo bien.

Explora que clasificador es el más optimo, ejemplo:

Obtenemos los resultados de cada split del cross validation hecho en cada gridsearch:

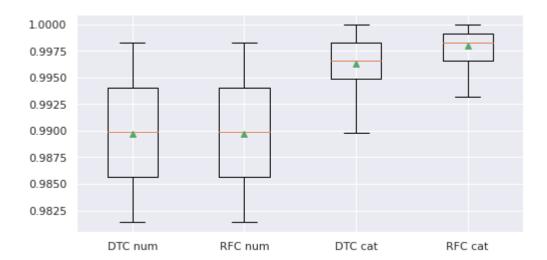
```
tot resultados cv = list()
for grid in grid_splits:
 indx = grid.best_index_
 resultados_cv = list()
 for i in range(15):
   resultados_cv.append(grid.cv_results_['split' + str(i) + '_test_score'][indx])
 tot_resultados_cv.append(resultados_cv)
```

Generamos una lista con los nombres de cada modelo:

```
scores = list()
for scor in score_list:
  scores.append(scor[0])
```

Visualizamos en boxplots la distribución de los resultados de accuracy para cada modelo:

```
sns.set(rc={'figure.figsize':(8,4)})
plt.boxplot(tot_resultados_cv, labels=scores, showmeans=True)
plt.show()
```



Donde observamos que los resultados con menos varianza para cada split, son los de los modelos categóricos. Así mismo, el promedio más alto es también para los categóricos. Por lo que nos quedamos con el modelo de Random Forest con variables categóricas de calidad, ya que entre los dos modelos con variables categóricas, es el que arroja mejores resultados para los datos de nrupha.

```
best_RFC_model = RandomForestClassifier(**grid4.best_params_)
best_RFC_model.fit(Xtv_cat, np.ravel(ytv_cat))
yhat = best RFC model.predict(Xtest cat)
print('Accuracy:',accuracy_score(ytest_cat,yhat))
print('F1-score:',f1 score(ytest cat,yhat,average='micro'))
print('Precision:',precision_score(ytest_cat,yhat,average='micro'))
print('Recall:',recall score(ytest cat,yhat,average='micro'))
     Accuracy: 0.9961685823754789
     F1-score: 0.9961685823754789
     Precision: 0.9961685823754789
     Recall: 0.9961685823754789
```

Un 99.62% en sus métricas.

Determina el grado de exactitud a través del reporte de clasificación y análisis de la gráfica de Precision Recall.

Reporte de clasificacion:

```
target_names = ['Verde', 'Amarillo', 'Rojo']
print(classification_report(ytest_cat, yhat, target_names=target_names))
```

	precision	recall	f1-score	support
Verde	0.99	1.00	1.00	189
Amarillo	0.99	1.00	1.00	169
Rojo	1.00	0.99	0.99	164
accuracy			1.00	522
macro avg	1.00	1.00	1.00	522
weighted avg	1.00	1.00	1.00	522

Validamos que tenemos un 100% de accuracy. Pero que para precision, recall, y f1-score obtenemos 99% en algunas clases.

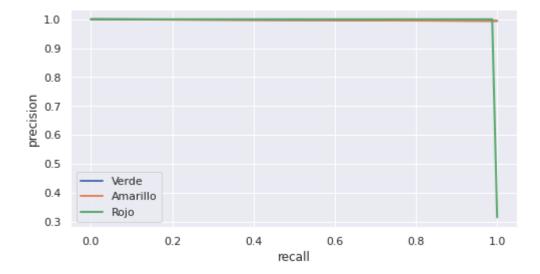
Grafica de Precision-Recall

Aplicamos one-hot encoder a los datos de Y de prueba, así como a las predicciones. Ya que es necesario hacer una curva para cada clase

```
Y_ohe = OneHotEncoder()
Y fitted = Y ohe.fit(Y)
y_test_multicolum = Y_fitted.transform(ytest_cat).toarray()
y_hat_multicolum = Y_fitted.transform(pd.DataFrame(yhat,columns=['SEMAFORO'])).toarray()
```

Generamos las curvas de precision vs. recall de cada clase:

```
precision = dict()
recall = dict()
clases = ['Verde', 'Amarillo', 'Rojo']
for i in range(3):
    precision[i], recall[i], _ = precision_recall_curve(y_test_multicolum[:, i],
                                                         y_hat_multicolum[:, i])
    plt.plot(recall[i], precision[i], lw=2, label=clases[i])
plt.xlabel("recall")
plt.ylabel("precision")
plt.legend(loc="best")
plt.show()
```

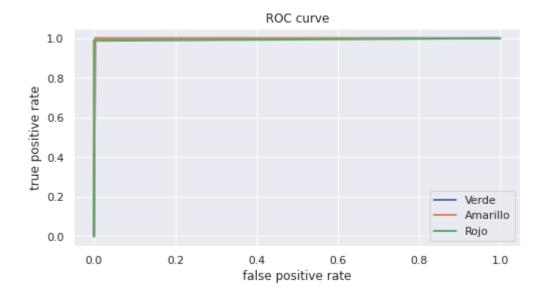


Observamos una exactitud cercana al 99% para cada clase con los datos de prueba.

Generamos como complemento una curva de ROC para cada clase:

```
fpr = dict()
tpr = dict()
```

```
for i in range(3):
    fpr[i], tpr[i], _ = roc_curve(y_test_multicolum[:, i],
                                  y hat multicolum[:, i])
    plt.plot(fpr[i], tpr[i], lw=2, label=clases[i])
plt.xlabel("false positive rate")
plt.ylabel("true positive rate")
plt.legend(loc="best")
plt.title("ROC curve")
plt.show()
```



Donde igual obtenemos un 99% de area bajo la curva.

Visualiza los resultados del modelo o las predicciones a través de una matriz de confusión.

Generamos la matriz de confusión:

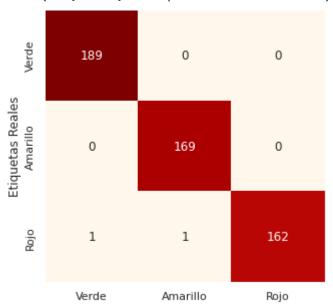
```
cm = confusion_matrix(ytest_cat, yhat)
```

La visualizamos:

```
df_cm = pd.DataFrame(cm, index = ['Verde', 'Amarillo', 'Rojo'], columns = ['Verde', 'Amarillo', '
plt.figure(figsize = (5,5))
ax = sns.heatmap(df_cm, annot=True, fmt='d', cmap='OrRd', cbar=False)
ax.set(ylabel="Etiquetas Reales", xlabel="Etiquetas de Predicción")
```



[Text(21.4999999999999, 0.5, 'Etiquetas Reales'), Text(0.5, 21.5, 'Etiquetas de Predicción')]



Y encontramos que el modelo consiguió predecir con un 99.6168% de exactitud los datos de prueba. Mientras que para la matriz de confusión:

- Errores de Clase Semáforo VERDE: FP=1, FN=0
- Errores de Clase Semáforo AMARILLO: FP=1, FN=0
- Errores de Clase Semáforo ROJO: FP=0, FN=2

Productos pagados de Colab - Cancela los contratos aquí

X