Set manipulável DNA 2D

Um conjunto de arquivos Svg para a manufatura de modelos 2D de DNA/RNA manipuláveis com inscrições no alfabeto e em braille.

Arquivos:

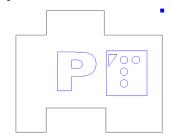
5-3.svg: Terminação de carbono das fitas

A.svg : AdeninaC.svg : CitosinaD.svg : Desoxirribose

G.svg : Guanina
P.svg : Fosfato
R.svg : Ribose
T.svg : Timina
U.svg :Uracila

Instruções de fabricação:

O ideal é produzir essas peças em uma máquina de gravação e corte laser (CNC). O software utilizado para padronização e envio dos arquivos para a CNC foi o Autolaser. É importante lembrar que as letras em braille devem ficar em relevo. Desse modo, optou-se por fazer a gravação de um retângulo em torno dos caracteres em braille de forma que a inscrição fique "mais alta" em relação ao fundo.



Peça dentro do software utilizado(Autolaser)

Observações

As peças P são as intermediárias entre um R e outro R, ou entre um D e outro D. Cada base nitrogenada(A,T,C,G) se conecta a um D ou R, sendo que o U só deve ser conectado ao R, embora as peças se encaixem.

As bases nitrogenadas têm seus respectivos pares: A - T, C - G, e no caso de um Rna o U combina com o A, tomando lugar do T.

Cada fita simples necessita de um 5 e um 3, sendo que o 5 contém um P antes dele, e o 3 um D ou R.

Sugestões de uso

Estrutura simplificada do DNA

Para montar o modelo de uma molécula de DNA é preciso identificar as peças que compõem cada nucleotídeo e montá-los: a desoxirribose (peça identificada com a letra D), um grupo fosfato (P) e uma base nitrogenada (pode ser A, T, C ou G).

Adicionar foto dos nucleotídeos

A estrutura do DNA é formada por duas fitas antiparalelas de nucleotídeos.

Para montar uma das fitas é necessário juntar os nucleotídeos, de forma que o fosfato (P) de um deles se conecte com a desoxirribose (D) do seguinte.

Como o DNA é formado por duas fitas, é preciso montar a fita complementar também. Essa ligação entre as fitas complementares é feita através das bases nitrogenadas, sendo que a base A pode se ligar com T e a base C pode se ligar a G. Como mencionado anteriormente, as fitas de uma molécula de DNA são antiparalelas. Notar que para que o pareamento ocorra, uma fita de DNA deve estar de ponta cabeça em relação a outra. Isso evidencia o arranjo antiparalelo das fitas.

Adicionar foto do DNA montado

Transcrição do DNA para RNA

A transcrição gênica é a síntese de RNA, tendo a sequência de nucleotídeos do DNA como molde.

Para essa atividade, é necessário montar uma molécula de DNA (como descrito acima) e separar as duas fitas, representando a quebra das ligações de hidrogênio entre as bases nitrogenadas. A partir de uma das fitas do DNA, montar uma fita complementar de RNA, observando que em vez de desoxirribose (D), o RNA contém ribose (R).

Os pareamentos seguem as instruções da tabela abaixo:

Se no DNA tiver	o RNA deve ter		
А	U		
Т	Α		
С	G		
G	С		

Transcrição do RNA para proteína

Com o auxílio de uma tabela de aminoácidos, como a apresentada abaixo, transcrever uma fita de RNA em uma sequência de aminoácidos. Lembrar que para isso, o RNA deve ser lido em códons (sequências de três nucleotídeos) e cada um desses códons corresponde a um aminoácido.

Segunda base do códon							
		U	С	А	G		Arg – Arginina Asn – Aspargina
ira base do códon	U	UUU }Phe UUA }Leu	UCU UCC UCA UCG	UAU Tyr UAC stop UAG stop	UGU Cys UGC Stop UGA Stop UGG Trp	UCAG	Asp – Ácido aspártico Cys – Cisteína Gln – Glutamina Glu – Ácido glutâmino Gly – Glicina His – Histidina Ile – Isoleucina Leu – Leucina Lys – Lisina Met – Metionina (códon de início) Phe – Fenilalamina Pro – Prolina Ser – Serina
	С	CUU CUC CUA CUG	CCU CCC CCA CCG	CAU His CAC GIn CAG GIn	CGU CGC CGA CGG	UCAG	
	A	AUU AUC AUA IIIe AUG Met		AAU ASn AAC AAA AAA Lys	AGU Ser AGC AGA AGG	UCAG	
	G	GUU GUC GUA GUG	GCU GCC GCA GCG	GAU Asp GAC GAA GAG GIU	GGU GGC GGA GGG	UCAG	Stop – Códon de parada Thr – Treonina Tyr – Tirosina

• Identificação de mutações

Usando as atividades sugeridas acima, é possível simular mutações pontuais, alterando um nucleotídeo do DNA e observando as mudanças correspondentes nas sequências do RNA e aminoácidos.