	Validation de méthode	Version 1.0
GDB_FORM_53	SMQ	07/02/2023
Rédaction : L. LIETAR	Vérification : K. LE ROUX, P. BOUVELLE	Approbation : C. AUDEBERT

1. Champ d'application

Activité/méthode concernée : *extraction d'ADN*

Portée d'accréditation :

- ☐ Fixe
- ☐ FLEX1
- ☐ FLEX2
- ☒ FLEX3

2. Intitulé de méthode

Nom de la méthode : *extraction d'ADN sur colonnes de silice en plaque à partir de cartilages*

- ☒ Méthode manuelle
- ☐ Méthode semi-automatisée
- ☐ Méthode automatisée
- ☐ Autre méthode : *à préciser*

3. Elaboration du développement

3.1. Type de validation

- ☒ Adoption d'une nouvelle méthode
- ☐ Adaptation d'une méthode existante (contrainte technique, évolution technique, ...)
référence de la méthode concernée (codification du MOP) : à compléter
- ☐ Optimisation d'une méthode existante (temps, coût, ...)
référence de la méthode concernée (codification du MOP) : à compléter
- ☐ Alternative d'une méthode existante
référence de la méthode concernée (codification du MOP) : à compléter
- ☐ Traitement d'une matrice biologique non validée précédemment : *à préciser*


3.2. Revue de méthode

La revue de méthode s'appuie sur un référentiel :

- ☒ non
- ☐ oui : *à préciser*

3.3. Contexte et objectifs

La plateforme GD Scan réalise des extractions d'ADN en plaque à partir de cartilages sur colonnes de silice de chez Macherey Nagel depuis 2014. La méthode a quelque peu évolué au fil du temps pour aboutir à la version actuelle, approuvée en décembre 2021.

	Validation de méthode	Version 1.0
GDB_FORM_53	SMQ	07/02/2023
Rédaction : L. LIETAR	Vérification : K. LE ROUX, P. BOUVELLE	Approbation : C. AUDEBERT

L'objectif de ce dossier est de valider cette méthode d'extraction.

3.4. Sélection de la méthode

Il existe différents fournisseurs de kits d'extraction manuelle sur colonne de silice sur le marché. Macherey Nagel offre une gamme moins coûteuse que d'autres fournisseurs et tout aussi efficace.

Le kit adapté aux prélèvements de sang est NucleoSpin 96 Tissue Core Kit. La méthode associée, déjà en place depuis plusieurs années, a prouvé son efficacité en termes de résultats et de par notre volume d'échantillons.


3.5. Planification - Responsabilités

Pilote de projet : *Ludivine Liétar*

Personnel concerné par la validation de méthode : *Christophe Audebert, Ludivine Liétar, Michèle Boutté, Malika Merbah*

Date d'ouverture de l'enregistrement (JJ/MM/AA) : *30/01/2023*

Responsabilité (Nom-Prénom - Fonction)	Tâche (liste non exhaustive)	Délai de réalisation	Attribuée à (Nom-Prénom - Fonction)
Christophe Audebert Directeur Recherche et Développement	Sélection de la méthode	31/01/2023	Christophe Audebert Directeur Recherche et Développement
Ludivine Liétar Responsable Plateforme de génotypage GD Scan	Développement, analyse et rédaction	31/01/2023	Ludivine Liétar Responsable Plateforme de génotypage GD Scan
Ludivine Liétar Responsable Plateforme de génotypage GD Scan	Réalisation des essais	31/01/2023	Ludivine Liétar Responsable Plateforme de génotypage GD Scan Michèle Boutté Malika Merbah Bio Techniciennes
Christophe Audebert Directeur Recherche et Développement	Vérification et validation	31/01/2023	Christophe Audebert Directeur Recherche et Développement

	Validation de méthode	Version 1.0
GDB_FORM_53	SMQ	07/02/2023
Rédaction : L. LIETAR	Vérification : K. LE ROUX, P. BOUVELLE	Approbation : C. AUDEBERT

Exemples de tâches (non exhaustif) : Sélection de la méthode, Développement - définition des essais, Développement - réalisation des essais, Développement - édition et interprétation des résultats, Rédaction - gestion des enregistrements relatifs, Vérification/validation, etc...

4. Contraintes du projet

Liste non exhaustive, détailler les catégories concernées

[x] Techniques : traçabilité matériel et certains réactifs manquante (validation de méthode effectuée sur des résultats déjà existants).

[] Equipements :

[] Qualité des matrices/données :

[x] Quantité de matrices/données : pour les prélèvements de cartilage, compte tenu du fait que la méthode d'extraction est destructrice, et pour des raisons de préservation du bien être animal, il n'est pas possible d'évaluer la répétabilité/reproductibilité tel qu'évoqué dans les prérogatives de la procédure.

[] Coût - investissement :

[] Autre(s) :

5. Caractéristiques de la méthode et performances attendues

5.1. Principe de la méthode


Les prélèvements sont mis en plaque, lysés puis déposés sur colonne de silice. Des étapes successives de précipitation, adsorption sur colonne de silice, de lavage puis d'élution sont réalisées manuellement pour purifier l'ADN. La quantité d'ADN obtenue suite à l'extraction peut être dosée par mesure de fluorescence au PicoGreen si besoin. Une gamme étalon est alors réalisée à chaque série de quantification et sert de référence pour déterminer la concentration en ADN.

5.2. Domaine d'application

La présente méthode s'applique à l'ensemble des prélèvements de cartilage bovins reçus au sein de la plateforme de génotypage GDScan.

5.3. Matrice(s)/Données

Matrice(s) / données concernée(s)	Nature	Conditionnement / emplacement	Conservation pré-traitement
<input type="checkbox"/>	sang total	tube EDTA	température ambiante

 GD Biotech AGRI-AGRO SOLUTIONS	Validation de méthode	Version 1.0
GDB_FORM_53	SMQ	07/02/2023
Rédaction : L. LIETAR	Vérification : K. LE ROUX, P. BOUVELLE	Approbation : C. AUDEBERT

<input type="checkbox"/>	bulbes de poils	pochette Kit GDScan	température ambiante
<input checked="" type="checkbox"/>	biopsie auriculaire = cartilage	tube avec conservateur (Allflex TSU ou TST)	température ambiante
<input type="checkbox"/>	semence	paillette de conservation de sperme dilué	température ambiante
<input type="checkbox"/>	ADN	plaques ADN (4x96 échantillons)	5°C +/- 3°C
<input type="checkbox"/>	métadonnées et données de génotypage	base de données / serveur	-
<input type="checkbox"/>	autre (à préciser) :	(à préciser)	(à préciser)

5.4. Traçabilité des échantillons

Pour chaque essai, l'ensemble des informations liées aux prélèvements (enregistrement et traçabilité) tout au long de la méthode d'extraction d'ADN doit être conservé et l'accès aux informations clairement identifié.

5.5. Paramètres


Le ou les paramètre(s) analysé(s) sont :

[x] quantitatifs (ex : concentration en ADN) : *concentration en ADN (ng/μL)*

[] qualitatifs (ex : Call Rate) : *à préciser*

5.6. Critères de performance attendus

Méthode	Nombre d'échantillons	Critères de performance	Répétabilité	Reproductibilité
<input type="checkbox"/> Extraction d'ADN	16 prélèvements (dont 8 satisfaisants au critère de concentration seront géotypés)	Pour au moins 90 % des échantillons : - [ADN] > 15 ng/μL - Call Rate > 0,95 - Médiane Call Rate > 0,975	16 mêmes prélèvements (dont 8 satisfaisants au critère de concentration seront géotypés)	16 mêmes prélèvements (dont 8 satisfaisants au critère de concentration seront géotypés)
<input type="checkbox"/> Géotypage d'ADN	32 échantillons d'ADN	Pour au moins 90 % des échantillons : - Call Rate > 0,95	Procédure de contrôle répétabilité	Procédure de contrôle reproductibilité

 GD Biotech AGRI-AGRO SOLUTIONS	Validation de méthode	Version 1.0
GDB_FORM_53	SMQ	07/02/2023
Rédaction : L. LIETAR	Vérification : K. LE ROUX, P. BOUVELLE	Approbation : C. AUDEBERT

		pour au moins 90 % des échantillons - Médiane Call Rate > 0,975 - Prochain essai interlaboratoire validé (à posteriori)	GDB_PRO_05_Contrôle de répétabilité et de reproductibilité : méthode de génotypage haut-débit par puces à ADN	GDB_PRO_05_Contrôle de répétabilité et de reproductibilité : méthode de génotypage haut-débit par puces à ADN
<input type="checkbox"/> Nouveau support de génotypage	2 charolais + 2 holstein déjà génotypés sur version N-1	- Présence 580 SNP ISO (GDB_FI_15_SNP ISO 580) - 99 % de similarité 580 SNP ISO N-1 et N (génotypes valides)	2 mêmes charolais + 2 mêmes holstein déjà génotypés sur version N-1	2 mêmes charolais + 2 mêmes holstein déjà génotypés sur version N-1
<input checked="" type="checkbox"/> Autre : Extraction d'ADN	32 prélèvements	Pour au moins 90 % des échantillons : - [ADN] > 15 ng/μL - Call Rate > 0,95 - Médiane Call Rate > 0,975	(non vérifiable)	- 16 autres prélèvements

6. Essais (cette partie est à répliquer autant de fois qu'il y a d'essais)


Essai n°1

6.1. Introduction

L'essai consiste en la validation de l'extraction d'ADN de 32 prélèvements de cartilage déjà réalisée dans les conditions actuelles d'extraction, plus 16 autres prélèvements extraits dans les mêmes conditions mais par un opérateur différent, seule part de reproductibilité pouvant être évaluée. En effet, compte tenu du fait que la méthode d'extraction est destructrice, et pour des raisons de préservation du bien être animal, il n'est pas possible d'évaluer la répétabilité/reproductibilité tel qu'évoqué dans les prérogatives de la procédure.

6.2. Mode Opérateur

Le mode opératoire est celui en application actuellement GDB_MOP_03_Extraction d'ADN en plaque à partir de cartilage_poil_v2.0 (en décembre 2021, celui en application était la version GDB_MOP_03_Extraction d'ADN en plaque à partir de cartilage_poil_v1.0, mais seules quelques modifications ne remettant pas en cause le mode opératoire, ont été apportées).

 GD Biotech AGRI-AGRO SOLUTIONS	Validation de méthode	Version 1.0
GDB_FORM_53	SMQ	07/02/2023
Rédaction : L. LIETAR	Vérification : K. LE ROUX, P. BOUVELLE	Approbation : C. AUDEBERT


6.3. Points à développer (liste non exhaustive)

- Matériel (type d'appareil, référence, consigne, réglage, etc...) : s'agissant d'une validation de méthode éditée à postériori du développement (méthode en place depuis décembre 2021 -> plus de 1900 extractions de cartilages réalisées), un mode opératoire est déjà en application et reprend la liste du matériel nécessaire GDB_MOP_03_Extraction d'ADN en plaque à partir de cartilage_poil_v2.0. Par ailleurs, pour la même raison le suivi du matériel utilisé ne peut être documenté car non relevé lors de l'essai.
- Kits et réactifs : s'agissant d'une validation de méthode éditée à postériori du développement (méthode en place depuis décembre 2021 -> plus de 1900 extractions de cartilages réalisées), un mode opératoire est déjà en application et reprend la liste des kits et réactifs nécessaires GDB_MOP_03_Extraction d'ADN en plaque à partir de cartilage_poil_v2.0. Par ailleurs, pour la même raison le suivi de certains lots ne peut être documenté car non relevé lors de l'essai.


Kits et autres réactifs			
Produits / Consommables	Numéro de lot	Spécifications particulières	Stockage
NucleoSpin 96 Tissue Core Kit Réf. 740454.4	2209-004	-	Protéinase K solubilisée -21°C +/- 3°C Colonnes à 5°C +/- 3°C Autres réactifs à température ambiante

- Matrices (quantité, traçabilité échantillon, traitement, spécificités, etc...) :

ID	CODE BARRE	SEXE	RACE	TYPE MAT BIOLO	date reception Labo Douai	Plaque ADN	Position ADN	Date extraction
FR2141063542	GD474239	1	66	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	A01	09/01/2023
FR2134472277	GD439740	1	66	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	B01	09/01/2023
FR2134472280	GD439742	1	66	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	C01	09/01/2023
FR2141063532	GD439739	1	66	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	D01	09/01/2023
FR2134472279	GD439741	1	66	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	E01	09/01/2023
FR2141063530	GD439738	1	66	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	F01	09/01/2023

 GD Biotech AGRI-AGRO SOLUTIONS	Validation de méthode	Version 1.0
GDB_FORM_53	SMQ	07/02/2023
Rédaction : L. LIETAR	Vérification : K. LE ROUX, P. BOUVELLE	Approbation : C. AUDEBERT

FR2141063529	GD439737	1	66	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	G01	09/01/2023
FR2134472268	GD439744	2	66	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	H01	09/01/2023
FR2134472261	GD439743	2	66	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	A02	09/01/2023
FR6118313536	GD473097	2	66	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	B02	09/01/2023
FR2146373638	GD474225	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	C02	09/01/2023
FR2146373646	GD474226	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	D02	09/01/2023
FR2146373647	GD474227	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	E02	09/01/2023
FR2146373652	GD474228	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	F02	09/01/2023
FR2146373658	GD474229	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	G02	09/01/2023
FR2146373659	GD474230	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	H02	09/01/2023
FR2146373660	GD474231	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	A03	09/01/2023
FR2146373669	GD474232	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	B03	09/01/2023
FR2146373670	GD474233	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	C03	09/01/2023
FR2146373677	GD474234	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	D03	09/01/2023
FR2146373680	GD474235	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	E03	09/01/2023
FR2146373691	GD474236	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	F03	09/01/2023
FR2146373693	GD474237	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	G03	09/01/2023
FR2146373637	GD474238	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	H03	09/01/2023
FR2134323619	GD439760	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	A04	09/01/2023
FR2146373611	GD439767	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	B04	09/01/2023
FR2146373613	GD439768	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	C04	09/01/2023
FR2146373615	GD439769	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	D04	09/01/2023
FR2146373616	GD439770	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	E04	09/01/2023
FR2146373618	GD439771	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	F04	09/01/2023
FR2146373619	GD439772	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	G04	09/01/2023
FR2146373621	GD439773	2	21	Cartilage	06/01/2023	SAM230118	H04	09/01/2023
FR6372723394	GD439363	2	66	Cartilage	25/01/2023	SAM230172	A07	25/01/2023
FR6371632417	GD439360	2	66	Cartilage	25/01/2023	SAM230172	B07	25/01/2023
FR6371632418	GD439361	2	66	Cartilage	25/01/2023	SAM230172	C07	25/01/2023
FR6371632419	GD439362	2	66	Cartilage	25/01/2023	SAM230172	D07	25/01/2023
FR6371632416	GD439359	2	66	Cartilage	25/01/2023	SAM230172	E07	25/01/2023

	Validation de méthode	Version 1.0
GDB_FORM_53	SMQ	07/02/2023
Rédaction : L. LIETAR	Vérification : K. LE ROUX, P. BOUVELLE	Approbation : C. AUDEBERT

FR6371632405	GD439351	2	66	Cartilage	25/01/2023	SAM230172	F07	25/01/2023
FR6371632406	GD439352	2	66	Cartilage	25/01/2023	SAM230172	G07	25/01/2023
FR6371632409	GD439353	2	66	Cartilage	25/01/2023	SAM230172	H07	25/01/2023
FR6371632410	GD439354	2	66	Cartilage	25/01/2023	SAM230172	A08	25/01/2023
FR6371632411	GD439355	2	66	Cartilage	25/01/2023	SAM230172	B08	25/01/2023
FR6371632412	GD439356	2	66	Cartilage	25/01/2023	SAM230172	C08	25/01/2023
FR6371632414	GD439357	2	66	Cartilage	25/01/2023	SAM230172	D08	25/01/2023
FR6371632415	GD439358	2	66	Cartilage	25/01/2023	SAM230172	E08	25/01/2023
FR0332273027	GD439344	2	66	Cartilage	25/01/2023	SAM230172	F08	25/01/2023
FR0332273030	GD439345	2	66	Cartilage	25/01/2023	SAM230172	G08	25/01/2023
FR0332273032	GD439346	2	66	Cartilage	25/01/2023	SAM230172	H08	25/01/2023

➤ Milieu : extractions réalisées dans la salle Extraction, dont la température est maîtrisée (21°C +/- 3°C), et génotypages réalisés dans les salles Pré-PCR génotypage et Post-PCR génotypage, dont la température est maîtrisée pour cette dernière (21°C +/- 3°C).


➤ Main d'oeuvre :

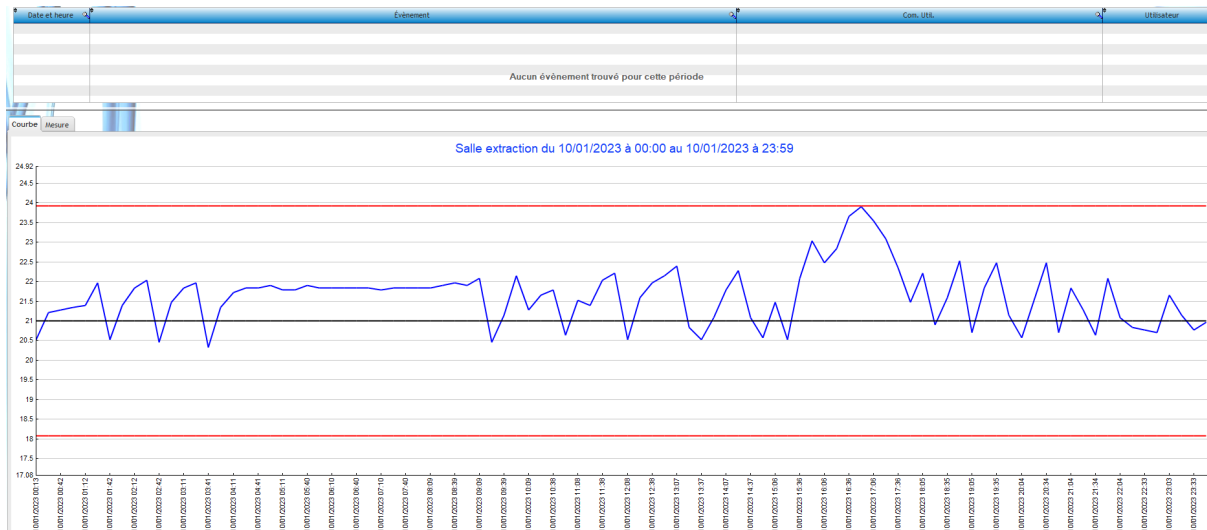
- extractions SAM230118 : Malika Merbah le 10/01/2023,
- extractions SAM230172 : Michèle Boutté le 26/01/2023,
- génotypages SAM230118 : Malika Merbah les 11/01/2023 et 12/01/2023,
- génotypages SAM230172 : Malika Merbah les 30/01/2023 et 31/01/2023,
- dosage 48 échantillons : Ludivine Liétar le 08/02/2023.

6.4. Résultats de l'essai - Conclusion

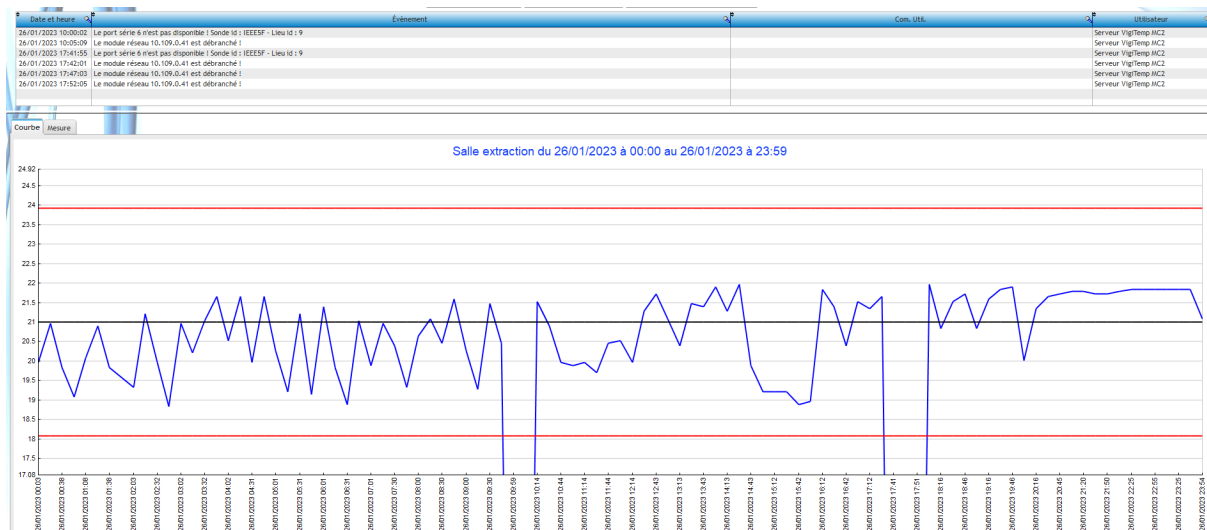
➤ Milieu :

- Variation de température salle extraction 10/01/2023

	Validation de méthode	Version 1.0
GDB_FORM_53	SMQ	07/02/2023
Rédaction : L. LIETAR	Vérification : K. LE ROUX, P. BOUVELLE	Approbation : C. AUDEBERT




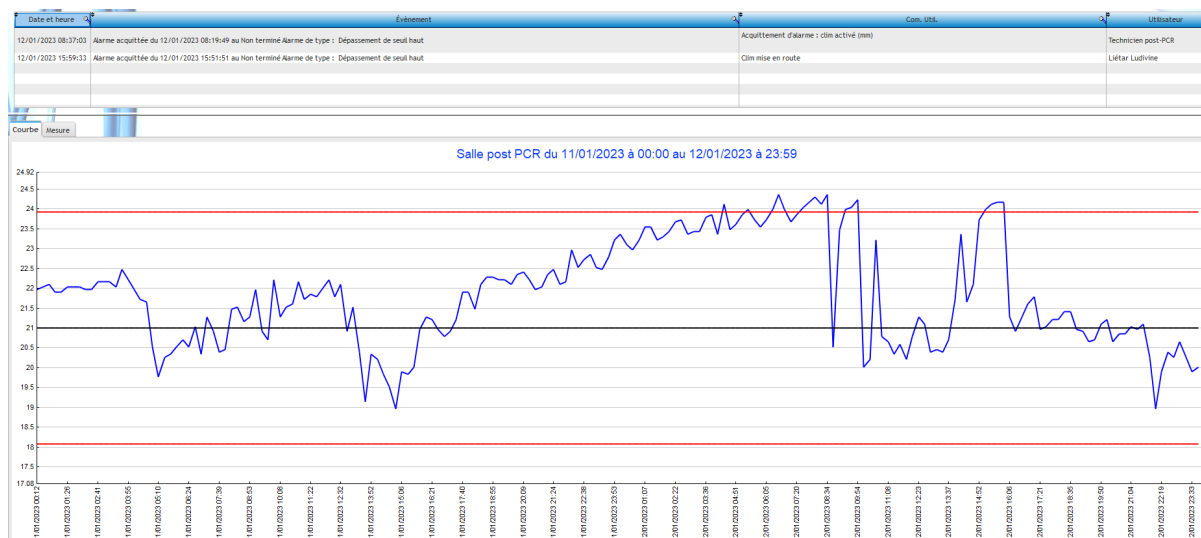
- Variation de température salle extraction 26/01/2023



(2 décrochages suite à indisponibilité de la sonde -> mais relevés ok)

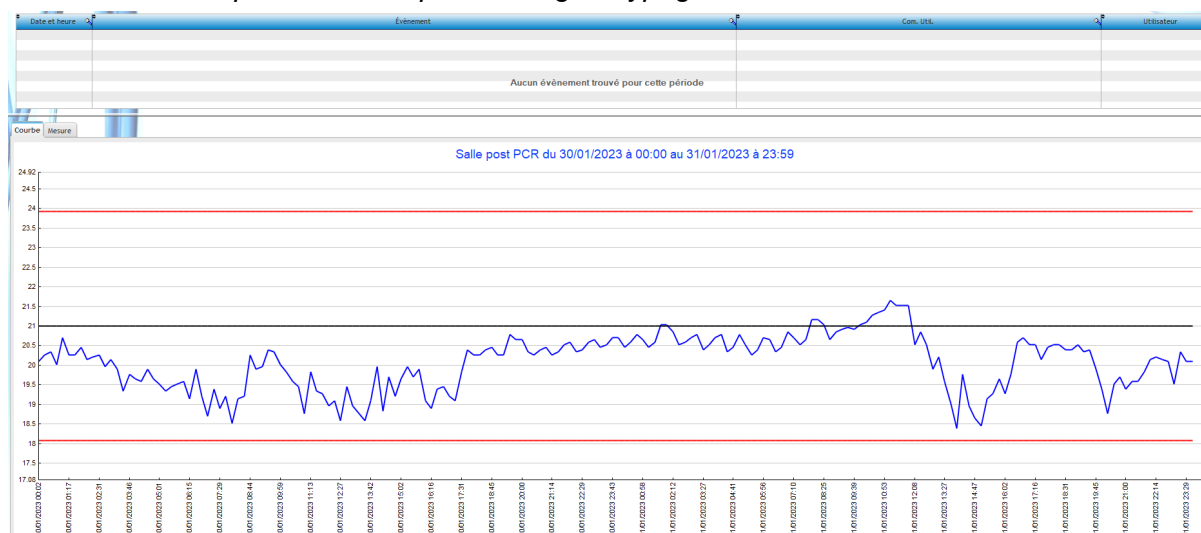
- Variation de température salle post-PCR génotypage 11/01/2023 et 12/01/2023

	Validation de méthode	Version 1.0
GDB_FORM_53	SMQ	07/02/2023
Rédaction : L. LIETAR	Vérification : K. LE ROUX, P. BOUVELLE	Approbation : C. AUDEBERT




(léger dépassement -> ok spécifications conservation réactifs génotypage Illumina entre 15°C et 30°C pour les réactifs stockés dans la pièce)

- Variation de température salle post-PCR génotypage 30/01/2023 et 31/01/2023

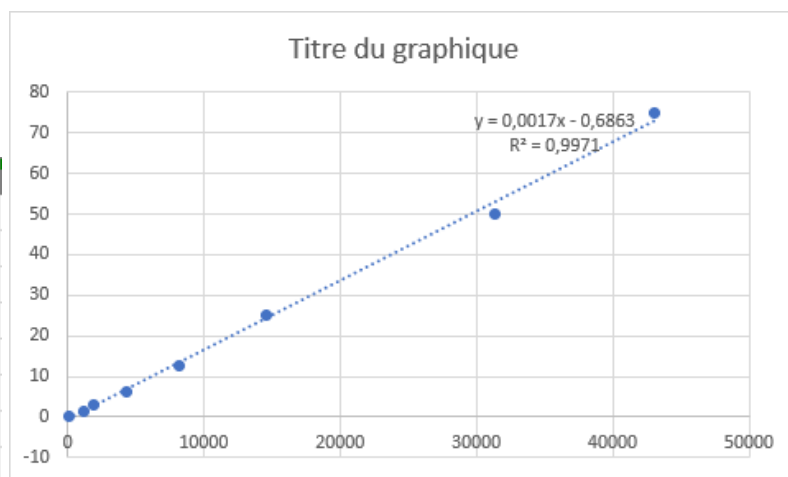


➤ **Extraction échantillons :**
(fichier d'origine [Dosage_validation_methode_extraction_080223.xlsx](#))

- **Gamme étalon :**

	Validation de méthode	Version 1.0
GDB_FORM_53	SMQ	07/02/2023
Rédaction : L. LIETAR	Vérification : K. LE ROUX, P. BOUVELLE	Approbation : C. AUDEBERT

RFU	Concentration (ng/μL)
43091	75
31347	50
14542	25
8242	12,5
4284	6,25
1955	3,125
1141	1,5625
57	0



- *Echantillons :*

Cartilage SAM230118 A01-H04 (Malika)


Cartilage SAM230172 A07-H08 (Michèle)

Mesures RFU :

	1	2	3	4	5	6
A	14506	10276	12302	42326	19563	7384
B	11818	32401	19523	31203	13248	12966
C	20717	31327	24189	29667	22315	32741
D	13573	11647	17018	12411	24011	17854
E	13756	13516	17996	21792	24145	24788
F	11671	40126	25323	13660	14702	20047
G	9189	22487	14478	19982	47430	20540
H	22201	29012	13921	25478	33628	10126


Concentration (ng/μL) :

	1	2	3	4	5	6
A	24,0	16,8	20,2	71,3	32,6	11,9
B	19,4	54,4	32,5	52,4	21,8	21,4
C	34,5	52,6	40,4	49,7	37,2	55,0
D	22,4	19,1	28,2	20,4	40,1	29,7
E	22,7	22,3	29,9	36,4	40,4	41,5
F	19,2	67,5	42,4	22,5	24,3	33,4
G	14,9	37,5	23,9	33,3	79,9	34,2
H	37,1	48,6	23,0	42,6	56,5	16,5

	Validation de méthode	Version 1.0
GDB_FORM_53	SMQ	07/02/2023
Rédaction : L. LIETAR	Vérification : K. LE ROUX, P. BOUVELLE	Approbation : C. AUDEBERT

➤ **Génotypage échantillons :**

ID	CODE BARRE	ID GENOTYPAGE	Date debut genotypage	Date de Scan	Call Rate
FR2141063542	GD474239	WG6984821-MSA7_A01	11/01/2023	12/01/2023	0,9966021
FR2134472277	GD439740	WG6984821-MSA7_B01	11/01/2023	12/01/2023	0,9984935
FR2134472280	GD439742	WG6984821-MSA7_C01	11/01/2023	12/01/2023	0,9990124
FR2141063532	GD439739	WG6984821-MSA7_D01	11/01/2023	12/01/2023	0,9991128
FR2134472279	GD439741	WG6984821-MSA7_E01	11/01/2023	12/01/2023	0,9987614
FR2141063530	GD439738	WG6984821-MSA7_F01	11/01/2023	12/01/2023	0,9991128
FR2141063529	GD439737	WG6984821-MSA7_G01	11/01/2023	12/01/2023	0,998527
FR2134472268	GD439744	WG6984821-MSA7_H01	11/01/2023	12/01/2023	0,9985437
FR2134472261	GD439743	WG6984821-MSA7_A02	11/01/2023	12/01/2023	0,9980918
FR6118313536	GD473097	WG6984821-MSA7_B02	11/01/2023	12/01/2023	0,9939072
FR2146373638	GD474225	WG6984821-MSA7_C02	11/01/2023	12/01/2023	0,9983261
FR2146373646	GD474226	WG6984821-MSA7_D02	11/01/2023	12/01/2023	0,9986777
FR2146373647	GD474227	WG6984821-MSA7_E02	11/01/2023	12/01/2023	0,9986944
FR2146373652	GD474228	WG6984821-MSA7_F02	11/01/2023	12/01/2023	0,9985939
FR2146373658	GD474229	WG6984821-MSA7_G02	11/01/2023	12/01/2023	0,9958153
FR2146373659	GD474230	WG6984821-MSA7_H02	11/01/2023	12/01/2023	0,9821399
FR2146373660	GD474231	WG6984821-MSA7_A03	11/01/2023	12/01/2023	0,9558937
FR2146373669	GD474232	WG6984821-MSA7_B03	11/01/2023	12/01/2023	0,9982424
FR2146373670	GD474233	WG6984821-MSA7_C03	11/01/2023	12/01/2023	0,9980751
FR2146373677	GD474234	WG6984821-MSA7_D03	11/01/2023	12/01/2023	0,9988115
FR2146373680	GD474235	WG6984821-MSA7_E03	11/01/2023	12/01/2023	0,9978742
FR2146373691	GD474236	WG6984821-MSA7_F03	11/01/2023	12/01/2023	0,9978575
FR2146373693	GD474237	WG6984821-MSA7_G03	11/01/2023	12/01/2023	0,9981923
FR2146373637	GD474238	WG6984821-MSA7_H03	11/01/2023	12/01/2023	0,9973385
FR2134323619	GD439760	WG6984821-MSA7_A04	11/01/2023	12/01/2023	0,9974557
FR2146373611	GD439767	WG6984821-MSA7_B04	11/01/2023	12/01/2023	0,997824
FR2146373613	GD439768	WG6984821-MSA7_C04	11/01/2023	12/01/2023	0,9981755
FR2146373615	GD439769	WG6984821-MSA7_D04	11/01/2023	12/01/2023	0,9983596

 GD Biotech AGRI-AGRO SOLUTIONS	Validation de méthode	Version 1.0
GDB_FORM_53	SMQ	07/02/2023
Rédaction : L. LIETAR	Vérification : K. LE ROUX, P. BOUVELLE	Approbation : C. AUDEBERT

FR2146373616	GD439770	WG6984821-MSA7_E04	11/01/2023	12/01/2023	0,9983764
FR2146373618	GD439771	WG6984821-MSA7_F04	11/01/2023	12/01/2023	0,997824
FR2146373619	GD439772	WG6984821-MSA7_G04	11/01/2023	12/01/2023	0,9987948
FR2146373621	GD439773	WG6984821-MSA7_H04	11/01/2023	12/01/2023	0,9987781
FR6372723394	GD439363	WG7006832-MSA7_A07	30/01/2023	31/01/2023	0,9988115
FR6371632417	GD439360	WG7006832-MSA7_B07	30/01/2023	31/01/2023	0,9988952
FR6371632418	GD439361	WG7006832-MSA7_C07	30/01/2023	31/01/2023	0,9983764
FR6371632419	GD439362	WG7006832-MSA7_D07	30/01/2023	31/01/2023	0,998142
FR6371632416	GD439359	WG7006832-MSA7_E07	30/01/2023	31/01/2023	0,9984433
FR6371632405	GD439351	WG7006832-MSA7_F07	30/01/2023	31/01/2023	0,9978073
FR6371632406	GD439352	WG7006832-MSA7_G07	30/01/2023	31/01/2023	0,9991296
FR6371632409	GD439353	WG7006832-MSA7_H07	30/01/2023	31/01/2023	0,9991128
FR6371632410	GD439354	WG7006832-MSA7_A08	30/01/2023	31/01/2023	0,9959995
FR6371632411	GD439355	WG7006832-MSA7_B08	30/01/2023	31/01/2023	0,9970038
FR6371632412	GD439356	WG7006832-MSA7_C08	30/01/2023	31/01/2023	0,997824
FR6371632414	GD439357	WG7006832-MSA7_D08	30/01/2023	31/01/2023	0,9955308
FR6371632415	GD439358	WG7006832-MSA7_E08	30/01/2023	31/01/2023	0,9986609
FR032273027	GD439344	WG7006832-MSA7_F08	30/01/2023	31/01/2023	0,9981253
FR032273030	GD439345	WG7006832-MSA7_G08	30/01/2023	31/01/2023	0,9984935
FR032273032	GD439346	WG7006832-MSA7_H08	30/01/2023	31/01/2023	0,9991463

Version de puce : EuroG_MDv3_XT_GD

Projets Génome Studio : indexation_130123 et indexation_030223

Fichier de clustering utilisé : MDv3_XT_bovin_190822.egt et MDv3_XT_bovin_230123.egt


Chemin d'accès du projet Génome Studio : serveur gna2gdlabo
 \gna2gdlabo.genesdiffusion.com\Labo\genotypages\Genotypages_SAM\SAM_MD_v3\Indexations\2023\indexations_janvier_2023\indexation_130123 et ... \indexation_030223

Référence historique Galaxy : Genotypages_sem01_2023 et Genotypages_sem04_2023

Informations retranscrites dans le [Fichier suivi échantillons 2023 - Gènes Diffusion](#)

➤ **Interprétation :**

- Spécifications relatives au milieu validées
- Concentration en ADN : 46 échantillons sur 48 > 15 ng/μL, soit 95,8 %
- Call Rate > 0,95 pour l'ensemble des 48 échantillons

	Validation de méthode	Version 1.0
GDB_FORM_53	SMQ	07/02/2023
Rédaction : L. LIETAR	Vérification : K. LE ROUX, P. BOUVELLE	Approbation : C. AUDEBERT

- Médiane Call Rate 48 échantillons = 0,99834285 > 0,975

➤ Conclusion

L'essai répond aux critères de performance attendus et met en évidence l'obtention de résultats qualitativement satisfaisants.

7. Analyse

7.1. Facteurs de risques

Matériel : RAS.

Matière : RAS.

Méthode : RAS.

Milieu : *coupure de courant pouvant influencer sur la température ambiante (climatisation non reliée au circuit ondulé).*

Main d'œuvre : *non respect des modes opératoires, mauvaise gestion/conservation de réactifs.*

7.2. Incertitudes


La notion d'incertitude ne s'applique qu'à la seule méthode de dosage de la concentration d'ADN. A l'issue du dosage, l'incertitude de mesure, qui dépend directement du coefficient de détermination r^2 associé à la réalisation de la gamme étalon, est vérifiée. Nous avons fixé un seuil d'écart toléré à 0,99, ainsi r^2 doit être supérieur à 0,99 afin de valider la mesure, ce qui est le cas dans notre essai.

7.3. Robustesse

Non vérifiée.

7.4. Conclusion

La méthode d'extraction d'ADN sur colonnes de silice en plaque à partir de cartilages, telle que définie dans l'essai n°1 répond aux critères de performance attendus et met en évidence l'obtention de résultats qualitativement satisfaisants.

	Validation de méthode	Version 1.0
GDB_FORM_53	SMQ	07/02/2023
Rédaction : L. LIETAR	Vérification : K. LE ROUX, P. BOUVELLE	Approbation : C. AUDEBERT

8. Sélection, vérification et validation de méthode

Partie réservée au Directeur Recherche et Développement

Référence du présent enregistrement de validation de méthode :

GDB_FORM_53_Validation de méthode_Extraction d'ADN sur colonnes de silice en plaque à partir de cartilages_230130_01_v1.0

Intitulé de la méthode : *extraction d'ADN sur colonnes de silice en plaque à partir de cartilages*

Référence de l'essai sélectionné : *Essai n°1*

Vérification de la méthode :

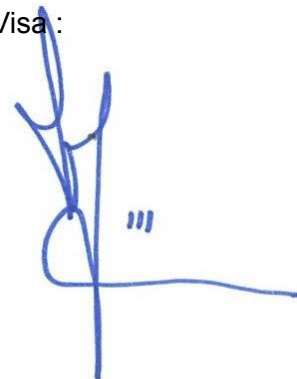
☒ **approuvée** (*enregistrements produits suffisants - critères de performance atteints et conformes aux exigences du client*)

☐ **non approuvée**

Signature Directeur Recherche et Développement :

Nom : Christophe AUDEBERT Date : 17/02/2023

Visa :



Validation de la méthode :


Conditions

Domaine d'application : *l'ensemble des prélèvements de cartilage bovins reçus au sein de la plateforme de génotypage GDScan.*

Ressources humaines :

- *personnel autorisé : personnel de la plateforme GD Scan habilité à l'extraction d'ADN*
- *personnel formateur : personnel de la plateforme GD Scan habilité à l'extraction d'ADN*
- *personnel à former/habiller : RAS*
- *autre : à préciser*

Autres conditions : *Information au client*

	Validation de méthode	Version 1.0
GDB_FORM_53	SMQ	07/02/2023
Rédaction : L. LIETAR	Vérification : K. LE ROUX, P. BOUVELLE	Approbation : C. AUDEBERT

Aptitude à l'emploi :

☒ **accordée**, mise en application à compter du : 18/02/2023

☐ **non accordée**, commentaires :

Signature Directeur Recherche et Développement :

Nom : Christophe AUDEBERT

Date : 17/02/2023

Visa :

