 GD Biotech AGRI-AGRO SOLUTIONS	Recettage de version logiciel insertion des génotypages	Version 1.0
GDB_MOP_35	SI	26/01/2024
Rédaction : P. BOUVELLE	Vérification : G.EVEN	Approbation : P. BOUVELLE

Ce protocole s'adresse aux personnes habilitées Responsable SI

Objectif :

L'objectif est de s'assurer qu'une nouvelle version de l'application de suivi, déclaration, et insertion, des génotypages, n'introduit pas de problème (inversion de données) et répond aux besoins pour laquelle elle a été développée.

Architecture :

La nouvelle version est déployée dans un environnement de recettage (réplication identique et isolé de l'environnement de production).

Cette application est désignée "GDBoard Recette".

Un jeu de données factice a été créé afin de tester les fonctionnalités de l'application.

Celui-ci se trouve sur le serveur NAS gna2gdlabo :

/labo/genotypages/dataset_test

Les paramètres à compléter dans les formulaires se trouvent dans le fichier **recettage_labo_readme.txt**

Le dossier **sam** contient les fichiers sam à déclarer lors de l'étape 1

Le dossier **typ_com** contient les fichiers pour l'étape 3

Le dossier **valogene** contient les fichiers générés à l'étape 5

Le dossier **comptes_rendus** contient les fichiers comptes rendus de référence.


Déroulement :

Se connecter sur le GDBoard Recette de la même manière que dans l'environnement de production.

En suivant le [GDB_MOP_10_Enregistrement et traitement des données](#), réaliser les étapes suivantes, en remplissant dans le [GDB_ENR_75_Suivi de version d'application](#) la colonne correspondante par valide ou invalide en fonction des critères de validation d'étape.

1. Initialiser le recettage

Dans le Suivi de génotypage, ouvrir le menu "Vache" et cliquer sur **(Ré)Initialiser le recettage**

	Recettage de version logiciel insertion des génotypes	Version 1.0
GDB_MOP_35	SI	26/01/2024
Rédaction : P. BOUVELLE	Vérification : G.EVEN	Approbation : P. BOUVELLE

2. Créer un groupe de génotypage

Critères de validation :

- Groupe correctement généré

3. Déclarer les fichiers SAM de test

Critères de validation :

- Insertion, sans rejet, des SAM
- Présence des lignes dans le fichier de suivi de recette
- Affichage des plaques dans l'interface après insertion

4. Déclarer les samplesheets

Critères de validation :

- Mise à jour des plaques dans l'interface
- Téléchargement des samplesheets et formatage des samplesheets corrects

5. Insérer le TYP et le COM de test

Critères de validation :

- Insertion sans rejet du TYP et du COM
- Mise à jour des plaques dans l'interface
- Génération des QC
- Mise à jour des lignes dans le fichier de suivi de recette
- Mise à jour des flags dans la visualisation des plaques

6. Lancer la vérification


Critères de validation :

- Mise à jour des plaques dans l'interface
- Présence des fichiers de vérification

7. Générer les résultats

Critères de validation :

- Mise à jour des plaques dans l'interface
- Téléchargement et vérification des comptes rendus
- Présences des fichiers TYP LABO COM sur le FTP de recette

	Recettage de version logiciel insertion des génotypes	Version 1.0
GDB_MOP_35	SI	26/01/2024
Rédaction : P. BOUVELLE	Vérification : G.EVEN	Approbation : P. BOUVELLE

8. Finaliser le groupe de génotypage

Critères de validation :

- Groupe correctement finalisé
- Suppression groupe indisponible

Contrôle humain :

Récupérer les comptes rendus d'analyse pour celles précisées dans le fichier **recettage_labo_readme.txt**.

Et vérifier que les résultats et les informations d'analyse soient identiques aux références placées dans le dossier **comptes_rendus**

Une fois toutes ces étapes terminées, si celles-ci sont toutes valides, la nouvelle version est considérée comme valide et peut être mise en production par le responsable SI.

Documents associés :

[GDB_MOP_10_Enregistrement et traitement des données](#)

[GDB_ENR_75_Suivi de version d'application](#)