

	<b>Préparation des matrices pour extraction d'ADN à partir de prélèvements de semence</b>	Version 1.1
GDB_MOP_30	Extraction	28/08/2023
Rédaction : K. LE ROUX	Vérification : M. BOUTTE, M. MERBAH	Approbation : L.LIETAR

## Ce protocole s'adresse aux personnes habilitées à l'extraction

Cette étape fait suite au positionnement des prélèvements de semence numérotés dans l'ordre de traitement, et à l'établissement et l'impression du fichier extraction [GDB\\_FORM\\_15\\_SEMENCE\\_AAMMJJ-NN](#) correspondant.

### Mode opératoire

Dans la salle de "Traitement des prélèvements" :

- 1) se munir :
  - a) de la liste d'extraction SEMENCE\_AAMMJJ-NN,
  - b) des prélèvements correspondants numérotés selon l'ordre de la liste d'extractions établie,
  - c) de microtubes 1,5 mL numérotés.
- 2) pour chaque prélèvement :
  - a) désinfecter la paille et les ciseaux à l'alcool 70% ou aniospray,
  - b) vider la paille dans le microtube 1,5 mL correspondant : couper l'extrémité sans coton. Placer celle-ci dans le microtube, puis couper à l'opposé sous les deux cotons afin de vider la paille dans le microtube,
  - c) finir de vider la paille en poussant avec une micropipette + pointe de 300 µL,
  - d) fermer le microtube.
- 3) noter les remarques concernant la qualité des prélèvements sur la liste d'extraction SEMENCE\_AAMMJJ-NN éditée, sur les lignes correspondantes.
- 4) reporter les remarques relevées précédemment dans le fichier informatique correspondant.
- 5) lorsque le transfert de semences est terminé, stocker le portoir de prélèvements à 4°C.

### Documents associés :

[GDB\\_MOP\\_07\\_Elaboration des fichiers d'extraction](#)  
[GDB\\_FORM\\_03\\_Habilitation extraction ADN](#)