GD Biotech AGRI-AGRO SOLUTIONS	Fiche de non conformité	Version 2.0
GDB/FORM/01	SMQ	06/10/2022
Rédaction : K. LE ROUX, L. LIETAR	Vérification : S. MARTEL, S. MERLIN	Approbation : L. LIETAR

La fiche de non conformité est à ouvrir en cas d'incident rencontré au cours du traitement du lot d'échantillons.

N° d'enregistrement : 221104\_01 Fiche ouverte le : 04/11/2022

	Description de l'incident			
Incident constaté le : 04/11/2022				
Au cours de l'activité :	Traitement des prélèvements	Extraction Génotypage		
	_ , _			
Nombre d'échantillons concernés : 192				
Traçabilité (ex : SAM/puits, CAB, références, lots,) : BLOOD_221026-01 & BLOOD_221026-02 / SAM221040 & SAM221041 / WG6965809-MSA7 & WG6965810-MSA7				
Description : au cours de l'analyse des génotypages, historique Genotypages_sem44_2022, mise en évidence à l'étape 4 d'une inversion de plaques.				
Complété par : Ludivine Liétar		Date : 04/11/2022		
Expertise				
04/11: Confirmation de l'inversion par Pierre. Impossible d'identifier l'origine de l'inversion dans l'immédiat (même série d'extraction, même run de génotypage), mais préparation des prélèvements ok, identification des MSA7 ok, et ordre lames ok. Besoin de regénotyper pour identifier la provenance et les corrections à apporter. 10/11: Incompatibilités persistant après regénotypage (avec SAM221108, E12 à H12, WG6966388-MSA7, historique Genotypages_sem44_2022) -> confirmation inversion à l'extraction.				
Activité concernée :	☐ Traitement des prélèvements ☐ Analyse ☐ Autre :	Extraction Génotypage		
Type(s) d'incident :	Equipement Fournisseur Autre:	Echantillons Manipulation		
Opérateur(s) concerné(s) : Malika M	lerbah			
Analyse des causes : Mauvaise lec	ture de l'annotation sur les plaques c	d'extraction.		
Complété par : Ludivine Liétar + Malika Merbah		Date : 14/11/2022		
A compléter par le responsable concerné				
Responsable : Ludivine Liétar		Date : 14/11/2022		

Inversion en base de données des génotypages aux mêmes positions entre les plaques WG6965809-MSA7 & WG6965810-MSA7. Correction des samplesheets correspondantes. (PB 04/11/22)

Repassage de l'étape 4, et vérification fine des tests de parenté.

Cette fois les tests sont majoritairement compatibles avec les parents déclarés alors qu'il n'y en avait aucun auparavant. Aucun autre motif d'inversion n'apparait.

Le problème est résolu, les résultats peuvent être libérés.

Regénotypage C03 et A06 de chacune des plaques SAM à faire afin d'identifier l'origine de l'inversion et de confirmer les corrections à apporter.

Complété par : Ludivine Liétar, Pierre Bouvelle Date : 2022-11-07

A compléter par le responsable concerné

Responsable : Ludivine Liétar Date : 14/11/2022

Suivi de la résolution : fiches extraction ok, correction des plaques SAM (annotation) (LL 10/11/22), fichiers SAM ok, correction du fichier de suivi (réf MSA7 + ordre plaques) (LL 10/11/22), nouvelle correction des samplesheets correspondantes (PB 10/11/22), 4 regénotypages passés en code 500 après étape 3 pour exclusion (attention non corrigés) (PB 10/11/22).

Complété par : Ludivine Liétar Date : 10/11/2022

A compléter par le responsable concerné

Responsable : Ludivine Liétar Date : 14/11/2022

Impact(s)				
Client (si absence de résultat ou délai > 14 jours) :	✓ Non	Oui		
Surcoût :	■ Non	Consommables		
		Opérateur		
		Autre		
Détails : surcoût temps passé à la résolution + correction, surcoût lié au regénotypage de 4 échantillons.				
Complété par : Ludivine Liétar	Date : 04/11/2022			
A compléter par le responsable concerné				
Responsable : Ludivine Liétar		Date: 14/11/2022		
Pistes d'amélioration				
A court terme / à réaliser par : Meilleure anotation des plaques/ couleur différente identique au plaque SAM				
A long terme / à réaliser par :				

Responsable : Ludivine Liétar Date : 14/11/2022

Date: 14/11/2022

A compléter par le responsable concerné

A compléter par le responsable concerné

Complété par : Malika Merbah

Responsable : Ludivine Liétar Date : 14/11/2022