Implementacion K-Folds

Plata Salinas Eidan Owen November 8, 2023

Explicacion

A continuación, se describe el código Python que implementa k-folds. De modo que va comparando mejor modelo.

Funcion CargarDatos

```
def cargar_datos(ruta_csv):
   data = pd.read_csv(ruta_csv, header=None)
   X = data.iloc[:, :-1].values
   y = data.iloc[:, -1].values
   return X, y
```

Esta función se encarga de leer un archivo CSV sin una fila de encabezado (asumiendo que la primera fila ya contiene datos). Luego, separa los datos en características (X) y etiquetas (y) y los devuelve.

Funcion kFoldCrossValidation

```
2 def k_fold_cross_validation(X, y, k, modelo):
   fold_size = len(X) // k
    indices = np.arange(len(X))
   np.random.shuffle(indices)
    scores = []
    for fold in range(k):
    test_indices = indices[fold * fold_size : (fold + 1) * fold_size]
9
    train_indices = np.setdiff1d(indices, test_indices)
11
12
    X_train, X_test = X[train_indices], X[test_indices]
13
    y_train, y_test = y[train_indices], y[test_indices]
14
16
    modelo_clonado = clone(modelo)
17
    modelo_clonado.fit(X_train, y_train)
18
19
   y_pred = modelo_clonado.predict(X_test)
21
    score = accuracy_score(y_test, y_pred)
```

```
scores.append(score)
return scores
```

Esta función implementa la validación cruzada k-fold manualmente. Divide los datos en k subconjuntos y realiza k iteraciones de entrenamiento y validación, utilizando un subconjunto diferente como conjunto de prueba en cada iteración y el resto como conjunto de entrenamiento.

Dentro del bucle para cada fold, se clona el modelo proporcionado para evitar la contaminación entre los pliegues y se entrena y evalúa el modelo clonado. Después de las predicciones, se calcula la precisión y se guarda en una lista de scores.

Función evaluarConKfoldManual

```
2 def evaluar_con_kfold_manual(X, y, k=5):
    modelos = {
      'KNN': Pipeline([('scaler', StandardScaler()), ('classifier',
     KNeighborsClassifier(n_neighbors=5))]),
      'Regresion Logistica': Pipeline([('scaler', StandardScaler()), ('
     classifier', LogisticRegression(random_state=42))]),
      'SVM': Pipeline([('scaler', StandardScaler()), ('classifier', SVC(
     kernel='linear', random_state=42))]),
      'Bayesiano': Pipeline([('scaler', StandardScaler()), ('classifier',
      GaussianNB())])
8
9
    resultados = dict()
10
   for nombre, modelo in modelos.items():
12
    scores = k_fold_cross_validation(X, y, k, modelo)
13
    resultados[nombre] = scores
14
    print(f"{nombre}: {np.mean(scores)} (+/- {np.std(scores)})")
15
   mejor_modelo = max(resultados, key=lambda nombre: np.mean(resultados[
    print(f"\nEl mejor modelo es {mejor_modelo} con una precision de {np.
     mean(resultados[mejor_modelo])}.")
```

Esta función crea un diccionario de modelos de aprendizaje automático, cada uno envuelto en un Pipeline que primero escala los datos y luego aplica el clasificador. Para cada modelo, utiliza la función k_fold_cross_validation para evaluar su rendimiento utilizando la validación cruzada k-fold y luego imprime el rendimiento promedio y la desviación estándar de las puntuaciones de precisión.

Función main

```
def main(ruta_csv):
    X, y = cargar_datos(ruta_csv)
    evaluar_con_kfold_manual(X, y)
```

La función main es el punto de entrada para ejecutar el proceso de evaluación de modelos cuando se ejecuta el script como un programa principal. Carga los datos y llama a la función evaluar_con_kfold_manual.

Conclusión

A través de la función k_fold_cross_validation, he desarrollado en cómo la técnica k-fold divide los datos en partes iguales para entrenar y probar modelos de forma más robusta y confiable. Este enfoque me ha permitido entender mejor la importancia de evaluar el rendimiento del modelo más allá de una simple partición de entrenamiento y prueba, reduciendo la variabilidad y proporcionando una estimación más precisa de cómo el modelo podría desempeñarse en datos no vistos.

Al trabajar con diferentes modelos de clasificación dentro de un pipeline de scikitlearn, incluyendo KNN, regresión logística, SVM y Naive Bayes, he visto cómo el preprocesamiento de datos, como la estandarización, es crucial para algunos algoritmos, especialmente aquellos que son sensibles a la escala de las características. Además, la modularidad y la facilidad de uso de scikit-learn me permitieron intercambiar y evaluar modelos de forma sencilla y directa.

Construir la función evaluar_con_kfold_manual, fue ùtil no solo pude comparar los modelos en términos de precisión media, sino que también pude apreciar las diferencias en la variabilidad de su rendimiento a través de la desviación estándar de las precisiones. Esto me ha dado una visión más completa para determinar cuál es el modelo más adecuado.

A continuación los resultados.

```
s/static/data/Machin/Machin/P4.py
KNN: 0.770967741935484 (+/- 0.021397579292615463)
Regresión Logística: 0.8483870967741935 (+/- 0.02413972507596093)
SVM: 0.8516129032258064 (+/- 0.05241315099765135)
Bayesiano: 0.8096774193548386 (+/- 0.05339659792660274)
El mejor modelo es SVM con una precisión de 0.8516129032258064.
```

Figure 1: Puntajes del dataset

Codigo completo

```
3 import pandas as pd
4 import numpy as np
_{5} from sklearn.preprocessing import StandardScaler
6 from sklearn.neighbors import KNeighborsClassifier
7 from sklearn.linear_model import LogisticRegression
8 from sklearn.svm import SVC
9 from sklearn.naive_bayes import GaussianNB
10 from sklearn.metrics import accuracy_score
11 from sklearn.base import clone
12 from sklearn.pipeline import Pipeline
14 def cargar_datos(ruta_csv):
   data = pd.read_csv(ruta_csv, header=None)
    X = data.iloc[:, :-1].values
    y = data.iloc[:, -1].values
   return X, y
20 def k_fold_cross_validation(X, y, k, modelo):
   fold_size = len(X) // k
   indices = np.arange(len(X))
   np.random.shuffle(indices)
    scores = []
24
   for fold in range(k):
    test_indices = indices[fold * fold_size : (fold + 1) * fold_size]
27
    train_indices = np.setdiff1d(indices, test_indices)
28
29
    X_train, X_test = X[train_indices], X[test_indices]
31
    y_train, y_test = y[train_indices], y[test_indices]
32
33
35
    modelo_clonado = clone(modelo)
    modelo_clonado.fit(X_train, y_train)
36
37
    y_pred = modelo_clonado.predict(X_test)
39
    score = accuracy_score(y_test, y_pred)
40
    scores.append(score)
41
    return scores
43
44
45 def evaluar_con_kfold_manual(X, y, k=5):
    modelos = {
      'KNN': Pipeline([('scaler', StandardScaler()), ('classifier',
47
     KNeighborsClassifier(n_neighbors=5))]),
      'Regresion Logistica': Pipeline([('scaler', StandardScaler()), ('
     classifier', LogisticRegression(random_state=42))]),
      'SVM': Pipeline([('scaler', StandardScaler()), ('classifier', SVC(
49
     kernel='linear', random_state=42))]),
      'Bayesiano': Pipeline([('scaler', StandardScaler()), ('classifier',
      GaussianNB())])
```

```
resultados = dict()
53
    for nombre, modelo in modelos.items():
    scores = k_fold_cross_validation(X, y, k, modelo)
56
    resultados[nombre] = scores
57
    \label{print f (f (nombre): {np.mean(scores)} (+/- {np.std(scores)})")}
    mejor_modelo = max(resultados, key=lambda nombre: np.mean(resultados[
    print(f"\nEl mejor modelo es {mejor_modelo} con una precision de {np.}
60
     mean(resultados[mejor_modelo])}.")
61
62 def main(ruta_csv):
    X, y = cargar_datos(ruta_csv)
    evaluar_con_kfold_manual(X, y)
66 if __name__ == "__main__":
  main("dataset.csv")
```