

OAST – projekt

## Implementacja algorytmu ewolucyjnego i brute force

### 1. Opis zadania

Celem zadania jest zaimplementowanie i przetestowanie algorytmu ewolucyjnego i brute force rozwiązujących problemy DAP i DDAP.

Wymagania:

- a. Program powinien wczytywać opis topologii sieci i zapotrzebowań z pliku tekstowego (format pliku wejściowego został opisany w Załączniku 1).
- b. Program powinien zapisywać wyniki obliczeń do pliku tekstowego (przykład formatu takiego pliku został przedstawiony w Załączniku 2) - opcjonalnie.
- c. Program powinien umożliwiać przeglądanie pełnej przestrzeni rozwiązań metodą *brute force*,
- d. Program powinien rozwiązywać problemy DAP i DDAP z wykorzystaniem algorytmu ewolucyjnego,
- e. Program powinien umożliwiać:
  - określenie liczności populacji startowej,
  - określenie prawdopodobieństwa wystąpienia krzyżowania i mutacji,
  - wybór kryterium stopu (wymagane są: zadany czas, zadana liczba generacji, zadana liczba mutacji, brak poprawy najlepszego znanego rozwiązania obserwowany w kolejnych N generacjach),
  - zapis trajektorii procesu optymalizacji rozumianej jako sekwencja wartości najlepszych rozwiązań (chromosomów) w kolejnych generacjach,
  - wskazanie ziarna dla generatora liczb losowych.

### 2. Organizacja

- zadanie jest realizowane i zaliczane w grupach dwuosobowych,
- do 7 czerwca należy wysłać prowadzącemu (i.kalesnikau@tele.pw.edu.pl) spakowany kod źródłowy programu i sprawozdanie,
- terminy konsultacji: IK, czwartki, 15-16;

### 3. Zawartość sprawozdania

Powinno zawierać:

- a. opis zaimplementowanych algorytmów (ewolucyjny i brute force),
- b. krótki (co najwyżej jedna strona) opis implementacji,
- c. instrukcję uruchomienia programu,
- d. (dla każdej z sieci net4.txt, net12\_1.txt, net12\_2.txt, problemy DAP i DDAP) opis najlepszego uzyskanego rozwiązania
  - wartość funkcji kosztu,
  - liczbę wykonanych iteracji AE do znalezienia rozwiązania,
  - czas optymalizacji,

- wartości parametrów algorytmu---liczność populacji, prawdopodobieństwo krzyżowania, prawdopodobieństwo mutacji,
- wynikowe obciążenie łączy, wymiary łączy, rozkład zapotrzebowań na poszczególne ścieżki (przykładowy format zapisu można znaleźć w Załączniku 2).

Uwaga:

Do generacji chromosomów powinien być zastosowany generator liczb pseudolosowych. Generator to funkcja deterministyczna. Do losowania kolejnych liczb wykorzystuje tzw. ziarno (ang. *seed*), całkowicie determinujące wartości kolejnych liczb pseudolosowych.

Dla ustalonego generatora i ziarna generowane będą identyczne liczby losowe bez względu na system operacyjny, nazwę komputera, itp. co pozwala uzyskać powtarzalność otrzymanych wyników.

MM, IK

Instytut Telekomunikacji PW

Zakład Sieci i Usług Teleinformatycznych

OAST – projekt, część pierwsza,

Załącznik 1 – format pliku wejściowego

## ćwiczenia - format MP2k (net4.txt)

```

5
1 2 7 2 1 2
1 3 7 2 1 2
2 3 7 2 1 2
2 4 7 2 1 2
3 4 7 2 1 2
-1

```

```

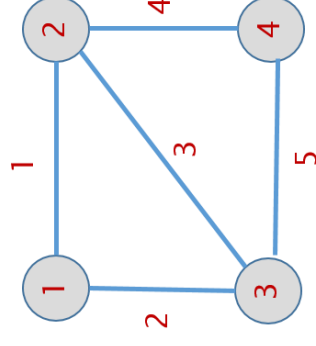
6
1 2 3
3
1 1
2 2 3
3 2 5 4
1 3 4
3
1 2
2 1 3
3 1 4 5
1 4 5
3
1 1 4
2 2 5

```

```

2 3 2
3
1 3
2 1 2
3 4 5
2 4 3
3
1 4
2 3 5
3 1 2 5
3 4 4
3
1 5
2 3 4
3 2 1 4

```



h(d): 3, 4, 5, 2, 3, 4

d: (1,2), (1,3), (1,4), (2,3), (2,4), (3,4)

### routes

$P(1,1) = \{1\}$ ,  $P(1,2) = \{2,3\}$ ,  $P(1,3) = \{2,4,5\}$   
 $P(2,1) = \{2\}$ ,  $P(2,2) = \{1,3\}$ ,  $P(2,3) = \{1,4,5\}$   
 $P(3,1) = \{1,4\}$ ,  $P(3,2) = \{2,5\}$   
 $P(4,1) = \{3\}$ ,  $P(4,2) = \{1,2\}$ ,  $P(3,3) = \{4,5\}$   
 $P(5,1) = \{4\}$ ,  $P(5,2) = \{3,5\}$ ,  $P(5,3) = \{1,2,5\}$   
 $P(6,1) = \{5\}$ ,  $P(6,2) = \{3,4\}$ ,  $P(6,3) = \{1,2,4\}$

## ćwiczenia - format MP2k - BNF (Backus-Naur Form)

```
<network> ::= <links><EOL><separator><EOL><demands>
<separator> ::= "-1"

<links> ::= <number of links><EOL><link list>
<number of links> ::= <integer>
<linkList> := <link>[<EOL><link>]*
<link> ::= <start node> <end node> <number of fibre pairs in cable> <fibre pair cost> <number
of lambdas in fibre>
<start node> ::= <node id>
<end node> ::= <node id>
<number of fibre pairs in cable> ::= <integer>
<fibre cost> ::= <float>
<number of lambdas in fibre> ::= <integer>
<node id> ::= <integer>
```

Notacja ta jest powszechnie używana w informatyce do zapisu składni (syntaktyki) języków programowania i protokołów komunikacyjnych. Została wymyślona przez Johna Backusa w latach 50. w czasie prac nad językiem Fortran, a następnie zmodyfikowaną przez Petera Naura i użyta do zdefiniowania składni języka Algol (z Wikipedii).

```
5
1 2 72 1 2
1 3 72 1 2
2 3 72 1 2
2 4 72 1 2
3 4 72 1 2
-1
```

## ćwiczenia - format MP2k - BNF (Backus-Naur Form) - 2

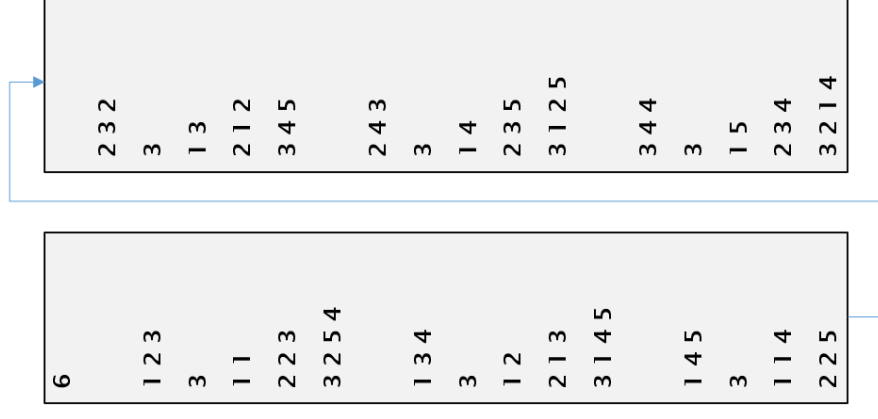
```

<demands> ::= <number of demands><EOL><demand list>

<number of demands> ::= <integer>
<demand list> ::= <demand>[<EOL><demand>]*
<demand> ::= <start node> <end node> <demand volume><EOL><demand paths>
<demand volume> ::= <integer>

<demand paths> ::= <number of demand paths><EOL><demand path list>
<number of demand paths> ::= <integer>
<demand path list> ::= <demand path>[<EOL><demand path>]*
<demand path> ::= <demand path id> <link list><EOL>
<demand path id> ::= <integer>
<link list> ::= <link id>[ <link id>]*
<link id> ::= <integer>

```



OAST – projekt, część pierwsza,

## Załącznik 2 – przykład format pliku wyjściowego

<solution > ::= <link part><EOL><demand part>

<link part> ::= <number of links><EOL><link load list>

<number of links> ::= <integer>

<link load list> ::= <link load>[<EOL><link load>]\*

<link load> ::= <link id> <number of signals> <number of fibers>

<link id> ::= <integer>

<number of signals> ::= <integer>

<number of fibers> ::= <integer>

<demand part> ::= <number of demands><EOL><demand flow list>

<number of demands> ::= <integer>

<demand flow list> ::= <demand flow>[<EOL><demand flow>]\*

<demand flow> ::= <demand id> <number of demand paths><EOL><demand path flow list>

<demand id> ::= <integer>

<number of demand paths> ::= <integer>

<demand path flow list> ::= <demand path flow>[<EOL><demand path flow>]\*

<demand path flow> ::= <path id> <path signals count>

<path id> ::= <integer>

<path signals count> ::= <integer>

## Załącznik 3 – przykładowa postać algorytmu

Schemat proponowanego algorytmu ewolucyjnego:

```
begin
   $t := 0$ 
   $P_0 := \emptyset$ 
  repeat  $\mu$  razy {inicjalizacja}
  begin
     $x :=$  funkcja alokacji (chromosom)
    ewaluacja  $f(x)$ 
     $P_0 := P_0 \cup \{x\}$ 
  end
  while (not kryterium stopu) do
  begin
     $O_t := \emptyset$ 
    repeat  $\lambda$  razy {reprodukcja}
    begin
       $x :=$  wybierz losowo z ( $P_t$ )
       $x' :=$  kopiuj ( $x$ )
       $O_t := O_t \cup \{x'\}$ 
    end
    podziel  $O_t$  na  $\lambda/2$  rozłącznych dwuelementowych
    podzbiorów  $K_m$  ( $m = 1, 2, \dots, \lambda/2$ )
    for each ( $x^{C_1}, x^{C_2} \in K_m$ ),  $m = 1, \dots, \lambda/2$  do
      if  $u_{(0..1)} < p_{cross}$  then krzyżowanie ( $x^{C_1}, x^{C_2}$ )
    for each  $x \in O_t$  do
    begin
      if  $u_{(0..1)} < p_{mut}$  then mutacja ( $x$ )
      ewaluacja  $f(x)$ 
    end
     $P_{t+1} := \emptyset$ 
    repeat  $\mu$  razy {selekcja}
    begin
       $x :=$  wybierz najlepsze z ( $P_t \cup O_t \setminus P_{t+1}$ )
       $P_{t+1} := P_{t+1} \cup \{x\}$ 
    end
     $t := t + 1$ 
  end.
```