

# 赵浦光

性别:男

现居城市: 江苏省-南京市

电 话: 13271568090

出生日期: 2000-06-06

籍 贯:河南省-周口市

邮 箱: 1124299376@q q.com



### 教育经历

2022年09月-2025年06月

2018年09月—2022年06月

中国药科大学

中药资源学(学硕)(硕)

中国药科大学

中药学 (本科)

#### 主修课程

中药学、基础化学、物理化学、有机化学、生物化学、波谱解析、色谱光谱分析、微生物学、药理学、中药药理、中药化学、中药鉴定、中药分析、中药生物技术、GMP车间实训、中药企业实践等

#### 研究方向

#### 2022年09月—至今

#### 系统发育研究

硕士期间课题主要方向为生物信息,目前课题大致内容为萜类化合物合成通路中的相关基因在绿色植物中的起源与进化 (未发表)。对144个物种的基因组(从蓝藻到被子植物)构建20余个基因(MEP通路,MVA通路,TPS家族)的系统 发育树,进而进行下一步研究,例如保守序列分析,转录组表达量分析,重复基因分析等。

# 掌握技能

- 英语六级(463)
- Linux系统、Python、R语言
- Adobe Illustrator、ChemDraw、SPSS、Geneious、itol等常用科研软件或网站
- 植物DNA提取、核酸电泳、PCR扩增、HPLC及其他常规化学、生物湿实验等

# 科研成果

Liao Y<sup>†</sup>, Zhao S<sup>†</sup>, Zhang W, **Zhao P**, Lu B, Moody ML, Tan N, Chen L. Chromosome-level genome and hig h nitrogen stress response of the widespread and ecologically important wetland plant Typha angustifoli a. Front Plant Sci. 2023 May 参与到香蒲的购买,营养液配制,培养,以及氨氮胁迫处理前后香蒲活性指标测定

Chen L, Wang X, Huang C, Diego M, Zhang N, Hu Y, Wang X, **Zhao P**, Wei X, Wei K, Hemu X, Tan N, Wang Q. Phylotranscriptomics reveals the phylogeny of Asparagales and the evolution of allium flavor biosynthesis, Nat Commun. 2024 May (返修中) 参与到前期文献调研,物种处理,研究成分以及基因的搜索,活性成分的检测

Zhang  $N^{\dagger}$ , **Zhao P** $^{\dagger}$ , Zhang W, Wang H, Wang X, Wang K, Zhang Z, Tan N. A chromosome-level genome of Lobelia seguinii provides insights into the evolution of Campanulaceae and the biosynthesis of lobeline . Genomics. (返修) 参与到生物信息分析以及生物合成部分,文章修改

Wang J<sup>†</sup>, Zhang W<sup>†</sup>, **Zhao P**, Wang X, Yang X, Zhao S, Chen L. Chromosome-level genome assembly of P ontederia cordata L. provides insights into its rapid adaptation and variation of flower colors. DNA Res (返修中) 参与到生物信息分析部分以及文章修改

Zhao P, et al. Origin and evolution of genes involved in terpene biosynthetic pathways in green plants. (初稿完成)

#### 自我评价

我是一个责任心强、工作认真且注重细节的人。在工作中能够快速学习新知识,适应不同的环境和任务,具备较强的团队协作能力、学习新知识的能力和解决问题的能力,参与江苏省研究生创新计划。此外,我具有良好的沟通能力,能够有效协调团队工作,推动项目按时完成,多次参与院里活动的策划宣传以及文案撰写。热爱运动,如乒乓球,篮球等。