

Alternative: tukey_0.14 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.03	0.07	0.04	0.02	0.04	0.05	0.06	0.09	0.06	0.05	0.05	0.06	0.04	0.04	0.06	0.05	0.03
HOSKI NG4	0.03	0.0	0.02	0.03	0.07	0.03	0.03	0.03	0.04	0.09	0.05	0.06	0.04	0.06	0.06	0.05	0.06
DH	0.1	0.05	0.08	0.07	0.06	0.06	0.03	0.01	0.04	0.05	0.02	0.02	0.02	0.04	0.03	0.04	0.04
CS	0.13	0.05	0.02	0.05	0.04	0.03	0.01	0.01	0.06	0.05	0.03	0.03	0.04	0.06	0.05	0.04	0.05
GMG	0.07	0.05	0.04	0.02	0.04	0.05	0.07	0.07	0.06	0.05	0.04	0.06	0.04	0.05	0.06	0.05	0.03
ZWA	0.1	0.05	0.04	0.05	0.07	0.03	0.01	0.03	0.03	0.05	0.03	0.04	0.03	0.05	0.04	0.04	0.05
CC1	0.1	0.0	0.04	0.03	0.06	0.03	0.03	0.04	0.07	0.04	0.04	0.02	0.04	0.06	0.05	0.04	0.05
D	0.03	0.05	0.06	0.05	0.03	0.1	0.03	0.01	0.05	0.06	0.04	0.05	0.03	0.04	0.05	0.06	0.04
MI	0.07	0.05	0.06	0.03	0.07	0.06	0.01	0.08	0.07	0.04	0.04	0.03	0.03	0.04	0.03	0.03	0.02
BM1	0.1	0.05	0.06	0.02	0.04	0.05	0.01	0.04	0.05	0.04	0.02	0.01	0.02	0.04	0.03	0.03	0.04
HOSKI NG2	0.07	0.07	0.0	0.05	0.04	0.04	0.07	0.01	0.04	0.08	0.04	0.06	0.04	0.06	0.05	0.04	0.06
ZQ	0.0	0.05	0.06	0.03	0.07	0.05	0.04	0.04	0.06	0.04	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
HOSKI NG1	0.13	0.05	0.0	0.03	0.03	0.05	0.03	0.03	0.06	0.07	0.03	0.05	0.04	0.07	0.05	0.04	0.05
SWRG	0.0	0.05	0.1	0.03	0.09	0.05	0.07	0.02	0.07	0.05	0.04	0.03	0.03	0.02	0.02	0.03	0.02

ZQ	0.0	0.03	0.02	0.0	0.01	0.0	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.07	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.0	0.03	0.02	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0
ZQS	0.0	0.03	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.02	0.02	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01

Alternative: tukey_0.14 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.13	0.12	0.1	0.05	0.1	0.11	0.11	0.13	0.1	0.11	0.07	0.11	0.1	0.1	0.11	0.1	0.1
HOSKI NG4	0.07	0.05	0.04	0.12	0.1	0.05	0.07	0.14	0.07	0.12	0.09	0.11	0.1	0.12	0.11	0.09	0.1
DH	0.17	0.07	0.12	0.1	0.1	0.07	0.06	0.09	0.1	0.1	0.07	0.05	0.07	0.09	0.08	0.07	0.07
CS	0.2	0.05	0.1	0.08	0.1	0.04	0.06	0.07	0.11	0.11	0.09	0.08	0.07	0.13	0.09	0.09	0.09
GMG	0.1	0.07	0.06	0.07	0.06	0.12	0.11	0.14	0.1	0.12	0.07	0.11	0.1	0.09	0.11	0.1	0.1
ZWA	0.2	0.07	0.1	0.07	0.14	0.09	0.03	0.08	0.09	0.11	0.07	0.06	0.07	0.12	0.09	0.08	0.09
CC1	0.17	0.1	0.06	0.08	0.13	0.05	0.03	0.08	0.12	0.11	0.08	0.06	0.07	0.11	0.09	0.08	0.09
D	0.07	0.1	0.12	0.07	0.04	0.11	0.07	0.04	0.09	0.12	0.1	0.1	0.09	0.1	0.1	0.11	0.09

MI	0.17	0.1	0.1	0.08	0.14	0.12	0.07	0.15	0.11	0.1	0.06	0.08	0.07	0.07	0.08	0.07	0.06
BM1	0.17	0.07	0.12	0.08	0.11	0.09	0.04	0.1	0.1	0.09	0.06	0.05	0.07	0.09	0.08	0.07	0.07
HOSKI NG2	0.17	0.07	0.02	0.12	0.1	0.07	0.09	0.1	0.09	0.13	0.07	0.1	0.1	0.12	0.1	0.1	0.11
ZQ	0.0	0.15	0.12	0.12	0.11	0.09	0.09	0.1	0.1	0.09	0.06	0.06	0.05	0.04	0.05	0.04	0.04
HOSKI NG1	0.23	0.12	0.06	0.12	0.09	0.1	0.1	0.08	0.13	0.12	0.08	0.09	0.08	0.12	0.1	0.09	0.1
SWRG	0.03	0.12	0.2	0.12	0.11	0.09	0.13	0.08	0.12	0.09	0.08	0.08	0.07	0.05	0.05	0.06	0.04
BM2	0.17	0.07	0.08	0.12	0.09	0.09	0.04	0.1	0.12	0.08	0.04	0.07	0.04	0.07	0.05	0.06	0.05
ZQS	0.13	0.12	0.1	0.08	0.1	0.12	0.1	0.12	0.11	0.08	0.07	0.06	0.05	0.04	0.05	0.05	0.04
SW	0.1	0.15	0.1	0.13	0.17	0.09	0.13	0.05	0.09	0.1	0.12	0.09	0.1	0.11	0.1	0.09	0.11

Alternative: gamma_3_2 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.23	0.2	0.18	0.27	0.27	0.2	0.24	0.22	0.45	0.48	0.58	0.66	0.64	0.74	0.77	0.79	0.83
HOSKI NG4	0.03	0.1	0.22	0.2	0.27	0.29	0.29	0.39	0.7	0.88	0.96	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.53	0.57	0.76	0.88	0.87	0.99	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.63	0.7	0.82	0.92	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.27	0.33	0.24	0.35	0.37	0.31	0.43	0.39	0.68	0.73	0.82	0.89	0.92	0.97	0.98	0.98	0.99

ZWA	0.63	0.7	0.84	0.93	0.93	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.53	0.62	0.72	0.88	0.91	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.05	0.0	0.0	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.43	0.38	0.46	0.62	0.64	0.57	0.67	0.72	0.93	0.96	0.99	1.0	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99
BM1	0.47	0.53	0.62	0.78	0.84	0.9	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.2	0.45	0.48	0.6	0.69	0.66	0.72	0.88	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.53	0.57	0.76	0.87	0.91	0.94	0.97	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.53	0.55	0.66	0.87	0.86	0.84	0.97	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.43	0.38	0.42	0.52	0.51	0.56	0.63	0.61	0.84	0.86	0.92	0.95	0.95	0.98	0.98	0.98	0.99
SW	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: gamma_3_2 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.13	0.07	0.08	0.07	0.13	0.11	0.1	0.13	0.28	0.32	0.4	0.46	0.48	0.57	0.59	0.64	0.69
HOSKI NG4	0.0	0.05	0.06	0.07	0.1	0.14	0.19	0.12	0.5	0.69	0.86	0.94	0.97	0.99	0.99	1.0	1.0

DH	0.27	0.5	0.48	0.8	0.76	0.76	0.92	0.94	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.4	0.53	0.6	0.83	0.84	0.88	0.97	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.1	0.17	0.18	0.27	0.29	0.24	0.23	0.23	0.52	0.57	0.72	0.78	0.81	0.9	0.94	0.94	0.96
ZWA	0.43	0.5	0.62	0.87	0.9	0.94	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.37	0.47	0.48	0.72	0.8	0.76	0.88	0.94	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.27	0.3	0.22	0.37	0.41	0.44	0.5	0.56	0.89	0.92	0.97	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99
BM1	0.3	0.33	0.28	0.48	0.54	0.51	0.63	0.69	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.03	0.12	0.2	0.23	0.37	0.4	0.41	0.6	0.91	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.2	0.5	0.54	0.77	0.8	0.81	0.91	0.93	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.3	0.33	0.24	0.45	0.43	0.42	0.54	0.59	0.94	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.37	0.3	0.22	0.3	0.36	0.3	0.34	0.32	0.65	0.68	0.72	0.82	0.82	0.88	0.89	0.9	0.94
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: gamma_3_2 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.23	0.28	0.22	0.37	0.39	0.25	0.36	0.34	0.53	0.56	0.68	0.74	0.73	0.82	0.84	0.85	0.89
HOSKI NG4	0.1	0.17	0.3	0.32	0.39	0.42	0.43	0.49	0.78	0.92	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.6	0.78	0.82	0.9	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.63	0.85	0.88	0.93	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.33	0.38	0.34	0.47	0.51	0.42	0.47	0.53	0.76	0.79	0.88	0.92	0.94	0.98	0.99	0.99	0.99
ZWA	0.67	0.85	0.9	0.93	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.67	0.82	0.86	0.95	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.03	0.05	0.0	0.0	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.5	0.5	0.54	0.72	0.74	0.68	0.73	0.81	0.95	0.97	0.99	1.0	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99
BM1	0.53	0.7	0.74	0.9	0.93	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.3	0.53	0.6	0.63	0.84	0.78	0.84	0.9	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.6	0.75	0.82	0.92	0.93	0.97	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.6	0.72	0.78	0.9	0.91	1.0	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.5	0.53	0.6	0.67	0.67	0.68	0.78	0.75	0.9	0.92	0.97	0.98	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0

SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.17	0.28	0.36	0.32	0.56	0.6	0.64	0.72	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.03	0.03	0.04	0.02	0.03	0.01	0.03	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: lo_con_norm_0.3_3 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.07	0.15	0.16	0.13	0.26	0.38	0.37	0.48	0.92	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.03	0.1	0.1	0.17	0.27	0.35	0.34	0.47	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.13	0.12	0.3	0.23	0.47	0.59	0.58	0.69	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.07	0.1	0.18	0.2	0.33	0.4	0.4	0.55	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.0	0.05	0.1	0.05	0.2	0.3	0.19	0.38	0.89	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.03	0.02	0.0	0.01	0.01	0.04	0.02	0.02	0.03	0.02	0.04	0.05	0.04	0.05	0.04	0.04
MI	0.0	0.0	0.04	0.0	0.01	0.04	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.0	0.0	0.04	0.0	0.03	0.01	0.01	0.03	0.25	0.88	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

GMG	0.13	0.33	0.18	0.18	0.33	0.25	0.26	0.24	0.4	0.5	0.6	0.66	0.71	0.76	0.81	0.84	0.85
ZWA	0.47	0.65	0.62	0.7	0.77	0.85	0.94	0.92	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.5	0.6	0.54	0.65	0.81	0.75	0.9	0.92	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.05	0.02	0.07	0.0	0.04	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.23	0.47	0.26	0.33	0.5	0.42	0.48	0.51	0.69	0.88	0.95	0.96	0.98	1.0	0.99	1.0	1.0
BM1	0.37	0.57	0.44	0.53	0.69	0.64	0.81	0.83	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.1	0.2	0.24	0.22	0.31	0.4	0.49	0.49	0.81	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.33	0.55	0.48	0.55	0.74	0.7	0.89	0.88	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.4	0.55	0.48	0.48	0.66	0.64	0.79	0.78	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.37	0.55	0.34	0.42	0.49	0.44	0.52	0.52	0.58	0.71	0.82	0.8	0.86	0.89	0.89	0.92	0.94
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: chi2_10 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.03	0.07	0.06	0.02	0.16	0.1	0.1	0.08	0.14	0.11	0.18	0.22	0.23	0.27	0.3	0.33	0.38

HOSKI NG4	0.0	0.07	0.04	0.03	0.06	0.05	0.07	0.06	0.28	0.42	0.61	0.69	0.81	0.85	0.92	0.95	0.97
DH	0.13	0.33	0.18	0.28	0.5	0.51	0.63	0.66	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.23	0.35	0.28	0.38	0.57	0.59	0.77	0.72	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.1	0.12	0.06	0.07	0.21	0.14	0.12	0.15	0.26	0.32	0.41	0.45	0.52	0.6	0.63	0.7	0.72
ZWA	0.27	0.38	0.32	0.48	0.64	0.61	0.79	0.76	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.17	0.4	0.28	0.38	0.57	0.55	0.68	0.76	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.03	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.1	0.33	0.08	0.17	0.37	0.25	0.31	0.3	0.55	0.74	0.91	0.91	0.96	0.98	0.98	1.0	1.0
BM1	0.13	0.33	0.12	0.23	0.43	0.35	0.44	0.47	0.85	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.03	0.07	0.06	0.1	0.13	0.17	0.24	0.27	0.62	0.89	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.17	0.28	0.2	0.27	0.49	0.53	0.62	0.64	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.13	0.3	0.1	0.2	0.33	0.26	0.36	0.3	0.6	0.91	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.17	0.25	0.16	0.18	0.29	0.23	0.32	0.26	0.33	0.41	0.56	0.54	0.63	0.65	0.69	0.74	0.73
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: chi2_10 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.13	0.35	0.16	0.22	0.36	0.23	0.26	0.23	0.34	0.39	0.48	0.53	0.57	0.61	0.61	0.67	0.69
HOSKING4	0.13	0.15	0.18	0.22	0.17	0.24	0.36	0.36	0.57	0.78	0.86	0.9	0.97	0.98	0.99	0.99	0.99
DH	0.6	0.7	0.64	0.73	0.84	0.86	0.94	0.94	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.6	0.72	0.74	0.72	0.86	0.88	0.94	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.13	0.45	0.22	0.27	0.4	0.35	0.33	0.34	0.46	0.56	0.71	0.75	0.79	0.84	0.87	0.91	0.91
ZWA	0.67	0.75	0.7	0.8	0.89	0.91	0.96	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.7	0.7	0.74	0.83	0.9	0.89	0.96	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.05	0.04	0.07	0.01	0.05	0.02	0.02	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.33	0.57	0.42	0.53	0.59	0.53	0.59	0.6	0.8	0.92	0.97	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
BM1	0.57	0.68	0.62	0.75	0.84	0.82	0.93	0.91	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKING2	0.23	0.3	0.32	0.35	0.56	0.56	0.62	0.61	0.9	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKING1	0.57	0.65	0.62	0.68	0.81	0.85	0.92	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.6	0.65	0.56	0.73	0.81	0.78	0.92	0.9	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.43	0.62	0.44	0.57	0.69	0.49	0.62	0.63	0.69	0.83	0.91	0.89	0.94	0.96	0.95	0.97	0.97

SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

Alternative: scale_con_norm_0.2_2 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.17	0.2	0.46	0.3	0.39	0.5	0.42	0.48	0.76	0.89	0.92	0.98	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.03	0.03	0.08	0.05	0.1	0.05	0.07	0.07	0.06	0.06	0.1	0.06	0.07	0.08	0.1	0.1	0.1
DH	0.2	0.3	0.5	0.33	0.47	0.56	0.5	0.53	0.8	0.91	0.96	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.17	0.2	0.32	0.27	0.37	0.36	0.3	0.37	0.68	0.79	0.89	0.95	0.97	0.99	0.99	1.0	1.0
GMG	0.17	0.2	0.46	0.3	0.37	0.49	0.43	0.49	0.76	0.89	0.93	0.98	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.13	0.23	0.34	0.28	0.34	0.34	0.33	0.34	0.63	0.77	0.88	0.95	0.97	0.98	0.99	1.0	1.0
CC1	0.2	0.17	0.38	0.28	0.34	0.31	0.26	0.34	0.52	0.6	0.66	0.72	0.83	0.84	0.9	0.92	0.93
D	0.03	0.03	0.0	0.05	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.23	0.28	0.48	0.4	0.46	0.59	0.52	0.6	0.85	0.95	0.98	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
BM1	0.23	0.25	0.44	0.38	0.5	0.54	0.5	0.48	0.8	0.9	0.96	0.99	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.1	0.07	0.1	0.1	0.11	0.09	0.06	0.13	0.15	0.2	0.28	0.34	0.34	0.4	0.43	0.48	0.52
ZQ	0.07	0.2	0.18	0.27	0.2	0.28	0.32	0.38	0.42	0.55	0.61	0.67	0.68	0.7	0.73	0.76	0.78
HOSKI NG1	0.2	0.17	0.3	0.28	0.33	0.34	0.27	0.38	0.59	0.74	0.83	0.92	0.94	0.96	0.98	0.99	1.0

SWRG	0.03	0.03	0.12	0.08	0.01	0.07	0.13	0.05	0.04	0.02	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.23	0.28	0.46	0.37	0.44	0.6	0.53	0.53	0.79	0.88	0.95	0.98	0.99	0.99	0.99	1.0	1.0
ZQS	0.27	0.12	0.36	0.17	0.37	0.46	0.32	0.29	0.45	0.53	0.64	0.64	0.67	0.69	0.71	0.77	0.8
SW	0.03	0.05	0.02	0.05	0.0	0.01	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: scale_con_norm_0.2_2 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.1	0.07	0.22	0.2	0.21	0.26	0.2	0.27	0.59	0.75	0.82	0.92	0.95	0.96	0.98	0.99	0.99
HOSKING4	0.0	0.0	0.06	0.0	0.03	0.05	0.02	0.02	0.01	0.03	0.02	0.01	0.02	0.02	0.03	0.02	0.03
DH	0.03	0.07	0.22	0.18	0.24	0.31	0.28	0.3	0.64	0.8	0.91	0.96	0.98	0.99	0.99	1.0	1.0
CS	0.0	0.1	0.24	0.17	0.19	0.21	0.18	0.19	0.49	0.67	0.81	0.88	0.94	0.96	0.98	1.0	1.0
GMG	0.1	0.07	0.22	0.22	0.21	0.26	0.19	0.26	0.58	0.75	0.83	0.93	0.95	0.96	0.98	0.99	0.99
ZWA	0.0	0.07	0.24	0.15	0.13	0.2	0.17	0.13	0.36	0.55	0.72	0.8	0.88	0.92	0.95	0.98	0.98
CC1	0.1	0.1	0.26	0.18	0.19	0.16	0.14	0.15	0.28	0.37	0.48	0.54	0.6	0.67	0.72	0.75	0.8
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.03	0.1	0.28	0.22	0.3	0.34	0.29	0.34	0.71	0.85	0.94	0.98	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0
BM1	0.03	0.07	0.32	0.2	0.3	0.29	0.24	0.32	0.66	0.8	0.9	0.96	0.98	0.98	0.99	1.0	1.0

HOSKI NG2	0.0	0.03	0.06	0.03	0.06	0.05	0.01	0.05	0.05	0.07	0.12	0.13	0.16	0.23	0.24	0.28	0.31
ZQ	0.03	0.05	0.12	0.15	0.09	0.11	0.18	0.15	0.24	0.33	0.4	0.41	0.42	0.46	0.51	0.48	0.54
HOSKI NG1	0.1	0.07	0.2	0.2	0.14	0.17	0.13	0.21	0.41	0.55	0.69	0.8	0.88	0.9	0.94	0.97	0.98
SWRG	0.03	0.03	0.04	0.0	0.0	0.01	0.03	0.01	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.03	0.07	0.3	0.18	0.24	0.28	0.2	0.23	0.45	0.67	0.79	0.86	0.9	0.94	0.96	0.99	0.99
ZQS	0.03	0.05	0.22	0.05	0.17	0.2	0.11	0.12	0.24	0.27	0.38	0.39	0.39	0.41	0.48	0.51	0.53
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: scale_con_norm_0.2_2 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.33	0.28	0.54	0.37	0.56	0.6	0.54	0.58	0.84	0.93	0.95	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.07	0.07	0.1	0.07	0.16	0.09	0.13	0.12	0.07	0.12	0.15	0.14	0.12	0.16	0.16	0.17	0.18
DH	0.3	0.38	0.54	0.42	0.53	0.64	0.57	0.63	0.84	0.93	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.2	0.25	0.42	0.35	0.46	0.47	0.41	0.46	0.74	0.84	0.93	0.97	0.98	0.99	0.99	1.0	1.0
GMG	0.37	0.3	0.56	0.35	0.56	0.6	0.57	0.58	0.83	0.93	0.95	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.2	0.33	0.48	0.35	0.47	0.53	0.39	0.48	0.76	0.83	0.93	0.97	0.98	0.99	0.99	1.0	1.0
CC1	0.27	0.25	0.44	0.32	0.5	0.39	0.38	0.44	0.61	0.7	0.76	0.85	0.9	0.92	0.95	0.97	0.97

GMG	0.03	0.0	0.04	0.03	0.04	0.04	0.1	0.05	0.09	0.08	0.09	0.06	0.06	0.06	0.07	0.07	0.05
ZWA	0.07	0.35	0.5	0.52	0.53	0.71	0.83	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.1	0.12	0.4	0.47	0.4	0.53	0.68	0.69	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.23	0.07	0.1	0.02	0.03	0.07	0.08	0.03	0.01	0.02	0.01	0.02	0.0	0.01	0.01	0.0	0.01
MI	0.07	0.03	0.12	0.05	0.17	0.16	0.31	0.22	0.33	0.38	0.45	0.51	0.58	0.61	0.65	0.69	0.74
BM1	0.07	0.05	0.26	0.27	0.3	0.38	0.59	0.5	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.1	0.05	0.14	0.17	0.13	0.31	0.36	0.43	0.69	0.79	0.94	0.98	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.1	0.1	0.34	0.35	0.36	0.49	0.66	0.71	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.1	0.1	0.26	0.32	0.29	0.41	0.56	0.55	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.07	0.07	0.2	0.22	0.16	0.12	0.27	0.2	0.36	0.42	0.44	0.46	0.51	0.47	0.5	0.54	0.56
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: weibull_1_2 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

HOSKI NG4	0.0	0.03	0.02	0.03	0.01	0.06	0.04	0.03	0.12	0.19	0.29	0.35	0.47	0.55	0.66	0.71	0.78
DH	0.03	0.05	0.08	0.13	0.16	0.33	0.39	0.41	0.93	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.03	0.07	0.14	0.23	0.29	0.38	0.52	0.54	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.03	0.0	0.02	0.02	0.01	0.03	0.02	0.03	0.03	0.03	0.01	0.01	0.01	0.02	0.03	0.01	0.01
ZWA	0.03	0.1	0.18	0.27	0.36	0.47	0.61	0.68	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.03	0.03	0.12	0.12	0.2	0.28	0.48	0.41	0.88	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.07	0.0	0.02	0.0	0.0	0.05	0.03	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.03	0.0	0.02	0.03	0.03	0.03	0.1	0.08	0.16	0.22	0.26	0.29	0.38	0.41	0.44	0.48	0.53
BM1	0.03	0.03	0.08	0.03	0.1	0.1	0.22	0.19	0.54	0.88	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.0	0.03	0.04	0.03	0.03	0.17	0.1	0.15	0.36	0.61	0.83	0.92	0.96	0.98	0.99	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.03	0.07	0.08	0.17	0.21	0.35	0.4	0.44	0.89	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.03	0.0	0.08	0.05	0.04	0.07	0.14	0.1	0.27	0.47	0.75	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.03	0.0	0.08	0.07	0.06	0.04	0.11	0.06	0.18	0.2	0.16	0.2	0.23	0.22	0.22	0.24	0.24
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: weibull_1_2 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.07	0.0	0.08	0.03	0.07	0.09	0.1	0.05	0.1	0.06	0.05	0.04	0.03	0.03	0.04	0.02	0.02
HOSKING4	0.1	0.1	0.14	0.22	0.1	0.21	0.28	0.3	0.34	0.53	0.69	0.73	0.82	0.83	0.89	0.94	0.96
DH	0.17	0.23	0.48	0.58	0.49	0.62	0.74	0.86	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.27	0.4	0.66	0.62	0.6	0.74	0.88	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.1	0.03	0.12	0.07	0.1	0.14	0.18	0.08	0.14	0.14	0.13	0.11	0.12	0.12	0.12	0.12	0.1
ZWA	0.2	0.5	0.68	0.67	0.61	0.8	0.91	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.27	0.38	0.46	0.67	0.53	0.7	0.8	0.83	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.23	0.1	0.2	0.07	0.11	0.1	0.09	0.08	0.05	0.05	0.02	0.03	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01
MI	0.07	0.07	0.2	0.2	0.2	0.23	0.4	0.31	0.41	0.49	0.56	0.62	0.69	0.7	0.73	0.79	0.81
BM1	0.17	0.25	0.42	0.58	0.47	0.6	0.73	0.78	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKING2	0.17	0.1	0.22	0.28	0.26	0.42	0.48	0.54	0.83	0.9	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKING1	0.23	0.3	0.54	0.55	0.5	0.64	0.72	0.85	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.23	0.2	0.5	0.55	0.49	0.51	0.71	0.73	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.2	0.15	0.28	0.32	0.26	0.25	0.48	0.37	0.49	0.6	0.57	0.61	0.66	0.65	0.68	0.7	0.72

SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

Alternative: lo_con_norm_0.4_1 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.03	0.05	0.02	0.02	0.07	0.05	0.03	0.03	0.04	0.02	0.04	0.03	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02
HOSKI NG4	0.0	0.07	0.04	0.07	0.07	0.01	0.04	0.08	0.06	0.07	0.04	0.07	0.06	0.06	0.06	0.05	0.06
DH	0.03	0.1	0.02	0.05	0.07	0.03	0.02	0.05	0.04	0.05	0.04	0.04	0.05	0.05	0.06	0.07	0.05
CS	0.0	0.07	0.02	0.03	0.06	0.03	0.03	0.08	0.06	0.07	0.06	0.06	0.06	0.06	0.07	0.08	0.06
GMG	0.03	0.05	0.02	0.02	0.07	0.05	0.03	0.04	0.04	0.03	0.04	0.03	0.03	0.01	0.02	0.02	0.02
ZWA	0.0	0.07	0.02	0.03	0.07	0.04	0.02	0.06	0.07	0.06	0.06	0.07	0.06	0.07	0.09	0.08	0.07
CC1	0.0	0.07	0.08	0.07	0.06	0.03	0.03	0.05	0.03	0.06	0.04	0.06	0.06	0.05	0.07	0.06	0.05
D	0.07	0.03	0.04	0.03	0.06	0.07	0.04	0.09	0.09	0.08	0.07	0.08	0.1	0.13	0.11	0.12	0.12
MI	0.07	0.05	0.02	0.03	0.07	0.03	0.02	0.05	0.01	0.03	0.02	0.02	0.03	0.01	0.02	0.02	0.02
BM1	0.03	0.07	0.04	0.03	0.06	0.01	0.03	0.04	0.03	0.05	0.04	0.03	0.05	0.04	0.05	0.06	0.04
HOSKI NG2	0.0	0.07	0.02	0.07	0.07	0.07	0.04	0.03	0.06	0.07	0.04	0.06	0.07	0.06	0.05	0.06	0.08
ZQ	0.07	0.07	0.08	0.03	0.03	0.03	0.02	0.06	0.03	0.03	0.03	0.02	0.05	0.03	0.02	0.02	0.02
HOSKI NG1	0.03	0.07	0.04	0.03	0.07	0.03	0.03	0.03	0.04	0.07	0.03	0.07	0.07	0.06	0.06	0.07	0.07

SWRG	0.03	0.0	0.0	0.03	0.03	0.03	0.04	0.04	0.05	0.06	0.04	0.03	0.03	0.05	0.03	0.04	0.03
BM2	0.0	0.1	0.08	0.03	0.03	0.03	0.01	0.04	0.02	0.05	0.03	0.02	0.04	0.03	0.04	0.04	0.03
ZQS	0.03	0.05	0.08	0.05	0.11	0.04	0.04	0.02	0.03	0.04	0.03	0.03	0.03	0.03	0.04	0.04	0.04
SW	0.1	0.07	0.08	0.03	0.04	0.04	0.07	0.02	0.06	0.07	0.05	0.04	0.05	0.04	0.04	0.05	0.05

Alternative: lo_con_norm_0.4_1 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.0	0.02	0.02	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0
HOSKING4	0.0	0.03	0.0	0.0	0.03	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.02	0.02
DH	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01
CS	0.0	0.05	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.02	0.01	0.02	0.01	0.02	0.02	0.02	0.01	0.02	0.01
GMG	0.0	0.0	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.0	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.02	0.0	0.02	0.01	0.02	0.01	0.02	0.02	0.02	0.01
CC1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01
D	0.03	0.0	0.04	0.02	0.03	0.01	0.01	0.01	0.01	0.03	0.01	0.02	0.02	0.03	0.02	0.03	0.02
MI	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.01	0.01	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01

HOSKI NG2	0.0	0.05	0.02	0.0	0.04	0.0	0.01	0.02	0.03	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.02	0.01	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.0	0.03	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.02	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01	0.02	0.01
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01
BM2	0.0	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
ZQS	0.0	0.05	0.04	0.02	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01
SW	0.03	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.01	0.02	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01

Alternative: lo_con_norm_0.4_1 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.1	0.17	0.06	0.07	0.09	0.06	0.09	0.06	0.07	0.05	0.07	0.06	0.05	0.04	0.06	0.06	0.06
HOSKI NG4	0.03	0.1	0.08	0.1	0.1	0.09	0.06	0.1	0.12	0.11	0.11	0.13	0.1	0.11	0.11	0.1	0.12
DH	0.1	0.1	0.12	0.1	0.14	0.06	0.07	0.09	0.08	0.11	0.08	0.11	0.1	0.11	0.11	0.14	0.11
CS	0.0	0.12	0.1	0.13	0.16	0.1	0.06	0.09	0.1	0.13	0.1	0.14	0.12	0.12	0.12	0.15	0.14
GMG	0.1	0.15	0.06	0.08	0.1	0.06	0.09	0.07	0.07	0.06	0.06	0.06	0.05	0.03	0.06	0.05	0.06
ZWA	0.03	0.1	0.1	0.13	0.07	0.07	0.07	0.09	0.14	0.11	0.09	0.12	0.12	0.14	0.15	0.14	0.14
CC1	0.07	0.1	0.12	0.12	0.09	0.1	0.08	0.09	0.12	0.12	0.09	0.14	0.11	0.1	0.14	0.12	0.12

HOSKI NG4	0.17	0.42	0.52	0.63	0.8	0.85	0.92	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.27	0.38	0.52	0.68	0.81	0.8	0.91	0.94	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.8	0.88	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.53	0.85	0.9	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.02	0.25	0.8	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.02	0.03	0.04	0.07	0.08	0.09
MI	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.33	0.68	0.72	0.88	0.91	0.96	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.5	0.82	0.9	0.97	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.0	0.0	0.0	0.05	0.11	0.19	0.32	0.47	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: mix_con_norm_0.4_3_0.25 Significant level: 0.1

[illegible]

SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

Alternative: scale_con_norm_0.05_4 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.4	0.4	0.62	0.6	0.56	0.69	0.72	0.69	0.94	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.0	0.03	0.06	0.05	0.1	0.07	0.01	0.01	0.06	0.03	0.04	0.06	0.05	0.05	0.05	0.08	0.06
DH	0.47	0.45	0.7	0.7	0.69	0.74	0.79	0.77	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.47	0.4	0.66	0.6	0.61	0.68	0.74	0.73	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.4	0.38	0.58	0.6	0.56	0.71	0.71	0.7	0.94	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.43	0.4	0.66	0.6	0.63	0.68	0.76	0.73	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.53	0.47	0.64	0.55	0.59	0.65	0.7	0.75	0.92	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.03	0.02	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.3	0.42	0.6	0.67	0.51	0.68	0.71	0.59	0.74	0.72	0.73	0.63	0.63	0.58	0.53	0.5	0.49
BM1	0.5	0.53	0.72	0.67	0.66	0.72	0.8	0.79	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.1	0.05	0.1	0.05	0.19	0.16	0.07	0.12	0.17	0.21	0.26	0.23	0.31	0.33	0.34	0.39	0.44
ZQ	0.33	0.35	0.46	0.4	0.49	0.51	0.54	0.54	0.77	0.91	0.96	0.96	0.98	0.99	0.99	1.0	1.0
HOSKI NG1	0.4	0.33	0.62	0.53	0.51	0.62	0.64	0.66	0.86	0.91	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

SWRG	0.0	0.03	0.02	0.02	0.06	0.03	0.02	0.02	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.47	0.5	0.7	0.67	0.67	0.72	0.78	0.79	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.27	0.33	0.44	0.53	0.44	0.53	0.53	0.55	0.82	0.92	0.95	0.97	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: scale_con_norm_0.05_4 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.4	0.3	0.58	0.45	0.47	0.57	0.63	0.67	0.91	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKING4	0.0	0.0	0.02	0.0	0.04	0.03	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.02	0.02
DH	0.37	0.35	0.66	0.55	0.59	0.66	0.72	0.67	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.37	0.38	0.58	0.5	0.54	0.62	0.68	0.66	0.92	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.4	0.3	0.56	0.48	0.47	0.57	0.63	0.67	0.9	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.37	0.38	0.58	0.47	0.57	0.61	0.64	0.66	0.91	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.37	0.38	0.56	0.47	0.46	0.56	0.63	0.67	0.87	0.94	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.27	0.28	0.5	0.5	0.46	0.61	0.6	0.52	0.71	0.71	0.73	0.63	0.62	0.57	0.52	0.49	0.49
BM1	0.43	0.4	0.62	0.6	0.57	0.66	0.73	0.69	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

HOSKI NG2	0.07	0.03	0.02	0.03	0.07	0.1	0.02	0.06	0.07	0.08	0.09	0.12	0.14	0.15	0.18	0.2	0.24
ZQ	0.2	0.28	0.4	0.33	0.41	0.4	0.47	0.47	0.69	0.85	0.93	0.93	0.95	0.98	0.98	0.99	0.99
HOSKI NG1	0.33	0.25	0.54	0.3	0.4	0.47	0.47	0.54	0.75	0.88	0.95	0.98	0.99	1.0	1.0	0.99	1.0
SWRG	0.0	0.03	0.02	0.0	0.03	0.0	0.01	0.02	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.43	0.38	0.6	0.57	0.6	0.65	0.7	0.71	0.94	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.2	0.25	0.36	0.4	0.37	0.38	0.43	0.44	0.74	0.85	0.91	0.95	0.95	0.98	0.99	0.99	0.99
SW	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: scale_con_norm_0.05_4 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.47	0.45	0.68	0.65	0.63	0.75	0.81	0.75	0.96	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.1	0.05	0.1	0.13	0.14	0.12	0.07	0.11	0.1	0.09	0.1	0.1	0.12	0.11	0.1	0.13	0.12
DH	0.5	0.55	0.74	0.72	0.71	0.75	0.82	0.8	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.5	0.45	0.68	0.67	0.63	0.71	0.78	0.77	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.43	0.47	0.7	0.65	0.61	0.76	0.81	0.74	0.97	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.5	0.45	0.72	0.68	0.66	0.71	0.79	0.78	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.53	0.53	0.7	0.62	0.64	0.65	0.77	0.78	0.94	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

GMG	0.33	0.47	0.46	0.5	0.56	0.59	0.63	0.65	0.86	0.95	0.97	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.8	0.95	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.67	0.9	0.9	1.0	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.53	0.7	0.64	0.8	0.79	0.79	0.87	0.86	0.98	0.99	0.99	0.98	0.98	0.98	0.97	0.97	0.95
BM1	0.6	0.78	0.86	0.97	0.96	0.96	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.23	0.53	0.74	0.7	0.73	0.85	0.92	0.91	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.73	0.9	0.92	0.95	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.7	0.82	0.88	0.9	0.94	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.5	0.53	0.56	0.72	0.69	0.72	0.74	0.74	0.91	0.97	0.96	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	0.99
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: gamma_2_2 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.2	0.15	0.12	0.17	0.21	0.2	0.17	0.25	0.42	0.56	0.53	0.68	0.78	0.81	0.87	0.89	0.92

HOSKI NG4	0.0	0.1	0.12	0.13	0.13	0.15	0.3	0.32	0.7	0.89	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.47	0.7	0.72	0.85	0.9	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.63	0.75	0.84	0.92	0.96	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.23	0.28	0.38	0.32	0.44	0.36	0.42	0.45	0.78	0.9	0.91	0.96	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.6	0.82	0.88	0.92	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.5	0.7	0.74	0.85	0.89	0.94	0.97	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.3	0.42	0.5	0.6	0.66	0.7	0.72	0.73	0.96	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.97	0.97	0.95
BM1	0.37	0.42	0.54	0.72	0.71	0.76	0.84	0.89	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.07	0.28	0.44	0.47	0.54	0.6	0.77	0.82	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.47	0.72	0.76	0.87	0.89	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.37	0.53	0.52	0.63	0.64	0.74	0.74	0.83	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.33	0.35	0.46	0.35	0.47	0.51	0.44	0.51	0.74	0.84	0.86	0.91	0.96	0.96	0.97	0.98	0.98
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: gamma_2_2 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.33	0.33	0.38	0.4	0.47	0.42	0.47	0.49	0.71	0.83	0.8	0.87	0.92	0.94	0.96	0.97	0.98
HOSKI NG4	0.1	0.35	0.54	0.4	0.47	0.53	0.58	0.65	0.92	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.8	0.93	0.98	1.0	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.83	0.93	0.98	1.0	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.4	0.62	0.5	0.63	0.61	0.69	0.71	0.72	0.89	0.97	0.97	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.83	0.95	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.83	0.95	0.92	1.0	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.03	0.04	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.57	0.78	0.74	0.87	0.84	0.85	0.89	0.89	0.98	0.99	0.99	0.98	0.98	0.98	0.97	0.97	0.96
BM1	0.77	0.93	0.92	1.0	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.43	0.68	0.78	0.82	0.8	0.93	0.94	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.8	0.93	1.0	1.0	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.8	0.93	0.94	1.0	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.6	0.68	0.74	0.83	0.83	0.84	0.86	0.83	0.97	0.98	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

Alternative: lo_con_norm_0.3_1 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.03	0.12	0.02	0.05	0.03	0.05	0.04	0.03	0.02	0.05	0.03	0.04	0.03	0.04	0.02	0.03	0.03
HOSKI NG4	0.07	0.05	0.04	0.03	0.01	0.06	0.07	0.06	0.04	0.05	0.07	0.08	0.04	0.07	0.06	0.06	0.06
DH	0.07	0.05	0.06	0.08	0.04	0.04	0.09	0.02	0.04	0.04	0.07	0.08	0.07	0.07	0.08	0.1	0.1
CS	0.07	0.07	0.06	0.1	0.01	0.06	0.09	0.05	0.04	0.05	0.1	0.08	0.07	0.09	0.1	0.09	0.11
GMG	0.03	0.1	0.02	0.05	0.01	0.05	0.04	0.04	0.02	0.04	0.03	0.04	0.03	0.04	0.02	0.03	0.03
ZWA	0.03	0.07	0.06	0.1	0.04	0.04	0.07	0.03	0.06	0.05	0.1	0.08	0.08	0.07	0.08	0.09	0.1
CC1	0.0	0.03	0.04	0.1	0.04	0.03	0.09	0.04	0.04	0.05	0.08	0.08	0.09	0.1	0.11	0.12	0.14
D	0.1	0.05	0.04	0.03	0.01	0.01	0.03	0.03	0.1	0.06	0.09	0.06	0.06	0.04	0.08	0.09	0.08
MI	0.07	0.07	0.06	0.07	0.03	0.04	0.06	0.01	0.01	0.05	0.04	0.06	0.03	0.04	0.03	0.03	0.04
BM1	0.03	0.05	0.04	0.08	0.04	0.05	0.07	0.02	0.01	0.05	0.06	0.07	0.06	0.07	0.07	0.08	0.1
HOSKI NG2	0.03	0.03	0.06	0.02	0.03	0.06	0.07	0.05	0.04	0.05	0.07	0.07	0.06	0.09	0.07	0.08	0.09
ZQ	0.03	0.07	0.02	0.03	0.04	0.03	0.04	0.05	0.03	0.02	0.04	0.03	0.03	0.04	0.01	0.03	0.03
HOSKI NG1	0.03	0.1	0.06	0.05	0.0	0.05	0.1	0.02	0.04	0.05	0.1	0.08	0.07	0.07	0.09	0.1	0.1

SWRG	0.1	0.05	0.06	0.03	0.06	0.01	0.03	0.05	0.03	0.06	0.05	0.04	0.04	0.03	0.02	0.02	0.03
BM2	0.03	0.05	0.04	0.07	0.03	0.04	0.06	0.02	0.03	0.04	0.05	0.07	0.04	0.05	0.05	0.04	0.07
ZQS	0.1	0.07	0.06	0.12	0.11	0.05	0.03	0.06	0.04	0.06	0.06	0.05	0.06	0.04	0.06	0.04	0.06
SW	0.07	0.05	0.02	0.05	0.04	0.01	0.01	0.09	0.07	0.06	0.04	0.03	0.04	0.05	0.03	0.03	0.04

Alternative: lo_con_norm_0.3_1 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0
HOSKING4	0.0	0.0	0.02	0.0	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01	0.02	0.01	0.02	0.02
DH	0.03	0.03	0.02	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.02	0.01	0.02	0.02	0.02	0.02
CS	0.0	0.0	0.02	0.03	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01	0.02	0.01	0.02	0.02	0.03	0.03
GMG	0.0	0.05	0.0	0.0	0.0	0.0	0.02	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0
ZWA	0.0	0.0	0.02	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.02	0.03	0.02	0.02	0.02	0.03	0.02	0.02
CC1	0.0	0.0	0.0	0.03	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.03	0.02	0.01	0.03	0.03	0.03	0.04
D	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.02	0.02	0.02	0.01	0.01	0.02	0.01
MI	0.0	0.05	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.01	0.0	0.01
BM1	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.02	0.02	0.01	0.02	0.02	0.01	0.02

HOSKI NG2	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.03	0.01	0.02	0.01	0.02	0.02
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.0	0.01	0.0
HOSKI NG1	0.0	0.03	0.02	0.02	0.0	0.0	0.02	0.01	0.01	0.01	0.02	0.02	0.01	0.02	0.02	0.03	0.03
SWRG	0.07	0.03	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.01
BM2	0.0	0.03	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
ZQS	0.03	0.0	0.0	0.02	0.01	0.01	0.0	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
SW	0.0	0.05	0.0	0.02	0.01	0.0	0.01	0.02	0.01	0.02	0.0	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01

Alternative: lo_con_norm_0.3_1 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.17	0.12	0.04	0.13	0.09	0.07	0.06	0.06	0.06	0.1	0.1	0.07	0.08	0.08	0.07	0.07	0.07
HOSKI NG4	0.07	0.07	0.08	0.07	0.09	0.07	0.08	0.08	0.1	0.1	0.14	0.14	0.11	0.13	0.12	0.12	0.12
DH	0.1	0.1	0.1	0.12	0.07	0.11	0.12	0.05	0.07	0.1	0.15	0.13	0.13	0.15	0.16	0.18	0.19
CS	0.1	0.12	0.1	0.2	0.07	0.12	0.12	0.07	0.1	0.1	0.15	0.15	0.14	0.16	0.16	0.18	0.2
GMG	0.13	0.12	0.04	0.12	0.1	0.09	0.06	0.06	0.06	0.09	0.1	0.07	0.08	0.08	0.07	0.07	0.07
ZWA	0.07	0.12	0.16	0.18	0.07	0.1	0.16	0.05	0.1	0.1	0.14	0.15	0.14	0.15	0.14	0.17	0.18
CC1	0.0	0.07	0.08	0.17	0.06	0.1	0.16	0.08	0.07	0.11	0.16	0.16	0.16	0.17	0.18	0.22	0.23

CS	0.93	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
COIN	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.57	0.8	0.86	0.82	0.91	0.96	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.07	0.12	0.16	0.33	0.37	0.45	0.39	0.47	0.92	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
BS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.1	0.2	0.26	0.38	0.37	0.54	0.61	0.71	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
KS	1.0	0	0	0	0	0	0	1.0	1.0	1.0	0	0	0	0	0	0	1.0
DH	0.73	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.07	0.07	0.16	0.23	0.21	0.49	0.6	0.74	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
MI	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.9	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
BM2	0.73	0.95	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: beta_0.5_0.5 Significant level: 0.01

[illegible]

[illegible]

Alternative: beta_0.5_0.5 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
GMG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	1.0	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
BM1	0.57	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
CS	1.0	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
COIN	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.63	0.85	0.94	0.87	0.96	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.13	0.28	0.3	0.43	0.59	0.61	0.61	0.62	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
BS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI																	

[illegible]

HOSKI NG1	0.6	0.57	0.8	0.9	0.94	0.94	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.53	0.45	0.66	0.85	0.93	0.93	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: gamma_100_1 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.07	0.05	0.14	0.05	0.03	0.04	0.03	0.06	0.08	0.07	0.05	0.07	0.06	0.06	0.07	0.08	0.08
HOSKI NG4	0.07	0.03	0.06	0.07	0.09	0.03	0.07	0.06	0.06	0.07	0.08	0.09	0.1	0.11	0.12	0.14	0.12
DH	0.07	0.05	0.16	0.03	0.04	0.06	0.13	0.03	0.17	0.19	0.3	0.32	0.41	0.53	0.5	0.61	0.63
CS	0.07	0.1	0.14	0.03	0.07	0.06	0.13	0.07	0.17	0.2	0.3	0.32	0.4	0.53	0.51	0.58	0.61
GMG	0.07	0.05	0.16	0.05	0.06	0.03	0.03	0.06	0.09	0.08	0.06	0.09	0.06	0.07	0.08	0.1	0.09
ZWA	0.07	0.1	0.16	0.02	0.07	0.05	0.09	0.06	0.17	0.16	0.27	0.3	0.36	0.47	0.47	0.53	0.57
CC1	0.03	0.1	0.2	0.05	0.04	0.07	0.19	0.08	0.18	0.26	0.38	0.39	0.5	0.61	0.61	0.68	0.72
D	0.0	0.03	0.02	0.02	0.01	0.05	0.01	0.07	0.06	0.04	0.04	0.02	0.03	0.03	0.02	0.03	0.04
MI	0.03	0.07	0.14	0.03	0.04	0.05	0.08	0.07	0.08	0.1	0.1	0.12	0.11	0.14	0.12	0.16	0.15

BM1	0.03	0.07	0.14	0.03	0.03	0.06	0.1	0.05	0.14	0.22	0.31	0.31	0.38	0.5	0.5	0.59	0.62
HOSKI NG2	0.1	0.05	0.06	0.05	0.06	0.04	0.1	0.04	0.12	0.1	0.14	0.17	0.18	0.23	0.24	0.28	0.28
ZQ	0.0	0.03	0.0	0.03	0.01	0.01	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
HOSKI NG1	0.1	0.05	0.1	0.03	0.07	0.06	0.11	0.08	0.17	0.17	0.28	0.31	0.35	0.47	0.44	0.54	0.56
SWRG	0.03	0.05	0.02	0.03	0.07	0.04	0.06	0.02	0.01	0.02	0.02	0.02	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0
BM2	0.03	0.1	0.16	0.05	0.04	0.04	0.1	0.03	0.11	0.16	0.23	0.21	0.27	0.39	0.37	0.42	0.48
ZQS	0.03	0.05	0.1	0.03	0.11	0.12	0.16	0.09	0.14	0.15	0.17	0.16	0.2	0.19	0.2	0.21	0.22
SW	0.13	0.1	0.02	0.07	0.03	0.03	0.08	0.01	0.03	0.01	0.01	0.01	0.01	0.0	0.01	0.0	0.01

Alternative: gamma_100_1 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.03	0.04	0.0	0.01	0.0	0.01	0.0	0.02	0.01	0.02	0.02	0.01	0.02	0.01	0.02	0.02
HOSKI NG4	0.0	0.0	0.04	0.02	0.0	0.0	0.0	0.02	0.01	0.02	0.04	0.03	0.03	0.03	0.04	0.05	0.04
DH	0.0	0.03	0.04	0.0	0.01	0.03	0.02	0.02	0.04	0.07	0.1	0.13	0.15	0.26	0.26	0.34	0.38
CS	0.03	0.03	0.08	0.0	0.03	0.01	0.02	0.02	0.06	0.09	0.14	0.16	0.19	0.31	0.3	0.37	0.41
GMG	0.0	0.03	0.04	0.0	0.01	0.01	0.02	0.0	0.02	0.01	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.03	0.03
ZWA	0.03	0.03	0.06	0.0	0.03	0.01	0.02	0.02	0.06	0.07	0.11	0.12	0.16	0.25	0.24	0.3	0.33

CC1	0.0	0.05	0.06	0.0	0.0	0.01	0.04	0.02	0.07	0.1	0.17	0.19	0.24	0.38	0.36	0.45	0.48
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.02	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.0	0.0	0.01	0.01
MI	0.0	0.03	0.04	0.0	0.01	0.04	0.02	0.01	0.04	0.02	0.03	0.03	0.03	0.04	0.04	0.05	0.05
BM1	0.0	0.05	0.06	0.0	0.0	0.01	0.07	0.02	0.04	0.06	0.1	0.12	0.14	0.23	0.23	0.3	0.34
HOSKI NG2	0.07	0.03	0.06	0.02	0.03	0.01	0.01	0.02	0.01	0.05	0.04	0.06	0.06	0.09	0.09	0.13	0.12
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.03	0.03	0.06	0.0	0.0	0.01	0.02	0.01	0.07	0.05	0.11	0.11	0.14	0.26	0.24	0.3	0.32
SWRG	0.03	0.05	0.02	0.0	0.0	0.03	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.0	0.05	0.06	0.02	0.0	0.0	0.06	0.02	0.04	0.04	0.04	0.05	0.06	0.07	0.08	0.09	0.1
ZQS	0.0	0.05	0.04	0.02	0.0	0.01	0.04	0.02	0.04	0.04	0.05	0.05	0.05	0.06	0.06	0.06	0.07
SW	0.0	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: gamma_100_1 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.07	0.07	0.18	0.07	0.11	0.05	0.07	0.13	0.14	0.12	0.1	0.13	0.11	0.12	0.11	0.15	0.14
HOSKI NG4	0.13	0.12	0.08	0.07	0.13	0.15	0.09	0.19	0.14	0.13	0.15	0.16	0.17	0.19	0.2	0.24	0.2
DH	0.1	0.12	0.22	0.07	0.09	0.09	0.24	0.12	0.21	0.32	0.41	0.42	0.53	0.65	0.63	0.71	0.74

CS	0.1	0.12	0.2	0.08	0.11	0.1	0.22	0.14	0.26	0.31	0.41	0.43	0.52	0.62	0.61	0.69	0.72
GMG	0.07	0.07	0.2	0.08	0.13	0.07	0.08	0.12	0.14	0.11	0.12	0.14	0.12	0.14	0.14	0.16	0.15
ZWA	0.07	0.12	0.2	0.07	0.07	0.11	0.2	0.12	0.26	0.3	0.39	0.42	0.5	0.59	0.59	0.65	0.67
CC1	0.1	0.15	0.22	0.1	0.1	0.16	0.29	0.17	0.27	0.37	0.5	0.53	0.64	0.72	0.72	0.79	0.81
D	0.0	0.1	0.06	0.12	0.06	0.06	0.03	0.13	0.12	0.09	0.1	0.06	0.07	0.07	0.05	0.06	0.07
MI	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.09	0.16	0.11	0.14	0.17	0.2	0.18	0.18	0.22	0.19	0.25	0.24
BM1	0.1	0.15	0.22	0.08	0.1	0.15	0.22	0.16	0.23	0.3	0.44	0.43	0.53	0.64	0.62	0.71	0.74
HOSKI NG2	0.17	0.07	0.12	0.05	0.11	0.11	0.19	0.1	0.18	0.16	0.24	0.27	0.28	0.35	0.35	0.38	0.42
ZQ	0.03	0.07	0.02	0.07	0.06	0.04	0.02	0.04	0.02	0.02	0.01	0.02	0.02	0.02	0.01	0.02	0.01
HOSKI NG1	0.17	0.12	0.16	0.08	0.11	0.1	0.16	0.15	0.24	0.28	0.39	0.43	0.48	0.59	0.56	0.65	0.7
SWRG	0.1	0.07	0.06	0.08	0.11	0.07	0.09	0.07	0.03	0.04	0.03	0.02	0.03	0.01	0.01	0.01	0.01
BM2	0.13	0.12	0.18	0.08	0.06	0.11	0.21	0.14	0.23	0.28	0.38	0.37	0.45	0.54	0.52	0.6	0.63
ZQS	0.1	0.07	0.22	0.1	0.19	0.21	0.2	0.16	0.23	0.22	0.29	0.27	0.31	0.3	0.31	0.33	0.34
SW	0.27	0.12	0.04	0.1	0.07	0.07	0.09	0.02	0.04	0.03	0.03	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01

Alternative: mix_con_norm_0.4_3_4 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
------	----	----	----	----	----	----	----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	------

BS	0.6	0.75	0.64	0.65	0.71	0.78	0.82	0.88	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.6	0.7	0.66	0.78	0.96	0.99	0.96	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.83	0.88	0.94	0.92	0.99	0.97	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.93	0.9	0.96	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.8	0.9	0.9	0.95	1.0	0.99	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.9	0.9	0.94	0.97	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.83	0.85	0.92	0.93	0.94	0.95	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.77	0.8	0.98	0.95	0.93	0.94	0.89	0.96	0.92	0.94	0.93	0.94	0.93	0.93	0.93	0.92	0.93
BM1	0.77	0.85	0.92	0.93	1.0	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.93	0.93	0.94	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.03	0.2	0.02	0.15	0.11	0.1	0.13	0.14	0.14	0.17	0.18	0.17	0.2	0.23	0.23	0.21	0.22
HOSKI NG1	0.9	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.87	0.93	0.94	0.98	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.57	0.62	0.64	0.67	0.7	0.66	0.78	0.73	0.81	0.88	0.92	0.95	0.94	0.94	0.97	0.98	0.98
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: mix_con_norm_0.4_3_4 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.33	0.5	0.42	0.45	0.46	0.62	0.73	0.73	0.94	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.23	0.47	0.58	0.7	0.87	0.93	0.91	0.91	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.57	0.78	0.72	0.83	0.84	0.86	0.93	0.92	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.87	0.88	0.92	0.97	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.67	0.82	0.82	0.85	0.94	0.91	0.99	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.73	0.85	0.8	0.93	0.94	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.63	0.65	0.88	0.78	0.89	0.88	0.96	0.92	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.73	0.78	0.88	0.9	0.9	0.91	0.88	0.95	0.92	0.94	0.93	0.93	0.93	0.93	0.93	0.91	0.93
BM1	0.5	0.68	0.66	0.72	0.81	0.88	0.93	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.77	0.82	0.88	0.97	1.0	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.03	0.1	0.0	0.05	0.03	0.05	0.07	0.05	0.08	0.07	0.06	0.05	0.08	0.1	0.09	0.07	0.09
HOSKI NG1	0.83	0.9	0.94	0.98	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.7	0.78	0.72	0.85	0.86	0.89	0.94	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.37	0.53	0.3	0.35	0.31	0.38	0.41	0.34	0.53	0.64	0.62	0.74	0.73	0.74	0.8	0.83	0.81

HOSKI NG4	0.07	0.25	0.34	0.18	0.27	0.39	0.36	0.44	0.64	0.87	0.94	0.97	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.8	0.88	0.86	0.98	0.97	0.99	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.8	0.85	0.88	1.0	0.97	0.97	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.87	0.97	0.96	1.0	1.0	0.99	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.73	0.85	0.86	1.0	0.97	0.97	0.99	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.6	0.8	0.7	0.73	0.84	0.9	0.9	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.9	0.88	0.9	0.97	0.84	0.89	0.91	0.9	0.89	0.86	0.82	0.82	0.78	0.76	0.78	0.78	0.74
BM1	0.73	0.88	0.9	1.0	0.99	0.99	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.63	0.62	0.82	0.88	0.84	0.9	0.91	0.9	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.3	0.55	0.34	0.42	0.39	0.56	0.61	0.52	0.67	0.76	0.81	0.86	0.87	0.89	0.93	0.93	0.96
HOSKI NG1	0.83	0.95	0.98	1.0	1.0	0.99	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.83	0.93	0.96	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.63	0.7	0.72	0.85	0.84	0.78	0.86	0.87	0.94	0.95	0.98	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: mix_con_norm_0.3_1_4 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.63	0.8	0.88	1.0	0.97	0.99	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKING4	0.0	0.15	0.14	0.08	0.19	0.24	0.21	0.23	0.51	0.76	0.83	0.92	0.95	0.98	0.99	1.0	1.0
DH	0.57	0.75	0.72	0.9	0.9	0.9	0.97	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.57	0.75	0.8	0.93	0.94	0.96	0.97	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.7	0.88	0.9	1.0	1.0	0.99	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.53	0.75	0.74	0.88	0.91	0.94	0.94	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.43	0.47	0.48	0.42	0.67	0.6	0.68	0.81	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.7	0.78	0.78	0.97	0.8	0.86	0.9	0.9	0.89	0.86	0.82	0.82	0.78	0.76	0.78	0.78	0.74
BM1	0.5	0.78	0.72	0.82	0.89	0.86	0.96	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKING2	0.43	0.55	0.72	0.75	0.74	0.8	0.8	0.86	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.23	0.42	0.14	0.22	0.26	0.26	0.37	0.3	0.42	0.52	0.59	0.65	0.66	0.7	0.74	0.77	0.79
HOSKING1	0.77	0.9	0.88	1.0	0.96	0.99	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.6	0.8	0.76	0.85	0.91	0.91	0.96	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.4	0.47	0.42	0.53	0.63	0.5	0.61	0.67	0.72	0.81	0.89	0.89	0.95	0.96	0.97	0.97	0.98

[illegible]

Alternative: mix_con_norm_0.5_1_0.25 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.07	0.12	0.08	0.03	0.13	0.11	0.14	0.08	0.1	0.12	0.1	0.12	0.13	0.12	0.15	0.16	0.16
HOSKING4	0.4	0.53	0.72	0.73	0.89	0.95	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.53	0.47	0.72	0.72	0.77	0.88	0.89	0.89	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.77	0.62	0.84	0.87	0.96	0.99	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.27	0.28	0.26	0.4	0.5	0.45	0.54	0.58	0.9	0.96	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.63	0.57	0.74	0.82	0.86	0.97	0.99	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.4	0.42	0.66	0.72	0.83	0.84	0.93	0.93	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

GMG	0.57	0.42	0.56	0.65	0.7	0.72	0.79	0.82	0.94	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.9	0.82	0.96	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.8	0.75	0.92	0.97	0.96	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.67	0.65	0.72	0.9	0.83	0.89	0.97	0.96	0.98	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
BM1	0.8	0.78	0.94	0.92	0.96	0.97	0.98	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.93	0.97	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.47	0.4	0.46	0.47	0.5	0.56	0.6	0.56	0.74	0.69	0.75	0.75	0.79	0.81	0.82	0.86	0.85
HOSKI NG1	0.9	0.88	0.96	0.98	0.99	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.87	0.8	0.96	0.97	0.97	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.03	0.05	0.02	0.02	0.06	0.07	0.08	0.09	0.03	0.05	0.06	0.09	0.07	0.09	0.07	0.09	0.09
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: scale_con_norm_0.1_0.25 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.12	0.14	0.15	0.24	0.23	0.21	0.26	0.42	0.53	0.68	0.74	0.79	0.83	0.89	0.94	0.95

HOSKI NG4	0.03	0.05	0.1	0.12	0.14	0.12	0.17	0.14	0.28	0.32	0.47	0.52	0.56	0.62	0.72	0.78	0.79
DH	0.0	0.12	0.08	0.07	0.1	0.07	0.09	0.1	0.12	0.15	0.21	0.22	0.23	0.26	0.33	0.31	0.34
CS	0.0	0.1	0.08	0.08	0.1	0.04	0.06	0.11	0.08	0.17	0.23	0.29	0.31	0.35	0.44	0.47	0.53
GMG	0.03	0.15	0.14	0.15	0.24	0.19	0.24	0.26	0.42	0.53	0.68	0.74	0.8	0.83	0.89	0.94	0.95
ZWA	0.0	0.12	0.06	0.08	0.1	0.04	0.03	0.07	0.06	0.06	0.08	0.12	0.12	0.13	0.15	0.17	0.19
CC1	0.03	0.1	0.06	0.05	0.07	0.06	0.08	0.08	0.07	0.1	0.08	0.12	0.11	0.11	0.14	0.15	0.16
D	0.03	0.0	0.04	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.03	0.12	0.1	0.1	0.19	0.1	0.13	0.15	0.21	0.27	0.39	0.41	0.46	0.48	0.55	0.58	0.62
BM1	0.03	0.15	0.06	0.08	0.11	0.07	0.07	0.13	0.13	0.16	0.22	0.23	0.23	0.27	0.33	0.33	0.35
HOSKI NG2	0.0	0.07	0.08	0.1	0.11	0.09	0.21	0.15	0.29	0.37	0.54	0.54	0.64	0.69	0.76	0.83	0.84
ZQ	0.0	0.1	0.04	0.08	0.1	0.07	0.09	0.06	0.1	0.08	0.11	0.09	0.07	0.08	0.09	0.1	0.09
HOSKI NG1	0.03	0.1	0.04	0.1	0.13	0.09	0.17	0.14	0.23	0.27	0.4	0.47	0.54	0.57	0.67	0.71	0.76
SWRG	0.1	0.05	0.04	0.02	0.07	0.09	0.06	0.03	0.03	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
BM2	0.03	0.12	0.06	0.08	0.13	0.05	0.09	0.12	0.1	0.18	0.23	0.26	0.26	0.3	0.36	0.37	0.42
ZQS	0.03	0.07	0.04	0.07	0.1	0.07	0.07	0.09	0.07	0.09	0.08	0.09	0.1	0.1	0.08	0.1	0.09
SW	0.1	0.05	0.04	0.02	0.03	0.01	0.03	0.02	0.02	0.01	0.02	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: scale_con_norm_0.1_0.25 Significant level: 0.01

SW	0.0	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
----	-----	------	-----	-----	-----	-----	------	------	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

Alternative: scale_con_norm_0.1_0.25 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.1	0.2	0.2	0.28	0.31	0.34	0.38	0.36	0.55	0.65	0.79	0.85	0.87	0.91	0.95	0.98	0.98
HOSKING4	0.03	0.07	0.1	0.2	0.24	0.19	0.28	0.19	0.38	0.44	0.58	0.65	0.66	0.75	0.81	0.86	0.87
DH	0.0	0.15	0.12	0.08	0.2	0.15	0.13	0.18	0.2	0.24	0.31	0.34	0.32	0.35	0.45	0.45	0.46
CS	0.0	0.2	0.18	0.1	0.14	0.1	0.11	0.17	0.17	0.31	0.34	0.38	0.45	0.48	0.58	0.62	0.67
GMG	0.07	0.23	0.2	0.25	0.3	0.31	0.39	0.38	0.56	0.66	0.8	0.85	0.87	0.91	0.95	0.98	0.98
ZWA	0.0	0.15	0.16	0.1	0.14	0.09	0.1	0.12	0.1	0.17	0.2	0.21	0.22	0.24	0.28	0.29	0.33
CC1	0.07	0.2	0.16	0.07	0.14	0.14	0.18	0.13	0.14	0.18	0.15	0.2	0.2	0.23	0.26	0.27	0.28
D	0.07	0.05	0.06	0.0	0.06	0.01	0.02	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.07	0.2	0.16	0.17	0.31	0.21	0.26	0.24	0.34	0.42	0.5	0.53	0.61	0.62	0.67	0.73	0.76
BM1	0.07	0.17	0.1	0.13	0.16	0.15	0.16	0.18	0.21	0.25	0.31	0.34	0.34	0.36	0.45	0.44	0.46
HOSKING2	0.07	0.1	0.16	0.15	0.23	0.2	0.3	0.21	0.42	0.46	0.62	0.65	0.73	0.79	0.83	0.89	0.9
ZQ	0.1	0.12	0.1	0.13	0.17	0.24	0.21	0.1	0.14	0.13	0.19	0.16	0.15	0.17	0.17	0.19	0.17
HOSKING1	0.07	0.23	0.12	0.13	0.24	0.16	0.23	0.19	0.32	0.39	0.52	0.56	0.67	0.69	0.75	0.81	0.83

HOSKI NG4	0.17	0.15	0.24	0.28	0.43	0.42	0.53	0.62	0.93	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.23	0.23	0.2	0.45	0.46	0.55	0.62	0.68	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.4	0.42	0.56	0.62	0.67	0.8	0.84	0.87	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.27	0.25	0.3	0.48	0.56	0.59	0.62	0.74	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.07	0.03	0.08	0.15	0.23	0.3	0.34	0.41	0.89	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.03	0.15	0.24	0.27	0.37	0.45	0.41	0.49	0.78	0.91	0.93	0.98	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0
MI	0.03	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.07	0.0	0.0	0.07	0.11	0.14	0.13	0.32	0.92	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.33	0.25	0.42	0.52	0.66	0.69	0.74	0.8	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.33	0.35	0.44	0.6	0.67	0.76	0.83	0.88	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.23	0.17	0.18	0.38	0.47	0.46	0.56	0.66	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: lo_con_norm_0.4_3 Significant level: 0.01

[illegible]

HOSKI NG4	0.23	0.2	0.42	0.53	0.54	0.71	0.74	0.88	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.4	0.53	0.38	0.68	0.47	0.64	0.67	0.76	0.9	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.47	0.62	0.58	0.78	0.69	0.84	0.84	0.93	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.03	0.15	0.08	0.12	0.04	0.06	0.1	0.06	0.06	0.03	0.03	0.01	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01
ZWA	0.53	0.57	0.52	0.72	0.56	0.72	0.7	0.77	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.2	0.42	0.36	0.6	0.4	0.61	0.71	0.7	0.92	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.02	0.02	0.0	0.03	0.02	0.02	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.17	0.3	0.24	0.38	0.19	0.25	0.3	0.31	0.46	0.52	0.6	0.69	0.77	0.8	0.82	0.86	0.89
BM1	0.17	0.4	0.18	0.43	0.29	0.44	0.57	0.58	0.88	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.33	0.33	0.6	0.78	0.76	0.84	0.89	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.13	0.12	0.16	0.15	0.16	0.12	0.14	0.13	0.18	0.19	0.17	0.16	0.19	0.19	0.2	0.19	0.2
HOSKI NG1	0.47	0.55	0.56	0.78	0.67	0.81	0.8	0.89	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.33	0.45	0.34	0.67	0.47	0.62	0.62	0.75	0.94	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.03	0.1	0.0	0.02	0.03	0.01	0.02	0.01	0.03	0.02	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03	0.02	0.03
SW	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: mix_con_norm_0.3_1_0.25 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.03	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.07	0.15	0.18	0.3	0.26	0.45	0.51	0.66	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.2	0.2	0.16	0.37	0.29	0.38	0.46	0.46	0.74	0.92	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.33	0.28	0.3	0.6	0.46	0.64	0.62	0.77	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.0	0.03	0.04	0.07	0.01	0.01	0.04	0.0	0.02	0.02	0.01	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.01
ZWA	0.3	0.25	0.22	0.45	0.27	0.47	0.54	0.54	0.83	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.07	0.2	0.14	0.3	0.2	0.33	0.44	0.46	0.79	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.03	0.15	0.1	0.18	0.06	0.12	0.17	0.18	0.23	0.3	0.4	0.48	0.55	0.62	0.65	0.69	0.75
BM1	0.0	0.03	0.06	0.08	0.04	0.09	0.14	0.15	0.47	0.79	0.93	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.17	0.2	0.36	0.5	0.56	0.72	0.74	0.88	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.03	0.08	0.03	0.06	0.05	0.06	0.04	0.06	0.07	0.04	0.04	0.04	0.05	0.04	0.05	0.05
HOSKI NG1	0.2	0.23	0.28	0.53	0.43	0.62	0.63	0.74	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.0	0.1	0.06	0.12	0.03	0.06	0.09	0.1	0.28	0.62	0.88	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.05	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01

HOSKI NG2	0.83	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.77	0.95	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: mix_con_norm_0.5_3_0.25 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.43	0.8	0.86	1.0	0.94	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.6	0.7	0.88	0.97	0.97	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.9	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.03	0.0	0.02	0.02	0.0	0.01	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.87	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.07	0.1	0.02	0.1	0.09	0.15	0.2	0.2	0.72	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

HOSKI NG4	0.37	0.5	0.64	0.7	0.69	0.86	0.84	0.88	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	1.0	0.97	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	1.0	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	1.0	1.0	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.9	1.0	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.3	0.17	0.04	0.05	0.03	0.03	0.02	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.97	1.0	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.9	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.6	0.68	0.8	0.85	0.79	0.8	0.87	0.89	0.94	0.96	0.98	0.98	0.98	0.99	0.99	0.99	0.99
HOSKI NG1	1.0	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.77	0.68	0.68	0.75	0.86	0.86	0.9	0.9	0.95	0.98	0.99	0.98	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: student_1 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.97	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.2	0.3	0.58	0.58	0.54	0.64	0.67	0.76	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	1.0	0.97	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	1.0	0.95	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	1.0	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.97	0.95	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.9	0.9	0.98	0.93	0.99	1.0	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.3	0.15	0.02	0.05	0.01	0.03	0.02	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.93	0.97	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.8	0.82	0.98	0.95	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.5	0.6	0.74	0.75	0.69	0.76	0.8	0.82	0.93	0.96	0.98	0.97	0.98	0.99	0.99	0.99	0.99
HOSKI NG1	1.0	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.97	0.97	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.6	0.68	0.64	0.7	0.84	0.79	0.86	0.87	0.95	0.98	0.98	0.98	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99

HOSKI NG2	0.63	0.72	0.7	0.85	0.91	0.96	0.98	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.3	0.25	0.18	0.28	0.29	0.24	0.3	0.3	0.4	0.4	0.46	0.49	0.51	0.5	0.57	0.58	0.58
HOSKI NG1	0.73	0.82	0.7	0.87	0.96	0.96	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.04	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.7	0.72	0.64	0.72	0.87	0.9	0.94	0.94	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.43	0.4	0.42	0.37	0.41	0.44	0.44	0.48	0.58	0.63	0.73	0.7	0.75	0.79	0.81	0.85	0.84
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: mix_con_norm_0.5_1_4 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.6	0.6	0.58	0.67	0.89	0.86	0.92	0.94	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.1	0.17	0.22	0.23	0.43	0.47	0.61	0.55	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.47	0.4	0.22	0.32	0.49	0.53	0.57	0.63	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.57	0.47	0.34	0.58	0.66	0.76	0.83	0.85	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.63	0.7	0.68	0.7	0.91	0.93	0.97	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.47	0.3	0.24	0.35	0.47	0.53	0.58	0.73	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.37	0.33	0.16	0.22	0.3	0.3	0.3	0.39	0.65	0.83	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

HOSKI NG4	0.5	0.53	0.8	0.9	0.84	0.93	0.94	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.77	0.9	0.98	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.5	0.33	0.32	0.37	0.37	0.26	0.28	0.27	0.09	0.02	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.9	0.9	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.97	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	1.0	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.9	0.93	0.94	0.95	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: lognorm_1_0 Significant level: 0.01

[illegible]

SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.93	1.0	0.98	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: weibull_2_3.4 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.03	0.0	0.0	0.05	0.03	0.04	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKING4	0.03	0.07	0.02	0.05	0.07	0.06	0.03	0.03	0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	0.06	0.05	0.07	0.07
DH	0.07	0.03	0.02	0.03	0.04	0.01	0.02	0.02	0.04	0.07	0.12	0.13	0.19	0.23	0.31	0.34	0.4
CS	0.03	0.0	0.04	0.07	0.07	0.05	0.06	0.04	0.08	0.12	0.17	0.21	0.29	0.36	0.41	0.47	0.55
GMG	0.03	0.0	0.0	0.05	0.03	0.04	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.07	0.0	0.02	0.05	0.04	0.03	0.06	0.06	0.09	0.19	0.21	0.29	0.38	0.45	0.53	0.59	0.68
CC1	0.07	0.0	0.0	0.02	0.01	0.04	0.01	0.03	0.03	0.03	0.04	0.05	0.06	0.07	0.1	0.1	0.12
D	0.07	0.03	0.08	0.05	0.1	0.1	0.14	0.14	0.23	0.3	0.35	0.39	0.49	0.49	0.59	0.64	0.69
MI	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.03	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.02	0.01	0.02	0.07	0.09	0.13	0.19	0.25	0.29	0.36

HOSKI NG2	0.0	0.03	0.0	0.07	0.09	0.07	0.06	0.03	0.07	0.06	0.06	0.06	0.07	0.09	0.11	0.11	0.13
ZQ	0.03	0.0	0.0	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.07	0.0	0.02	0.08	0.04	0.06	0.02	0.02	0.1	0.09	0.12	0.15	0.17	0.24	0.26	0.27	0.31
SWRG	0.07	0.05	0.08	0.07	0.0	0.01	0.04	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.0	0.0	0.0	0.0	0.03	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.04	0.05	0.04	0.09	0.12	0.14	0.18
ZQS	0.07	0.03	0.0	0.03	0.0	0.01	0.02	0.0	0.02	0.02	0.02	0.02	0.01	0.03	0.01	0.02	0.01
SW	0.03	0.0	0.14	0.03	0.06	0.05	0.04	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: weibull_2_3.4 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.0	0.0	0.0	0.02	0.01	0.03	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.02	0.02
DH	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.02	0.04	0.05	0.08	0.09	0.13
CS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.0	0.02	0.01	0.04	0.06	0.08	0.12	0.15	0.19	0.23
GMG	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.03	0.0	0.0	0.03	0.01	0.0	0.0	0.0	0.03	0.03	0.06	0.09	0.16	0.18	0.23	0.28	0.37
CC1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.02	0.02	0.02

D	0.03	0.0	0.0	0.03	0.03	0.03	0.01	0.02	0.07	0.08	0.14	0.17	0.23	0.27	0.3	0.34	0.4
MI	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.02	0.02	0.05
HOSKI NG2	0.0	0.0	0.0	0.02	0.03	0.03	0.0	0.0	0.01	0.01	0.02	0.01	0.02	0.03	0.02	0.04	0.03
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.03	0.02	0.03	0.04	0.03	0.08	0.1	0.11	0.13
SWRG	0.0	0.0	0.02	0.03	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.02	0.0	0.03	0.0	0.03	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: weibull_2_3.4 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.1	0.05	0.02	0.05	0.09	0.07	0.01	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.03	0.15	0.1	0.08	0.09	0.09	0.09	0.05	0.09	0.1	0.1	0.08	0.1	0.12	0.14	0.13	0.13
DH	0.1	0.03	0.02	0.08	0.07	0.04	0.04	0.07	0.12	0.15	0.21	0.26	0.33	0.39	0.47	0.54	0.59
CS	0.17	0.07	0.06	0.08	0.11	0.14	0.1	0.1	0.17	0.25	0.29	0.36	0.45	0.5	0.59	0.63	0.71

GMG	0.07	0.05	0.04	0.05	0.07	0.07	0.0	0.01	0.03	0.01	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.17	0.03	0.06	0.08	0.11	0.11	0.1	0.11	0.17	0.25	0.34	0.44	0.52	0.6	0.68	0.74	0.79
CC1	0.13	0.0	0.02	0.05	0.06	0.06	0.04	0.05	0.06	0.1	0.11	0.1	0.12	0.17	0.2	0.21	0.25
D	0.1	0.05	0.22	0.15	0.2	0.2	0.22	0.24	0.38	0.43	0.5	0.56	0.66	0.67	0.74	0.75	0.82
MI	0.1	0.03	0.0	0.07	0.04	0.04	0.0	0.02	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.1	0.0	0.02	0.05	0.07	0.05	0.03	0.04	0.09	0.12	0.18	0.25	0.31	0.38	0.45	0.51	0.57
HOSKI NG2	0.1	0.1	0.08	0.1	0.13	0.14	0.08	0.09	0.13	0.14	0.12	0.13	0.13	0.15	0.2	0.18	0.21
ZQ	0.07	0.05	0.0	0.03	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.13	0.03	0.04	0.08	0.14	0.12	0.08	0.11	0.17	0.16	0.23	0.23	0.28	0.34	0.39	0.41	0.46
SWRG	0.1	0.05	0.12	0.12	0.04	0.04	0.08	0.01	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.1	0.03	0.04	0.05	0.07	0.07	0.04	0.05	0.09	0.09	0.13	0.17	0.18	0.25	0.3	0.32	0.37
ZQS	0.2	0.03	0.04	0.1	0.04	0.03	0.03	0.02	0.04	0.03	0.06	0.05	0.06	0.06	0.03	0.04	0.03
SW	0.03	0.05	0.14	0.08	0.07	0.07	0.08	0.07	0.06	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0

Alternative: mix_con_norm_0.5_3_4 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.17	0.35	0.42	0.35	0.41	0.49	0.49	0.48	0.72	0.86	0.91	0.96	0.96	0.98	0.99	0.99	1.0

HOSKI NG4	0.4	0.7	0.86	0.88	0.93	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.37	0.55	0.84	0.82	0.87	0.93	0.91	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.6	0.78	0.88	0.9	0.96	0.99	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.27	0.53	0.8	0.73	0.77	0.85	0.89	0.91	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.53	0.65	0.84	0.87	0.93	0.97	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.53	0.65	0.88	0.8	0.83	0.93	0.92	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.5	0.68	0.82	0.78	0.83	0.89	0.93	0.95	0.98	1.0	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
BM1	0.43	0.5	0.8	0.78	0.84	0.93	0.92	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.5	0.93	0.96	0.93	1.0	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.03	0.07	0.06	0.08	0.16	0.09	0.08	0.08	0.1	0.1	0.1	0.13	0.12	0.15	0.13	0.16	0.15
HOSKI NG1	0.57	0.75	0.94	0.93	0.96	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.5	0.68	0.88	0.85	0.96	0.97	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.2	0.33	0.46	0.5	0.39	0.49	0.48	0.43	0.61	0.6	0.68	0.75	0.73	0.76	0.81	0.8	0.82
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: mix_con_norm_0.5_3_4 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.1	0.15	0.28	0.23	0.31	0.33	0.34	0.33	0.58	0.68	0.81	0.89	0.91	0.94	0.98	0.97	0.99
HOSKI NG4	0.17	0.45	0.7	0.68	0.8	0.94	0.98	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.23	0.38	0.66	0.63	0.74	0.76	0.79	0.83	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.33	0.57	0.84	0.85	0.9	0.96	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.2	0.35	0.56	0.53	0.6	0.74	0.78	0.81	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.33	0.53	0.78	0.77	0.89	0.86	0.92	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.27	0.45	0.74	0.67	0.7	0.81	0.83	0.91	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.3	0.5	0.7	0.65	0.7	0.84	0.84	0.89	0.98	1.0	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
BM1	0.13	0.25	0.38	0.43	0.46	0.66	0.67	0.76	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.37	0.68	0.86	0.87	0.97	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.04	0.03	0.0	0.0	0.04	0.05	0.04	0.04	0.04	0.05	0.06	0.05	0.05
HOSKI NG1	0.3	0.6	0.86	0.83	0.93	0.95	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.2	0.33	0.48	0.48	0.56	0.68	0.67	0.75	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.1	0.25	0.26	0.22	0.17	0.25	0.28	0.18	0.32	0.32	0.34	0.41	0.37	0.4	0.46	0.44	0.45

HOSKI NG4	0.0	0.03	0.04	0.02	0.01	0.05	0.04	0.08	0.07	0.24	0.24	0.27	0.41	0.47	0.47	0.54	0.62
DH	0.03	0.05	0.14	0.13	0.17	0.23	0.24	0.49	0.9	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.1	0.1	0.28	0.4	0.43	0.44	0.63	0.7	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.07	0.05	0.24	0.33	0.4	0.39	0.62	0.68	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.03	0.0	0.02	0.0	0.0	0.01	0.0	0.03	0.09	0.42	0.72	0.88	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0
D	0.27	0.23	0.42	0.62	0.64	0.74	0.8	0.86	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
MI	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.13	0.8	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.03	0.05	0.1	0.07	0.11	0.14	0.12	0.23	0.39	0.66	0.78	0.83	0.94	0.95	0.98	0.99	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.1	0.07	0.24	0.28	0.33	0.4	0.41	0.62	0.88	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.03	0.03	0.12	0.15	0.16	0.19	0.18	0.45	0.81	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: tukey_0.5 Significant level: 0.01

[illegible]

SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.13	0.12	0.24	0.42	0.41	0.46	0.57	0.69	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.04	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: scale_con_norm_0.05_2 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.17	0.15	0.16	0.12	0.17	0.24	0.14	0.14	0.33	0.38	0.47	0.48	0.53	0.62	0.62	0.67	0.7
HOSKING4	0.0	0.05	0.06	0.07	0.1	0.1	0.06	0.05	0.06	0.05	0.05	0.05	0.04	0.05	0.04	0.05	0.05
DH	0.2	0.1	0.2	0.18	0.16	0.24	0.24	0.19	0.41	0.53	0.61	0.65	0.73	0.8	0.81	0.86	0.86
CS	0.17	0.07	0.1	0.15	0.1	0.14	0.16	0.13	0.33	0.43	0.5	0.51	0.57	0.66	0.67	0.75	0.77
GMG	0.2	0.15	0.16	0.1	0.17	0.28	0.16	0.14	0.32	0.38	0.46	0.49	0.53	0.61	0.61	0.68	0.7
ZWA	0.17	0.07	0.1	0.18	0.16	0.17	0.17	0.16	0.33	0.41	0.47	0.49	0.55	0.64	0.66	0.75	0.76
CC1	0.2	0.1	0.1	0.12	0.11	0.19	0.16	0.11	0.31	0.36	0.39	0.4	0.45	0.46	0.47	0.56	0.55
D	0.0	0.05	0.06	0.03	0.01	0.01	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.23	0.15	0.18	0.13	0.17	0.28	0.24	0.16	0.43	0.54	0.63	0.69	0.75	0.81	0.83	0.87	0.87
BM1	0.23	0.1	0.16	0.1	0.17	0.26	0.24	0.17	0.43	0.54	0.61	0.65	0.73	0.81	0.81	0.86	0.86

HOSKI NG2	0.03	0.1	0.04	0.07	0.04	0.05	0.11	0.03	0.07	0.07	0.07	0.08	0.06	0.06	0.07	0.08	0.07
ZQ	0.17	0.1	0.12	0.13	0.09	0.17	0.12	0.17	0.31	0.4	0.41	0.45	0.49	0.52	0.59	0.62	0.61
HOSKI NG1	0.1	0.1	0.12	0.13	0.07	0.12	0.14	0.08	0.2	0.24	0.22	0.3	0.31	0.35	0.37	0.4	0.42
SWRG	0.07	0.05	0.02	0.03	0.06	0.09	0.09	0.06	0.12	0.09	0.12	0.08	0.11	0.07	0.09	0.07	0.06
BM2	0.23	0.1	0.16	0.13	0.16	0.25	0.22	0.2	0.46	0.55	0.64	0.67	0.71	0.81	0.81	0.86	0.86
ZQS	0.03	0.1	0.12	0.1	0.17	0.2	0.18	0.1	0.27	0.32	0.43	0.46	0.5	0.57	0.55	0.63	0.62
SW	0.03	0.12	0.04	0.02	0.03	0.05	0.02	0.08	0.04	0.03	0.02	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0

Alternative: scale_con_norm_0.05_2 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.05	0.08	0.05	0.07	0.09	0.07	0.06	0.17	0.22	0.23	0.32	0.31	0.38	0.42	0.48	0.48
HOSKI NG4	0.0	0.03	0.02	0.0	0.03	0.0	0.03	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
DH	0.07	0.03	0.1	0.08	0.07	0.16	0.1	0.11	0.33	0.38	0.49	0.53	0.59	0.69	0.69	0.77	0.78
CS	0.0	0.03	0.08	0.05	0.06	0.07	0.09	0.08	0.24	0.25	0.35	0.39	0.43	0.51	0.53	0.64	0.65
GMG	0.0	0.07	0.08	0.03	0.06	0.11	0.07	0.07	0.17	0.22	0.23	0.32	0.31	0.39	0.42	0.48	0.48
ZWA	0.0	0.03	0.1	0.05	0.01	0.06	0.08	0.08	0.18	0.21	0.28	0.32	0.34	0.4	0.45	0.53	0.56
CC1	0.03	0.05	0.08	0.07	0.03	0.06	0.09	0.09	0.23	0.21	0.26	0.28	0.31	0.3	0.35	0.41	0.39

D	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.03	0.03	0.08	0.07	0.09	0.16	0.08	0.12	0.3	0.35	0.45	0.5	0.55	0.66	0.65	0.75	0.75
BM1	0.07	0.05	0.1	0.08	0.06	0.14	0.12	0.09	0.33	0.39	0.49	0.54	0.59	0.69	0.69	0.77	0.78
HOSKI NG2	0.03	0.05	0.02	0.02	0.03	0.01	0.02	0.0	0.01	0.01	0.01	0.03	0.01	0.02	0.02	0.02	0.02
ZQ	0.13	0.05	0.06	0.03	0.0	0.1	0.07	0.09	0.19	0.27	0.27	0.32	0.3	0.36	0.39	0.41	0.42
HOSKI NG1	0.0	0.03	0.04	0.05	0.06	0.05	0.07	0.05	0.12	0.1	0.1	0.16	0.15	0.18	0.2	0.21	0.23
SWRG	0.03	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01	0.02	0.03	0.02	0.04	0.02	0.03	0.02	0.02
BM2	0.07	0.05	0.1	0.08	0.06	0.14	0.12	0.1	0.34	0.37	0.46	0.5	0.56	0.64	0.65	0.75	0.75
ZQS	0.0	0.03	0.08	0.05	0.07	0.09	0.08	0.04	0.19	0.18	0.3	0.3	0.33	0.38	0.37	0.45	0.44
SW	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: scale_con_norm_0.05_2 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.27	0.25	0.18	0.2	0.26	0.33	0.23	0.23	0.42	0.47	0.55	0.6	0.65	0.72	0.73	0.77	0.79
HOSKI NG4	0.03	0.12	0.12	0.17	0.13	0.1	0.09	0.1	0.09	0.09	0.11	0.1	0.09	0.09	0.09	0.1	0.1
DH	0.23	0.12	0.2	0.23	0.23	0.29	0.32	0.21	0.5	0.6	0.68	0.72	0.78	0.84	0.85	0.89	0.89
CS	0.23	0.15	0.12	0.23	0.2	0.25	0.2	0.18	0.38	0.5	0.55	0.6	0.65	0.73	0.73	0.8	0.81

GMG	0.27	0.23	0.22	0.18	0.27	0.31	0.21	0.23	0.42	0.47	0.56	0.6	0.65	0.72	0.72	0.78	0.79
ZWA	0.23	0.15	0.18	0.23	0.21	0.29	0.23	0.25	0.39	0.48	0.57	0.61	0.67	0.73	0.75	0.8	0.82
CC1	0.23	0.15	0.14	0.2	0.2	0.26	0.27	0.17	0.39	0.44	0.46	0.48	0.53	0.56	0.58	0.64	0.64
D	0.03	0.05	0.14	0.08	0.03	0.03	0.01	0.05	0.01	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.27	0.28	0.2	0.2	0.26	0.39	0.32	0.22	0.51	0.62	0.72	0.77	0.82	0.86	0.87	0.91	0.91
BM1	0.23	0.15	0.22	0.2	0.27	0.31	0.33	0.21	0.51	0.6	0.67	0.73	0.78	0.84	0.85	0.89	0.89
HOSKI NG2	0.1	0.15	0.1	0.15	0.16	0.17	0.17	0.08	0.12	0.12	0.12	0.13	0.12	0.12	0.12	0.13	0.13
ZQ	0.27	0.12	0.22	0.18	0.19	0.26	0.17	0.28	0.4	0.47	0.54	0.54	0.6	0.61	0.69	0.72	0.71
HOSKI NG1	0.2	0.17	0.14	0.15	0.16	0.21	0.23	0.14	0.25	0.32	0.34	0.4	0.41	0.46	0.47	0.51	0.53
SWRG	0.13	0.07	0.08	0.12	0.11	0.11	0.14	0.18	0.17	0.16	0.16	0.16	0.18	0.13	0.14	0.12	0.11
BM2	0.23	0.15	0.2	0.22	0.29	0.33	0.3	0.24	0.52	0.62	0.7	0.73	0.78	0.85	0.87	0.9	0.9
ZQS	0.17	0.25	0.14	0.15	0.29	0.26	0.28	0.17	0.34	0.42	0.54	0.54	0.6	0.66	0.64	0.72	0.71
SW	0.07	0.12	0.04	0.07	0.09	0.1	0.08	0.13	0.08	0.05	0.04	0.03	0.01	0.02	0.01	0.01	0.0

Alternative: tukey_5 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.1	0.3	0.22	0.33	0.34	0.39	0.54	0.57	0.82	0.93	0.97	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0

HOSKI NG4	0.37	0.4	0.28	0.42	0.5	0.64	0.67	0.71	0.96	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.0	0.07	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0
CS	0.1	0.15	0.14	0.15	0.19	0.29	0.4	0.41	0.92	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.1	0.28	0.18	0.32	0.37	0.42	0.52	0.56	0.83	0.94	0.97	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.03	0.1	0.06	0.03	0.07	0.07	0.1	0.1	0.72	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.0	0.07	0.02	0.0	0.03	0.03	0.03	0.01	0.01	0.01	0.01	0.03	0.04	0.04	0.03	0.05	0.04
D	0.0	0.0	0.0	0.03	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.03	0.17	0.04	0.1	0.09	0.1	0.11	0.07	0.07	0.06	0.07	0.05	0.04	0.05	0.04	0.05	0.04
BM1	0.0	0.03	0.0	0.02	0.01	0.0	0.02	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG2	0.37	0.42	0.36	0.43	0.59	0.6	0.69	0.75	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.03	0.2	0.06	0.17	0.19	0.15	0.24	0.23	0.45	0.56	0.71	0.81	0.87	0.92	0.96	0.98	0.98
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.0	0.1	0.02	0.07	0.06	0.04	0.03	0.03	0.05	0.08	0.13	0.16	0.23	0.32	0.41	0.5	0.6
ZQS	0.0	0.05	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.03	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: tukey_5 Significant level: 0.01

[illegible]

SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

Alternative: tukey_5 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.23	0.35	0.32	0.47	0.54	0.62	0.68	0.69	0.9	0.99	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.5	0.53	0.42	0.5	0.66	0.74	0.78	0.8	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.0	0.1	0.04	0.05	0.04	0.03	0.03	0.02	0.01	0.0	0.01	0.0	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01
CS	0.1	0.28	0.2	0.27	0.41	0.51	0.59	0.58	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.3	0.42	0.3	0.45	0.54	0.61	0.67	0.69	0.91	0.99	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.03	0.15	0.1	0.13	0.16	0.24	0.31	0.27	0.91	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.03	0.12	0.04	0.03	0.06	0.03	0.03	0.02	0.03	0.04	0.04	0.06	0.09	0.1	0.09	0.11	0.12
D	0.0	0.03	0.02	0.03	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.07	0.25	0.06	0.18	0.16	0.14	0.16	0.15	0.1	0.11	0.12	0.09	0.08	0.08	0.06	0.08	0.07
BM1	0.0	0.12	0.02	0.03	0.03	0.03	0.03	0.02	0.01	0.0	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01
HOSKI NG2	0.43	0.57	0.4	0.5	0.64	0.7	0.83	0.82	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.07	0.28	0.14	0.22	0.29	0.24	0.38	0.33	0.53	0.66	0.8	0.87	0.93	0.95	0.97	0.99	0.99

HOSKI NG2	0.67	0.75	0.84	0.95	0.93	0.94	1.0	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.3	0.55	0.38	0.3	0.33	0.45	0.48	0.45	0.45	0.64	0.66	0.71	0.73	0.72	0.78	0.8	0.81
HOSKI NG1	0.67	0.95	0.96	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.57	0.93	0.94	0.95	0.96	1.0	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.4	0.45	0.62	0.6	0.63	0.61	0.62	0.69	0.79	0.85	0.89	0.94	0.93	0.94	0.96	0.98	0.97
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: mix_con_norm_0.4_1_4 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.53	0.8	0.86	0.92	0.9	0.99	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.13	0.1	0.22	0.23	0.4	0.3	0.56	0.48	0.81	0.92	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.37	0.6	0.66	0.68	0.73	0.88	0.78	0.89	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.37	0.72	0.84	0.85	0.89	0.9	0.94	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.63	0.88	0.88	0.92	0.94	0.99	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.23	0.62	0.74	0.8	0.77	0.85	0.87	0.92	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.17	0.42	0.5	0.45	0.46	0.59	0.62	0.54	0.89	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

GMG	0.77	0.95	0.96	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.7	0.9	0.96	0.93	0.94	1.0	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.53	0.82	0.86	0.87	0.81	0.89	0.87	0.92	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.8	0.93	0.96	0.87	0.94	0.97	0.93	0.97	0.95	0.93	0.93	0.93	0.95	0.93	0.91	0.92	0.93
BM1	0.6	0.93	0.94	0.95	0.94	0.99	0.96	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.7	0.88	0.9	0.97	0.99	0.99	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.53	0.65	0.42	0.47	0.44	0.6	0.56	0.56	0.62	0.73	0.77	0.82	0.84	0.83	0.88	0.9	0.9
HOSKI NG1	0.67	0.95	0.98	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.07	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.63	0.95	0.98	0.97	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.5	0.57	0.76	0.77	0.74	0.75	0.78	0.83	0.89	0.93	0.95	0.98	0.97	0.98	0.99	1.0	0.99
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: student_4 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.4	0.47	0.62	0.53	0.66	0.71	0.8	0.85	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

HOSKI NG4	0.1	0.03	0.06	0.15	0.11	0.09	0.12	0.06	0.17	0.17	0.2	0.24	0.23	0.29	0.33	0.39	0.4
DH	0.3	0.5	0.66	0.53	0.59	0.6	0.78	0.82	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.2	0.4	0.48	0.45	0.49	0.59	0.66	0.75	0.91	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.4	0.53	0.62	0.58	0.61	0.68	0.78	0.87	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.27	0.38	0.5	0.47	0.5	0.6	0.66	0.69	0.85	0.97	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.2	0.4	0.5	0.48	0.4	0.46	0.51	0.7	0.79	0.92	0.95	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.33	0.55	0.68	0.5	0.53	0.59	0.74	0.81	0.88	0.83	0.8	0.76	0.72	0.68	0.64	0.57	0.59
BM1	0.27	0.4	0.6	0.53	0.61	0.59	0.78	0.81	0.94	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.13	0.1	0.12	0.17	0.2	0.23	0.29	0.32	0.47	0.63	0.75	0.85	0.89	0.93	0.96	0.98	0.99
ZQ	0.07	0.23	0.5	0.33	0.47	0.39	0.49	0.49	0.64	0.77	0.84	0.87	0.91	0.93	0.94	0.96	0.96
HOSKI NG1	0.23	0.4	0.54	0.47	0.46	0.56	0.69	0.76	0.92	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.03	0.05	0.0	0.03	0.0	0.03	0.02	0.02	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.27	0.47	0.6	0.53	0.6	0.62	0.78	0.83	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.27	0.28	0.4	0.27	0.27	0.46	0.52	0.46	0.64	0.74	0.81	0.87	0.9	0.93	0.94	0.97	0.97
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: student_4 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.17	0.23	0.5	0.38	0.43	0.6	0.59	0.6	0.89	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKING4	0.0	0.0	0.0	0.07	0.03	0.03	0.06	0.0	0.06	0.07	0.08	0.1	0.11	0.15	0.15	0.21	0.2
DH	0.23	0.25	0.44	0.35	0.47	0.55	0.63	0.64	0.87	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.17	0.3	0.38	0.35	0.31	0.53	0.49	0.57	0.8	0.97	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.2	0.25	0.5	0.38	0.43	0.59	0.63	0.63	0.89	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.17	0.25	0.38	0.33	0.31	0.47	0.42	0.49	0.7	0.91	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.17	0.3	0.34	0.32	0.26	0.41	0.42	0.47	0.59	0.81	0.86	0.95	0.97	0.98	0.99	0.99	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.2	0.28	0.42	0.4	0.43	0.53	0.62	0.62	0.85	0.82	0.8	0.75	0.72	0.68	0.64	0.57	0.59
BM1	0.17	0.33	0.44	0.33	0.44	0.56	0.6	0.66	0.85	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKING2	0.0	0.07	0.0	0.07	0.04	0.12	0.19	0.12	0.28	0.43	0.55	0.69	0.73	0.82	0.9	0.92	0.96
ZQ	0.07	0.15	0.24	0.23	0.39	0.28	0.29	0.35	0.48	0.6	0.69	0.75	0.8	0.85	0.87	0.89	0.9
HOSKING1	0.13	0.12	0.34	0.42	0.36	0.47	0.49	0.62	0.82	0.96	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.03	0.0	0.02	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.17	0.3	0.42	0.33	0.41	0.53	0.58	0.55	0.8	0.94	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.17	0.17	0.3	0.18	0.19	0.28	0.36	0.29	0.48	0.6	0.67	0.74	0.77	0.84	0.86	0.9	0.92

SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	------	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

Alternative: student_4 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.47	0.68	0.7	0.68	0.76	0.78	0.86	0.94	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.1	0.15	0.1	0.23	0.19	0.11	0.22	0.19	0.24	0.27	0.28	0.34	0.36	0.42	0.44	0.49	0.52
DH	0.33	0.57	0.76	0.58	0.63	0.62	0.81	0.89	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.27	0.42	0.54	0.53	0.54	0.64	0.74	0.81	0.94	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.5	0.62	0.68	0.68	0.76	0.79	0.84	0.91	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.3	0.47	0.62	0.5	0.57	0.61	0.76	0.82	0.92	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.27	0.47	0.54	0.57	0.56	0.54	0.62	0.78	0.83	0.95	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.5	0.6	0.74	0.65	0.71	0.68	0.84	0.89	0.9	0.84	0.8	0.76	0.72	0.68	0.65	0.58	0.6
BM1	0.27	0.55	0.66	0.58	0.66	0.64	0.8	0.89	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.17	0.15	0.18	0.3	0.3	0.34	0.38	0.46	0.57	0.73	0.85	0.89	0.94	0.96	0.98	0.99	0.99
ZQ	0.13	0.45	0.6	0.45	0.57	0.49	0.57	0.62	0.7	0.85	0.88	0.92	0.95	0.96	0.96	0.97	0.98
HOSKI NG1	0.4	0.55	0.58	0.62	0.53	0.66	0.79	0.82	0.95	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

SWRG	0.03	0.12	0.04	0.12	0.04	0.06	0.04	0.06	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.27	0.55	0.76	0.58	0.67	0.66	0.82	0.9	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.43	0.35	0.48	0.28	0.41	0.54	0.6	0.57	0.72	0.83	0.88	0.92	0.94	0.97	0.97	0.98	0.99
SW	0.0	0.03	0.02	0.0	0.0	0.01	0.03	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: scale_con_norm_0.2_0.25 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.3	0.35	0.42	0.4	0.5	0.56	0.62	0.63	0.84	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.17	0.1	0.36	0.2	0.31	0.36	0.36	0.39	0.67	0.85	0.94	0.99	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0
DH	0.13	0.17	0.14	0.15	0.16	0.25	0.28	0.24	0.34	0.4	0.59	0.67	0.73	0.78	0.84	0.9	0.92
CS	0.07	0.1	0.06	0.13	0.16	0.16	0.22	0.32	0.43	0.64	0.81	0.91	0.94	0.98	0.99	1.0	1.0
GMG	0.3	0.38	0.42	0.38	0.49	0.57	0.61	0.62	0.84	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.03	0.1	0.02	0.1	0.1	0.1	0.17	0.17	0.26	0.32	0.49	0.57	0.66	0.74	0.82	0.88	0.92
CC1	0.03	0.07	0.04	0.1	0.16	0.12	0.17	0.19	0.2	0.22	0.34	0.33	0.41	0.52	0.55	0.64	0.71
D	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.2	0.33	0.26	0.25	0.34	0.38	0.37	0.41	0.62	0.73	0.83	0.91	0.94	0.96	0.98	0.99	0.99
BM1	0.03	0.2	0.14	0.15	0.2	0.21	0.23	0.25	0.41	0.42	0.6	0.67	0.72	0.78	0.84	0.9	0.91

HOSKI NG2	0.23	0.2	0.36	0.32	0.37	0.39	0.41	0.49	0.78	0.93	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.03	0.15	0.08	0.15	0.1	0.11	0.13	0.14	0.12	0.15	0.16	0.12	0.15	0.16	0.15	0.19	0.17
HOSKI NG1	0.23	0.23	0.22	0.23	0.33	0.35	0.4	0.41	0.66	0.86	0.94	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.03	0.03	0.04	0.0	0.01	0.03	0.0	0.04	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.03	0.23	0.16	0.18	0.21	0.25	0.3	0.31	0.45	0.53	0.7	0.8	0.87	0.9	0.94	0.97	0.98
ZQS	0.07	0.12	0.12	0.05	0.13	0.12	0.16	0.13	0.19	0.11	0.15	0.19	0.14	0.13	0.16	0.17	0.18
SW	0.07	0.05	0.0	0.05	0.03	0.01	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: scale_con_norm_0.2_0.25 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.17	0.17	0.14	0.18	0.2	0.19	0.31	0.39	0.65	0.86	0.95	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.1	0.03	0.12	0.08	0.13	0.19	0.18	0.23	0.44	0.67	0.83	0.92	0.96	0.97	0.99	1.0	1.0
DH	0.03	0.05	0.0	0.03	0.1	0.09	0.11	0.11	0.17	0.19	0.33	0.42	0.49	0.53	0.62	0.72	0.77
CS	0.0	0.03	0.0	0.02	0.07	0.05	0.09	0.11	0.24	0.37	0.6	0.7	0.83	0.9	0.94	0.97	0.99
GMG	0.1	0.15	0.1	0.18	0.23	0.19	0.29	0.39	0.65	0.86	0.96	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.0	0.05	0.0	0.0	0.04	0.04	0.02	0.05	0.07	0.07	0.17	0.23	0.3	0.39	0.44	0.6	0.67
CC1	0.0	0.03	0.02	0.05	0.07	0.05	0.06	0.05	0.06	0.08	0.12	0.13	0.17	0.22	0.23	0.32	0.37

D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.07	0.17	0.04	0.13	0.14	0.15	0.19	0.24	0.35	0.45	0.67	0.75	0.82	0.87	0.91	0.96	0.95
BM1	0.03	0.05	0.02	0.07	0.09	0.09	0.12	0.11	0.17	0.19	0.32	0.41	0.47	0.54	0.61	0.72	0.77
HOSKI NG2	0.13	0.1	0.1	0.1	0.13	0.21	0.23	0.32	0.56	0.82	0.92	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.03	0.05	0.02	0.07	0.06	0.05	0.08	0.04	0.04	0.02	0.06	0.03	0.04	0.05	0.05	0.06	0.05
HOSKI NG1	0.03	0.17	0.04	0.1	0.14	0.14	0.16	0.27	0.47	0.65	0.83	0.94	0.95	0.98	0.99	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.03	0.03	0.0	0.1	0.06	0.07	0.09	0.08	0.12	0.08	0.17	0.23	0.29	0.41	0.49	0.63	0.69
ZQS	0.0	0.05	0.02	0.02	0.01	0.07	0.04	0.05	0.07	0.03	0.04	0.05	0.04	0.03	0.04	0.04	0.05
SW	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: scale_con_norm_0.2_0.25 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.4	0.5	0.48	0.57	0.63	0.74	0.68	0.71	0.92	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.23	0.1	0.44	0.27	0.43	0.44	0.47	0.48	0.77	0.92	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.13	0.3	0.26	0.23	0.23	0.29	0.33	0.38	0.5	0.54	0.71	0.8	0.82	0.88	0.91	0.95	0.95
CS	0.13	0.25	0.08	0.18	0.23	0.28	0.34	0.42	0.59	0.76	0.9	0.95	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0

HOSKI NG4	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.77	0.85	0.84	0.85	0.86	0.93	0.93	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.9	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.87	0.97	0.98	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.53	0.57	0.56	0.77	0.83	0.84	0.8	0.87	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.27	0.35	0.46	0.45	0.34	0.35	0.42	0.39	0.36	0.27	0.2	0.2	0.14	0.16	0.14	0.13	0.11
BM1	0.67	0.8	0.72	0.83	0.89	0.95	0.91	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.57	0.65	0.44	0.42	0.34	0.44	0.41	0.37	0.23	0.19	0.08	0.03	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.9	0.97	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.83	0.95	0.92	1.0	0.97	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.57	0.5	0.38	0.5	0.47	0.5	0.34	0.37	0.25	0.14	0.08	0.03	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: tukey_10 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.87	0.97	0.96	0.97	0.97	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKING4	1.0	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.6	0.65	0.54	0.68	0.77	0.74	0.81	0.89	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.77	0.97	0.98	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.9	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.73	0.88	0.88	0.97	0.96	1.0	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.27	0.33	0.36	0.43	0.5	0.5	0.56	0.61	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.23	0.35	0.46	0.45	0.33	0.34	0.41	0.39	0.35	0.26	0.2	0.19	0.14	0.15	0.13	0.13	0.11
BM1	0.33	0.38	0.42	0.58	0.61	0.66	0.69	0.76	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKING2	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.27	0.25	0.14	0.22	0.13	0.15	0.14	0.1	0.03	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKING1	0.87	0.97	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.6	0.68	0.62	0.75	0.77	0.89	0.87	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.3	0.23	0.18	0.28	0.19	0.12	0.08	0.11	0.04	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

GMG	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	0	1.0
ZWA	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.97	1.0	0.98	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0	0.0
MI	0.23	0.12	0.08	0.03	0.07	0.04	0.01	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0	0.0
BM1	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	0	1.0
HOSKI NG2	0.93	0.97	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	0	1.0
ZQ	0.83	0.68	0.8	0.75	0.79	0.78	0.86	0.88	0.96	0.98	0.98	0.99	0.98	0.99	0.99	0	0.99
HOSKI NG1	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0	0.0
BM2	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	0	1.0
ZQS	0.73	0.93	0.82	0.92	0.79	0.91	0.93	0.93	0.95	0.97	0.97	0.98	0.98	0.99	0.99	0	0.99
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: gumbel_1_2 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.13	0.2	0.2	0.27	0.31	0.33	0.23	0.46	0.55	0.66	0.72	0.83	0.88	0.89	0.95	0.94	0.97

HOSKI NG4	0.07	0.1	0.3	0.08	0.21	0.21	0.18	0.29	0.56	0.72	0.88	0.94	0.97	0.99	0.99	1.0	1.0
DH	0.23	0.47	0.78	0.72	0.84	0.86	0.89	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.33	0.47	0.76	0.73	0.86	0.86	0.89	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.2	0.28	0.32	0.38	0.43	0.49	0.37	0.58	0.7	0.83	0.91	0.95	0.97	0.97	0.99	0.99	1.0
ZWA	0.37	0.5	0.82	0.75	0.9	0.9	0.9	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.43	0.62	0.82	0.8	0.87	0.88	0.92	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.03	0.0	0.0	0.02	0.01	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.27	0.4	0.52	0.55	0.66	0.68	0.64	0.77	0.92	0.97	0.99	0.99	0.99	0.99	0.97	0.98	0.98
BM1	0.33	0.55	0.76	0.7	0.83	0.81	0.86	0.9	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.17	0.25	0.5	0.37	0.54	0.55	0.57	0.66	0.92	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.27	0.53	0.78	0.63	0.84	0.82	0.87	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.3	0.55	0.72	0.7	0.83	0.8	0.86	0.91	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.27	0.4	0.46	0.65	0.66	0.61	0.66	0.65	0.84	0.86	0.91	0.95	0.97	0.97	0.99	0.99	0.99
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: gumbel_1_2 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.03	0.1	0.1	0.13	0.19	0.21	0.11	0.3	0.38	0.46	0.55	0.68	0.74	0.79	0.87	0.87	0.92
HOSKING4	0.0	0.03	0.14	0.0	0.09	0.05	0.08	0.12	0.34	0.49	0.71	0.82	0.91	0.95	0.98	0.99	0.99
DH	0.13	0.28	0.48	0.43	0.66	0.69	0.77	0.87	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.13	0.4	0.54	0.53	0.73	0.75	0.78	0.92	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.07	0.12	0.18	0.17	0.29	0.35	0.21	0.4	0.53	0.67	0.78	0.89	0.93	0.95	0.98	0.98	0.99
ZWA	0.13	0.35	0.6	0.6	0.74	0.78	0.78	0.92	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.17	0.38	0.56	0.57	0.77	0.75	0.79	0.87	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.03	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.1	0.25	0.18	0.35	0.46	0.53	0.49	0.63	0.83	0.92	0.98	0.99	0.99	0.99	0.97	0.98	0.98
BM1	0.1	0.17	0.28	0.43	0.64	0.61	0.64	0.77	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKING2	0.0	0.15	0.3	0.07	0.3	0.36	0.32	0.45	0.81	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKING1	0.1	0.33	0.48	0.47	0.64	0.66	0.74	0.88	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.13	0.15	0.28	0.33	0.46	0.51	0.49	0.6	0.9	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.07	0.17	0.22	0.4	0.4	0.41	0.39	0.5	0.66	0.7	0.71	0.82	0.85	0.88	0.93	0.94	0.95

SWRG	0.1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.5	0.62	0.84	0.82	0.9	0.88	0.92	0.94	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.47	0.53	0.6	0.68	0.76	0.69	0.74	0.75	0.9	0.93	0.96	0.99	0.98	0.99	0.99	0.99	1.0
SW	0.07	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: gamma_9_1 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.07	0.12	0.12	0.08	0.11	0.12	0.13	0.12	0.18	0.17	0.17	0.23	0.23	0.23	0.32	0.28	0.28
HOSKI NG4	0.0	0.07	0.14	0.05	0.09	0.19	0.12	0.07	0.21	0.38	0.48	0.61	0.71	0.75	0.8	0.86	0.9
DH	0.2	0.33	0.38	0.4	0.46	0.53	0.6	0.6	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.23	0.35	0.54	0.43	0.5	0.53	0.64	0.62	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.1	0.12	0.18	0.12	0.13	0.21	0.2	0.17	0.24	0.22	0.31	0.39	0.41	0.41	0.51	0.51	0.54
ZWA	0.27	0.35	0.5	0.47	0.49	0.59	0.68	0.63	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.3	0.4	0.42	0.45	0.57	0.65	0.66	0.66	0.94	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.07	0.03	0.06	0.03	0.04	0.01	0.01	0.02	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.13	0.3	0.26	0.27	0.26	0.33	0.32	0.3	0.51	0.61	0.68	0.78	0.84	0.88	0.92	0.94	0.96
BM1	0.27	0.35	0.34	0.37	0.47	0.5	0.54	0.55	0.88	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

HOSKI NG2	0.07	0.17	0.24	0.13	0.17	0.31	0.23	0.27	0.53	0.79	0.89	0.96	0.97	0.99	0.99	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.27	0.4	0.38	0.38	0.43	0.49	0.57	0.55	0.89	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.2	0.33	0.38	0.37	0.37	0.49	0.56	0.52	0.81	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.2	0.3	0.28	0.18	0.3	0.41	0.38	0.33	0.47	0.54	0.6	0.61	0.64	0.7	0.73	0.77	0.8
SW	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: gamma_9_1 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.03	0.03	0.04	0.05	0.04	0.04	0.03	0.04	0.07	0.08	0.08	0.09	0.11	0.11	0.14	0.13	0.14
HOSKI NG4	0.0	0.0	0.04	0.02	0.0	0.04	0.03	0.02	0.08	0.16	0.28	0.38	0.47	0.56	0.57	0.68	0.72
DH	0.03	0.1	0.18	0.18	0.21	0.31	0.26	0.31	0.74	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.07	0.17	0.2	0.23	0.24	0.35	0.39	0.42	0.81	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.03	0.05	0.06	0.05	0.06	0.04	0.04	0.06	0.12	0.11	0.14	0.19	0.21	0.22	0.31	0.28	0.3
ZWA	0.07	0.15	0.18	0.23	0.31	0.35	0.42	0.39	0.8	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.07	0.15	0.22	0.25	0.31	0.36	0.44	0.41	0.81	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

HOSKI NG4	0.17	0.2	0.24	0.2	0.26	0.17	0.24	0.31	0.53	0.64	0.77	0.85	0.89	0.96	0.97	0.99	0.98
DH	0.77	0.85	0.86	0.9	0.97	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.77	0.75	0.84	0.85	0.93	0.91	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.73	0.88	0.92	0.95	1.0	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.77	0.78	0.8	0.87	0.94	0.9	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.73	0.75	0.74	0.82	0.9	0.93	0.94	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.57	0.55	0.58	0.57	0.49	0.49	0.44	0.41	0.18	0.08	0.05	0.02	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0
BM1	0.8	0.82	0.8	0.93	0.96	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.43	0.45	0.58	0.63	0.71	0.69	0.72	0.83	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.43	0.6	0.5	0.68	0.76	0.68	0.74	0.79	0.92	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG1	0.77	0.78	0.86	0.92	0.96	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.03	0.0	0.0	0.01	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.77	0.82	0.84	0.92	0.96	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.57	0.55	0.64	0.62	0.77	0.8	0.76	0.78	0.93	0.96	0.97	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: student_2 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.67	0.72	0.82	0.88	0.93	0.93	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.1	0.03	0.12	0.1	0.07	0.06	0.1	0.14	0.3	0.45	0.56	0.7	0.75	0.85	0.91	0.94	0.95
DH	0.6	0.7	0.78	0.87	0.96	0.91	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.67	0.7	0.72	0.83	0.91	0.9	0.96	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.7	0.75	0.84	0.88	0.93	0.93	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.67	0.65	0.7	0.82	0.9	0.89	0.94	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.6	0.68	0.6	0.73	0.84	0.85	0.93	0.9	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.43	0.45	0.52	0.52	0.46	0.46	0.42	0.39	0.18	0.08	0.05	0.02	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0
BM1	0.63	0.7	0.76	0.83	0.91	0.91	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.3	0.33	0.4	0.38	0.51	0.6	0.59	0.75	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.33	0.42	0.4	0.55	0.66	0.56	0.64	0.69	0.82	0.92	0.97	0.99	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG1	0.7	0.75	0.82	0.85	0.9	0.91	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.63	0.7	0.76	0.83	0.91	0.88	0.97	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.4	0.35	0.52	0.52	0.59	0.68	0.68	0.66	0.89	0.92	0.94	0.99	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0

GMG	0.9	0.97	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.97	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.97	0.93	0.96	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.8	0.9	0.88	0.87	0.83	0.84	0.9	0.85	0.75	0.74	0.67	0.68	0.65	0.63	0.64	0.6	0.6
BM1	0.97	0.97	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.87	0.9	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.07	0.23	0.08	0.18	0.16	0.21	0.23	0.31	0.29	0.38	0.38	0.38	0.43	0.48	0.48	0.51	0.52
HOSKI NG1	0.93	0.97	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.97	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.8	0.88	0.88	0.88	0.93	0.91	0.93	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: weibull_0.5_1 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.33	0.47	0.4	0.47	0.51	0.71	0.64	0.6	0.85	0.94	0.98	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0

HOSKI NG4	0.13	0.42	0.5	0.63	0.67	0.72	0.8	0.91	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.57	0.57	0.62	0.73	0.8	0.93	0.87	0.91	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.9	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.77	0.82	0.78	0.82	0.81	0.9	0.86	0.82	0.84	0.76	0.77	0.72	0.68	0.63	0.65	0.61	0.62
BM1	0.83	0.9	0.94	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.53	0.8	0.9	1.0	0.96	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.9	0.95	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.8	0.72	0.68	0.77	0.87	0.97	0.87	0.91	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: weibull_0.5_1 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.13	0.28	0.24	0.3	0.37	0.42	0.44	0.5	0.74	0.89	0.94	0.98	0.99	0.99	0.99	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.03	0.23	0.24	0.42	0.49	0.5	0.59	0.74	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.8	0.9	0.98	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.9	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.37	0.5	0.5	0.6	0.71	0.85	0.83	0.8	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.73	0.9	0.88	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.57	0.68	0.74	0.72	0.76	0.9	0.82	0.77	0.83	0.76	0.77	0.72	0.68	0.63	0.65	0.61	0.62
BM1	0.63	0.68	0.76	0.87	0.91	1.0	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.3	0.62	0.7	0.88	0.91	0.96	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.83	0.9	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.6	0.7	0.8	0.82	0.93	0.99	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.5	0.6	0.54	0.53	0.74	0.75	0.68	0.77	0.93	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

[illegible]

Alternative: weibull_0.5_1 Significant level: 0.1

[illegible]

SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.8	0.75	0.78	0.88	0.91	0.99	0.94	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: weibull_3_4 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.03	0.0	0.04	0.03	0.0	0.03	0.02	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKING4	0.03	0.05	0.1	0.07	0.04	0.07	0.07	0.1	0.05	0.09	0.07	0.07	0.11	0.13	0.1	0.13	0.13
DH	0.0	0.0	0.0	0.0	0.03	0.03	0.02	0.06	0.04	0.11	0.11	0.16	0.21	0.27	0.33	0.37	0.38
CS	0.03	0.0	0.02	0.05	0.11	0.04	0.07	0.1	0.07	0.15	0.16	0.22	0.28	0.34	0.39	0.42	0.44
GMG	0.03	0.0	0.06	0.03	0.0	0.05	0.01	0.03	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.03	0.0	0.02	0.03	0.04	0.05	0.07	0.06	0.07	0.14	0.16	0.2	0.26	0.3	0.37	0.39	0.42
CC1	0.03	0.0	0.02	0.0	0.04	0.04	0.06	0.04	0.03	0.07	0.06	0.08	0.09	0.11	0.12	0.14	0.13
D	0.17	0.03	0.06	0.12	0.06	0.07	0.04	0.07	0.14	0.18	0.24	0.32	0.34	0.39	0.42	0.48	0.51
MI	0.03	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.03	0.0	0.02	0.0	0.03	0.03	0.02	0.03	0.01	0.05	0.05	0.11	0.15	0.2	0.26	0.3	0.32

HOSKI NG2	0.0	0.03	0.04	0.07	0.1	0.06	0.04	0.1	0.09	0.08	0.1	0.12	0.18	0.2	0.2	0.22	0.23
ZQ	0.07	0.0	0.0	0.05	0.04	0.0	0.04	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.07	0.0	0.0	0.03	0.04	0.03	0.04	0.11	0.09	0.13	0.14	0.2	0.26	0.3	0.33	0.37	0.36
SWRG	0.03	0.12	0.04	0.07	0.04	0.01	0.02	0.01	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.03	0.0	0.0	0.02	0.03	0.03	0.06	0.07	0.03	0.04	0.03	0.07	0.1	0.13	0.14	0.18	0.19
ZQS	0.03	0.0	0.02	0.05	0.0	0.0	0.01	0.02	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01
SW	0.07	0.05	0.06	0.05	0.04	0.01	0.11	0.01	0.03	0.03	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: weibull_3_4 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.0	0.0	0.02	0.03	0.01	0.03	0.01	0.04	0.02	0.01	0.02	0.02	0.04	0.04	0.03	0.03	0.04
DH	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.01	0.01	0.02	0.01	0.04	0.06	0.09	0.11	0.13	0.14
CS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.03	0.02	0.02	0.03	0.05	0.03	0.07	0.1	0.15	0.17	0.19	0.21
GMG	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.03	0.01	0.04	0.04	0.04	0.07	0.07	0.11	0.14	0.16	0.18
CC1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.02	0.03	0.03	0.03	0.03

D	0.07	0.0	0.02	0.02	0.01	0.04	0.01	0.04	0.03	0.05	0.07	0.11	0.15	0.15	0.17	0.19	0.24
MI	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.02	0.02	0.04	0.05
HOSKI NG2	0.0	0.0	0.04	0.0	0.03	0.03	0.01	0.03	0.01	0.03	0.03	0.03	0.06	0.08	0.06	0.07	0.08
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.03	0.0	0.0	0.0	0.01	0.03	0.01	0.04	0.01	0.02	0.03	0.06	0.08	0.12	0.14	0.15	0.16
SWRG	0.0	0.03	0.02	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.03	0.04	0.02	0.0	0.01	0.02	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: weibull_3_4 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.03	0.0	0.1	0.05	0.04	0.07	0.03	0.04	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.17	0.07	0.14	0.13	0.1	0.11	0.08	0.17	0.15	0.14	0.12	0.15	0.19	0.2	0.19	0.21	0.2
DH	0.07	0.0	0.04	0.02	0.11	0.05	0.07	0.09	0.1	0.18	0.19	0.27	0.35	0.44	0.47	0.52	0.53
CS	0.13	0.03	0.08	0.1	0.13	0.1	0.09	0.15	0.14	0.25	0.27	0.35	0.44	0.49	0.53	0.57	0.59

HOSKI NG4	0.03	0.05	0.02	0.07	0.04	0.1	0.04	0.04	0.06	0.08	0.12	0.1	0.1	0.11	0.12	0.12	0.12
DH	0.73	0.78	0.88	0.85	0.89	0.9	0.96	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.67	0.7	0.8	0.82	0.87	0.82	0.94	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.67	0.72	0.78	0.8	0.93	0.85	0.91	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.7	0.7	0.8	0.82	0.87	0.84	0.93	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.77	0.62	0.8	0.78	0.81	0.76	0.94	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.63	0.78	0.84	0.73	0.71	0.75	0.73	0.85	0.79	0.71	0.64	0.59	0.53	0.52	0.51	0.45	0.43
BM1	0.8	0.75	0.9	0.83	0.89	0.89	0.96	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.1	0.1	0.18	0.18	0.27	0.26	0.3	0.26	0.49	0.64	0.74	0.82	0.88	0.92	0.94	0.95	0.97
ZQ	0.47	0.5	0.66	0.55	0.7	0.69	0.7	0.76	0.92	0.98	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG1	0.7	0.7	0.7	0.73	0.86	0.75	0.86	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.03	0.0	0.0	0.03	0.03	0.01	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.77	0.78	0.9	0.83	0.9	0.89	0.96	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.4	0.55	0.56	0.62	0.57	0.7	0.71	0.79	0.94	0.99	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SW	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: scale_con_norm_0.1_4 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.6	0.62	0.68	0.72	0.84	0.76	0.84	0.92	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKING4	0.0	0.03	0.0	0.02	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.02	0.02	0.03	0.03	0.03	0.03	0.02	0.03
DH	0.6	0.7	0.74	0.77	0.86	0.82	0.9	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.63	0.57	0.7	0.72	0.83	0.78	0.9	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.57	0.65	0.64	0.73	0.84	0.76	0.83	0.93	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.63	0.57	0.74	0.72	0.8	0.79	0.88	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.63	0.45	0.54	0.63	0.71	0.7	0.79	0.9	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.57	0.72	0.68	0.63	0.69	0.69	0.67	0.81	0.78	0.71	0.64	0.58	0.52	0.51	0.5	0.45	0.43
BM1	0.63	0.65	0.78	0.77	0.86	0.85	0.9	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKING2	0.1	0.1	0.1	0.07	0.06	0.16	0.13	0.19	0.27	0.44	0.55	0.67	0.77	0.8	0.84	0.89	0.93
ZQ	0.4	0.4	0.54	0.43	0.54	0.56	0.59	0.65	0.88	0.95	0.96	0.98	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKING1	0.63	0.55	0.52	0.62	0.73	0.62	0.82	0.93	0.97	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.63	0.68	0.78	0.77	0.84	0.8	0.91	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.37	0.4	0.48	0.5	0.5	0.62	0.6	0.67	0.87	0.95	0.94	0.97	0.98	0.99	0.99	1.0	1.0

SWRG	0.07	0.03	0.02	0.05	0.04	0.01	0.03	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.83	0.78	0.9	0.87	0.9	0.91	0.96	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.43	0.62	0.62	0.7	0.66	0.75	0.76	0.81	0.95	0.99	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SW	0.03	0.0	0.0	0.0	0.01	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: beta_2_5 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.03	0.03	0.02	0.02	0.01	0.05	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.07	0.15	0.1	0.13	0.13	0.17	0.21	0.19	0.39	0.53	0.71	0.83	0.88	0.93	0.95	0.98	0.99
DH	0.2	0.35	0.28	0.42	0.69	0.66	0.8	0.84	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.2	0.42	0.46	0.58	0.76	0.79	0.92	0.92	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.03	0.07	0.02	0.03	0.01	0.06	0.03	0.04	0.03	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
COIN	0.1	0.05	0.1	0.05	0.17	0.28	0.19	0.2	0.42	0.62	0.74	0.89	0.93	0.97	0.99	0.99	1.0
ZWA	0.2	0.4	0.54	0.67	0.79	0.85	0.94	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.2	0.42	0.34	0.45	0.67	0.6	0.81	0.77	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.13	0.07	0.06	0.07	0.06	0.11	0.08	0.07	0.03	0.02	0.02	0.04	0.03	0.02	0.02	0.02	0.01
MI	0.13	0.1	0.12	0.07	0.06	0.12	0.11	0.11	0.17	0.15	0.22	0.22	0.26	0.29	0.29	0.33	0.32

BM1	0.17	0.17	0.22	0.2	0.29	0.42	0.49	0.57	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.36	0.4	0.42	0.48	0.8	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.23	0.35	0.36	0.4	0.7	0.69	0.83	0.79	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.17	0.3	0.24	0.25	0.5	0.54	0.59	0.66	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.1	0.05	0.16	0.05	0.04	0.16	0.14	0.12	0.11	0.1	0.09	0.08	0.07	0.07	0.06	0.07	0.06
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: beta_2_5 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.0	0.1	0.0	0.03	0.01	0.05	0.04	0.04	0.17	0.3	0.5	0.61	0.73	0.79	0.88	0.92	0.96
DH	0.07	0.05	0.1	0.1	0.29	0.39	0.46	0.51	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.07	0.2	0.16	0.22	0.47	0.51	0.68	0.72	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.03	0.0	0.0	0.02	0.01	0.04	0.01	0.0	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
COIN	0.0	0.0	0.02	0.0	0.03	0.06	0.06	0.04	0.14	0.35	0.43	0.64	0.77	0.86	0.91	0.93	0.97

ZWA	0.07	0.17	0.28	0.33	0.56	0.69	0.88	0.87	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.1	0.03	0.08	0.08	0.13	0.31	0.33	0.45	0.9	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.03	0.0	0.02	0.02	0.0	0.03	0.0	0.02	0.01	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0
MI	0.03	0.03	0.02	0.02	0.01	0.03	0.02	0.03	0.07	0.04	0.07	0.07	0.09	0.11	0.1	0.15	0.14
BM1	0.03	0.03	0.06	0.03	0.01	0.06	0.08	0.08	0.54	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.07	0.05	0.04	0.08	0.1	0.16	0.22	0.16	0.61	0.81	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.07	0.05	0.14	0.12	0.37	0.49	0.44	0.56	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.03	0.03	0.0	0.02	0.03	0.01	0.02	0.04	0.19	0.57	0.91	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.0	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: beta_2_5 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.07	0.03	0.04	0.02	0.01	0.07	0.01	0.03	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.17	0.2	0.16	0.17	0.19	0.25	0.26	0.31	0.54	0.64	0.79	0.9	0.94	0.96	0.97	0.99	1.0

DH	0.27	0.57	0.46	0.6	0.74	0.79	0.9	0.91	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.37	0.7	0.6	0.7	0.8	0.86	0.96	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.13	0.12	0.12	0.07	0.03	0.11	0.07	0.07	0.04	0.01	0.03	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
COIN	0.2	0.17	0.16	0.12	0.29	0.35	0.33	0.35	0.56	0.76	0.88	0.94	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.33	0.62	0.72	0.77	0.86	0.9	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.3	0.62	0.6	0.62	0.79	0.76	0.91	0.89	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.13	0.12	0.12	0.08	0.11	0.16	0.11	0.12	0.07	0.06	0.04	0.07	0.05	0.05	0.05	0.05	0.04
MI	0.13	0.12	0.14	0.1	0.1	0.19	0.21	0.2	0.27	0.26	0.38	0.33	0.37	0.4	0.43	0.47	0.44
BM1	0.23	0.5	0.44	0.52	0.71	0.7	0.89	0.88	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.27	0.28	0.3	0.35	0.54	0.55	0.57	0.62	0.88	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.37	0.6	0.5	0.62	0.77	0.78	0.9	0.9	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.3	0.53	0.38	0.45	0.74	0.72	0.83	0.87	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.23	0.23	0.24	0.22	0.13	0.25	0.23	0.17	0.24	0.24	0.2	0.2	0.19	0.19	0.18	0.18	0.16
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: mix_con_norm_0.3_3_0.25 Significant level: 0.05

[illegible]

HOSKI NG2	0.57	0.85	0.9	0.92	0.96	1.0	0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0	0.0
HOSKI NG1	0.67	0.8	0.94	0.92	0.99	0.94	0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0	0.0
BM2	0.63	0.78	0.9	0.88	0.97	0.93	0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: gamma_15_1 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.07	0.1	0.1	0.07	0.04	0.09	0.08	0.17	0.11	0.09	0.12	0.15	0.15	0.18	0.17	0.16	0.18
HOSKI NG4	0.03	0.1	0.08	0.07	0.1	0.09	0.11	0.12	0.17	0.21	0.34	0.37	0.46	0.5	0.57	0.63	0.7
DH	0.1	0.15	0.16	0.18	0.24	0.33	0.3	0.49	0.7	0.88	0.98	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.07	0.2	0.2	0.27	0.29	0.35	0.31	0.59	0.73	0.91	0.98	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.07	0.12	0.1	0.07	0.09	0.12	0.11	0.21	0.16	0.14	0.19	0.22	0.24	0.28	0.28	0.29	0.31
ZWA	0.1	0.17	0.2	0.23	0.3	0.38	0.38	0.54	0.72	0.91	0.98	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.13	0.15	0.22	0.2	0.34	0.36	0.39	0.58	0.78	0.92	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

D	0.0	0.0	0.0	0.05	0.04	0.01	0.02	0.03	0.01	0.02	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.07	0.15	0.12	0.13	0.19	0.25	0.17	0.29	0.3	0.38	0.49	0.53	0.56	0.64	0.71	0.7	0.77
BM1	0.13	0.15	0.18	0.18	0.24	0.3	0.29	0.47	0.66	0.87	0.97	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.03	0.1	0.12	0.17	0.19	0.17	0.21	0.22	0.41	0.49	0.69	0.78	0.84	0.91	0.95	0.97	0.98
ZQ	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.1	0.17	0.18	0.25	0.23	0.28	0.28	0.49	0.66	0.86	0.96	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.03	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.03	0.17	0.16	0.18	0.27	0.29	0.27	0.37	0.56	0.8	0.93	0.95	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.2	0.12	0.14	0.17	0.24	0.29	0.19	0.3	0.32	0.39	0.47	0.47	0.51	0.53	0.57	0.55	0.6
SW	0.07	0.0	0.06	0.03	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: gamma_15_1 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.07	0.02	0.0	0.0	0.01	0.01	0.04	0.03	0.02	0.04	0.05	0.06	0.06	0.06	0.06	0.06
HOSKI NG4	0.0	0.05	0.0	0.02	0.01	0.0	0.02	0.05	0.06	0.08	0.14	0.2	0.26	0.29	0.35	0.39	0.46
DH	0.0	0.07	0.04	0.07	0.11	0.11	0.21	0.19	0.42	0.74	0.91	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.0	0.07	0.06	0.1	0.14	0.15	0.21	0.27	0.5	0.76	0.94	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0

GMG	0.0	0.05	0.02	0.0	0.03	0.03	0.02	0.07	0.05	0.03	0.07	0.09	0.11	0.11	0.12	0.12	0.14
ZWA	0.0	0.05	0.06	0.08	0.13	0.15	0.19	0.25	0.53	0.74	0.93	0.95	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0
CC1	0.0	0.05	0.06	0.07	0.16	0.23	0.21	0.32	0.53	0.78	0.96	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.0	0.07	0.06	0.05	0.07	0.05	0.08	0.13	0.18	0.19	0.28	0.34	0.38	0.45	0.49	0.5	0.57
BM1	0.0	0.05	0.04	0.05	0.09	0.15	0.11	0.18	0.32	0.57	0.81	0.88	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.0	0.05	0.02	0.03	0.06	0.05	0.12	0.13	0.18	0.29	0.46	0.6	0.67	0.73	0.84	0.9	0.93
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.0	0.05	0.06	0.07	0.11	0.12	0.16	0.23	0.42	0.66	0.87	0.92	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.0	0.07	0.04	0.05	0.09	0.09	0.07	0.12	0.19	0.31	0.44	0.58	0.67	0.82	0.91	0.94	0.98
ZQS	0.0	0.07	0.06	0.03	0.11	0.1	0.06	0.11	0.12	0.21	0.23	0.25	0.23	0.28	0.31	0.29	0.33
SW	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: gamma_15_1 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.13	0.2	0.12	0.12	0.09	0.15	0.17	0.23	0.19	0.18	0.19	0.22	0.24	0.28	0.27	0.27	0.29

HOSKI NG4	0.1	0.1	0.16	0.17	0.23	0.15	0.22	0.21	0.3	0.31	0.47	0.5	0.55	0.61	0.69	0.73	0.78
DH	0.2	0.17	0.26	0.35	0.41	0.38	0.41	0.66	0.81	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.13	0.23	0.28	0.35	0.47	0.42	0.43	0.66	0.82	0.94	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.07	0.2	0.16	0.15	0.13	0.23	0.24	0.32	0.27	0.22	0.3	0.31	0.33	0.37	0.39	0.39	0.45
ZWA	0.23	0.25	0.28	0.27	0.43	0.49	0.5	0.68	0.81	0.94	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.27	0.2	0.4	0.35	0.56	0.42	0.57	0.69	0.89	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.03	0.1	0.06	0.08	0.07	0.05	0.04	0.03	0.03	0.03	0.01	0.02	0.01	0.0	0.0	0.01	0.0
MI	0.17	0.17	0.18	0.17	0.24	0.3	0.27	0.43	0.43	0.51	0.62	0.64	0.67	0.75	0.79	0.8	0.85
BM1	0.27	0.2	0.34	0.25	0.4	0.39	0.46	0.61	0.81	0.94	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.07	0.2	0.22	0.25	0.33	0.23	0.24	0.36	0.5	0.63	0.79	0.86	0.91	0.95	0.98	0.99	0.99
ZQ	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.13	0.2	0.26	0.33	0.4	0.38	0.41	0.64	0.78	0.92	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.07	0.03	0.02	0.05	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.23	0.2	0.3	0.32	0.4	0.36	0.39	0.59	0.74	0.9	0.97	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.33	0.23	0.22	0.23	0.39	0.36	0.38	0.42	0.44	0.53	0.63	0.63	0.66	0.67	0.71	0.71	0.74
SW	0.07	0.03	0.06	0.07	0.01	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: beta_4_0.5 Significant level: 0.05

[illegible]

HOSKI NG4	0.43	0.57	0.88	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.53	0.57	0.88	0.95	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.77	0.88	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.47	0.7	0.92	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.0	0.03	0.06	0.17	0.27	0.54	0.57	0.74	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01
MI	0.0	0.0	0.0	0.02	0.01	0.01	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.63	0.85	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.6	0.78	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.0	0.0	0.1	0.23	0.3	0.53	0.72	0.84	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: lo_con_norm_0.4_5 Significant level: 0.1

[illegible]

[illegible]

Alternative: cauchy_0_2 Significant level: 0.05

[illegible]

HOSKI NG4	0.17	0.45	0.78	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.5	0.45	0.78	0.83	0.97	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.73	0.8	0.96	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.47	0.53	0.88	0.92	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.03	0.0	0.0	0.02	0.01	0.04	0.03	0.15	0.89	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.02	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.03	0.04	0.13	0.25	0.35	0.51	0.62	0.7	0.81
MI	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.53	0.72	0.98	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.67	0.82	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.0	0.0	0.1	0.12	0.3	0.38	0.64	0.9	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: lo_con_norm_0.5_5 Significant level: 0.1

[illegible]

SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

Alternative: logistic_2_2 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.13	0.2	0.28	0.33	0.36	0.41	0.33	0.4	0.59	0.81	0.84	0.92	0.97	0.96	0.99	0.99	0.99
HOSKI NG4	0.03	0.1	0.06	0.08	0.03	0.09	0.12	0.12	0.07	0.11	0.09	0.11	0.1	0.13	0.12	0.15	0.18
DH	0.13	0.25	0.26	0.27	0.31	0.35	0.3	0.41	0.54	0.7	0.79	0.89	0.95	0.93	0.97	0.98	0.99
CS	0.13	0.28	0.16	0.2	0.2	0.23	0.24	0.31	0.41	0.6	0.64	0.8	0.89	0.89	0.93	0.96	0.97
GMG	0.1	0.25	0.24	0.3	0.37	0.42	0.34	0.43	0.58	0.81	0.84	0.92	0.97	0.96	0.99	0.99	0.99
ZWA	0.2	0.3	0.16	0.23	0.2	0.2	0.26	0.28	0.34	0.51	0.58	0.74	0.83	0.83	0.88	0.92	0.95
CC1	0.17	0.28	0.2	0.23	0.21	0.24	0.27	0.28	0.29	0.36	0.43	0.57	0.62	0.68	0.69	0.77	0.79
D	0.03	0.03	0.02	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.13	0.28	0.32	0.3	0.36	0.39	0.32	0.47	0.68	0.81	0.87	0.94	0.98	0.97	0.99	0.99	0.99
BM1	0.13	0.25	0.22	0.3	0.31	0.31	0.31	0.42	0.54	0.7	0.79	0.89	0.95	0.94	0.97	0.98	0.99
HOSKI NG2	0.03	0.1	0.1	0.05	0.11	0.12	0.13	0.11	0.18	0.29	0.27	0.34	0.4	0.47	0.51	0.58	0.59
ZQ	0.07	0.17	0.22	0.18	0.21	0.19	0.19	0.25	0.29	0.41	0.45	0.5	0.5	0.55	0.56	0.61	0.56
HOSKI NG1	0.1	0.17	0.1	0.23	0.27	0.26	0.24	0.31	0.44	0.61	0.68	0.8	0.89	0.88	0.93	0.96	0.97

SWRG	0.07	0.03	0.1	0.07	0.09	0.06	0.09	0.03	0.06	0.02	0.03	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0
BM2	0.13	0.25	0.22	0.28	0.29	0.31	0.29	0.41	0.56	0.73	0.76	0.89	0.95	0.94	0.96	0.98	0.99
ZQS	0.1	0.1	0.24	0.27	0.19	0.2	0.22	0.26	0.33	0.39	0.38	0.48	0.54	0.53	0.56	0.58	0.61
SW	0.1	0.05	0.02	0.02	0.04	0.01	0.04	0.03	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: logistic_2_2 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.07	0.07	0.14	0.17	0.13	0.25	0.2	0.17	0.34	0.6	0.63	0.79	0.88	0.88	0.93	0.95	0.97
HOSKI NG4	0.0	0.05	0.02	0.02	0.0	0.03	0.02	0.03	0.01	0.04	0.03	0.04	0.04	0.03	0.04	0.05	0.07
DH	0.1	0.12	0.14	0.2	0.17	0.14	0.19	0.25	0.36	0.58	0.65	0.79	0.87	0.87	0.91	0.94	0.96
CS	0.03	0.07	0.1	0.12	0.13	0.1	0.18	0.18	0.23	0.41	0.46	0.65	0.76	0.8	0.85	0.9	0.93
GMG	0.03	0.1	0.1	0.17	0.14	0.25	0.2	0.17	0.34	0.6	0.64	0.8	0.87	0.88	0.93	0.95	0.97
ZWA	0.03	0.12	0.1	0.1	0.1	0.06	0.16	0.13	0.14	0.25	0.34	0.54	0.57	0.66	0.71	0.79	0.84
CC1	0.03	0.15	0.14	0.12	0.11	0.12	0.17	0.17	0.15	0.23	0.26	0.38	0.36	0.46	0.46	0.52	0.57
D	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.03	0.1	0.1	0.2	0.2	0.26	0.18	0.28	0.42	0.67	0.73	0.86	0.94	0.92	0.96	0.97	0.99
BM1	0.07	0.17	0.14	0.17	0.13	0.14	0.2	0.23	0.37	0.54	0.64	0.79	0.88	0.88	0.91	0.94	0.96

HOSKI NG2	0.0	0.07	0.0	0.03	0.04	0.04	0.03	0.06	0.09	0.11	0.14	0.18	0.23	0.27	0.29	0.37	0.4
ZQ	0.03	0.12	0.08	0.07	0.04	0.07	0.11	0.14	0.15	0.21	0.22	0.3	0.28	0.33	0.34	0.37	0.34
HOSKI NG1	0.03	0.07	0.1	0.12	0.13	0.12	0.12	0.12	0.25	0.38	0.45	0.62	0.74	0.79	0.84	0.89	0.93
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.03	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.1	0.15	0.14	0.15	0.1	0.14	0.19	0.21	0.27	0.43	0.43	0.64	0.67	0.75	0.79	0.85	0.89
ZQS	0.07	0.03	0.06	0.08	0.1	0.07	0.06	0.13	0.14	0.2	0.19	0.27	0.3	0.32	0.32	0.33	0.36
SW	0.03	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: logistic_2_2 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.27	0.33	0.34	0.43	0.44	0.47	0.48	0.5	0.72	0.87	0.9	0.95	0.98	0.98	0.99	0.99	1.0
HOSKI NG4	0.1	0.12	0.1	0.18	0.09	0.14	0.17	0.17	0.16	0.2	0.17	0.18	0.17	0.2	0.21	0.24	0.27
DH	0.23	0.33	0.38	0.38	0.41	0.42	0.38	0.52	0.62	0.8	0.85	0.93	0.97	0.96	0.98	0.99	0.99
CS	0.2	0.35	0.24	0.3	0.27	0.28	0.32	0.4	0.47	0.69	0.73	0.86	0.94	0.92	0.95	0.98	0.98
GMG	0.27	0.35	0.34	0.43	0.46	0.46	0.44	0.52	0.71	0.86	0.9	0.95	0.99	0.98	0.99	0.99	1.0
ZWA	0.2	0.35	0.24	0.35	0.29	0.34	0.3	0.4	0.47	0.63	0.7	0.81	0.9	0.9	0.92	0.96	0.97
CC1	0.27	0.35	0.3	0.37	0.26	0.34	0.32	0.39	0.38	0.5	0.57	0.68	0.72	0.77	0.8	0.87	0.88

GMG	0.27	0.25	0.24	0.37	0.47	0.47	0.48	0.41	0.64	0.71	0.82	0.89	0.92	0.94	0.96	0.98	0.99
ZWA	0.93	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.53	0.82	1.0	0.97	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.4	0.45	0.66	0.7	0.71	0.89	0.86	0.91	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
BM1	0.47	0.72	0.92	0.93	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.43	0.6	0.78	0.88	0.93	0.96	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.3	0.4	0.44	0.42	0.54	0.69	0.52	0.58	0.74	0.79	0.85	0.9	0.88	0.92	0.92	0.93	0.95
HOSKI NG1	0.7	0.95	1.0	0.98	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.7	0.85	0.94	0.93	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: beta_5_1 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.03	0.02	0.05	0.06	0.11	0.09	0.01	0.1	0.04	0.07	0.07	0.09	0.11	0.1	0.09	0.12

HOSKI NG4	0.1	0.07	0.1	0.25	0.24	0.34	0.47	0.43	0.88	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.47	0.65	0.92	0.93	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.6	0.82	0.98	0.97	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.1	0.1	0.16	0.22	0.33	0.33	0.29	0.22	0.44	0.55	0.64	0.76	0.8	0.88	0.87	0.93	0.96
ZWA	0.63	0.88	1.0	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.37	0.6	0.76	0.8	0.84	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.23	0.28	0.38	0.55	0.56	0.68	0.61	0.73	0.94	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
BM1	0.17	0.23	0.42	0.55	0.63	0.8	0.79	0.94	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.23	0.35	0.56	0.65	0.73	0.88	0.91	0.9	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.1	0.07	0.14	0.17	0.36	0.4	0.28	0.29	0.41	0.5	0.52	0.58	0.57	0.61	0.65	0.63	0.71
HOSKI NG1	0.4	0.7	0.94	0.93	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.3	0.25	0.42	0.57	0.6	0.75	0.74	0.8	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: beta_5_1 Significant level: 0.1

[illegible]

[illegible]

Alternative: laplace_0_1 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.47	0.45	0.66	0.75	0.8	0.9	0.92	0.93	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.17	0.17	0.12	0.22	0.27	0.33	0.43	0.38	0.7	0.84	0.9	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.4	0.45	0.66	0.6	0.7	0.79	0.81	0.82	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.27	0.3	0.48	0.6	0.56	0.75	0.78	0.79	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.47	0.47	0.64	0.75	0.79	0.89	0.92	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.33	0.35	0.54	0.58	0.56	0.69	0.7	0.72	0.92	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.37	0.38	0.4	0.47	0.46	0.56	0.56	0.47	0.74	0.93	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.47	0.5	0.66	0.77	0.74	0.86	0.89	0.87	0.98	0.96	0.96	0.97	0.96	0.94	0.94	0.95	0.94
BM1	0.5	0.42	0.58	0.63	0.67	0.8	0.81	0.8	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.23	0.3	0.3	0.45	0.44	0.64	0.71	0.71	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.33	0.25	0.46	0.32	0.46	0.46	0.4	0.48	0.56	0.69	0.74	0.79	0.84	0.86	0.88	0.91	0.9
HOSKI NG1	0.4	0.35	0.58	0.67	0.73	0.8	0.84	0.86	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

SWRG	0.03	0.05	0.1	0.02	0.04	0.03	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.47	0.47	0.6	0.7	0.71	0.81	0.86	0.83	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.2	0.3	0.32	0.43	0.47	0.45	0.46	0.48	0.61	0.65	0.73	0.8	0.8	0.88	0.89	0.91	0.91
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: laplace_0_1 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.23	0.28	0.52	0.53	0.7	0.74	0.86	0.87	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKING4	0.07	0.05	0.08	0.07	0.14	0.14	0.21	0.19	0.5	0.66	0.81	0.89	0.95	0.99	0.99	1.0	1.0
DH	0.2	0.3	0.42	0.33	0.54	0.62	0.61	0.65	0.88	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.17	0.12	0.4	0.4	0.43	0.54	0.56	0.6	0.9	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.27	0.3	0.52	0.53	0.67	0.75	0.84	0.88	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.13	0.1	0.3	0.33	0.33	0.42	0.48	0.45	0.78	0.93	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.2	0.15	0.24	0.27	0.24	0.36	0.38	0.32	0.53	0.78	0.85	0.95	0.98	0.99	0.99	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.23	0.28	0.54	0.52	0.6	0.72	0.78	0.79	0.95	0.95	0.96	0.97	0.96	0.94	0.94	0.95	0.94
BM1	0.1	0.2	0.38	0.4	0.51	0.55	0.6	0.61	0.84	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

HOSKI NG2	0.17	0.12	0.22	0.33	0.26	0.47	0.54	0.54	0.89	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.1	0.17	0.22	0.17	0.26	0.26	0.29	0.23	0.34	0.41	0.54	0.62	0.61	0.67	0.71	0.73	0.77
HOSKI NG1	0.23	0.28	0.48	0.5	0.5	0.7	0.74	0.8	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.03	0.02	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.13	0.17	0.44	0.35	0.47	0.53	0.54	0.54	0.77	0.94	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.07	0.17	0.24	0.25	0.2	0.26	0.27	0.27	0.42	0.44	0.52	0.59	0.59	0.7	0.71	0.73	0.75
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: laplace_0_1 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.47	0.65	0.74	0.8	0.9	0.95	0.97	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.2	0.35	0.24	0.33	0.36	0.42	0.5	0.53	0.81	0.88	0.94	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.53	0.53	0.7	0.73	0.77	0.86	0.89	0.89	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.5	0.42	0.56	0.68	0.64	0.8	0.84	0.85	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.57	0.68	0.8	0.85	0.9	0.95	0.96	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.47	0.5	0.56	0.65	0.63	0.8	0.82	0.8	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.47	0.42	0.54	0.55	0.59	0.62	0.7	0.68	0.88	0.96	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

GMG	0.17	0.2	0.18	0.3	0.34	0.29	0.31	0.24	0.45	0.54	0.57	0.62	0.66	0.74	0.76	0.79	0.81
ZWA	0.53	0.53	0.78	0.8	0.94	0.82	0.92	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.33	0.42	0.62	0.75	0.87	0.78	0.88	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.3	0.35	0.36	0.53	0.6	0.53	0.63	0.59	0.9	0.96	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
BM1	0.27	0.28	0.44	0.65	0.7	0.7	0.81	0.85	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.53	0.78	0.88	0.9	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.17	0.15	0.28	0.3	0.17	0.2	0.27	0.25	0.27	0.29	0.33	0.35	0.33	0.42	0.35	0.38	0.41
HOSKI NG1	0.53	0.6	0.84	0.83	0.96	0.94	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.4	0.47	0.64	0.75	0.93	0.8	0.92	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.03	0.0	0.03	0.04	0.0	0.03	0.0	0.01	0.01	0.01	0.05	0.03	0.04	0.04	0.03	0.03
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: mix_con_norm_0.4_1_0.25 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

HOSKI NG4	0.17	0.17	0.5	0.62	0.77	0.79	0.92	0.91	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.23	0.28	0.4	0.55	0.61	0.57	0.69	0.76	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.33	0.42	0.62	0.73	0.96	0.82	0.9	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.07	0.07	0.08	0.12	0.2	0.14	0.16	0.15	0.29	0.33	0.39	0.45	0.47	0.57	0.6	0.64	0.66
ZWA	0.3	0.35	0.52	0.65	0.77	0.69	0.79	0.82	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.17	0.17	0.32	0.48	0.6	0.59	0.7	0.76	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.17	0.15	0.24	0.35	0.36	0.35	0.47	0.39	0.78	0.89	0.95	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
BM1	0.1	0.05	0.14	0.12	0.23	0.19	0.28	0.33	0.88	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.23	0.47	0.68	0.8	0.94	0.91	0.98	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.03	0.08	0.07	0.06	0.09	0.06	0.11	0.09	0.11	0.12	0.1	0.12	0.16	0.11	0.12	0.14
HOSKI NG1	0.33	0.38	0.58	0.73	0.9	0.79	0.89	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.1	0.07	0.14	0.17	0.24	0.21	0.33	0.29	0.8	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.03	0.0	0.02	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.0	0.01
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: mix_con_norm_0.4_1_0.25 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.03	0.07	0.04	0.07	0.13	0.07	0.07	0.06	0.05	0.03	0.03	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.53	0.75	0.82	0.87	0.96	0.99	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.63	0.53	0.78	0.78	0.89	0.81	0.96	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.77	0.72	0.86	0.92	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.3	0.23	0.3	0.42	0.43	0.33	0.34	0.35	0.52	0.63	0.67	0.71	0.75	0.79	0.83	0.85	0.86
ZWA	0.63	0.68	0.84	0.88	0.96	0.93	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.57	0.5	0.74	0.83	0.94	0.89	0.93	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.03	0.0	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.33	0.38	0.52	0.67	0.7	0.66	0.78	0.73	0.94	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
BM1	0.53	0.55	0.74	0.8	0.9	0.8	0.91	0.93	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.73	0.82	0.94	0.9	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.27	0.25	0.42	0.45	0.36	0.39	0.41	0.4	0.43	0.45	0.48	0.53	0.52	0.59	0.54	0.59	0.57
HOSKI NG1	0.67	0.7	0.9	0.9	0.99	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.03	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.6	0.65	0.8	0.83	0.96	0.91	0.98	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.03	0.03	0.06	0.03	0.13	0.06	0.08	0.01	0.05	0.04	0.04	0.08	0.06	0.09	0.07	0.05	0.05

SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

Alternative: scale_con_norm_0.05_0.25 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.03	0.07	0.1	0.15	0.16	0.15	0.12	0.12	0.15	0.22	0.27	0.37	0.36	0.42	0.43	0.49	0.5
HOSKI NG4	0.1	0.03	0.12	0.08	0.07	0.07	0.11	0.1	0.1	0.1	0.14	0.14	0.18	0.21	0.22	0.25	0.26
DH	0.0	0.05	0.08	0.05	0.07	0.07	0.07	0.07	0.06	0.12	0.08	0.13	0.1	0.09	0.12	0.12	0.13
CS	0.0	0.05	0.04	0.1	0.07	0.05	0.03	0.04	0.05	0.08	0.07	0.1	0.09	0.1	0.12	0.12	0.14
GMG	0.03	0.07	0.1	0.12	0.14	0.15	0.13	0.14	0.15	0.22	0.27	0.37	0.36	0.42	0.42	0.49	0.49
ZWA	0.0	0.05	0.04	0.07	0.07	0.07	0.03	0.02	0.05	0.05	0.05	0.06	0.04	0.04	0.06	0.05	0.06
CC1	0.0	0.03	0.04	0.03	0.03	0.05	0.04	0.03	0.06	0.06	0.07	0.08	0.07	0.06	0.07	0.07	0.08
D	0.0	0.03	0.0	0.02	0.04	0.03	0.01	0.03	0.04	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.0
MI	0.0	0.07	0.06	0.07	0.1	0.14	0.14	0.09	0.1	0.16	0.16	0.21	0.17	0.2	0.22	0.25	0.25
BM1	0.0	0.03	0.06	0.07	0.06	0.1	0.09	0.07	0.06	0.11	0.09	0.13	0.11	0.1	0.14	0.14	0.14
HOSKI NG2	0.13	0.03	0.06	0.1	0.07	0.1	0.12	0.09	0.08	0.14	0.13	0.18	0.19	0.2	0.27	0.29	0.28
ZQ	0.0	0.03	0.12	0.0	0.1	0.05	0.11	0.08	0.06	0.09	0.06	0.07	0.06	0.06	0.08	0.06	0.06
HOSKI NG1	0.0	0.07	0.04	0.08	0.06	0.11	0.08	0.09	0.07	0.13	0.15	0.16	0.15	0.15	0.22	0.24	0.24

SWRG	0.07	0.1	0.0	0.02	0.09	0.06	0.02	0.03	0.07	0.04	0.03	0.05	0.03	0.04	0.04	0.03	0.03
BM2	0.0	0.03	0.1	0.07	0.07	0.11	0.1	0.09	0.06	0.12	0.08	0.14	0.09	0.11	0.14	0.13	0.14
ZQS	0.0	0.12	0.02	0.07	0.06	0.07	0.08	0.07	0.04	0.08	0.05	0.06	0.06	0.07	0.07	0.08	0.07
SW	0.03	0.07	0.04	0.0	0.06	0.03	0.03	0.02	0.09	0.06	0.04	0.02	0.02	0.03	0.03	0.01	0.01

Alternative: scale_con_norm_0.05_0.25 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.0	0.04	0.03	0.04	0.09	0.03	0.04	0.04	0.09	0.12	0.13	0.14	0.16	0.22	0.25	0.25
HOSKI NG4	0.03	0.0	0.02	0.05	0.0	0.03	0.04	0.03	0.02	0.03	0.03	0.06	0.07	0.08	0.09	0.1	0.1
DH	0.0	0.0	0.0	0.0	0.03	0.06	0.02	0.02	0.01	0.03	0.02	0.04	0.03	0.03	0.05	0.03	0.06
CS	0.0	0.0	0.02	0.02	0.0	0.01	0.0	0.01	0.02	0.02	0.02	0.03	0.03	0.03	0.05	0.03	0.03
GMG	0.0	0.0	0.04	0.03	0.06	0.1	0.03	0.04	0.04	0.09	0.12	0.14	0.13	0.16	0.22	0.25	0.24
ZWA	0.0	0.0	0.02	0.02	0.01	0.01	0.0	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01
CC1	0.0	0.03	0.02	0.02	0.0	0.01	0.0	0.01	0.02	0.01	0.01	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02	0.02
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.0	0.03	0.04	0.03	0.04	0.09	0.02	0.02	0.02	0.06	0.06	0.06	0.06	0.06	0.09	0.08	0.09
BM1	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.05	0.01	0.02	0.02	0.03	0.03	0.04	0.03	0.03	0.05	0.04	0.05

HOSKI NG2	0.03	0.0	0.0	0.05	0.0	0.06	0.06	0.03	0.01	0.04	0.07	0.06	0.06	0.07	0.11	0.12	0.12
ZQ	0.0	0.0	0.04	0.0	0.01	0.01	0.04	0.02	0.01	0.01	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01
HOSKI NG1	0.0	0.0	0.02	0.03	0.01	0.05	0.01	0.02	0.01	0.04	0.04	0.05	0.06	0.06	0.1	0.08	0.09
SWRG	0.03	0.03	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0
BM2	0.0	0.0	0.02	0.0	0.01	0.04	0.0	0.02	0.01	0.02	0.01	0.03	0.01	0.02	0.03	0.01	0.02
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.05	0.01	0.02	0.01	0.02	0.01	0.02	0.02	0.02	0.02	0.01	0.02
SW	0.0	0.03	0.0	0.0	0.03	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0

Alternative: scale_con_norm_0.05_0.25 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.1	0.12	0.2	0.18	0.17	0.23	0.24	0.23	0.28	0.34	0.38	0.48	0.51	0.55	0.56	0.62	0.64
HOSKI NG4	0.17	0.03	0.18	0.12	0.1	0.12	0.17	0.16	0.13	0.2	0.21	0.22	0.27	0.31	0.33	0.36	0.38
DH	0.0	0.07	0.12	0.1	0.1	0.14	0.16	0.14	0.12	0.16	0.15	0.21	0.17	0.16	0.2	0.2	0.21
CS	0.03	0.07	0.08	0.13	0.1	0.14	0.11	0.11	0.11	0.13	0.14	0.18	0.16	0.16	0.21	0.22	0.23
GMG	0.1	0.1	0.18	0.22	0.19	0.21	0.24	0.22	0.29	0.33	0.38	0.48	0.52	0.55	0.56	0.62	0.64
ZWA	0.0	0.07	0.08	0.13	0.11	0.12	0.09	0.09	0.1	0.1	0.1	0.13	0.11	0.1	0.12	0.11	0.13
CC1	0.07	0.1	0.08	0.17	0.04	0.15	0.11	0.09	0.12	0.11	0.15	0.14	0.14	0.13	0.15	0.14	0.16

D	0.07	0.12	0.04	0.03	0.06	0.06	0.06	0.04	0.04	0.03	0.01	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01
MI	0.03	0.12	0.1	0.13	0.16	0.2	0.18	0.17	0.17	0.24	0.24	0.31	0.28	0.33	0.34	0.36	0.38
BM1	0.03	0.12	0.1	0.13	0.1	0.15	0.18	0.13	0.12	0.17	0.14	0.21	0.18	0.17	0.21	0.2	0.22
HOSKI NG2	0.13	0.05	0.1	0.15	0.11	0.14	0.16	0.19	0.14	0.21	0.2	0.28	0.28	0.32	0.36	0.41	0.39
ZQ	0.0	0.07	0.16	0.08	0.16	0.12	0.13	0.11	0.12	0.13	0.11	0.14	0.12	0.12	0.13	0.14	0.13
HOSKI NG1	0.07	0.1	0.08	0.18	0.13	0.17	0.1	0.11	0.15	0.2	0.22	0.26	0.24	0.27	0.32	0.36	0.34
SWRG	0.13	0.17	0.04	0.08	0.13	0.09	0.1	0.07	0.15	0.07	0.08	0.1	0.07	0.08	0.07	0.06	0.07
BM2	0.03	0.1	0.1	0.12	0.09	0.15	0.21	0.15	0.09	0.21	0.17	0.23	0.18	0.19	0.23	0.23	0.24
ZQS	0.1	0.12	0.04	0.12	0.09	0.2	0.13	0.1	0.1	0.14	0.1	0.14	0.12	0.14	0.14	0.13	0.14
SW	0.1	0.17	0.06	0.07	0.06	0.05	0.03	0.05	0.14	0.11	0.07	0.06	0.05	0.05	0.05	0.04	0.03

Alternative: student_10 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.13	0.2	0.2	0.15	0.2	0.23	0.26	0.31	0.42	0.64	0.6	0.74	0.78	0.82	0.89	0.91	0.94
HOSKI NG4	0.1	0.05	0.0	0.08	0.1	0.07	0.02	0.06	0.05	0.09	0.06	0.05	0.07	0.07	0.09	0.08	0.07
DH	0.17	0.2	0.16	0.13	0.23	0.26	0.32	0.31	0.45	0.64	0.65	0.76	0.82	0.84	0.91	0.92	0.94
CS	0.1	0.15	0.06	0.08	0.2	0.16	0.19	0.24	0.28	0.46	0.48	0.59	0.68	0.71	0.79	0.83	0.85

GMG	0.17	0.23	0.22	0.15	0.23	0.23	0.24	0.3	0.43	0.65	0.61	0.74	0.79	0.83	0.89	0.91	0.94
ZWA	0.13	0.15	0.08	0.1	0.17	0.15	0.18	0.25	0.25	0.42	0.42	0.54	0.59	0.65	0.72	0.77	0.8
CC1	0.17	0.2	0.06	0.08	0.19	0.19	0.22	0.23	0.29	0.32	0.36	0.4	0.45	0.46	0.55	0.52	0.61
D	0.1	0.05	0.04	0.02	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.17	0.25	0.16	0.17	0.21	0.31	0.37	0.31	0.56	0.7	0.73	0.84	0.89	0.91	0.95	0.95	0.97
BM1	0.17	0.28	0.16	0.15	0.26	0.26	0.37	0.36	0.47	0.64	0.66	0.76	0.82	0.85	0.91	0.92	0.94
HOSKI NG2	0.07	0.07	0.06	0.08	0.09	0.06	0.07	0.07	0.09	0.18	0.12	0.16	0.18	0.23	0.25	0.28	0.28
ZQ	0.17	0.07	0.12	0.07	0.16	0.19	0.19	0.17	0.26	0.41	0.31	0.45	0.44	0.45	0.52	0.51	0.52
HOSKI NG1	0.13	0.17	0.08	0.08	0.16	0.14	0.18	0.18	0.29	0.43	0.48	0.57	0.6	0.68	0.75	0.78	0.81
SWRG	0.07	0.03	0.04	0.05	0.03	0.11	0.07	0.08	0.13	0.06	0.06	0.05	0.02	0.03	0.02	0.01	0.0
BM2	0.17	0.23	0.18	0.13	0.23	0.26	0.39	0.34	0.44	0.59	0.62	0.73	0.8	0.82	0.88	0.9	0.91
ZQS	0.1	0.15	0.16	0.15	0.2	0.26	0.2	0.26	0.28	0.3	0.4	0.37	0.44	0.45	0.49	0.49	0.53
SW	0.03	0.0	0.04	0.07	0.04	0.09	0.0	0.03	0.02	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: student_10 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.07	0.07	0.06	0.02	0.07	0.06	0.11	0.11	0.23	0.4	0.43	0.54	0.6	0.67	0.75	0.79	0.81

HOSKI NG4	0.0	0.0	0.0	0.03	0.03	0.01	0.0	0.02	0.01	0.04	0.01	0.01	0.02	0.02	0.01	0.02	0.02
DH	0.03	0.07	0.08	0.05	0.09	0.15	0.17	0.17	0.27	0.47	0.48	0.6	0.66	0.73	0.78	0.83	0.86
CS	0.03	0.05	0.04	0.05	0.04	0.11	0.09	0.07	0.18	0.3	0.3	0.42	0.49	0.57	0.66	0.7	0.73
GMG	0.07	0.07	0.06	0.05	0.06	0.06	0.11	0.13	0.23	0.4	0.43	0.54	0.6	0.67	0.75	0.79	0.81
ZWA	0.03	0.05	0.04	0.03	0.04	0.1	0.08	0.06	0.12	0.2	0.21	0.29	0.35	0.41	0.5	0.55	0.61
CC1	0.03	0.05	0.02	0.03	0.1	0.11	0.09	0.07	0.14	0.17	0.19	0.25	0.26	0.27	0.35	0.35	0.41
D	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.03	0.07	0.06	0.07	0.1	0.16	0.1	0.18	0.29	0.52	0.53	0.68	0.75	0.78	0.87	0.88	0.91
BM1	0.03	0.07	0.06	0.05	0.14	0.14	0.11	0.16	0.26	0.43	0.49	0.61	0.66	0.72	0.78	0.83	0.86
HOSKI NG2	0.0	0.03	0.0	0.03	0.03	0.0	0.02	0.01	0.03	0.08	0.04	0.06	0.08	0.1	0.11	0.12	0.12
ZQ	0.07	0.05	0.04	0.02	0.06	0.05	0.11	0.11	0.1	0.22	0.17	0.26	0.24	0.26	0.32	0.3	0.31
HOSKI NG1	0.07	0.05	0.04	0.03	0.07	0.07	0.06	0.09	0.15	0.23	0.25	0.34	0.41	0.47	0.56	0.59	0.65
SWRG	0.03	0.0	0.02	0.02	0.01	0.04	0.0	0.01	0.03	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.07	0.05	0.08	0.05	0.11	0.12	0.17	0.14	0.21	0.35	0.34	0.47	0.5	0.54	0.65	0.68	0.72
ZQS	0.0	0.07	0.08	0.07	0.07	0.12	0.12	0.1	0.16	0.15	0.22	0.21	0.24	0.24	0.27	0.3	0.32
SW	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.03	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: student_10 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.2	0.3	0.36	0.27	0.37	0.36	0.34	0.4	0.56	0.72	0.71	0.81	0.89	0.91	0.94	0.95	0.97
HOSKING4	0.2	0.15	0.06	0.12	0.17	0.14	0.09	0.07	0.1	0.17	0.1	0.11	0.13	0.13	0.14	0.14	0.14
DH	0.27	0.35	0.2	0.2	0.34	0.38	0.43	0.41	0.59	0.71	0.72	0.83	0.88	0.89	0.94	0.95	0.96
CS	0.2	0.25	0.12	0.13	0.27	0.23	0.27	0.36	0.36	0.53	0.59	0.68	0.76	0.77	0.85	0.87	0.9
GMG	0.27	0.3	0.3	0.27	0.34	0.38	0.36	0.4	0.54	0.72	0.73	0.82	0.88	0.91	0.94	0.95	0.97
ZWA	0.2	0.28	0.18	0.13	0.26	0.33	0.39	0.35	0.36	0.52	0.57	0.66	0.73	0.75	0.82	0.85	0.87
CC1	0.2	0.3	0.14	0.22	0.27	0.28	0.36	0.32	0.36	0.45	0.49	0.52	0.58	0.58	0.68	0.66	0.72
D	0.1	0.07	0.04	0.02	0.04	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.3	0.35	0.24	0.18	0.31	0.44	0.46	0.47	0.66	0.8	0.81	0.89	0.93	0.94	0.97	0.97	0.99
BM1	0.23	0.35	0.2	0.2	0.31	0.36	0.48	0.44	0.58	0.72	0.72	0.83	0.88	0.89	0.94	0.94	0.96
HOSKING2	0.2	0.2	0.1	0.18	0.19	0.12	0.1	0.12	0.15	0.25	0.21	0.26	0.27	0.33	0.36	0.39	0.4
ZQ	0.2	0.15	0.22	0.12	0.24	0.25	0.29	0.2	0.41	0.51	0.45	0.55	0.57	0.57	0.61	0.65	0.63
HOSKING1	0.23	0.3	0.18	0.17	0.16	0.23	0.24	0.27	0.38	0.56	0.57	0.66	0.7	0.76	0.82	0.85	0.88
SWRG	0.13	0.03	0.22	0.07	0.09	0.17	0.11	0.13	0.18	0.09	0.09	0.08	0.06	0.07	0.03	0.03	0.02
BM2	0.2	0.35	0.18	0.2	0.29	0.34	0.43	0.4	0.56	0.71	0.72	0.83	0.88	0.88	0.94	0.93	0.96
ZQS	0.13	0.28	0.2	0.17	0.24	0.34	0.31	0.33	0.39	0.4	0.49	0.52	0.55	0.58	0.61	0.63	0.64

HOSKI NG1	0.47	0.62	0.78	0.88	0.94	0.99	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.33	0.35	0.54	0.55	0.74	0.9	0.97	0.91	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: beta_2_1 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.07	0.03	0.04	0.02	0.11	0.1	0.07	0.2	0.45	0.68	0.87	0.95	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0
DH	0.23	0.1	0.4	0.37	0.61	0.78	0.93	0.88	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.33	0.38	0.6	0.65	0.86	0.96	0.99	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
COIN	0.03	0.0	0.14	0.22	0.24	0.44	0.4	0.52	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.33	0.4	0.76	0.9	0.94	1.0	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.07	0.1	0.12	0.12	0.26	0.17	0.27	0.38	0.85	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.03	0.0	0.02	0.02	0.01	0.0	0.02	0.0	0.04	0.03	0.04	0.07	0.06	0.08	0.07	0.07	0.07

HOSKI NG4	0.03	0.07	0.06	0.15	0.1	0.07	0.09	0.08	0.16	0.24	0.34	0.4	0.47	0.6	0.64	0.68	0.73
DH	0.1	0.12	0.18	0.3	0.37	0.53	0.69	0.7	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.37	0.38	0.42	0.75	0.83	0.88	0.96	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.17	0.25	0.42	0.73	0.8	0.91	0.94	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.0	0.0	0.02	0.02	0.01	0.03	0.06	0.07	0.4	0.81	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.47	0.5	0.64	0.77	0.89	0.82	0.96	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
MI	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.03	0.1	0.22	0.37	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.1	0.05	0.12	0.25	0.2	0.21	0.32	0.34	0.59	0.81	0.93	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.3	0.35	0.4	0.63	0.66	0.69	0.83	0.78	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.07	0.1	0.12	0.3	0.4	0.47	0.68	0.67	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: truncnorm_0_1_-1_1 Significant level: 0.01

[illegible]

SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.3	0.35	0.42	0.72	0.7	0.8	0.89	0.87	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: truncnorm_0_1_-2_2 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKING4	0.1	0.05	0.08	0.0	0.03	0.05	0.02	0.03	0.03	0.04	0.07	0.04	0.08	0.07	0.08	0.09	0.1
DH	0.03	0.03	0.02	0.03	0.01	0.01	0.0	0.05	0.26	0.57	0.81	0.92	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.03	0.03	0.06	0.12	0.09	0.06	0.06	0.21	0.61	0.89	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.03	0.0	0.08	0.07	0.06	0.07	0.06	0.18	0.71	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.03	0.0	0.04	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.01	0.04	0.07	0.11	0.18	0.26	0.37	0.44	0.53
D	0.17	0.05	0.2	0.25	0.37	0.35	0.4	0.46	0.81	0.92	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
MI	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.07	0.45	0.75	0.9	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0

HOSKI NG2																	
	0.07	0.03	0.04	0.05	0.06	0.04	0.0	0.05	0.06	0.08	0.13	0.12	0.17	0.22	0.26	0.27	0.32
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.1	0.03	0.08	0.05	0.1	0.05	0.04	0.16	0.34	0.45	0.57	0.71	0.78	0.91	0.92	0.96	0.98
SWRG	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.03	0.0	0.02	0.02	0.01	0.03	0.0	0.04	0.1	0.33	0.51	0.71	0.83	0.94	0.97	0.99	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.03	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: truncnorm_0_1_-2_2 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.02	0.03	0.02
DH	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.16	0.34	0.59	0.78	0.94	0.97	0.99	1.0
CS	0.0	0.0	0.0	0.02	0.01	0.01	0.0	0.03	0.18	0.58	0.86	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.03	0.0	0.0	0.03	0.01	0.0	0.0	0.03	0.31	0.8	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.02	0.03	0.04	0.06	0.11

D	0.03	0.03	0.08	0.05	0.13	0.15	0.18	0.2	0.48	0.72	0.89	0.94	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0
MI	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.04	0.19	0.46	0.77	0.9	0.97	0.99
HOSKI NG2	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.01	0.01	0.02	0.04	0.03	0.05	0.08	0.07	0.1	0.14
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.0	0.0	0.0	0.02	0.03	0.01	0.0	0.04	0.06	0.22	0.31	0.45	0.55	0.7	0.76	0.83	0.89
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.03	0.09	0.21	0.32	0.47
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: truncnorm_0_1_-2_2 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.03	0.03	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.23	0.07	0.1	0.1	0.04	0.09	0.07	0.1	0.1	0.11	0.12	0.11	0.14	0.14	0.15	0.16	0.17
DH	0.03	0.03	0.06	0.1	0.1	0.07	0.07	0.19	0.49	0.77	0.95	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.2	0.12	0.16	0.17	0.26	0.26	0.18	0.38	0.74	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

GMG	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.1	0.05	0.08	0.12	0.17	0.24	0.19	0.38	0.8	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.03	0.0	0.04	0.05	0.04	0.01	0.02	0.04	0.06	0.12	0.2	0.31	0.4	0.52	0.64	0.72	0.8
D	0.23	0.2	0.38	0.33	0.49	0.5	0.54	0.68	0.91	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
MI	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.03	0.0	0.06	0.03	0.04	0.03	0.03	0.13	0.46	0.77	0.95	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.1	0.07	0.12	0.08	0.1	0.07	0.07	0.12	0.14	0.17	0.21	0.23	0.27	0.34	0.36	0.39	0.45
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.1	0.1	0.18	0.15	0.19	0.2	0.11	0.28	0.45	0.57	0.71	0.81	0.88	0.96	0.96	0.98	0.99
SWRG	0.03	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.1	0.05	0.12	0.12	0.1	0.09	0.06	0.18	0.41	0.6	0.81	0.91	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.03	0.1	0.0	0.03	0.0	0.01	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: scale_con_norm_0.1_2 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.2	0.17	0.24	0.22	0.26	0.31	0.34	0.43	0.51	0.62	0.73	0.78	0.85	0.89	0.93	0.94	0.96

HOSKI NG4	0.07	0.03	0.12	0.02	0.04	0.05	0.03	0.04	0.06	0.06	0.06	0.05	0.06	0.07	0.06	0.06	0.05
DH	0.27	0.2	0.24	0.35	0.36	0.33	0.36	0.48	0.62	0.76	0.81	0.88	0.93	0.96	0.98	0.99	0.99
CS	0.23	0.15	0.22	0.25	0.26	0.3	0.28	0.37	0.47	0.63	0.69	0.78	0.84	0.9	0.93	0.96	0.97
GMG	0.2	0.17	0.26	0.25	0.27	0.28	0.33	0.42	0.51	0.62	0.73	0.79	0.85	0.89	0.93	0.94	0.96
ZWA	0.17	0.17	0.18	0.25	0.27	0.28	0.29	0.39	0.47	0.62	0.67	0.76	0.81	0.9	0.92	0.95	0.97
CC1	0.2	0.12	0.22	0.32	0.24	0.29	0.31	0.29	0.41	0.49	0.53	0.61	0.63	0.66	0.73	0.74	0.81
D	0.0	0.03	0.0	0.03	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.2	0.2	0.32	0.37	0.39	0.34	0.41	0.54	0.68	0.8	0.85	0.9	0.96	0.97	0.99	0.99	0.99
BM1	0.27	0.23	0.24	0.38	0.43	0.34	0.42	0.53	0.64	0.77	0.82	0.89	0.93	0.96	0.98	0.99	0.99
HOSKI NG2	0.1	0.03	0.1	0.08	0.09	0.07	0.09	0.05	0.07	0.07	0.11	0.11	0.12	0.13	0.15	0.15	0.18
ZQ	0.07	0.2	0.18	0.28	0.29	0.26	0.23	0.3	0.42	0.5	0.53	0.62	0.66	0.69	0.71	0.74	0.79
HOSKI NG1	0.17	0.12	0.16	0.18	0.21	0.25	0.23	0.21	0.32	0.43	0.53	0.61	0.66	0.71	0.78	0.81	0.86
SWRG	0.03	0.07	0.0	0.05	0.09	0.06	0.09	0.08	0.06	0.06	0.04	0.03	0.02	0.01	0.01	0.0	0.0
BM2	0.27	0.2	0.3	0.3	0.36	0.34	0.39	0.48	0.67	0.75	0.81	0.88	0.91	0.96	0.96	0.99	0.98
ZQS	0.27	0.12	0.16	0.22	0.29	0.21	0.28	0.47	0.44	0.49	0.54	0.6	0.65	0.71	0.73	0.74	0.77
SW	0.03	0.07	0.02	0.02	0.0	0.03	0.03	0.02	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: scale_con_norm_0.1_2 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.07	0.05	0.12	0.08	0.16	0.14	0.12	0.21	0.29	0.41	0.53	0.63	0.68	0.78	0.82	0.85	0.9
HOSKING4	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.03	0.0	0.01	0.01	0.0	0.02	0.0	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01
DH	0.03	0.15	0.12	0.17	0.21	0.19	0.26	0.37	0.46	0.62	0.69	0.78	0.86	0.92	0.95	0.97	0.98
CS	0.03	0.05	0.08	0.12	0.13	0.14	0.17	0.19	0.36	0.48	0.57	0.66	0.74	0.81	0.88	0.89	0.94
GMG	0.07	0.03	0.12	0.1	0.16	0.15	0.13	0.21	0.29	0.42	0.53	0.63	0.68	0.78	0.82	0.86	0.9
ZWA	0.03	0.05	0.08	0.1	0.11	0.12	0.14	0.17	0.28	0.38	0.48	0.57	0.64	0.73	0.81	0.84	0.9
CC1	0.1	0.05	0.08	0.12	0.14	0.14	0.17	0.18	0.24	0.34	0.39	0.43	0.45	0.48	0.56	0.58	0.64
D	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.07	0.1	0.14	0.22	0.2	0.2	0.22	0.35	0.47	0.61	0.7	0.8	0.88	0.93	0.96	0.97	0.98
BM1	0.03	0.1	0.14	0.18	0.23	0.19	0.27	0.37	0.48	0.63	0.69	0.8	0.86	0.92	0.94	0.97	0.98
HOSKING2	0.03	0.0	0.06	0.03	0.01	0.04	0.0	0.01	0.03	0.02	0.03	0.04	0.03	0.04	0.06	0.05	0.06
ZQ	0.03	0.1	0.06	0.12	0.17	0.11	0.13	0.15	0.27	0.33	0.35	0.41	0.41	0.48	0.53	0.5	0.55
HOSKING1	0.13	0.03	0.06	0.13	0.13	0.12	0.11	0.12	0.17	0.23	0.34	0.42	0.44	0.5	0.62	0.64	0.71
SWRG	0.0	0.05	0.0	0.03	0.03	0.0	0.01	0.02	0.01	0.02	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.03	0.1	0.14	0.17	0.23	0.17	0.22	0.37	0.46	0.58	0.61	0.72	0.78	0.86	0.9	0.91	0.95
ZQS	0.1	0.07	0.08	0.13	0.13	0.06	0.16	0.28	0.28	0.31	0.32	0.41	0.43	0.5	0.5	0.53	0.57

SW	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
----	------	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

Alternative: scale_con_norm_0.1_2 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.27	0.23	0.34	0.32	0.36	0.39	0.48	0.48	0.58	0.75	0.81	0.84	0.91	0.93	0.97	0.97	0.99
HOSKI NG4	0.1	0.05	0.18	0.08	0.1	0.11	0.07	0.07	0.1	0.1	0.11	0.11	0.11	0.13	0.12	0.11	0.09
DH	0.33	0.28	0.34	0.47	0.49	0.4	0.46	0.58	0.73	0.8	0.88	0.91	0.96	0.98	0.98	0.99	0.99
CS	0.33	0.28	0.3	0.32	0.33	0.39	0.37	0.43	0.54	0.7	0.76	0.84	0.89	0.94	0.95	0.98	0.98
GMG	0.23	0.23	0.36	0.33	0.34	0.35	0.47	0.48	0.58	0.75	0.81	0.84	0.91	0.93	0.97	0.97	0.98
ZWA	0.33	0.25	0.3	0.37	0.37	0.39	0.4	0.45	0.56	0.71	0.75	0.83	0.89	0.94	0.95	0.98	0.98
CC1	0.23	0.25	0.32	0.38	0.39	0.39	0.43	0.42	0.49	0.6	0.62	0.72	0.71	0.76	0.81	0.84	0.89
D	0.07	0.05	0.04	0.05	0.03	0.01	0.01	0.02	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.3	0.28	0.34	0.47	0.46	0.41	0.53	0.62	0.74	0.86	0.9	0.94	0.98	0.98	0.99	1.0	1.0
BM1	0.3	0.3	0.38	0.45	0.46	0.41	0.5	0.63	0.72	0.81	0.88	0.92	0.96	0.98	0.98	0.99	0.99
HOSKI NG2	0.13	0.12	0.22	0.13	0.13	0.15	0.14	0.11	0.13	0.15	0.21	0.19	0.21	0.22	0.25	0.23	0.27
ZQ	0.07	0.23	0.22	0.38	0.4	0.34	0.3	0.37	0.53	0.6	0.61	0.71	0.76	0.79	0.82	0.83	0.87
HOSKI NG1	0.23	0.25	0.28	0.28	0.3	0.29	0.26	0.32	0.42	0.53	0.6	0.71	0.76	0.79	0.86	0.87	0.91

SWRG	0.07	0.1	0.02	0.17	0.13	0.1	0.13	0.14	0.11	0.13	0.07	0.05	0.04	0.03	0.02	0.01	0.01
BM2	0.33	0.3	0.36	0.45	0.46	0.42	0.47	0.59	0.7	0.82	0.87	0.91	0.95	0.97	0.98	0.99	0.99
ZQS	0.27	0.3	0.28	0.3	0.33	0.31	0.34	0.51	0.53	0.59	0.65	0.69	0.73	0.8	0.81	0.84	0.85
SW	0.03	0.07	0.02	0.05	0.0	0.05	0.06	0.09	0.01	0.01	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: truncnorm_0_1_-3_3 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.0	0.02	0.02	0.07	0.01	0.01	0.03	0.03	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
HOSKING4	0.03	0.1	0.02	0.03	0.07	0.09	0.02	0.04	0.06	0.05	0.07	0.06	0.04	0.06	0.05	0.05	0.05
DH	0.0	0.0	0.0	0.02	0.06	0.04	0.07	0.01	0.01	0.04	0.04	0.03	0.04	0.03	0.04	0.06	0.06
CS	0.03	0.03	0.0	0.03	0.06	0.03	0.07	0.02	0.03	0.07	0.07	0.05	0.08	0.06	0.09	0.11	0.12
GMG	0.0	0.0	0.02	0.02	0.07	0.03	0.01	0.01	0.03	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
ZWA	0.0	0.03	0.0	0.03	0.04	0.03	0.09	0.02	0.04	0.08	0.07	0.07	0.08	0.07	0.1	0.14	0.15
CC1	0.03	0.0	0.0	0.02	0.04	0.03	0.07	0.02	0.03	0.02	0.04	0.01	0.02	0.02	0.02	0.03	0.03
D	0.1	0.05	0.02	0.0	0.04	0.06	0.09	0.07	0.06	0.14	0.11	0.17	0.14	0.15	0.19	0.2	0.2
MI	0.0	0.0	0.02	0.0	0.01	0.01	0.04	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.03	0.0	0.02	0.02	0.0	0.01	0.04	0.0	0.01	0.01	0.03	0.01	0.03	0.02	0.02	0.03	0.04

HOSKI NG2																	
	0.0	0.03	0.04	0.02	0.06	0.07	0.04	0.03	0.04	0.05	0.06	0.05	0.04	0.04	0.05	0.06	0.06
ZQ	0.0	0.03	0.02	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.07	0.0	0.02	0.0	0.07	0.04	0.08	0.02	0.04	0.05	0.06	0.04	0.06	0.03	0.05	0.05	0.07
SWRG	0.03	0.07	0.06	0.08	0.06	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.04	0.04	0.0	0.01	0.01	0.02	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
ZQS	0.07	0.0	0.06	0.02	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.03	0.07	0.02	0.08	0.07	0.06	0.02	0.02	0.07	0.05	0.03	0.03	0.01	0.01	0.0	0.01	0.0

Alternative: truncnorm_0_1_-3_3 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.0	0.03	0.0	0.02	0.01	0.04	0.01	0.02	0.01	0.02	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01
DH	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.0
CS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.02	0.0	0.01	0.01	0.02	0.01	0.02	0.01	0.01	0.02	0.02
GMG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.03	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.02	0.0	0.0	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01	0.02	0.03	0.03
CC1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01

D	0.07	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.02	0.03	0.03	0.03	0.04	0.03	0.04	0.04	0.06
MI	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG2	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.03	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.03	0.0	0.02	0.0	0.01	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: truncnorm_0_1_-3_3 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.03	0.1	0.03	0.11	0.05	0.03	0.08	0.04	0.03	0.04	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03
HOSKI NG4	0.07	0.15	0.1	0.07	0.1	0.17	0.1	0.09	0.1	0.1	0.14	0.09	0.11	0.09	0.1	0.1	0.1
DH	0.07	0.0	0.02	0.05	0.07	0.05	0.12	0.02	0.06	0.07	0.08	0.08	0.09	0.08	0.11	0.12	0.14
CS	0.1	0.05	0.06	0.08	0.07	0.05	0.14	0.08	0.09	0.12	0.12	0.13	0.14	0.13	0.18	0.21	0.22

HOSKI NG4	0.1	0.03	0.02	0.05	0.11	0.15	0.13	0.11	0.42	0.51	0.71	0.77	0.87	0.93	0.95	0.98	0.99
DH	0.2	0.28	0.32	0.63	0.8	0.86	0.97	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.4	0.6	0.72	0.93	1.0	0.97	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.33	0.57	0.68	0.93	1.0	0.97	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.03	0.0	0.02	0.05	0.06	0.1	0.17	0.13	0.78	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.13	0.35	0.8	0.87	0.89	0.95	0.99	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
MI	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.03	0.0	0.0	0.05	0.2	0.4	0.68	0.67	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.17	0.1	0.12	0.2	0.4	0.56	0.61	0.53	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.3	0.47	0.64	0.83	0.91	0.94	0.99	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.2	0.2	0.32	0.63	0.77	0.82	0.94	0.89	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: tukey_2 Significant level: 0.01

[illegible]

HOSKI NG2	0.1	0.1	0.1	0.18	0.2	0.28	0.27	0.28	0.62	0.79	0.92	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.13	0.1	0.1	0.13	0.11	0.09	0.04	0.06	0.04	0.03	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.2	0.15	0.36	0.47	0.44	0.62	0.61	0.73	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.13	0.15	0.2	0.28	0.37	0.39	0.44	0.42	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: truncnorm_0_1_-3_1 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.03	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.0	0.05	0.0	0.0	0.04	0.0	0.04	0.03	0.07	0.14	0.17	0.26	0.41	0.45	0.51	0.6	0.67
DH	0.07	0.03	0.08	0.17	0.19	0.25	0.36	0.34	0.92	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.13	0.05	0.2	0.3	0.39	0.49	0.58	0.61	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.03	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.13	0.1	0.34	0.48	0.44	0.74	0.81	0.81	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.1	0.05	0.06	0.15	0.19	0.19	0.19	0.22	0.72	0.95	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0

HOSKI NG4	0.57	0.47	0.5	0.77	0.76	0.75	0.88	0.87	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.9	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.87	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.87	1.0	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.8	1.0	0.98	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.27	0.05	0.08	0.08	0.06	0.05	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.87	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.93	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.53	0.57	0.76	0.78	0.81	0.93	0.9	0.88	0.96	0.97	0.99	0.98	0.99	0.99	1.0	0.99	0.99
HOSKI NG1	0.9	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.9	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.53	0.82	0.72	0.8	0.77	0.8	0.88	0.92	0.95	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: cauchy_0_1 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.93	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG4	0.23	0.3	0.36	0.47	0.59	0.59	0.64	0.68	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.87	1.0	0.94	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.8	1.0	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.87	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.8	1.0	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.73	0.97	0.94	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.27	0.05	0.08	0.08	0.06	0.05	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.77	1.0	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.77	0.82	0.92	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.4	0.57	0.64	0.65	0.71	0.88	0.87	0.85	0.94	0.95	0.98	0.97	0.99	0.99	1.0	0.99	0.99
HOSKI NG1	0.87	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.8	1.0	0.96	1.0	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.5	0.72	0.66	0.73	0.73	0.74	0.82	0.88	0.93	0.98	0.98	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99

HOSKI NG4	0.87	0.9	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
DH	0.87	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.97	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.17	0.12	0.2	0.22	0.23	0.26	0.24	0.26	0.24	0.29	0.29	0.29	0.3	0.33	0.38	0.38	0.36
ZWA	0.93	0.93	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.73	0.7	0.98	0.98	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
D	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
MI	0.27	0.12	0.36	0.48	0.31	0.38	0.31	0.33	0.35	0.43	0.41	0.43	0.46	0.52	0.55	0.54	0.54
BM1	0.17	0.3	0.84	0.92	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.97	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.9	0.97	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.9	0.95	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.03	0.03	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: lo_con_norm_0.3_5 Significant level: 0.01

[illegible]

ZWA	0.0	0.0	0.06	0.03	0.01	0.1	0.14	0.19	0.9	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.02	0.09	0.17	0.33	0.53	0.7	0.79	0.9
D	0.07	0.15	0.22	0.2	0.31	0.49	0.41	0.56	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
MI	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.21	0.74	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.0	0.0	0.02	0.0	0.01	0.03	0.01	0.03	0.12	0.25	0.37	0.52	0.62	0.74	0.82	0.88	0.91
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.0	0.1	0.08	0.07	0.09	0.14	0.16	0.18	0.59	0.84	0.96	0.99	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.06	0.25	0.61	0.87	0.97	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: beta_2_2 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.17	0.07	0.08	0.08	0.09	0.12	0.11	0.11	0.18	0.25	0.28	0.36	0.38	0.47	0.54	0.59	0.61

DH	0.03	0.15	0.14	0.25	0.24	0.35	0.42	0.46	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CS	0.17	0.3	0.38	0.43	0.54	0.66	0.59	0.72	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
COIN	0.13	0.5	0.6	0.65	0.61	0.79	0.78	0.84	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZWA	0.03	0.2	0.26	0.35	0.49	0.55	0.57	0.73	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.03	0.0	0.04	0.05	0.04	0.05	0.06	0.05	0.27	0.57	0.82	0.91	0.97	0.99	1.0	1.0	1.0
D	0.3	0.68	0.78	0.67	0.73	0.82	0.84	0.87	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
MI	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.0	0.07	0.12	0.2	0.14	0.28	0.37	0.33	0.96	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
HOSKI NG2	0.13	0.12	0.14	0.25	0.17	0.23	0.26	0.19	0.47	0.6	0.77	0.86	0.9	0.96	0.97	0.98	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.13	0.3	0.28	0.37	0.44	0.6	0.5	0.53	0.93	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.07	0.2	0.2	0.32	0.39	0.47	0.43	0.48	0.94	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.03	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: lo_con_norm_0.5_3 Significant level: 0.05

[illegible]

HOSKI NG2	0.23	0.53	0.5	0.68	0.59	0.79	0.76	0.81	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.5	0.53	0.6	0.73	0.69	0.86	0.87	0.91	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
SWRG	0.0	0.03	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.3	0.42	0.34	0.63	0.49	0.78	0.76	0.8	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.03	0.02	0.02	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: lo_con_norm_0.5_1 Significant level: 0.05

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.07	0.06	0.07	0.01	0.04	0.01	0.03	0.04	0.02	0.02	0.03	0.03	0.01	0.01	0.01	0.01
HOSKI NG4	0.03	0.03	0.04	0.07	0.03	0.04	0.02	0.04	0.05	0.07	0.05	0.06	0.05	0.05	0.06	0.06	0.04
DH	0.0	0.12	0.08	0.03	0.01	0.01	0.03	0.03	0.04	0.03	0.04	0.03	0.04	0.04	0.04	0.04	0.06
CS	0.03	0.07	0.1	0.02	0.03	0.04	0.06	0.05	0.04	0.05	0.06	0.05	0.05	0.05	0.05	0.05	0.07
GMG	0.03	0.07	0.06	0.05	0.01	0.04	0.01	0.04	0.05	0.02	0.02	0.03	0.03	0.01	0.01	0.02	0.01
ZWA	0.03	0.07	0.1	0.03	0.03	0.04	0.06	0.03	0.05	0.05	0.06	0.04	0.06	0.06	0.07	0.08	0.08
CC1	0.03	0.1	0.08	0.02	0.0	0.06	0.03	0.02	0.04	0.03	0.04	0.03	0.04	0.03	0.04	0.04	0.04

D	0.0	0.1	0.1	0.05	0.07	0.06	0.04	0.11	0.04	0.08	0.08	0.09	0.1	0.1	0.11	0.11	0.13
MI	0.03	0.07	0.06	0.07	0.01	0.04	0.02	0.01	0.04	0.02	0.01	0.01	0.02	0.02	0.02	0.01	0.01
BM1	0.03	0.12	0.04	0.03	0.01	0.04	0.03	0.01	0.04	0.03	0.03	0.03	0.04	0.03	0.03	0.04	0.05
HOSKI NG2	0.03	0.03	0.08	0.07	0.03	0.06	0.03	0.06	0.04	0.05	0.05	0.06	0.05	0.04	0.06	0.06	0.06
ZQ	0.03	0.05	0.08	0.07	0.0	0.04	0.04	0.01	0.04	0.04	0.03	0.04	0.03	0.03	0.02	0.03	0.03
HOSKI NG1	0.03	0.1	0.08	0.03	0.03	0.04	0.02	0.05	0.05	0.06	0.07	0.06	0.07	0.06	0.05	0.06	0.07
SWRG	0.03	0.03	0.04	0.03	0.09	0.03	0.07	0.05	0.02	0.03	0.04	0.04	0.03	0.04	0.03	0.04	0.03
BM2	0.03	0.12	0.06	0.03	0.03	0.04	0.03	0.03	0.03	0.04	0.03	0.03	0.02	0.02	0.02	0.02	0.03
ZQS	0.0	0.07	0.02	0.03	0.04	0.03	0.04	0.06	0.04	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03	0.04	0.03
SW	0.07	0.0	0.0	0.07	0.09	0.06	0.06	0.04	0.06	0.06	0.05	0.05	0.06	0.05	0.06	0.05	0.04

Alternative: lo_con_norm_0.5_1 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.03	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
DH	0.0	0.05	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
CS	0.0	0.05	0.04	0.02	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.02

GMG	0.0	0.05	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.0	0.05	0.02	0.02	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01	0.02	0.01
CC1	0.0	0.03	0.02	0.02	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.0	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.0	0.01
D	0.0	0.05	0.04	0.02	0.04	0.01	0.01	0.03	0.01	0.03	0.01	0.02	0.03	0.03	0.03	0.04	0.03
MI	0.0	0.03	0.02	0.02	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.0	0.03	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG2	0.0	0.0	0.04	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.02	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
ZQ	0.0	0.05	0.0	0.02	0.0	0.0	0.01	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.01
HOSKI NG1	0.0	0.05	0.06	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
SWRG	0.0	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.01	0.02	0.01	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0
BM2	0.0	0.03	0.0	0.02	0.0	0.0	0.01	0.01	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01
ZQS	0.0	0.03	0.02	0.0	0.01	0.0	0.01	0.03	0.01	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01
SW	0.0	0.0	0.0	0.03	0.03	0.01	0.03	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01

Alternative: lo_con_norm_0.5_1 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.07	0.16	0.08	0.03	0.05	0.04	0.08	0.08	0.05	0.04	0.06	0.04	0.05	0.04	0.04	0.03

HOSKI NG4	0.03	0.03	0.08	0.07	0.07	0.07	0.06	0.08	0.09	0.11	0.11	0.11	0.11	0.1	0.1	0.1	0.1
DH	0.03	0.12	0.16	0.07	0.03	0.06	0.09	0.08	0.09	0.08	0.08	0.07	0.1	0.07	0.08	0.1	0.09
CS	0.07	0.07	0.22	0.08	0.07	0.11	0.09	0.07	0.12	0.09	0.11	0.1	0.11	0.11	0.11	0.12	0.13
GMG	0.03	0.1	0.16	0.1	0.03	0.05	0.04	0.08	0.09	0.05	0.04	0.07	0.04	0.05	0.04	0.04	0.03
ZWA	0.07	0.07	0.18	0.07	0.11	0.11	0.11	0.08	0.08	0.1	0.11	0.09	0.12	0.12	0.13	0.13	0.15
CC1	0.1	0.15	0.1	0.1	0.06	0.09	0.07	0.05	0.09	0.07	0.09	0.07	0.1	0.07	0.09	0.07	0.09
D	0.07	0.15	0.14	0.1	0.14	0.14	0.06	0.14	0.1	0.14	0.15	0.17	0.19	0.18	0.2	0.2	0.22
MI	0.1	0.2	0.18	0.1	0.01	0.06	0.08	0.05	0.06	0.05	0.03	0.05	0.04	0.04	0.03	0.03	0.02
BM1	0.1	0.15	0.18	0.05	0.06	0.06	0.06	0.05	0.07	0.08	0.08	0.07	0.09	0.07	0.09	0.1	0.09
HOSKI NG2	0.1	0.03	0.14	0.13	0.03	0.11	0.07	0.1	0.09	0.12	0.12	0.11	0.12	0.1	0.11	0.12	0.11
ZQ	0.07	0.1	0.12	0.07	0.04	0.07	0.09	0.04	0.08	0.07	0.08	0.07	0.07	0.07	0.05	0.07	0.06
HOSKI NG1	0.1	0.12	0.18	0.13	0.06	0.11	0.09	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.12	0.1	0.12	0.12	0.11
SWRG	0.13	0.05	0.08	0.1	0.1	0.07	0.11	0.05	0.07	0.06	0.08	0.09	0.06	0.08	0.06	0.07	0.05
BM2	0.07	0.12	0.2	0.1	0.04	0.06	0.09	0.07	0.07	0.07	0.06	0.06	0.07	0.08	0.07	0.08	0.08
ZQS	0.03	0.07	0.12	0.07	0.09	0.1	0.09	0.07	0.07	0.06	0.07	0.07	0.07	0.07	0.06	0.08	0.07
SW	0.1	0.0	0.1	0.13	0.16	0.14	0.12	0.11	0.1	0.1	0.08	0.09	0.09	0.11	0.12	0.09	0.08

Alternative: truncnorm_0_1_-3_2 Significant level: 0.05

[illegible]

SW	0.0	0.05	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
----	-----	------	-----	------	-----	-----	-----	------	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

Alternative: truncnorm_0_1_-3_2 Significant level: 0.01

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG4	0.0	0.03	0.0	0.0	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.03	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.03
DH	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.04	0.07	0.16	0.3	0.43	0.57	0.7	0.82	0.89
CS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.0	0.02	0.11	0.19	0.43	0.63	0.81	0.94	0.97	1.0	1.0
GMG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.0	0.0	0.02	0.0	0.0	0.0	0.01	0.04	0.15	0.42	0.83	0.96	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.03	0.03	0.06	0.1	0.13	0.17	0.23	0.28	0.34
D	0.0	0.0	0.04	0.05	0.07	0.05	0.04	0.05	0.1	0.13	0.21	0.25	0.3	0.37	0.45	0.51	0.57
MI	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.03	0.11	0.21	0.36	0.5	0.66
HOSKI NG2	0.0	0.0	0.0	0.02	0.01	0.0	0.0	0.0	0.03	0.04	0.02	0.04	0.04	0.03	0.06	0.06	0.09
ZQ	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKI NG1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.04	0.0	0.0	0.01	0.06	0.08	0.15	0.22	0.28	0.34	0.44	0.5	0.61

SWRG	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM2	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.01	0.02	0.05
ZQS	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
SW	0.0	0.05	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0

Alternative: truncnorm_0_1_-3_2 Significant level: 0.1

Test	30	40	50	60	70	80	90	100	200	300	400	500	600	700	800	900	1000
BS	0.03	0.05	0.02	0.02	0.04	0.03	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
HOSKING4	0.13	0.05	0.04	0.08	0.09	0.11	0.09	0.08	0.12	0.13	0.12	0.13	0.12	0.11	0.12	0.13	0.16
DH	0.07	0.07	0.08	0.03	0.14	0.04	0.13	0.15	0.36	0.53	0.71	0.85	0.9	0.95	0.97	0.98	1.0
CS	0.13	0.15	0.1	0.13	0.24	0.16	0.2	0.28	0.47	0.79	0.94	0.98	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
GMG	0.07	0.05	0.02	0.02	0.04	0.03	0.0	0.01	0.02	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
ZWA	0.07	0.12	0.12	0.1	0.19	0.16	0.19	0.27	0.64	0.94	0.99	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0	1.0
CC1	0.03	0.1	0.06	0.05	0.07	0.09	0.1	0.11	0.21	0.28	0.37	0.46	0.54	0.63	0.69	0.75	0.79
D	0.1	0.07	0.18	0.25	0.33	0.29	0.26	0.35	0.39	0.54	0.62	0.7	0.77	0.79	0.85	0.86	0.9
MI	0.07	0.03	0.02	0.02	0.06	0.0	0.01	0.03	0.0	0.01	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
BM1	0.03	0.07	0.06	0.05	0.1	0.06	0.08	0.12	0.32	0.46	0.65	0.79	0.87	0.94	0.97	0.98	1.0

[illegible]