



UNIVERSIDAD NACIONAL DE ROSARIO

TESINA DE GRADO
PARA LA OBTENCIÓN DEL GRADO DE
LICENCIADO EN CIENCIAS DE LA COMPUTACIÓN

Titulo de tu Tesina

Autor:
Tu Nombre

Director:
Tu Director

Departamento de Ciencias de la Computación
Facultad de Ciencias Exactas, Ingeniería y Agrimensura
Av. Pellegrini 250, Rosario, Santa Fe, Argentina

12 de septiembre de 2020

Resumen

El resumen de tu tesina.

Índice general

Índice general	IV
1 Introducción	1
1.1. Objetivos	1
2 Título del capítulo	3
2.1. Título de la sección	3
Bibliografía	5
A Título del Apendice	7
A.1. Título de la seccion	7

Capítulo 1

Introducción

1.1. Objetivos

Intro de tu tesina.

Ejemplo de cita [1]

Ejemplo de Tabla 1.1

k	$m = 8$			$m = 16$			$m = 24$			$m = 32$			Σ
	1	2	3	1	2	3	1	2	3	1	2	3	
SA	1.68	1.69	1.69	1.68	1.69	1.68	1.68	- ^a	- ^a	1.68	- ^a	- ^a	DNA
TuSA	1.31	1.31	1.31	1.31	1.31	1.31	1.31	- ^a	- ^a	1.31	- ^a	- ^a	
TwSA	1.62	2.13	2.40	0.81	1.07	1.29	0.55	- ^a	- ^a	0.41	- ^a	- ^a	
ANS	1.25	1.25	1.25	1.25	1.25	1.25	1.35	1.35	1.34	1.34	1.34	1.34	
ANS2	0.86	0.91	1.16	0.88	0.88	0.88	- ^b	- ^b	- ^b	- ^b	- ^b	- ^b	
ANS2b	0.75	0.75	0.75	0.78	0.78	0.78	1.05	1.05	1.07	1.05	1.05	1.07	
EF	1.46	2.28	3.90	0.70	1.04	1.75	0.49	0.77	1.37	0.39	0.64	1.20	
EFS	1.41	2.14	3.92	0.67	0.97	1.59	0.48	0.71	1.24	0.38	0.59	1.10	
BYP	4.18	10.13	14.82	3.56	5.32	8.23	3.62	5.16	6.36	3.67	4.99	5.83	
BYPS	1.60	- ^a	- ^a	0.35	1.56	1.93	0.25	0.42	1.60	0.19	0.35	0.48	
BYPSb	1.43	- ^a	- ^a	0.30	1.36	1.84	0.20	0.35	1.42	0.18	0.28	0.40	English
BYPSc	1.16	- ^a	- ^a	0.37	1.10	1.42	0.42	0.63	1.18	0.15	0.65	0.84	
SA	1.47	1.47	1.47	1.47	1.47	1.47	1.47	- ^a	- ^a	1.47	- ^a	- ^a	
TuSA	1.14	1.14	1.14	1.14	1.14	1.14	1.14	- ^a	- ^a	1.14	- ^a	- ^a	
TwSA	0.83	1.17	1.53	0.48	0.62	0.79	0.33	- ^a	- ^a	0.26	- ^a	- ^a	
ANS	1.09	1.09	1.09	1.09	1.09	1.09	1.17	1.17	1.17	1.17	1.17	1.17	
ANS2	0.75	0.75	0.76	0.75	0.75	0.75	- ^b	- ^b	- ^b	- ^b	- ^b	- ^b	
ANS2b	0.65	0.65	0.65	0.66	0.66	0.66	0.91	0.91	0.91	0.91	0.91	0.91	
BYP	1.19	2.29	3.24	0.77	1.33	1.87	0.54	0.92	1.31	0.49	0.80	1.08	
BYPS	1.37	- ^a	- ^a	0.27	1.43	1.42	0.16	0.28	1.44	0.17	0.20	0.28	
BYPSb	1.19	- ^a	- ^a	0.24	1.25	1.23	0.14	0.25	1.27	0.15	0.18	0.25	
BYPSc	1.04	- ^a	- ^a	0.20	1.10	1.07	0.15	0.23	1.12	0.13	0.18	0.24	

^a Algorithm not designed to work in this case.

^b Same as ANS2b.

Cuadro 1.1: Search times (in seconds) of algorithms for single approximate pattern matching with up to k mismatches ran 100 times with different patterns.

Capítulo 2

Titulo del capitulo

2.1. Titulo de la sección

Lema 2.1.0.1. *Enunciado del lema.*

Demostración. Prueba del lema.

□

Teorema 2.1.1. *Enunciado del teorema.*

Demostración. Prueba del teorema.

□

Corolario 2.1.1.1. *Enunciado del corolario.*

Demostración. Prueba del corolario.

□

Bibliografía

- [1] S. Altschul, T. Madden, A. Schäffer, J. Zhang, Z. Zhang, W. Miller y D. Lipman. «Gapped BLAST and PSI-BLAST: a new generation of protein databases search programs». En: *Nucleic acids research* 25 (oct. de 1997), págs. 3389-3402. DOI: 10.1093/nar/25.17.3389.

Apéndice A

Titulo del Apendice

A.1. Titulo de la seccion