

# pEASY®-Basic Seamless Cloning and Assembly Kit

使用前请仔细阅读说明书

目录号: CU201

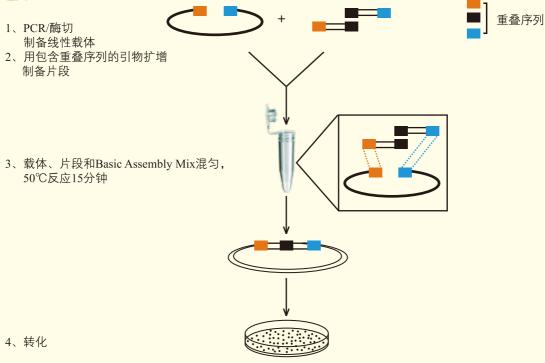
保存: Trans1-T1 Phage Resistant Chemically Competent Cell -70℃保存六个月,其它-20℃保存一年。

#### 产品说明

本产品利用特殊的重组酶和同源重组的原理,可以将任意方法线性化后的载体和与其两端具有15-25 bp重叠区域的PCR片段定向重组,可以实现1-5个片段的高效无缝拼接。

- •快速:仅需要15分钟反应时间。
- •简单:不受片段酶切位点的影响,无需对片段酶切。
- 高效:阳性率达95%以上。
- •无缝:不引入额外的序列。

## 克隆原理图



#### 适用范围

短、长片段克隆,多片段重组,高通量克隆等

## 试剂盒组成

Component	CU201-02	CU201-03
2×Basic Assembly Mix	100 μl	3×100 μl
Linearized pUC19 Control Vector (10 ng/µl)	6 µl	18 µl
Control Insert (1 kb, 20 ng/µl)	6 µl	18 μ1
Trans1-T1 Phage Resistant Chemically Competent Cell	10支(100 μl/支)	30支(100 µl/支)





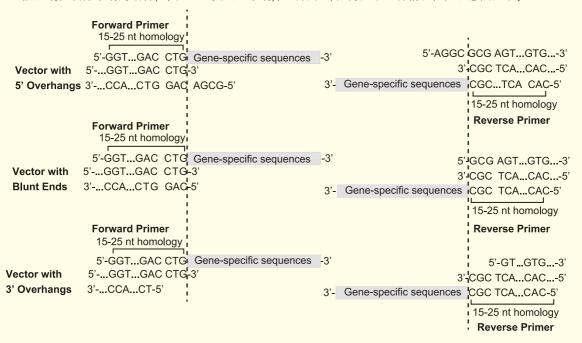
### 基因克隆操作

#### 载体和目的片段的制备

- A: 载体的制备
- (1) 酶切来源: 酶切所得线性载体, 平端或粘端均可, 酶切后进行胶回收。
- (2) PCR来源: Pfu系列高保真DNA聚合酶制备,如果扩增条带单一则可以通过PCR纯化获得载体,否则通过胶回收获得载体。

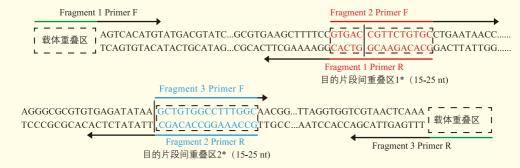
PCR来源线性载体胶回收或PCR纯化前建议加入DMT酶降解质粒模板,从而提高克隆的阳性率。 DMT酶 (目录号: GD111) 可以在PCR结束后加入 (50 μl体系加1 μl),于37℃孵育30分钟即可。

- B: 目的片段的制备
- (1) 单个片段的克隆引物设计: 克隆引物包括目的片段特异性引物序列和重叠序列。 克隆正向引物 (5'-3'): 线性载体正向15-25 nt重叠序列+目的片段正向特异性引物序列 (20-25 nt) 克隆下游引物 (5'-3'): 线性载体反向15-25 nt重叠序列+目的片段反向特异性引物序列 (20-25 nt) 按照线性载体末端的结构(5'突出、3'突出、平端),引物设计分为如下三种情况,其示意图如下:



所得线性载体的两端因线性方式 (如:单酶切、双酶切、反向PCR等) 不同,可为以上三种末端结构的两两任意组合。目的片段特异性引物的设计遵循通常引物设计的原则即可。

(2) 多个目的片段的克隆引物设计:载体两端引物设计方法同单片段设计方法,片段间引物设计方法见下图例。









# \*目的片段间重叠区设计有上述两种选择方式。在多片段引物设计时,选择任意一种方式或两种方式混用均可。

- (3) 酶的选择: Pfu系列高保真DNA 聚合酶。
- (4) 反应条件:建议克隆引物在PCR中终浓度为0.2-0.4 μM,由于克隆引物较长(通常40 bp左右)其Tm较高,所以PCR时退火温度通常在60-68℃可扩增出目的条带,其余条件根据所用PCR酶确定。
- (5) 纯化目的片段
- •如果片段来源于质粒模板,且该质粒与重组载体具有相同抗性,建议将目的片段用DMT 酶消化后,进行纯化。
- •如果片段单一,则建议用PCR纯化试剂盒(目录号: EP101)纯化片段。
- •如果有非特异扩增,则建议用胶回收试剂盒(目录号: EG101)回收片段。

注:

- 用该方法克隆后,线性载体所用酶切位点可能缺失或增加,建议如对酶切位点有严格要求的,注意酶切位点的选择,必要时可在<mark>克隆引物正向或反向</mark>增加缺失掉的碱基来恢复原有酶切位点。
- •如果重组质粒用于蛋白表达,则在引物设计时注意读码框,蛋白表达及纯化所需序列 (如启动子序列, RBS序列, 起始密码子, 终止密码子, 蛋白标签等) 不被破坏。

## 克隆反应体系的建立

2×Basic Assembly Mix	5 μl
Linearized vector (5-100 ng)	x μl*
Inserts	y μl*
Nuclease-free Water	to 10 μl

\*10 μl反应体系中,载体与各个插入片段加入量建议均在0.01-0.25 pmols,载体与各个插入片段的最佳摩尔比为1:2。

pmols = 质量ng /(片段长度bp×0.65 kDa)

如: 100 ng的2000 bp的片段等于100/(2000×0.65) 约0.08 pmols。

100 ng的5000 bp的片段等于100/(5000×0.65) 约0.03 pmols。

轻轻混合,50℃反应15分钟。反应结束后,将离心管置于冰上冷却数秒。之后可将重组产物保存于-20℃或直接用于转化。

#### 转化

- (1) 在冰上融化Trans1-T1感受态细胞。
- (2) 在50 μ1细胞中加入2 μ1的重组产物,轻轻弹动离心管壁混匀 (禁止涡旋)后,在冰上放置30分钟。
- (3) 42℃水浴中热激30秒,之后马上转至冰上冷却2分钟。
- (4) 加入450 μl 常温的SOC或LB培养基, 之后37℃摇床中250 rpm培养1小时。
- (5) 将适宜抗性的LB平板在37℃中预热。
- (6) 取100 µl细胞均匀地涂在平板上,之后在37℃培养箱中过夜培养。

#### 阳性克隆检测

## · PCR 方法鉴定阳性克隆

- (1) 挑选单个克隆至10 山 无菌水中, 涡旋或吹吸混合。
- (2) 取1 μl 混合液于25 μl PCR体系,用合适的正、反向引物鉴定阳性克隆。

#### • 限制性酶切分析阳性克隆

挑选单个克隆接种于适宜抗性的液体培养基中,过夜培养。用质粒小提试剂盒 (目录号: EM101) 提取质粒,选择适宜的限制性内切酶,酶切鉴定重组子。







# • 测序

用载体的通用引物测序,进行序列分析。

## 对照克隆反应体系

· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·		
2×Basic Assembly Mix	5 μl	
Linearized pUC19 Control Vector	1 μl	
Control Insert	1 μl	
Nuclease-free Water	3 μ1	

反应条件, 转化和阳性克隆检测方法同上相应部分。

## 注意事项

- 纯化或回收的载体或目的片段品质较差会显著降低克隆阳性率。
- 菌落少时, 建议转化时适当增加重组产物的量, 或者增加菌液涂布量。
- 随着重组质粒长度的增加 (>15 kb), 克隆效率降低, 建议转化时选择感受态细胞*Trans*2-Blue Chemically Competent Cell (目录号: CD411)。
- 随着重组片段数目的增加,克隆效率降低,建议增加引物重叠序列长度或适当延长反应时间。

本产品仅供研究,不用于临床诊断。

服务投诉电话 +86-10-57815020 服务投诉邮箱 complaints@transgen.com.cn

