Cálculo de Programas Trabalho Prático LCC+LEI — Ano Lectivo de 2014/15

Departamento de Informática Universidade do Minho

Junho de 2015

Conteúdo

1	Preâmbulo	2
2	Documentação	2
3	Como realizar o trabalho	3
4	Parte A 4.1 Biblioteca LTree	3 4 4
5	Parte B5.1 Criação de Triângulos de Sierpinski	5 5
6	Parte C 6.1 Mónades	8 9 10 11
A	Programa principal	12
В	212 110 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10	12 12
C	Soluções propostas	13

1 Preâmbulo

A disciplina de Cálculo de Programas tem como objectivo principal ensinar a programação de computadores como uma disciplina científica. Para isso parte-se de um repertório de *combinadores* que formam uma álgebra da programação (conjunto de leis universais e seus corolários) e usa-se esses combinadores para construir programas *composicionalmente*, isto é, compondo programas já existentes.

Na sequência pedagógica dos planos de estudo dos dois cursos que têm esta disciplina, restringe-se a aplicação deste método ao desenvolvimento de programas funcionais na linguagem Haskell.

O presente trabalho tem por objectivo concretizar na prática os objectivos da disciplina, colocando os alunos perante problemas de programação que deverão ser abordados composicionalmente e implementados em Haskell. Há ainda um outro objectivo: o de ensinar a documentar programas e a produzir textos técnico-científicos de qualidade.

2 Documentação

Para cumprir de forma integrada e simples os objectivos enunciados acima vamos recorrer a uma técnica de programação dita literária [?], cujo princípio base é o seguinte:

Um programa e a sua documentação devem coincidir.

Por outras palavras, o código fonte e a sua documentação deverão constar do mesmo documento (ficheiro).

O ficheiro cp1415t.pdf que está a ler é já um exemplo de programação literária: foi gerado a partir do texto fonte cp1415t.lhs¹ que encontrará no material pedagógico desta disciplina descompactando o ficheiro cp1415t.zip e executando

```
lhs2TeX cp1415t.lhs > cp1415t.tex
pdflatex cp1415t
```

em que lhs2tex é um pre-processador que faz "pretty printing" de código Haskell em LATEX e que deve desde já instalar a partir do endereço

```
https://hackage.haskell.org/package/lhs2tex.
```

Por outro lado, o mesmo ficheiro cp1415t.lhs é executável e contém o "kit" básico, escrito em Haskell, para realizar o trabalho. Basta executar

```
ghci cp1415t.lhs
```

para ver que assim é:

O facto de o interpretador carregar as bibliotecas do material pedagógico da disciplina, entre outras, deve-se ao facto de, neste mesmo sítio do texto fonte, se ter inserido o seguinte código Haskell:

¹O suffixo 'lhs' quer dizer *literate Haskell*.

```
import Data.List

import System.Process

import Cp

import List

import Nat

import Exp

import BTree

import LTree

import X3d

import Control.Parallel.Strategies

import Probability\ hiding\ (\cdot \to \cdot, \cdot)

import System.Environment\ (getArgs)
```

Abra o ficheiro cp1415t.lhs no seu editor de texto preferido e verifique que assim é: todo o texto que se encontra dentro do ambiente

```
\begin{code}
...
\end{code}
```

vai ser seleccionado pelo GHCi para ser executado.

3 Como realizar o trabalho

Este trabalho teórico-prático deve ser realizado por grupos de três alunos. Os detalhes da avaliação (datas para submissão do relatório e sua defesa oral) são os que forem publicados na página da disciplina na *internet*.

Recomenda-se uma abordagem equilibrada e participativa dos membros do grupo de trabalho por forma a poderem responder às questões que serão colocadas na defesa oral do relatório.

Em que consiste, então, o *relatório* a que se refere o parágrafo anterior? É a edição do texto que está a ser lido, preenchendo o anexo C com as respostas. O relatório deverá conter ainda a identificação dos membros do grupo de trabalho, na folha de rosto.

Para gerar o PDF integral do relatório deve-se ainda correr os comando seguintes, que actualizam a bibliografia (com BibTeX) e o índice remissivo (com makeindex)

```
bibtex cp1415t.aux
makeindex cp1415t.idx
```

e recompilar o texto como acima se indicou.

4 Parte A

Nesta primeira parte do trabalho pretende-se averiguar a capacidade de utilização por parte dos alunos das bibliotecas fornecidas no material pedagógico da disciplina. Algumas respostas são validadas por testes unitários. Sempre que o resultado de um teste unitário for *False*, a solução proposta falha a validação e deve ser revista.

4.1 Biblioteca LTree

1. A seguinte função

```
balanced (Leaf _) = True
balanced (Fork (t, t')) = balanced t \wedge balanced \ t' \wedge abs \ (depth \ t - depth \ t') \leq 1
```

testa se uma árvore binária está equilibrada ou não. Defina como catamorfismo em LTree a função auxiliar depth.

2. Seja dada:

```
t = Fork \; (Fork \; (Leaf \; 10, Fork \; (Leaf \; 2, Fork \; (Leaf \; 5, Leaf \; 3))), Leaf \; 23)
```

Testes unitários 1 Verifique que árvore t está desequilibrada:

```
test01 = balanced t \equiv False
```

3. Recorrendo a funções da biblioteca LTree, escreva numa única linha de Haskell a função

```
balance :: LTree \ a \rightarrow LTree \ a
```

que equilibra uma qualquer árvore binária.

Testes unitários 2 *Verifique que balance t é uma árvore equilibrada:*

```
test02 = balanced (balance t) \equiv True
```

4.2 Biblioteca BTree

Pretende-se construir um anamorfismo que produza uma árvore binária de procura *equilibrada* que contenha o intervalo definido por dois inteiros (n, m):

```
abpe(n, m) = anaBTree\ qsplit(n, m)
```

Comece por definir o gene qsplit e depois construa a árvore

```
t1 = abpe(20, 30)
```

que será precisa na secção 6.4.

Testes unitários 3 Faça os testes seguintes:²

```
test03a = qsplit \ (4,30) \equiv i_2 \ (17, ((4,16), (18,30)))
test03b = qsplit \ (4,3) \equiv i_1 \ ()
test03c = qsplit \ (0,0) \equiv i_1 \ ()
test03d = qsplit \ (1,1) \equiv i_2 \ (1, ((1,0), (2,1)))
test03e = balBTree \ t1 \equiv True
test03f = inordt \ t1 \equiv [20..30]
test03 = test03a \land test03b \land test03c \land test03d \land test03f
```

4.3 Biblioteca para listas com sentinelas

Considere o tipo de dados que representa listas finitas com uma sentinela no fim:

```
data SList\ a\ b = Sent\ b\mid Cons\ (a, SList\ a\ b) deriving (Show, Eq)
```

1. Derive os isomorfismos *inSList* e *outSList*, adicione-os a este ficheiro e passe aos testes que se seguem.

Testes unitários 4 Faça os testes seguintes:

```
test04a = \mathbf{let}\ x = Cons\ (1, Sent\ "end")\ \mathbf{in}\ inSList\ (outSList\ x) \equiv x test04b = \mathbf{let}\ x = i_2\ ("ola", Sent\ "2")\ \mathbf{in}\ outSList\ (inSList\ x) \equiv x test04 = test04a \land test04b
```

2. Derive os combinadores *cataSList*, *anaSList* e *hyloSList*, e mostre que a função *merge* da biblioteca LTree se pode escrever da forma seguinte,

```
merge' :: Ord \ a \Rightarrow ([a], [a]) \rightarrow [a]

merge' = hyloSList \ [id, cons] \ mgen
```

para um dado gene mgen que deverá definir.

²Foi adicionado uma função test03 que é a conjunção de todos os testes 3.

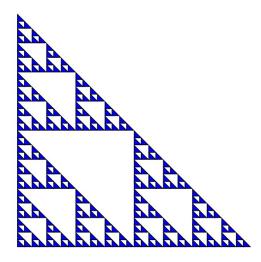


Figura 1: Um triângulo de Sierpinski

Testes unitários 5 Faça os seguintes testes:

```
test05a = mgen ([0, 2, 5], [0, 6]) \equiv i_2 (0, ([2, 5], [0, 6]))

test05b = mgen ([0, 2, 5], []) \equiv i_1 [0, 2, 5]

test05c = merge' ([], [0, 6]) \equiv [0, 6]

test05 = test05a \land test05b \land test05c
```

5 Parte B

O triângulo de Sierpinski é uma figura fractal que tem o aspecto da figura 1 e que se obtém da seguinte forma: considere-se um triângulo rectângulo e isósceles A cujos catetos têm comprimento s. A estrutura fractal é criada desenhando-se três triângulos no interior de A, todos eles rectângulos e isósceles e com catetos de comprimento s/2. Este passo é depois repetido para cada um dos triângulos desenhados, e assim sucessivamente. O resultado dos cinco primeiros passos é dado na Fig. 1.

Um triângulo de Sierpinski é gerado repetindo-se infinitamente o processo acima descrito. No entanto, para efeitos de visualização num monitor, cuja resolução é forçosamente finita, faz sentido escolher uma representação adequada do triângulo, parando o processo recursivo a um determinado nível. A figura a desenhar é constituída por um conjunto finito de triângulos todos da mesma dimensão (por exemplo, na figura 1 há 243 triângulos).

5.1 Criação de Triângulos de Sierpinski

Seja cada triângulo geometricamente descrito pelas coordenadas do seu vértice inferior esquerdo e o comprimento dos seus catetos:

```
type Tri = (Point, Side)
onde
type Side = Inttype Point = (Int, Int)
```

A estrutura recursiva de (uma representação finita de) um triângulo de Sierpinski é captada por uma árvore ternária, em que cada nó é um triângulo com os respectivos três sub-triângulos: ³

```
data TLTree = Tri \ Tri \ | \ Nodo \ TLTree \ TLTree \ deriving \ (Eq, Show)
```

³Foi usada esta definição de TLTree em vez da que foi dada abaixo, porque o grupo começou a fazer com esta definição e só vimos a alternativa no final do trabalho.

Nas folhas dessa árvore encontram-se os triângulos mais pequenos, todos da mesma dimensão, que deverão ser desenhados. Apenas estes conterão informação de carácter geométrico, tendo os nós da árvore um papel exclusivamente estrutural. Portanto, a informação geométrica guardada em cada folha consiste nas coordenadas do vértice inferior esquerdo e no lado dos catetos do respectivo triângulo. A função

```
sierpinski :: Tri \rightarrow Int \rightarrow [Tri]
sierpinski t = apresentaSierp \cdot (geraSierp t)
```

recebe a informação do triângulo exterior e o número de níveis pretendido, que funciona como critério de paragem do processo de construção do fractal. O seu resultado é a lista de triângulos a desenhar. Esta função é um hilomorfismo do tipo TLTree, i.e. a composição de duas funções: uma que gera TLTrees,

```
\begin{array}{l} \textit{geraSierp} :: \textit{Tri} \rightarrow \textit{Int} \rightarrow \mathsf{TLTree} \\ \textit{geraSierp} \ t \ 0 = \textit{Tri} \ t \\ \textit{geraSierp} \ ((x,y),s) \ n = \\ \textbf{let} \ s' = s \div 2 \\ \textbf{in} \ \textit{Nodo} \\ & (\textit{geraSierp} \ ((x,y),s') \ (n-1)) \\ & (\textit{geraSierp} \ ((x+s',y),s') \ (n-1)) \\ & (\textit{geraSierp} \ ((x,y+s'),s') \ (n-1)) \end{array}
```

e outra que as consome:

```
apresentaSierp :: TLTree \rightarrow [Tri]

apresentaSierp (Tri \ t) = [t]

apresentaSierp (Nodo \ a \ b \ c) = (apresentaSierp \ a) + (apresentaSierp \ b) + (apresentaSierp \ c)
```

5.2 Trabalho a realizar

Preparação:

- 1. Desenvolva a biblioteca "pointfree" TLTree. hs de forma análoga a outras bibliotecas que conhece (eg. BTree, LTree, etc) e que estão disponíveis no material pedagógico.
- 2. Defina como catamorfismos de TLTree as funções

```
\begin{array}{l} tipsTLTree :: \mathsf{TLTree}\ b \to [\,b\,] \\ countTLTree :: \mathsf{TLTree}\ b \to Int \\ depthTLTree :: \mathsf{TLTree}\ b \to Int \\ invTLTree :: \mathsf{TLTree}\ b \to \mathsf{TLTree}\ b \end{array}
```

respectivamente semelhantes a tips, countLTree, depth e inv ("mirror") de LTree.

- 3. Exprima as funções *geraSierp* e *apresentaSierp* recorrendo a anamorfismos e catamorfismos, respectivamente, do tipo TLTree.
- 4. Defina a árvore

```
ts = geraSierp tri 5  where tri = ((0,0), 256)
```

e faça os testes seguintes:4

Testes unitários 6 Verifique a profundidade da árvore gerada e o respectivo número de triângulos:

```
test06a = depthTLTree \ ts \equiv 6 test06b = countTLTree \ ts \equiv 243 test06c = countTLTree \ ts \equiv genericLength \ (tipsTLTree \ ts) test06d = countTLTree \ ts \equiv countTLTree \ (invTLTree \ ts) test06d = test06a \land test06b \land test06c \land test06d
```

⁴Foi adicionado uma função test03 que é a conjunção de todos os testes 3.

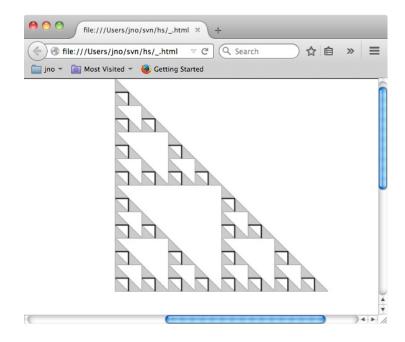


Figura 2: Um triângulo de Sierpinski em x3dom

Visualização: Para visualizarmos triângulos de Sierpinski vamos usar X3DOM, uma biblioteca "opensource" para construção e visualização de gráficos 3D no Web.⁵ No pacote disponibilizado para a realização deste trabalho encontra a biblioteca X3d, que inclui a função drawTriangle para geração de triângulos em 3D, usando X3DOM. Nesta abordagem, um ficheiro x3dom é construído em dois passos:

• Desenham-se os triângulos, utilizando:

```
drawTriangle :: ((Int, Int), Int) \rightarrow String
```

• Finaliza-se o ficheiro com as tags de início e final:

```
finalize :: String \rightarrow String
```

1. Usando estas funções e as que definiu anteriormente, faça a geração do HTML que representa graficamente o triângulo de Sierpinski definido por

```
dados = (((0,0),32),4)
```

isto é, centrado na origem, com lado 32 e 4 níveis de recursividade. No anexo C sugere-se o recurso à função,

```
render html = do { writeFile "_.html" html; system "chromium _.html" }
```

(adapte-a, se necessário) para visualizar o triângulo gerado num "browser". Espera-se que o resultado final seja como o que se mostra na Figura 2.

Valorização

Se tiver tempo, investigue como é que a sua resolução desta parte do trabalho evolui para o desenho, não de *triângulos* de Sierpinski, mas sim de *pirâmides* de Sierpinski — ver a imagem da figura 3. Pode recorrer, se desejar, às funções disponibilizadas no anexo B.1.

⁵Ver http://examples.x3dom.org para mais informação. Em http://examples.x3dom.org/IG/buddha-anim/x3dom_imageGeometry.html, por exemplo, pode ser visualizado um objecto gráfico com mais de um milhão de triângulos. Mais documentação em: http://doc.x3dom.org/tutorials/index.html.

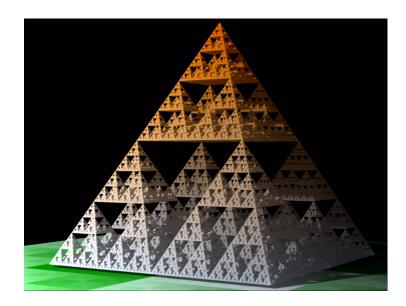


Figura 3: Uma pirâmide de Sierpinski

6 Parte C

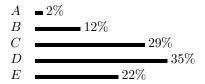
6.1 Mónades

Os mónades são functores com propriedades adicionais que nos permitem obter efeitos especiais em programação. Por exemplo, a biblioteca <u>Probability</u> oferece um mónade para abordar problemas de probabilidades. Nesta biblioteca, o conceito de distribuição estatística é captado pelo tipo

```
newtype Dist\ a = D\ \{unD :: [(a, ProbRep)]\}
```

em que *ProbRep* é um real de 0 a 1, equivalente a uma escala de 0 a 100%.

Cada par (a,p) numa distribuição $d::Dist\ a$ indica que a probabilidade de a é p, devendo ser garantida a propriedade de que todas as probabilidades de d somam 100%. Por exemplo, a seguinte distribuição de classificações por escalões de A a E,



será representada pela distribuição

```
\begin{array}{l} \textit{d1} :: \textit{Dist Char} \\ \textit{d1} = D \; [('\, \texttt{A'}\,, 0.02), ('\, \texttt{B'}\,, 0.12), ('\, \texttt{C'}\,, 0.29), ('\, \texttt{D'}\,, 0.35), ('\, \texttt{E'}\,, 0.22)] \end{array}
```

que o GHCi mostrará assim:

```
'D' 35.0%
'C' 29.0%
'E' 22.0%
'B' 12.0%
'A' 2.0%
```

É possível definir geradores de distribuições, por exemplo distribuições uniformes,

```
d2 = uniform (words "Uma frase de cinco palavras")
```

isto é

```
"Uma" 20.0%
"cinco" 20.0%
"de" 20.0%
"frase" 20.0%
"palavras" 20.0%
```

distribuição normais, eg.

$$d3 = normal [10..20]$$

etc.6

Dist forma um **mónade** cuja unidade é $return\ a=D\ [(a,1)]$ e cuja multiplicação é dada por (simplificando a notação)

$$(f \bullet g) \ a = [(y, q * p) \mid (x, p) \leftarrow g \ a, (y, q) \leftarrow f \ x]$$

em que $g:A\to Dist\ B$ e $f:B\to Dist\ C$ são funções **monádicas** que representam *computações probabilísticas*.

Este mónade é adequado à resolução de problemas de *probabilidades e estatística* usando programação funcional, de forma elegante e como caso particular de programação monádica. Vejamos um exemplo:

Problema: qual é a soma de faces mais provável quando lançamos dois dados num tabuleiro?

Assumindo que os dados não estão viciados, cada um oferece uma distribuição uniforme das suas faces (1 a 6). Basta correr a expressão monádica

```
\mathbf{do} \left\{ x \leftarrow uniform \ [1 ... 6]; y \leftarrow uniform \ [1 ... 6]; return \ (x + y) \right\}
```

e obter-se-á:

```
*Main> do { x <- uniform [1..6]; y <- uniform [1..6]; return(x+y) }
7 16.7%
6 13.9%
8 13.9%
5 11.1%
   11.1%
9
4
    8.3%
10
    8.3%
3
    5.6%
11
    5.6%
2
    2.8%
12
    2.8%
```

A soma mais provável é 7, com 16.7%.

6.2 Trabalho a realizar

É possível pensarmos em catamorfismos, anamorfismos etc probabilísticos, quer dizer, programas recursivos que dão distribuições como resultados. Por exemplo, neste enunciado é dado o combinador

$$pcataList :: (Either () (a, b) \rightarrow Dist b) \rightarrow [a] \rightarrow Dist b$$

que é muito parecido com

$$cataList :: (Either\ ()\ (a,b) \to b) \to [a] \to b$$

da biblioteca List. A única diferença é que o gene de pcataList é uma função probabilística.

Exemplo de utilização: recorde-se que *cataList* [*zero*, *add*] soma todos os elementos da lista argumento, por exemplo:

$$cataList [zero, add] [20, 10, 5] = 35.$$

⁶Para mais detalhes ver o código fonte de <u>Probability</u>, que é uma adaptação da biblioteca <u>PHP</u> ("Probabilistic Functional Programming"). A quem quiser souber mais recomenda-se a leitura do artigo [?].

Considere agora a função padd (adição probabilística) que, com probabilidade 90% soma dois números e com probabilidade 10% os subtrai:

```
padd(a, b) = D[(a + b, 0.9), (a - b, 0.1)]
```

Se se correr

```
d4 = pcataList [pzero, padd] [20, 10, 5] where pzero = return \cdot zero
```

obter-se-á:

- 35 81.0% 25 9.0% 5 9.0% 15 1.0%
 - Com base nestes exemplos, resolva o seguinte

Problema: Uma unidade militar pretende enviar uma mensagem urgente a outra, mas tem o aparelho de telegrafia meio avariado. Por experiência, o telegrafista sabe que a probabilidade de uma palavra se perder (não ser transmitida) é 5%; no final de cada mensagem, o aparelho envia o código "stop", mas (por estar meio avariado), falha 10% das vezes.

Qual a probabilidade de a palavra "atacar" da mensagem words "Vamos atacar hoje" se perder, isto é, o resultado da transmissão ser ["Vamos", "hoje", "stop"]? e a de seguirem todas as palavras, mas faltar o "stop" no fim? E a da transmissão ser perfeita?

Responda a todas estas perguntas encontrando g tal que

```
transmitir = (pcataList\ gene) \cdot (\#["stop"])
```

descreve o comportamento do aparelho.⁷

Testes unitários 7 Faça o seguinte teste unitário da sua versão para gene:

```
test07 = gene(i_2("a",["b"])) \equiv D[(["a","b"],0.95),(["b"],0.05)]
```

Responda então às perguntas do problema acima correndo a expressão:

```
transmitir (words "Vamos atacar hoje")
```

6.3 Programação funcional paralela

Uma outra aplicação do conceito de mónade é a programação funcional paralela. A biblioteca Control.Parallel.Strategies, já carregada no início deste texto, implementa esse tipo de programação, que hoje está na ordem do dia. O mónade respectivo chama-se *Eval* e disponibiliza duas funções,

```
rpar :: a \rightarrow Eval \ a

rseq :: a \rightarrow Eval \ a
```

conforme se deseja que uma dada computação seja efectuada em paralelo ou sequencialmente.⁸ Por exemplo,

```
parmap :: (a \to b) \to [a] \to Eval [b]
parmap f [] = return []
parmap f (a : lt) = \mathbf{do}
a' \leftarrow rpar (f \ a)
lt' \leftarrow parmap f \ lt
return (a' : lt')
```

é um map monádico que usa rpar para aplicar f a todos os elementos de uma lista em paralelo. Se corrermos o map habitual em

 $^{^{7}}$ Esta função foi modificado de modo a meter sempre um stop no final na mensagem automaticamente.

⁸Esta explicação é bastante simplista, mas serve de momento. Para uma abordagem completa e elucidativa ver a referência [?].

```
map\ fib\ [20..30] = [10946, 17711, 28657, 46368, 75025, 121393, 196418, 317811, 514229, 832040, 1346269]
```

(cálculo dos números de Fibonacci do vigésimo ao trigésimo), o tempo que o cálculo vai demorar numa máquina com 2 cores 9 será da ordem de 1.1s. Já no caso de usar parmap em vez de map, fará o mesmo cálculo em cerca de 60% desse tempo.

Para verificar esta diferença siga as instruções seguintes:¹⁰

1. Compile o presente enunciado correndo:

```
ghc -02 cp1415t -rtsopts -threaded
```

2. De seguida execute numa "shell" o seguinte comando,

```
./cp1415t exemplo seq +RTS -s -N2
```

onde o 2 em N2 indica 2 cores (se a máquina em questão tiver mais cores, este número deverá ser actualizado). Como pode ver inspecionando o código da função main na secção A, o que vai ser executado é

```
putStrLn \cdot show \cdot (map\ fib) \ [20..30]
```

Das estatísticas que lhe aparecem no écran retenha esta:

```
Total time 1.41s ( 1.11s elapsed)
```

Em particular, o campo *elapsed* apresenta o tempo decorrido desde o início da execução do programa até ao respectivo fim.

3. De seguida execute

```
./cp1415t exemplo par +RTS -s -N2
```

que irá chamar, desta vez

```
putStrLn \cdot show \cdot runEval \cdot (parmap fib)  [20..30]
```

A estatística correspondente à de cima será, desta vez, da ordem seguinte:

```
Total time 1.13s ( 0.69s elapsed)
```

Em suma, a versão paralela é cerca de 1.61x mais rápida $(\frac{1.11}{0.69})$ que a sequencial.

6.4 Trabalho a realizar

Com base na definição de parmap acima, defina a função

```
parBTreeMap :: (a \rightarrow b) \rightarrow (BTree\ a) \rightarrow Eval\ (BTree\ b)
```

que implemente o "map paralelo" sobre BTree's.

De seguida, corra testes semelhantes aos apresentados acima para apurar o ganho em *performance* da aplicação da função fib a todos os números da árvore t1 da secção 4.2, em duas versões:

- 1. fmap fib (sem paralelismo, usando a função definida em BTree), ou
- 2. usando parBTreeMap fib.

Em máquinas mais rápidas e/ou com mais "cores" deve usar números maiores para obter uma melhor distinção entre as duas versões.

⁹Intel Core 2 Duo a 2.53 GHz.

¹⁰Ver detalhes em [?].

Anexos

A Programa principal

```
\begin{array}{l} \textit{main} :: IO \; () \\ \textit{main} = \textit{getArgs} \gg = (\neg \cdot \textit{null}) \rightarrow \textit{exemp\_or\_exer}, \textit{errInvArgs} \\ \textbf{where} \\ \textit{exemp\_or\_exer} = (((\equiv) \texttt{"exemplo"}) \cdot \textit{head}) \rightarrow \textit{exemp}, \textit{exer} \\ \textit{exemp} = (((\equiv) 2) \cdot \textit{length}) \rightarrow \textit{execExemp}, \textit{errInvArgs} \\ \textit{execExemp} = \textit{isPar} \rightarrow \textit{execExempPar}, \textit{execExempSeq} \\ \textit{execExempSeq} = (\textit{putStrLn} \cdot \textit{show} \cdot (\textit{map fib}) \$ \; [20 \ldots 30]) \\ \textit{execExempPar} = \underbrace{(\textit{putStrLn} \cdot \textit{show} \cdot \textit{runEval} \cdot (\textit{parmap fib}) \$ \; [20 \ldots 30])}_{\textit{exer}} \\ \textit{execExer} = (((\equiv) 3) \cdot \textit{length}) \rightarrow \textit{execExer}, \textit{errInvArgs} \\ \textit{execExer} = \textit{isPar} \rightarrow \textit{execExerPar}, \textit{execExerSeq} \\ \end{array}
```

B Bibliotecas e código auxiliar

```
\begin{array}{l} errInvArgs :: a \rightarrow IO \; () \\ errInvArgs = : \$ \; putStrLn \; msgInvArgs \\ \textbf{where} \\ msgInvArgs = "Invalid arguments" \\ execExerPar :: [String] \rightarrow IO \; () \\ execExerPar = (putStrLn \cdot show \cdot runEval \cdot (parBTreeMap \; fib) \; \$ \; t1) \\ execExerSeq :: [String] \rightarrow IO \; () \\ execExerSeq = (putStrLn \cdot show \cdot (fmap \; fib) \; \$ \; t1) \\ isPar :: [String] \rightarrow Bool \\ isPar = (((\equiv) \; "par") \cdot head \cdot tail) \rightarrow \underline{True}, \underline{False} \\ pcataList \; g = mfoldr \; (curry \; (g \cdot i_2)) \; ((g \cdot i_1) \; ()) \; \textbf{where} \\ mfoldr \; f \; d \; [] = d \\ mfoldr \; f \; d \; (a : x) = \mathbf{do} \; \{ y \leftarrow mfoldr \; f \; d \; x; f \; a \; y \} \end{array}
```

B.1 "Easy X3DOM access"

Defina-se a seguinte composição de funções

```
x3dom = html \cdot preamble \cdot body \cdot x3d \cdot scene \cdot items
```

para gerar um texto HTML que represente um objecto gráfico em X3DOM. Esta função usa as seguintes funções auxiliares:¹¹

```
html = tag "html" []
preamble rest = (headx $ concat [title "CP/X3DOM generation", links, script]) ++ rest
body = tag "body" []
x3d = tag "x3d" [("width", "\"500px\""), ("height", "\"400px\"")]
scene = tag "scene" []
items = concat
links = ctag "link" [
    ("rel", quote "stylesheet"), ("type", quote "text/css"),
    ("href", quote "http://www.x3dom.org/x3dom/release/x3dom.css")]
```

¹¹Preamble foi modificado porque não conseguimos o que era pedido com a função preamble dada pelo professor.

De seguida dão-se mais algumas funções auxiliares facilitadoras:

C Soluções propostas

Os alunos devem colocar neste anexo as suas soluções aos exercícios propostos, de acordo com o "layout" que se fornece. Podem ser adicionadas outras funções auxiliares que sejam necessárias.

Secção 4.1

```
\begin{aligned} depth &:: LTree \ a \to Integer \\ depth &= cataLTree \ [one, succ \cdot \widehat{max}] \\ balance &:: LTree \ a \to LTree \ a \\ balance &= anaLTree \ balanceGene \cdot tips \\ balanceGene &:: [a] \to Either \ a \ ([a], [a]) \\ balanceGene \ [x] &= i_1 \ x \\ balanceGene \ xs &= i_2 \ (splitAt \ (length \ xs \ 'div' \ 2) \ xs) \end{aligned}
```

Secção 4.2

```
\begin{array}{ll} \operatorname{qsplit} :: \operatorname{Integral} \ a \Rightarrow (a,a) \rightarrow \operatorname{Either} \ () \ (a,((a,a),(a,a))) \\ \operatorname{qsplit} \ (n,m) \\ \mid n > m &= i_1 \ () \\ \mid m \equiv 0 &= i_1 \ () \\ \mid \operatorname{otherwise} = i_2 \ (\operatorname{mid},((n,\operatorname{mid}-1),(\operatorname{mid}+1,m))) \\ \mathbf{where} \ \operatorname{mid} = \operatorname{avg2} \ (n,m) \\ \operatorname{avg2} :: \operatorname{Integral} \ a \Rightarrow (a,a) \rightarrow a \\ \operatorname{avg2} = (\operatorname{'div'2}) \cdot \widehat{(+)} \end{array}
```

Secção 4.3

```
inSList :: Either\ a\ (a1, SList\ a1\ a) \rightarrow SList\ a1\ a
inSList = [Sent, Cons]
outSList :: SList \ b \ a \rightarrow Either \ a \ (b, SList \ b \ a)
outSList\ (Sent\ b) = i_1\ b
outSList\ (Cons\ (a,sl)) = i_2\ (a,sl)
recSList :: (a \rightarrow b) \rightarrow Either \ c \ (d, a) \rightarrow Either \ c \ (d, b)
recSList\ f = id + (id \times f)
anaSList :: (c \rightarrow Either\ a\ (b,c)) \rightarrow c \rightarrow SList\ b\ a
anaSList \ g = inSList \cdot (recSList \ (anaSList \ g)) \cdot g
cataSList :: (Either \ b \ (a, d) \rightarrow d) \rightarrow SList \ a \ b \rightarrow d
cataSList \ g = g \cdot (recSList \ (cataSList \ g)) \cdot outSList
hyloSList: (Either\ b\ (d,c) \rightarrow c) \rightarrow (a \rightarrow Either\ b\ (d,a)) \rightarrow a \rightarrow c
hyloSList\ f\ g = cataSList\ f\cdot anaSList\ g
mgen :: Ord \ a \Rightarrow ([a], [a]) \rightarrow Either [a] (a, ([a], [a]))
mgen([], ys) = i_1 ys
mgen(xs, []) = i_1 xs
mgen((x:xs), ys) = i_2(x, (xs, ys))
```

Secção 5.2

```
inTLTree :: Either Tri (TLTree, (TLTree, TLTree)) \rightarrow TLTree
inTLTree = [Tri, joinTrees]
joinTrees :: (TLTree, (TLTree, TLTree)) \rightarrow TLTree
joinTrees(t1,(t2,t3)) = Nodo t1 t2 t3
outTLTree :: TLTree \rightarrow Either Tri (TLTree, (TLTree, TLTree))
outTLTree\ (Tri\ tri) = i_1\ tri
out TLT ree (Nodo t1 t2 t3) = i_2 (t1, (t2, t3))
baseTLTree\ g\ f = (g \times g) + (f \times (f \times f))
recTLTree :: (a \rightarrow b) \rightarrow Either (c, d) (a, (a, a)) \rightarrow Either (c, d) (b, (b, b))
recTLTree\ f = (id \times id) + (f \times (f \times f))
cataTLTree :: (Either\ Tri\ (a,(a,a)) \to a) \to \mathsf{TLTree} \to a
cataTLTree\ g = g \cdot (recTLTree\ (cataTLTree\ g)) \cdot outTLTree
anaTLTree :: (a \rightarrow Either\ Tri\ (a, (a, a))) \rightarrow a \rightarrow \mathsf{TLTree}
anaTLTree\ f = inTLTree \cdot (recTLTree\ (anaTLTree\ f)) \cdot f
hyloTLTree\ a\ c = cataTLTree\ a\cdot anaTLTree\ c
tipsTLTree :: TLTree \rightarrow [Tri]
tipsTLTree = cataTLTree [singl, concatenate]
  where concatenate (a, (b, c)) = a + b + c
apresentaSierp = tipsTLTree
invTLTree :: \mathsf{TLTree} \to \mathsf{TLTree}
invTLTree = cataTLTree [Tri, invTuple]
  where invTuple (t1, (t2, t3)) = Nodo t3 t2 t1
  -- invTLTree :: TLTree -¿ TLTree
  -- invTLTree (Tri tri) = Tri tri
  -- invTLTree (Nodo t1 t2 t3) = Nodo (invTLTree t3) (invTLTree t2) (invTLTree t1)
depthTLTree :: TLTree \rightarrow Integer
depthTLTree = cataTLTree [one, succ \cdot max3]
  where max3 (a,(b,c)) = max \ a \ (max \ b \ c)
countTLTree :: TLTree \rightarrow Integer
countTLTree = cataTLTree [one, add3]
```

```
where add3 (a, (b, c)) = a + b + c

geraSierp :: Tri \rightarrow Int \rightarrow \mathsf{TLTree}

geraSierp t d = anaTLTree \ geneSierp \ (t, d)

geneSierp :: (Tri, Int) \rightarrow Either \ Tri \ ((Tri, Int), ((Tri, Int), (Tri, Int)))

geneSierp \ (t, 0) = i_1 \ t

geneSierp \ (t@((x, y), s), n) = i_2 \ ((((x, y), s'), (n - 1)), ((((x + s', y), s'), (n - 1))))

((((x, y + s'), s'), (n - 1))))

where s' = s \ 'div' \ 2

draw = render \ html \ where

html = rep \ dados

rep = x3dom \cdot map \ drawTriangle \cdot tipsTLTree \cdot \widehat{geraSierp}
```

Secção 6.2

Defina

```
\begin{split} &gene :: Either \; () \; (String, [String]) \rightarrow Dist \; [String] \\ &gene = [empty, transmitter] \\ &transmitter :: (String, [String]) \rightarrow Dist \; [String] \\ &transmitter \; ("stop", words) = D \; [("stop": words, 0.90), (words, 0.10)] \\ &transmitter \; (word, words) = D \; [(word: words, 0.95), (words, 0.05)] \\ &empty :: () \rightarrow Dist \; [a] \\ &empty \; () = return \; [] \\ &ataque = transmitir \; (words \; "Vamos \; atacar \; hoje") \end{split}
```

e responda ao problema do enunciado aqui.

```
*Main> ataque
["Vamos", "atacar", "hoje", "stop"] 77.2%
       ["Vamos", "atacar", "hoje"]
                                    8.6%
        ["atacar", "hoje", "stop"]
                                    4.1%
       ["Vamos", "atacar", "stop"]
                                    4.1%
         ["Vamos", "hoje", "stop"]
                                    4.1%
              ["Vamos", "atacar"]
                                    0.5%
                ["Vamos","hoje"]
                                   0.5%
               ["atacar", "hoje"]
                                   0.5%
                ["Vamos", "stop"]
                                   0.2%
               ["atacar", "stop"]
                                   0.2%
                 ["hoje", "stop"]
                                   0.2%
                       ["atacar"]
                                   0.0%
                        ["Vamos"]
                                   0.0%
                         ["hoje"]
                                   0.0%
                         ["stop"]
                                   0.0%
                               []
                                   0.0%
```

*Main>

Qual a probabilidade de a palavra "atacar" da mensagem words "Vamos atacar hoje" se perder, isto é, o resultado da transmissão ser ["Vamos", "hoje", "stop"]?
4.1%

E a de seguirem todas as palavras, mas faltar o "stop" no fim? 8.6%

E a da transmissão ser perfeita? **77.2**%

Secção 6.4

Defina

```
\begin{array}{l} parBTreeMap\ f\ Empty = return\ Empty\\ parBTreeMap\ f\ (Node\ (a,(bt1,bt2))) = \mathbf{do}\ a' \leftarrow rpar\ (f\ a)\\ bt1' \leftarrow parBTreeMap\ f\ bt1\\ bt2' \leftarrow parBTreeMap\ f\ bt2\\ return\ (Node\ (a',(bt1',bt2'))) \end{array}
```

e apresente aqui os resultados das suas experiências com essa função.

Na versão feita para a BTree, a versão paralela é cerca de 1.01x mais rápida $(\frac{0.928}{0.915})$ que a sequencial.