



Nicht nur Glückssache!

Die kluge Wahl von Monte Carlo Samples





Herbsttagung von DAV und DGVFM, 15./16.11.2021





Der Ausgangspunkt: Ein kleines(!) Problem

- Projekt: Unterstützung bei der Erweiterung des internen Modells eines Kunden um eine neue Risikokategorie
 - Komplexes Modell: Mit Grossschäden, hochdimensional durch viele Risikofaktoren und Legal Entities, wichtige Tailabhängigkeiten.
- Nach Modellierung und erfolgreicher Validierung stand einzig die Integration in das übergreifende Modell der Gruppe aus.
- Das Problem: Das Gruppenmodell verarbeitete nur Samples mit 10'000 Szenarien unser Modell brauchte aber 1Mio!
 - Die Genauigkeit von Monte Carlo Simulationen ist proportional zur Grösse des Samples. Ein Faktor 100 bei der Grösse bedeutet einen Faktor 100 in der Varianz der Ergebnisse.
- Was tun?





Die Lösung: Ein «gutes» Sample finden!

- Gesucht ist ein kleines Sample (mit N=10'000), welches das grosse Sample (mit N=1Mio) «gut» widerspiegelt.
 - Zwei Fragen: 1)Was bedeutet «gut» genau? 2)Wie findet man solch ein Sample?
- 1. Ein kleines Sample ist «gut» wenn es die wichtigen Features des grossen Samples mit geringer Abweichung reproduziert!
 - Features sind Funktionen der Samples: z.B. ein Mittelwert oder eine Korrelation oder die Wahrscheinlichkeit eines Grossschadens in einer Legal Entity.
 - Das Feature wird sowohl für das grosse als auch das kleine Sample berechnet, die quadrierte Differenz ist die Abweichung bzw. der Fehler.
- 2. Man kann ein gutes kleines Sample z.B. per «Versuch&Irrtum» finden:
 - Wähle aus dem grossen Sample zufällig ein kleines aus
 - Berechne die Features und bestimme den Fehler
 - Wiederhole das z.B. 1'000 mal.
 - Verwende dann das Beste der getesteten 1'000 kleinen Samples





Kann man noch mehr erreichen?

- Mit dem Verfahren konnte das damalige Problem gelöst werden.
- Aber diese Anwendung ist etwas untypisch, da alle interessanten Grössen durch das grosse Sample schon genau bekannt waren.
 - Normalerweise möchte man eine/mehrere Zielgrössen bestimmen, deren genauen Wert man gerade NICHT schon vorab kennt!
- Funktioniert dieser Ansatz auch bei nicht vorab bekannten Zielgrössen?
 - Falls eine Funktion nicht explizit bekannt oder sehr schwierig zu berechnen ist kann sie nicht als Feature dienen!
 - Daher muss man Features finden, die sich leicht berechnen lassen und mit diesen Szenarien zur Simulation gezielt auswählen.
 - Frage: Verbessert sich dann auch die Konvergenz für die «schwierigen» Zielgrössen?
 - Frage: Kann man durch die Selektion sogar den Fehler vergrössern?





Das Hull-White Modell

- Vorschlag: Einfach mal ausprobieren in einem Labormodell!
- Hull-White: Stochastisches Zinsmodell
 - Risikofaktoren x bestehen aus jährlichen Shortrates r(1), ..., r(T) und kumulierten Shortrates Y(1), ..., Y(T) mit T=30
 - x = (r, Y) haben eine multivariate Normalverteilung
 - Erwartungswertvektor und Covarianzmatrix sind Ergebnis der Kalibrierung (gemäss DAV) und explizit bekannt
 - Einsatzgebiete: Bestimmung der Preise von Zinsinstrumenten und marktkonsistente Werte von zinssensitiven Verpflichtungen
- Preis bzw. marktkonsistenter Wert eines Cash-Flow ist der Erwartungswert des diskontierten Cash-Flows f unter der Verteilung des HW-Modells

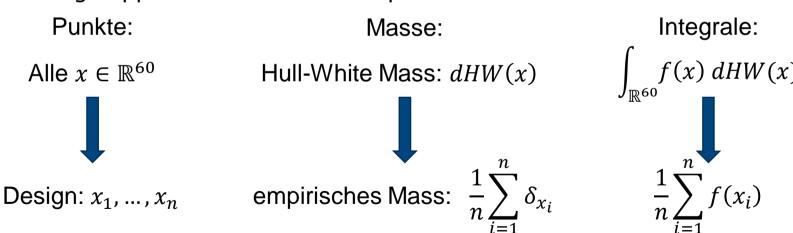
Preis =
$$E_{HW\sim X}[f(X)] = \int_{\mathbb{R}^{60}} f(x) dHW(x)$$





Integrale und Designs

- Selbst in einfachen Modellen sind Integrale meist nicht explizit lösbar.
- Oft haben noch nicht einmal die Zielfunktionen eine explizite Darstellung.
- Lösung: Approximation durch empirische Masse



• Ein *Design* ist eine Menge von Punkten/Szenarien zur Integration





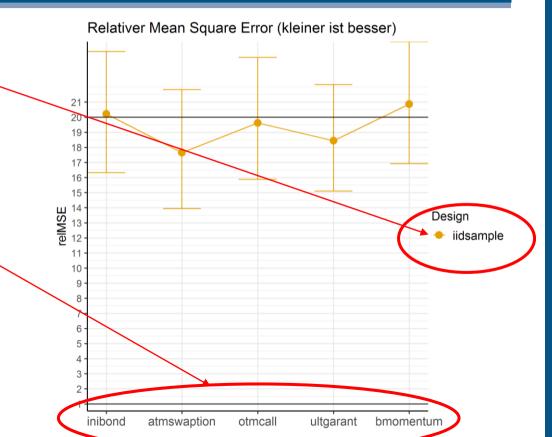
Ein erstes Experiment zum warm werden!

Design:

 iidsample Monte Carlo Sample mit n=250

Zielfunktionen:

- inibond: 30-jähriger Zerobond
- atmswaption: Option auf einen Atthe-Money Swap
- otmcall: Out-of-the-Money Call auf einen Bond (mit 90% Ablauf zu Null)
- ultgarant: Garantie (0%) auf den Bank-Account zum Ablauf nach 30 Jahren
- bmomentum: Selbstfinanzierende Bondtradingstrategie. Investiere jedes Jahr in den Bond der im Vorjahr die bessere Rendite hatte.







Ein erstes Experiment zum warm werden!

Vergleichsgrösse für den Fehler

- relMSE: relative Mean Square Error
- Square Error:

$$SE = \left(\text{Exakt} - \frac{1}{250} \sum_{i=1}^{250} f(x_i) \right)^2$$

Exakt: Analytisch oder sehr grosses MC

- Mean: gemittelt über verschiedene Runs
- relative: Mean Square Error relativ zu einem grossen Sample mit N=5'000.
- relMSE=20 bedeutet:

Im Mittel ist der quadratische Fehler bei der Integration 20 mal so gross wie der eines iid-Monte Carlo Samples mit N=5'000.







Ein erstes Experiment!

Vergleich von drei Designs

iidsample:

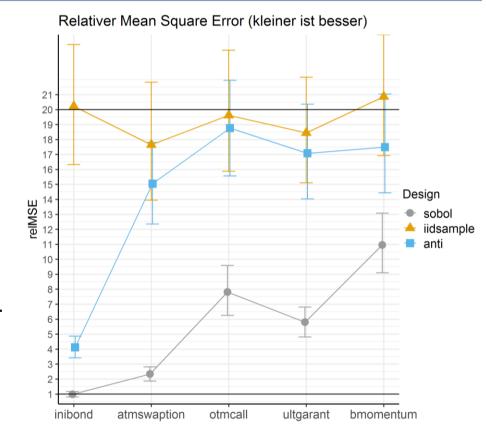
- einfaches Monte-Carlo Sample
- relMSE entspricht für alle Targets etwa dem Verhältnis der Samplegrössen also 5'000 / 250 = 20.

anti:

- Antithetisches Sample
- Verbesserung für inibond ansonsten aber weitgehend wie iid.

sobol:

- Sobol¹⁾ Quasi-MonteCarlo Zahlen, randomisiert.
- klare und erhebliche Verbesserung der Fehler.
- Effizienz hängt aber deutlich vom Target ab.







Features im Beispiel

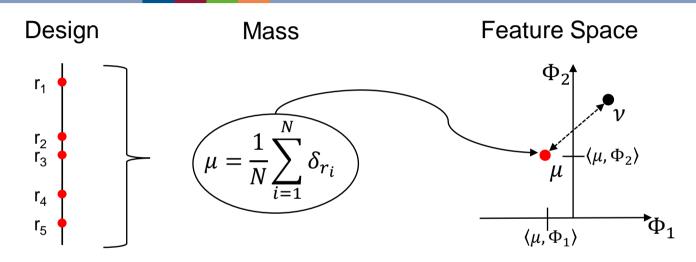
- Erstes Beispiel: Verwendung von zwei einfachen Features
 - Fokus auf einen einzigen Risikofaktor r (z.B. Shortrate im Jahr 15)
 - Definition der beiden Features: $\Phi_1(r) = r$ und $\Phi_2(r) = r^2$
- Jedem Design $r_1, ..., r_N$ werden seine Werte der Features zugeordnet
 - Ein Design wirkt durch Integration mit seinem empirischen Mass $\mu = \frac{1}{N} \sum \delta_{r_i}$
 - $\langle \mu, \Phi_1 \rangle = \frac{1}{N} \sum r_i$ empirisches Mittel des Designs
 - $\langle \mu, \Phi_2 \rangle = \frac{1}{N} \sum r_i^2$ zweites empirisches Moment des Designs
- Per Werte der Features lassen sich so je zwei Designs vergleichen:
 - z.B. «grosses» Design μ mit einem «kleinen» Design ν mit Punkten $r_1', ..., r_n'$.
 - Diskrepanz (oder Fehler) zwischen μ und ν ist die Wurzel aus

$$(\langle \mu, \Phi_1 \rangle - \langle \nu, \Phi_1 \rangle)^2 + (\langle \mu, \Phi_2 \rangle - \langle \nu, \Phi_2 \rangle)^2$$





Der Feature Space



- Der Feature Space wird aufgespannt durch die Features
 - Integrale der Features sind die Koordinaten im Feature Space
 - Die Abbildung eines Mass auf einen Punkt im Feature Space heisst Kernel Mean Embedding
- Die Diskrepanz zweier Designs ist ihr Abstand im Feature Space





Der Kernel

- Der Kernel eines Feature Space ist das Skalarprodukt der Punktmassen bzw. der Features
- Im Beispiel $K(r,r')=\langle \delta_r\,,\delta_{r'}\rangle=\Phi_1(r)\cdot\Phi_1(r')+\Phi_2(r)\cdot\Phi_2(r')$ $=r\cdot r'+r^2\cdot r'^2$
- Der Kernel kodiert alle Eigenschaften des Feature Space
- Räume von Funktionen, die einen Kernel besitzen, nennt man Reproducing Kernel Hilbert Spaces.





Wieviele Features sind möglich?

• Im ersten Beispiel gab es zwei Features für erstes und zweites Moment

$$\Phi_1(r) = r \qquad \Phi_2(r) = r^2$$

- Warum sollte man nicht ALLE Momente kontrollieren?
- Kernel für zwei Momente: $K(r,r') = r \cdot r' + r^2 \cdot r'^2$
- Kernel für ALLE Momente

$$K(r,r') = 1 + r \cdot r' + \frac{1}{2!}r^2 \cdot r'^2 + \frac{1}{3!}r^3 \cdot r'^3 + \cdots$$
$$= \sum_{m=0}^{\infty} \frac{(r \cdot r')^m}{m!} = \exp(r \cdot r')$$

• Die Gewichtung mit $\frac{1}{m!}$ sichert die Konvergenz.





Der Kernel-Trick

- Unendlich viele Features bedeutet unendlich dimensionaler Feature Space
 - Für die praktische Berechnung der Diskrepanz stört das aber gar nicht
- Die Diskrepanz zwischen Designs $r_1, ..., r_N$ (μ) und $r'_1, ..., r'_n(\nu)$ bezüglich aller Momente ist gegeben durch Summen über Kernelauswertungen

$$\|\mu - \nu\|^2 = \langle \mu - \nu, \mu - \nu \rangle = \langle \mu, \mu \rangle - 2\langle \mu, \nu \rangle + \langle \nu, \nu \rangle$$

$$\langle \mu, \mu \rangle = \left\langle \frac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} \delta_{r_i}, \frac{1}{N} \sum_{j=1}^{N} \delta_{r_j} \right\rangle = \frac{1}{N^2} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{N} \left\langle \delta_{r_i}, \delta_{r_j} \right\rangle = \frac{1}{N^2} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{N} \exp(r_i r_j)$$

$$\langle \mu, \nu \rangle = \frac{1}{Nn} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} \exp(r_i \, r_j') \qquad \qquad \langle \nu, \nu \rangle = \frac{1}{n^2} \sum_{i=1}^{n} \sum_{j=1}^{n} \exp(r_i' \, r_j')$$

- Fazit: Die Diskrepanz zwischen zwei Designs lässt sich auch für unendlich dimensionale Feature-Spaces schnell und effizient berechnen!
 - Siehe Code-Beispiel in https://github.com/QuantAkt/minimal-working-example







Momente als Features

quadratic:

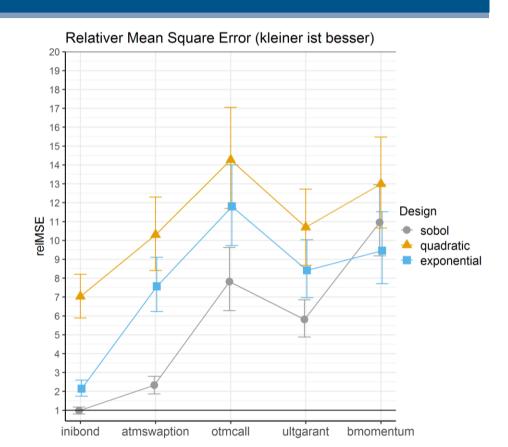
- Der Kernel ist $K(x,y) = (1 + x^T y)^2$
- Enthält auch Interaktionen zwischen Risikofaktoren.

exponential:

• Der Kernel ist $K(x, y) = \exp(x^T y)$

Beide Kernel sind für alle Risikofaktoren definiert.

Auswahl wieder durch «Versuch&Irrtum».







MMD: Maximum Mean Discrepancy

• Der Abstand im Feature Space $\mathcal F$ ist ein Worst Case Integrationsfehler!

$$\|\mu - \nu\| = \max_{\substack{f \in \mathcal{F} \\ \|f\| \le 1}} \int f \ d\mu - \int f \ d\nu$$

- Daher wird der Abstand Maximum Mean Discrepancy (MMD) genannt
- Da der Worst Case den Integrationsfehler für ALLE Funktionen aus dem Feature Space begrenzt, erlaubt MMD klare Antworten für welche Funktionen der Fehler kontrolliert werden kann:

Für alle
$$f \in \mathcal{F}$$
: $\left| \int f d\mu - \int f d\nu \right| \leq \|f\| \cdot MMD(\mu, \nu)$





Aggressive Optimierung und Kernel-Engineering

Kernel-Engineering: Wahl des Kernels motiviert durch den Feature Space.

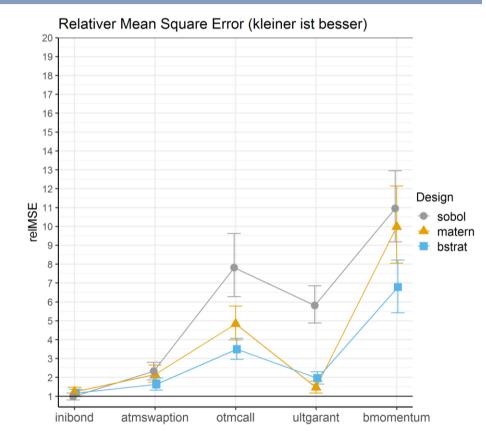
Zusätzlich: «Greedy» Auswahl des Design.

matern:

- Oft genutzter Standardkernel¹⁾ daher Einsatz out-of-the-box möglich
- Feature Space enthält stetige beschränkte Funktionen

bstrat:

 Feature Space aufgespannt durch Bond-Tradingstrategien







Zusammenfassung

- Auswahl mit Features bzw. Kernen kann die Qualität von Samples/Designs signifikant verbessern!
- Die Methode ist völlig generisch, sie funktioniert für beliebige Verteilungen oder Modelle.
- Da die Auswahl einfach mit einem grossen Design beginnt, können die zu Grunde liegenden stochastischen Modelle bzw. die Szenario-Generatoren unverändert verwendet werden.
- Wissen über Zielfunktionen kann durch Kernel-Engineering gezielt eingebracht werden.
- Fehlerabschätzungen ermöglichen Konvergenzaussagen und schaffen so ein solides mathematisches Fundament.
- Methodische/Technische Synergien mit Machine-Learning Ansätzen wie Gauss-Prozess-Regression oder Bayesscher Optimierung.





Literatur

Hier eine erste Übersicht. Ich gebe gerne detailliertere Hinweise auf Anfrage.

- Wikipedia
 - Kernel Method https://en.wikipedia.org/wiki/Kernel method
 - Kernel Mean Embedding https://en.wikipedia.org/wiki/Kernel embedding of distributions
- Übersichtsartikel zu Kernel Mean Embeddings
 - Kernel Mean Embedding of Distributions: A Review and Beyond https://arxiv.org/abs/1605.09522
- Wissenschaftliche Artikel
 - «Super-Samples from Kernel Herding» von Chen, Yutian and Welling, Max and Smola, Alex in Proceedings of the Twenty-Sixth Conference on Uncertainty in Artificial Intelligence oder als https://arxiv.org/abs/1203.3472
 - "Construction of Optimal Cubature Algorithms with Applications to Econometrics and Uncertainty Quantification" von J.Oettershagen, PhD thesis, University of Bonn, 2017. https://ins.uni-bonn.de/media/public/publication-media/diss_oettershagen.pdf
- Code (minimal working example)
 - https://github.com/QuantAkt/minimal-working-example





Kontakt



guido.gruetzner@quantakt.com

https://www.linkedin.com/in/guido-gruetzner

Gerne können sie mich bei allen Fragen völlig unverbindlich kontaktieren. Insbesondere wenn sie das einfach mal bei sich ausprobieren, würden mich ihre Erfahrungen interessieren!