0.2 0.0 0.0 0.0 0.0 0.7 0.0 0.0 0.2 0.1 0.0 0.3 ngresponse proteomics ranscriptomics

1.2 0.0 0.0 0.0 0.6 0.1

0.1 0.1 0.7 0.9 0.1 0.2

0.1 0.2 0.2 0.4 0.4 0.6

11 01 00 03 01 02

0.1 0.0 0.0 0.0 0.2 1.5

0.0 0.0 1.3 0.2 0.2 0.1

0.2 0.1 0.2 0.6 0.2 0.4

01 02 03 02 03 06

08 00 04 02 01 02

0.9 0.0 0.4 0.3 0.0 0.1

0.1 0.0 0.0 0.1 0.0 1.4

01 01 01 03 04 05

00 01 01 00 07 05

0.0 0.1 0.2 0.7 0.2 0.3

0.0 0.0 0.0 1.0 0.1 0.2

00 01 01 02 04 04

00 01 00 00 03 05

crisprcas9

F47 F48 $-0.1\ 0.0\ -0.1\ 0.0\ 0.0\ 0.0\ 0.0\ -0.$ F49 CopyNumberAttenuation $0.00003 \cdot 0.3 \cdot 0.002 \cdot 0.203 \cdot 0.3 \cdot 0.203 \cdot 0.3 \cdot 0.203 \cdot 0.103 \cdot 0.301 \cdot 0.3 \cdot 0.200 \cdot 0.1 \cdot 0.1 \cdot 0.202 \cdot 0.1 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.103 \cdot 0.302 \cdot 0.1 \cdot 0.1 \cdot 0.302 \cdot 0.2 \cdot 0.3 \cdot 0.3 \cdot 0.3 \cdot 0.2 \cdot 0.$ GeneExpressionCorrelation 0.2 0.2 0.3 0.5 0.0 0.1 0.2 0.3 0.6 0.2 0.3 0.2 0.4 0.5 0.0 0.2 0.2 0.0 0.4 0.4 0.2 0.2 0.1 0.1 0.2 0.0 0.1 0.2 0.3 0.1 0.1 0.2 0.3 0.4 0.3 0.6 0.3 0.3 0.4 0.4 0.8 0.1 0.0 0.3 0.6 0.3 0.4 0.4 0.2 0.2 0.1 0.1 03 0.1 03 0.3 0.0 0.4 0.4 0.4 0.3 0.2 0.4 0.1 0.4 0.3 0.0 0.4 0.3 0.1 0.1 0.1 0.1 0.3 0.4 0.3 0.3 0.2 0.2 0.3 0.4 0.4 0.4 0.1 0.2 0.4 0.3 0.2 0.3 0.4 0.2 0.3 0.2 0.4 0.4 0.3 0.1 0.2 0.0 0.0 0.4 0.3 0.4 CopyNumberInstability ploidy size 0.0 -0.1 0.3 -0.2 -0.0 0.2 -0.2 0.1 0.0 0.1 0.2 0.1 -0.1 -0.2 0.1 -0.0 -0.1 0.2 0.1 -0.1 -0.2 0.0 -0.1 -0.2 -0.3 -0.3 0.3 -0.4 0.2 -0.2 0.0 -0.3 0.1 0.3 -0.1 -0.3 0.3 0.1 0.1 -0.4 0.2 -0.1 -0.1 0.3 -0.1 -0.3 -0.3 -0.1 -0.3 -0.3 -0.1 -0.3 -0.1 -0.3 -0.3 -0.1 0.1 0.2 0.1 0.2 0.0 0.2 0.0 0.1 0.0 0.1 0.0 0.1 0.0 0.2 0.1 0.1 0.1 0.0 0.2 0.1 0.1 0.1 0.0 0.0 0.2 0.2 0.3 0.3 0.2 0.0 0.2 0.2 0.2 0.2 0.1 0.1 0.1 0.1 0.0 0.0 0.0 0.1 0.2 0.2 0.1 0.1 0.1 0.2 0.2 0.1 0.2 0.1 0.1 0.3 0.2 0.0 0.1 0.2 $0.1\ \ 0.1\ \ 0.2\ \ 0.3\ \ 0.2\ \ 0.1\ \ 0.2\ \ 0.3\ \ 0.2\ \ 0.1\ \ 0.2\ \ 0.2\ \ 0.2\ \ 0.2\ \ 0.0\ \ 0.0\ \ 1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.0\ \ 0.0\ \ 1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.1\ \ 0.0\ \ 0.1\$ R $-0.1 \cdot 0.1 \cdot 0.2 \cdot 0.1 \cdot 0.1 \cdot 0.2 \cdot 0.3 \cdot 0.2 \cdot 0.1 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.0 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.1 \cdot 0.0 \cdot 0.0 \cdot 0.2 \cdot 0.3 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.1 \cdot 0.1 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.3 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.1 \cdot 0.1 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.3 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.1 \cdot 0.1 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.3 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.3 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.3 \cdot 0.3 \cdot 0.3 \cdot 0.2 \cdot 0.3 \cdot 0.3$ 03 0.1 0.4 0.2 0.1 0.4 0.3 0.5 0.3 0.2 0.4 0.1 0.3 0.5 0.3 0.2 0.4 0.1 0.4 0.2 0.1 0.0 0.0 0.4 0.4 0.2 0.3 0.3 0.3 0.3 0.3 0.4 0.5 0.3 0.1 0.4 0.5 0.2 0.2 0.2 0.5 0.4 0.3 0.1 0.4 0.4 0.2 0.0 0.1 0.0 0.1 0.4 0.2 0.5 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.0 - 0.0 - 0.0 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.0 - 0 $0.4 \ 0.3 \ 0.1 \ 0.0 \ 0.1 \ 0.2 \ -0.2 \ 0.2 \ 0.2 \ -0.2 \ 0.0 \ 0.2 \ -0.1 \ 0.0 \ 0.0 \ 0.2 \ 0.2 \ -0.1 \ 0.1 \ 0.2 \ 0.1 \ 0.2 \ 0.3 \$ MeanProteomics MeanDrugResponse drug_responses

-0.000 - 0.0 - 0.100 - 0.101 - 0.0 - 0.101 - 0.0 - 0.101 - 0.0 - 0.101 - 0.101 - 0.0 - 0.101 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.0 - 0.0 - 0.101 - 0.0 - 0

-0.0-0.100 -0.1-0.000 0.

-0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.0 - 0.2 - 0.1 - 0.1 - 0.0 - 0.2 - 0.0 - 0.1 - 0.1 - 0.0 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.1 - 0.1 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.1 - 0.1 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.0 - 0.1 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.0 - 0.1 - 0.2 - 0.1 - 0.2 - 0.1 - 0.2 - 0.1 - 0.2 - 0.1 - 0.2 - 0.1 - 0.2 - 0.1 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.1 - 0.1 - 0.2 - 0.1 - 0.2 - 0.1 - 0.2 - 0.1 - 0.2 - 0.1 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.2 - 0.1 - 0.1 - 0.2 - 0.1 - 0.2 - 0.1 - 0.2 - 0.1 - 0.2 - 0.1 - 0.2 - 0.1 - 0.2 - 0.1 - 0.2

-0.0 - 0.0 & 0.0 - 0.1 - 0.0 & 0.0 & 0.0 & 0.1 & 0.0 & 0.0 - 0.0 & 0.1 & 0.0 & 0.0 - 0.0 & 0.0 - 0.0 & 0.0 - 0.0 & 0.0 - 0.0 & 0.0 & 0.0 - 0.0 & 0.0

mutational_burden growth RepsCorrelation CDH1_prot VIM prot D/F12 sanger_Adherent sanger_Semi-Adherent sanger Suspension sanger Unknown broad Adherent broad Mixed broad Suspension broad Unknown

F2

F3

F6

E7

F8

FQ

E11

F13

F14

F15

F17

F18

F19

F22

F23

F24

F25

F26

F27

F28

F29

F30

F31

F32

F33

F34

F35

F36

F37

F38

F41

F42

F43

F44

F45

F46