F32 F33 F34 F36 F37 F38 F39

F2

F3

F5

F6

E7

F8

FQ

E11

F12

F13

F14

F15

F16

F17

F18

F19

F22

F23

F24

F25

F26

F27

F28

F29

F30

F31

F40 F41 F42 F43 F44 F45 F46 F47

F48

F49

D/F12

R

CopyNumberAttenuation GeneExpressionCorrelation CopyNumberInstability ploidy mutational_burden growth size RepsCorrelation CDH1_prot VIM prot

> sanger_Adherent sanger_Semi-Adherent sanger Suspension sanger Unknown broad Adherent broad Mixed broad Suspension broad Unknown MeanDrugResponse

0.0 + 0.0-0.001.01 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.2 - 0.0 - 0.3 - 0.1 - 0.0 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.2 - 0.3 - 0.2 - 0.3 - 0.2 - 0.3 - 0.2 - 0.3 - 0.2 - 0.3 - 0.2 - 0.3 - 0.2 - 0.3 - 0.2 - 0.3 - 0.2 - 0.3-0.0-0.1-0.1 0.0 0.3 0.5-0.1-0.3-0.2 0.0 0.3-0.1-0.4-0.3-0.2-0.0 0.5 0.1 0.4 0.0 0.5 0.4 0.2-0.0-0.0 0.1-0.1 0.0-0.1-0.1-0.0 0.1-0.1-0.0 0.1-0.4 0.3 0.5 0.3 0.2 0.5 0.3 0.0 0.2-0.1 0.5 0.2 0.1 0.0 0.3 0.1 $-0.03 \cdot 0.1 \cdot 0.3 \cdot 0.0 \cdot 0.1 \cdot 0.1 \cdot 0.4 \cdot 0.1 \cdot 0.0 \cdot 0.3 \cdot 0.0 \cdot 0.1 \cdot 0.1 \cdot 0.2 \cdot 0.3 \cdot 0.3 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.3 \cdot 0.3 \cdot 0.2 \cdot 0.4 \cdot 0.4 \cdot 0.4 \cdot 0.3 \cdot 0.4 \cdot 0.3 \cdot 0.4 \cdot 0.3 \cdot 0.3 \cdot 0.2 \cdot 0.1 \cdot 0.2 \cdot 0.3 \cdot 0.3 \cdot 0.4 \cdot 0.2 \cdot 0.3 \cdot 0.4 \cdot 0.3 \cdot 0.4 \cdot 0.3 \cdot 0.3 \cdot 0.2 \cdot 0.1 \cdot 0.2 \cdot 0.3 \cdot 0.3 \cdot 0.4 \cdot 0.3 \cdot 0.3 \cdot 0.3 \cdot 0.4 \cdot 0.3 \cdot 0.3 \cdot 0.3 \cdot 0.3 \cdot 0.4 \cdot 0.3 \cdot 0.$ 02 -04 00 02 -01 -0.0 -0.1 -0.2 -0.1 -0.0 -0.1 -0.2 -0.1 -0.0 0.2 0.1 -0.2 0.0 -0.1 -0.2 0.2 0.0 -0.1 -0.1 -0.1 -0.0 -0.1 -0.1 -0.0 -0.2 0.3 -0.4 0.0 -0.1 0.1 -0.0 -0.2 0.1 0.1 -0.1 -0.1 0.0 -0.2 0.3 0.2 0.0 0.1 -0.1 0.1 0.2 -0.1 0.1 -0.1 0.1 0.2 0.3 0.4 0.1 0.1 0.2 0.4 0.0 0.0 0.3 0.1 0.0 0.1 0.3 0.3 0.2 0.3 0.2 0.3 0.5 0.4 0.4 0.2 0.2 0.1 0.1 0.0 0.0 0.5 0.5 0.4 0.3 0.3 0.3 0.1 0.2 0.3 0.3 0.4 0.2 0.3 0.3 0.4 0.2 -0.100 - 0.201 - 0.1 - 0.201 - 0.201 - 0.201 - 0.201 - 0.201 - 0.200 - 0.000 $-0.0 \cdot 0.1 \cdot 0.2 \cdot 0.3 \cdot 0.0 \cdot 0.0 \cdot 0.1 \cdot 0.3 \cdot 0.0 \cdot 0.0 \cdot 0.2 \cdot 0.1 \cdot 0.1 \cdot 0.0 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.1 \cdot 0.1 \cdot 0.0 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.3 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.2 \cdot 0.0 \cdot 0.1 \cdot 0.0 \cdot 0.0 \cdot 0.1 \cdot 0.3 \cdot 0.2 \cdot 0.2$ -0.00.1 - 0.1 - 0.0 --0.1 -0.2 -0.3 0.6 0.1 0.0 0.1 0.5 0.1 0.0 0.3 -0.2 -0.0 0.0 0.3 0.5 0.2 0.1 -0.1 0.5 0.2 0.4 0.7 -0.6 0.6 -0.1 -0.1 0.2 -0.0 0.1 0.0 0.6 -0.8 -0.6 0.2 0.4 -0.2 -0.0 0.2 -0.3 0.3 0.6 0.2 0.5 -0.1 0.2 0.3 -0.4 0.6 0.1 -0.001 - 0.1 - 0.0 + 0-0.1 -0.3 -0.3 0.5 0.1 0.0 0.1 00 0.0 0.0 0.0 0.2 -0.2 -0.0 -0.0 0.3 -0.2 -0.0 -0.0 0.3 0.5 0.2 0.1 -0.1 0.5 -0.2 0.4 0.6 0.6 0.6 0.2 -0.1 0.2 -0.1 0.1 -0.0 0.6 0.6 0.6 0.2 0.3 -0.2 0.0 0.2 -0.2 -0.3 0.6 -0.2 0.5 -0.1 0.1 0.3 0.5 0.6 0.2

 $-0.000 - 0.1 \cdot 0.1 \cdot 0.0 \cdot 0.0 \cdot 0.0 \cdot 0.1 \cdot 0.0 \cdot 0.0 \cdot 0.0 \cdot 0.0 \cdot 0.1 \cdot 0.1 \cdot 0.0 \cdot 0.0 \cdot 0.0 \cdot 0.1 \cdot 0.1 \cdot 0.0 \cdot 0.0 \cdot 0.0 \cdot 0.0 \cdot 0.1 \cdot 0.0 \cdot 0.0 \cdot 0.0 \cdot 0.1 \cdot 0.0 \cdot 0$

 $0.0 - 0.1 \ 0.0 \ 0.0 - 0.1 \ 0.1 \ 0.0 \ 0.0 \ 0.1 \ 0.0$

-0.001 - 0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.0 - 0.0 - 0.1 - 0.0 - 0.0 - 0.0 - 0.0 - 0.0 - 0.0 - 0.0 - 0.1 - 0.1 - 0.0 - 0.0 - 0.1 - 0.0 - 0

-0.00.1 - 0.0 - 0.0 - 0.1 - 0.0 - 0.0 - 0.1 - 0.0 - 0.0 - 0.1 - 0.0 - 0.1 - 0.0 - 0.1 - 0.0 -

-0.1 - 0.1 - 0.1 - 0.0 - 0.0 + 0.0 - 0.0 + 0.0 - 0.0 + 0.0 - 0.0 + 0.0 - 0.0

0.0 0.0 0.2 0.1 0.0 0.3 proteomics ngresponse ranscriptomics

0.2 0.2 0.3 0.4 0.5 0.7

0.1 0.1 0.2 0.8 0.3 0.7

0.1 0.3 0.1 0.7 0.4 0.7

17 00 00 00 03 00

1.2 0.0 0.0 0.0 0.6 0.1

0.1 0.1 0.7 0.9 0.1 0.2

0.1 0.2 0.2 0.4 0.4 0.6

11 01 00 03 01 02

0.1 0.0 0.0 0.0 0.2 1.5

0.0 0.0 1.3 0.2 0.2 0.1

0.2 0.1 0.2 0.6 0.2 0.4

01 02 03 02 03 06

08 00 04 02 01 02

0.9 0.0 0.4 0.3 0.0 0.1

01 00 00 01 00 14

01 01 01 03 04 05

00 01 01 00 07 05

0.0 0.1 0.2 0.7 0.2 0.3

0.0 0.0 0.0 1.0 0.1 0.2

00 01 01 02 04 04

00 01 00 00 03 05

0.2 0.0 0.0 0.0 0.0 0.7

crisprcas9