F29 F30 F32 -0.000-0.0F33 F35 0.0-0.010.00.01-0.00.0-0.00.01-0.00.01-0.00.01-0.00.01-0.00.01-0.00.01-0 F37 -0.0-0.0-0.0-0.0-0.0-0.0 1 0 0 1 0 1 0 1 0 1 0 0 0 1 0 0 0 1 0 0 0 1 0 0 0 1 0 0 0 1 0 0 0 1 0 0 0 1 0 0 0 1 0 0 0 0 1 0 0 0 0 1 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 1 0 F38 F39 F41 -0.000 - 0.1 - 0.000 - 0.000 - 0.001 - 0.1 - 0.1 - 0.0 - 0.000 - 0.0 --0.1 - 0.1 + 0.0 + 0.1 - 0.1 + 0.0F45 -0.000 - 0.0 $\frac{1}{2}$

0.0 0.0 0.2 0.1 0.0 0.3 proteomics ngresponse ranscriptomics

1.2 0.0 0.0 0.0 0.6 0.1

0.1 0.1 0.7 0.9 0.1 0.2

0.1 0.2 0.2 0.4 0.4 0.6

11 01 00 03 01 02

0.1 0.0 0.0 0.0 0.2 1.5

0.0 0.0 1.3 0.2 0.2 0.1

0.2 0.1 0.2 0.6 0.2 0.4

01 02 03 02 03 06

08 00 04 02 01 02

0.9 0.0 0.4 0.3 0.0 0.1

01 00 00 01 00 14

01 01 01 03 04 05

00 01 01 00 07 05

0.0 0.1 0.2 0.7 0.2 0.3

0.0 0.0 0.0 1.0 0.1 0.2

00 01 01 02 04 04

00 01 00 00 03 05

0.2 0.0 0.0 0.0 0.0 0.7

crisprcas9

CopyNumberAttenuation GeneExpressionCorrelation CopyNumberInstability ploidy mutational_burden growth size RepsCorrelation CDH1_prot VIM prot D/F12 sanger_Adherent sanger Semi-Adherent

F2

F3

F5

F6

E7

F8

FQ

F10

E11

F12

F13

F14

F15

F16

F17

F18

F19

F22

F23

F24

F25

F26

F27

F28

F31

F34

F36

F42

F43

F44

F46

F47

F48

F49

R

sanger Suspension sanger Unknown broad Adherent broad Mixed broad Suspension broad Unknown MeanProteomics

0.002 0.2 0.2 0.1 0.2 0.1 0.2 0.0 0.4 0.0 0.1 0.1 0.2 0.0 0.0 0.1 0.3 0.1 0.1 0.1 0.2 0.0 0.0 0.1 0.3 0.1 0.1 0.1 0.1 0.1 0.1 0.2 0.0 0.1 0.2 0.1 0.1 0.0 0.0 0.3 0.2 0.3 0.1 0.0 0.2 0.3 0.2 0.2 0.1 0.0 0.1 0.2 0.1 0.1 0.2 0.1 0.0 0.0 0.0 0.1 0.1 0.3 0.1 0.0 0.4 0.0 0.1 0.4 0.3 0.2 0.2 0.3 0.3 0.1 0.0 0.2 0.3 0.0 0.2 0.0 0.0 0.3 0.1 0.2 0.0 0.0 0.3 0.1 0.2 0.0 0.0 1 0.2 0.0 0.0 1 0.3 0.0 0.2 0.2 0.3 0.4 0.3 0.0 0.2 0.0 0.0 0.3 0.2 0.2 0.1 0.1 0.0 0.1 0.1 02 04 01 00 00 02 01 02 01 01 02 03 00 04 01 01 03 00 102 02 01 01 02 03 00 04 01 01 01 03 00 01 02 02 01 02 02 01 00 00 1 03 01 03 02 01 00 00 01 03 01 01 00 01 01 02 01 03 03 02 00 02 $0.0 - 0.2 - 0.1 \\ 0.0 - 0.0 - 0.1 \\ 0.0 - 0.0 - 0.1 \\ 0.0 - 0.0 - 0.0 \\ 0.0 - 0.1 \\ 0.0 - 0.1 \\ 0.0 - 0.1 \\ 0.0 - 0.1 \\ 0.0 - 0.1 \\ 0.0 - 0.1 \\ 0.0 - 0.1 \\ 0.0 - 0.0 \\ 0.0 - 0.0 \\ 0.0 \\ 0.0 - 0.0 \\ 0.0$ 02 02 02 02 0.1 0.2 0.0 0.3 0.1 0.2 0.1 0.2 0.1 0.2 0.1 0.3 0.1 0.0 0.3 0.3 0.1 0.0 0.1 0.2 0.3 0.0 0.0 0.2 0.1 0.1 0.1 0.2 0.3 0.2 0.2 0.3 0.3 0.2 0.2 0.2 0.1 0.2 0.2 0.0 0.0 0.1 0.1 0.3 0.0 0.1 0.2 0.2 0.2 0.0 -0.3-0.3-0.2-0.3-0.0 0.2 0.0 0.3-0.1-0.2-0.2-0.3-0.1 0.4 0.1 0.1 0.3 0.4 0.0 -0.1-0.3 0.4 0.1-0.1-0.3 0.1-0.1-0.3 0.1-0.1 0.0 0.2-0.4 0.2 0.4 0.2 0.4 0.4 0.3 0.1-0.2-0.2 0.4 0.3 0.0 -0.1-0.2 0.0 0.4 0.1 0.2 0.2 0.3 0.2 0.1 -0.3 -0.3 -0.2 -0.3 -0.0 0.2 0.0 -0.3 -0.1 -0.2 -0.2 -0.3 -0.1 0.2 -0.2 -0.3 -0.1 0.4 0.1 0.1 0.3 0.4 0.1 -0.1 -0.3 0.4 -0.1 -0.1 -0.3 0.1 -0.1 -0.3 0.1 -0.1 -0.3 0.4 0.1 -0.1 -0.3 0.4 0.2 0.4 0.5 -0.3 -0.1 -0.2 -0.2 0.4 0.3 0.0 -0.1 -0.2 0.0 0.4 0.1 -0.2 0.2 0.3 0.2 0.1 MeanDrugResponse 0.3 0.4 0.3 0.2 0.0 0.4 0.1 0.3 0.3 0.8 0.2 0.2 0.4 0.1 0.3 0.3 0.8 0.2 0.2 0.3 0.5 0.1 0.2 0.1 0.2 0.1 0.3 0.4 0.1 0.4 0.1 0.2 0.1 0.0 0.0 1.0 0.1 0.5 0.4 0.5 0.1 0.1 0.4 0.5 0.4 0.3 0.1 0.1 0.4 0.3 0.2 0.4 0.4 0.4 0.1 0.0