

# Pierwsza praca domowa

Joanna Kęczkowska

30.03.2021

Zbiór laptops.csv zawiera następujące zmienne:

- inches – rozmiar przekątnej w calach
- weight – waga laptopa
- price\_euros – cena laptopa w euro
- company – producent laptopa (1 – Acer, 2 – Asus, 3 – Dell, 4 – HP, 5 – Lenovo, 6 – MSI, 7 – Toshiba)
- typename – typ laptopa (1 – 2w1, 2 – gaming, 3 – netbook, 4 – notebook, 5 – ultrabook, 6 – stacja robocza)
- ram – ilość RAM laptopa (1 – 4GB, 2 – 8GB, 3 – 16GB, 4 – 32GB)

```
dataSet <- read.csv(file = "laptops.csv", sep = ";", header = TRUE)
str(dataSet)
```

```
## 'data.frame': 1142 obs. of 6 variables:
## $ inches : num 15.6 15.6 14 14 15.6 ...
## $ weight : num 1.86 2.1 1.3 1.6 1.86 ...
## $ price_euros: num 575 400 1495 770 394 ...
## $ company : int 4 1 2 1 4 4 3 3 5 3 ...
## $ typename : int 4 4 5 5 4 4 4 4 5 ...
## $ ram : int 2 1 3 2 1 1 1 2 2 2 ...
```

```
summary(dataSet)
```

```
## inches weight price_euros company
## Min. :10.10 Min. :0.690 Min. : 209.0 Min. :1.00
## 1st Qu.:14.00 1st Qu.:1.600 1st Qu.: 619.6 1st Qu.:3.00
## Median :15.60 Median :2.060 Median : 986.5 Median :4.00
## Mean :15.08 Mean :2.069 Mean :1128.9 Mean :3.71
## 3rd Qu.:15.60 3rd Qu.:2.330 3rd Qu.:1485.8 3rd Qu.:5.00
## Max. :18.40 Max. :4.700 Max. :4899.0 Max. :7.00
## typename ram
## Min. :1.000 Min. :1.000
## 1st Qu.:2.000 1st Qu.:1.000
## Median :4.000 Median :2.000
## Mean :3.539 Mean :1.874
## 3rd Qu.:4.000 3rd Qu.:2.000
## Max. :6.000 Max. :4.000
```

Należy zweryfikować następujące hipotezy:

a) Stosowana ilość RAM w laptopie jest zależna od jego producenta.

**Chi-square test** sprawdza zależność między zmiennymi.

dla danej komórki wartość oczekiwana:  $e = \frac{\text{row.sum} * \text{col.sum}}{\text{grand.total}}$

Chi-square statistic:  $\chi^2 = \sum \frac{(o-e)^2}{e}$ , gdzie o - obserwacja, e - wartość oczekiwana

Hipoteza zerowa  $H_0$ : Stosowana ilość RAM w laptopie jest **niezależna** od jego producenta.

Hipoteza alternatywna  $H_1$ : Stosowana ilość RAM w laptopie jest **zależna** od jego producenta.

Założenie - poziomy (kategorie) dla zmiennych są rozłączne/wzajemnie się wykluczają - jest spełnione.

```
alpha <- 0.05 #5% level of significance
```

```
memory <- dataSet$ram  
company <- dataSet$company
```

```
TAB <- table(company, memory)  
TAB
```

```
##          memory  
## company    1    2    3    4  
##          1  57  33    4    0  
##          2  45  61   35    3  
##          3  63 161   54    7  
##          4  90 142   13    0  
##          5  89 141   39    3  
##          6   0  22   31    1  
##          7  14  25    8    1
```

```
alpha <- 0.1
```

```
total <- sum(TAB)  
sumRows <- margin.table(TAB, 1) #rows  
sumCols <- margin.table(TAB, 2) #columns
```

```
sumRows <- as.vector(sumRows)  
sumCols <- as.vector(sumCols)
```

```
#expected observations
```

```
exp <- matrix(rep(0, 4*7), nrow=7, ncol=4)  
exp[] <- 0L  
for(i in 1:7) {  
  exp[i, ] <- sumRows[i]*sumCols/total  
}
```

```
#observations
```

```
#obs <- matrix(rep(0, 4*7), nrow=7, ncol=4)
```

```
Tab <- data.frame(TAB)  
obs <- matrix(Tab[["Freq"]], nrow = 7, ncol = 4)
```

```
chi_sq <- sum((obs-exp)^2/exp) #test statistic  
df <- (nrow(obs)-1)*(ncol(obs)-1) #deg of freedom  
pval <- pchisq(chi_sq, df, lower.tail=FALSE) #right-tailed
```

```
quantile <- qchisq(alpha, df, lower.tail = FALSE) #quantile of chi-square distribution

if(alpha > pval) {
  print("H0 rejected.")
}else {
  print("There is not enough evidence to suggest an association between RAM and company")
}
```

```
## [1] "H0 rejected."
```

```
sprintf("test statistic = %f , p-value = %f, confidece interval = [-infinity, %f]", chi_sq, pval, quantile)
```

```
## [1] "test statistic = 164.234074 , p-value = 0.000000, confidece interval = [-infinity, 25.989423]"
```

```
#chisq.test()
test <- chisq.test(TAB)
```

```
## Warning in chisq.test(TAB): Chi-squared approximation may be incorrect
```

```
test
```

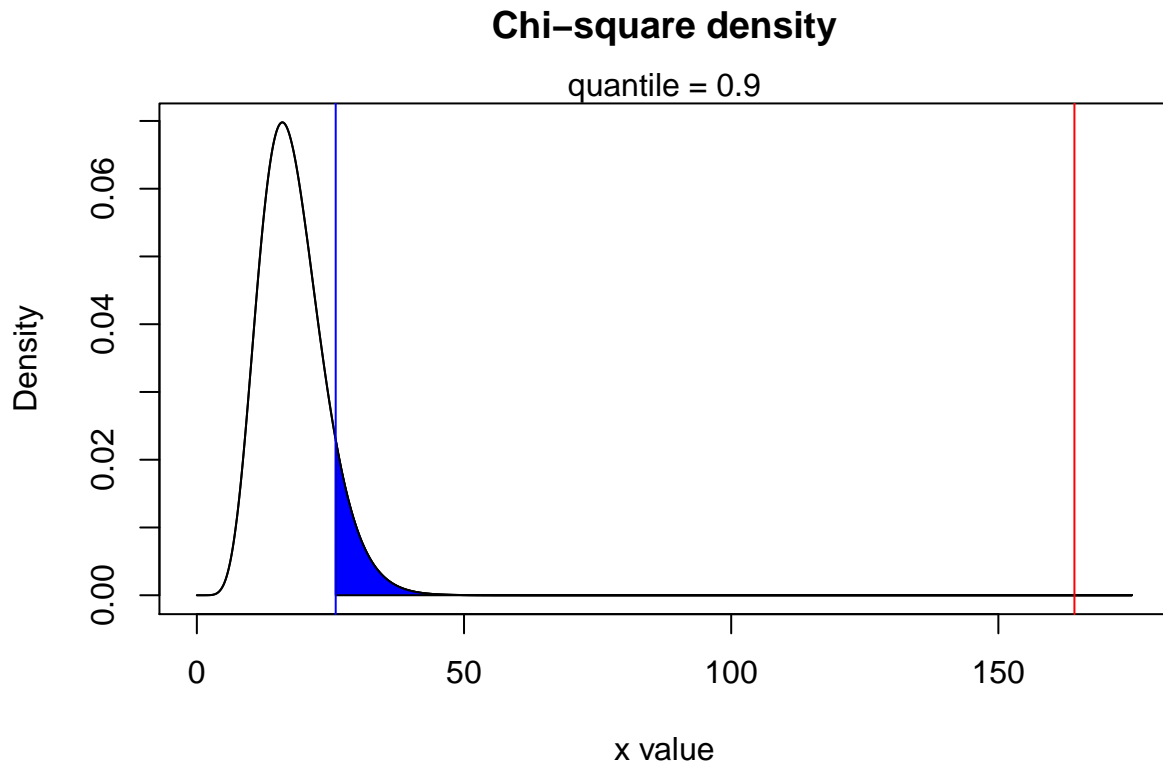
```
##
## Pearson's Chi-squared test
##
## data: TAB
## X-squared = 164.23, df = 18, p-value < 2.2e-16
```

```
x <- seq(0, 175, by = 0.1)
chi_dense <- dchisq(x, df)

plot(x, chi_dense, type='l', xlab="x value",
     ylab="Density", main="Chi-square density")

i <- x >= quantile
lines(x, chi_dense)
polygon(c(quantile, x[i], 175), c(0, chi_dense[i], 0), col="blue")

area <- pchisq(quantile, df, lower.tail = TRUE)
result <- paste("quantile =",
               signif(area, digits=3))
mtext(result, 3)
abline(v=chi_sq, col="red")
abline(v=quantile, col="blue")
```



Wychodzi, że **ilość pamięci RAM zależy od producenta** (wartość statystyki testowej wpada do obszaru krytycznego oraz p-value jest mniejsze niż nasz ustalony poziom istotności).

b) Rozkład stosowanych pamięci RAM w notebookach HP i Lenovo jest taki sam.

**Test of Two Variances** sprawdza hipotezę, że próby pochodzą z populacji o jednakowych wariancjach.

$F = \frac{S_X^2}{S_Y^2}$ , gdzie  $S_X^2$  i  $S_Y^2$  to wariancje próbkowe.

Hipoteza zerowa  $H_0$ : Równe wariancje.

Hipoteza alternatywna  $H_1$ : Różne wariancje.

```
alpha <- 0.1

#independent populations
LenovoRAM <- dataSet[dataSet$company=="5", ]$ram
HPRAM <- dataSet[dataSet$company=="4", ]$ram

n <- length(LenovoRAM)
m <- length(HPRAM)

#unbiased variance estimators
unbiased_estX <- 1/(n-1)*sum((LenovoRAM-mean(LenovoRAM))^2)
unbiased_estY <- 1/(m-1)*sum((HPRAM-mean(HPRAM))^2)

#fisher's test
```

```

F <- unbiased_estX/(unbiased_estY) # Snedecor's F distribution
pval <- pf(F, n-1, m-1, lower.tail = FALSE)
quantile <- qf(alpha, n-1, m-1, lower.tail = FALSE) #right-tailed

if(alpha > pval) {
  print("H0 rejected.")
}else {
  print("There is not enough evidence to reject H_0")
}

```

```
## [1] "H0 rejected."
```

```
sprintf("test statistic = %f , p-value = %f, confidece interval = [-infinity, %f]", F, pval, quantile)
```

```
## [1] "test statistic = 1.518314 , p-value = 0.000456, confidece interval = [-infinity, 1.174316]"
```

```
#sprawdźmy
var.test(LenovoRAM, HPRAM, 1)
```

```
##
## F test to compare two variances
##
## data:  LenovoRAM and HPRAM
## F = 1.5183, num df = 271, denom df = 244, p-value = 0.0009113
## alternative hypothesis: true ratio of variances is not equal to 1
## 95 percent confidence interval:
##  1.187251 1.938597
## sample estimates:
## ratio of variances
##          1.518314
```

```

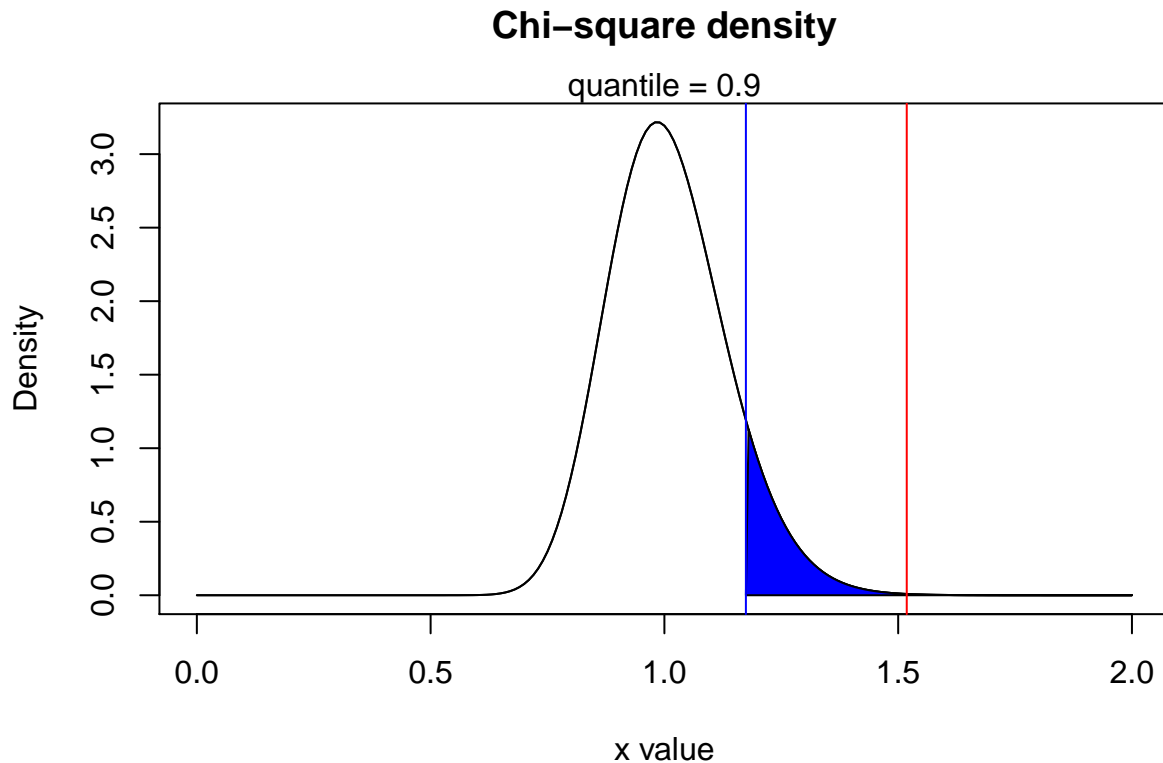
x <- seq(0, 2, by = 0.01)
f_dense <- df(x, n-1, m-1)

plot(x, f_dense,type='l', xlab="x value",
     ylab="Density", main="Chi-square density")

i <- x >= quantile
lines(x, f_dense)
polygon(c(quantile,x[i],2), c(0,f_dense[i],0), col="blue")

area <- pf(quantile, n-1, m-1, lower.tail = TRUE)
result <- paste("quantile =",
  signif(area, digits=3))
mtext(result,3)
abline(v=F, col="red")
abline(v=quantile, col="blue")

```



**Odrzucamy hipotezę zerową** ponieważ wartość testu wpada do obszaru krytycznego / p-value jest mniejsze niż ustalony poziom istotności. **Rozkład stosowanych pamięci RAM w notebookach HP i Lenovo nie jest taki sam.**

c) Średnia zlogarytmowana cena notebooka Dell i HP jest równa.

**Independent two-sample t-test** wykorzystujemy, gdy chcemy porównać dwie grupy pod względem jakiejś zmiennej ilościowej.

$t = \frac{\bar{X} - \bar{Y}}{\sqrt{\frac{s_X^2}{n_X} + \frac{s_Y^2}{n_Y}}}$ , gdzie  $\bar{X}$ ,  $\bar{Y}$  - średnie arytmetyczne,  $s_X^2$ ,  $s_Y^2$  - nieobciążone estymatory wariancji,  $n_X$ ,  $n_Y$  - liczby obserwacji

Hipoteza zerowa  $H_0$ : Średnia zlogarytmowana cena notebooka Dell jest taka sama jak średnia zlogarytmowana cena notebooka HP.

Hipoteza alternatywna  $H_1$ : Średnie zlogarytmowane ceny notebooków różnią się.

Jedyne założenie do sprawdzenia: czy próby pochodzą z rozkładu normalnego.

```
alpha <- 0.1

dellPrices <- dataSet[dataSet$company=="3", "price_euros"]
hpPrices <- dataSet[dataSet$company=="4", "price_euros"]

logDellPrices <- log2(dellPrices)
```

```
logHpPrices <- log2(hpPrices)
```

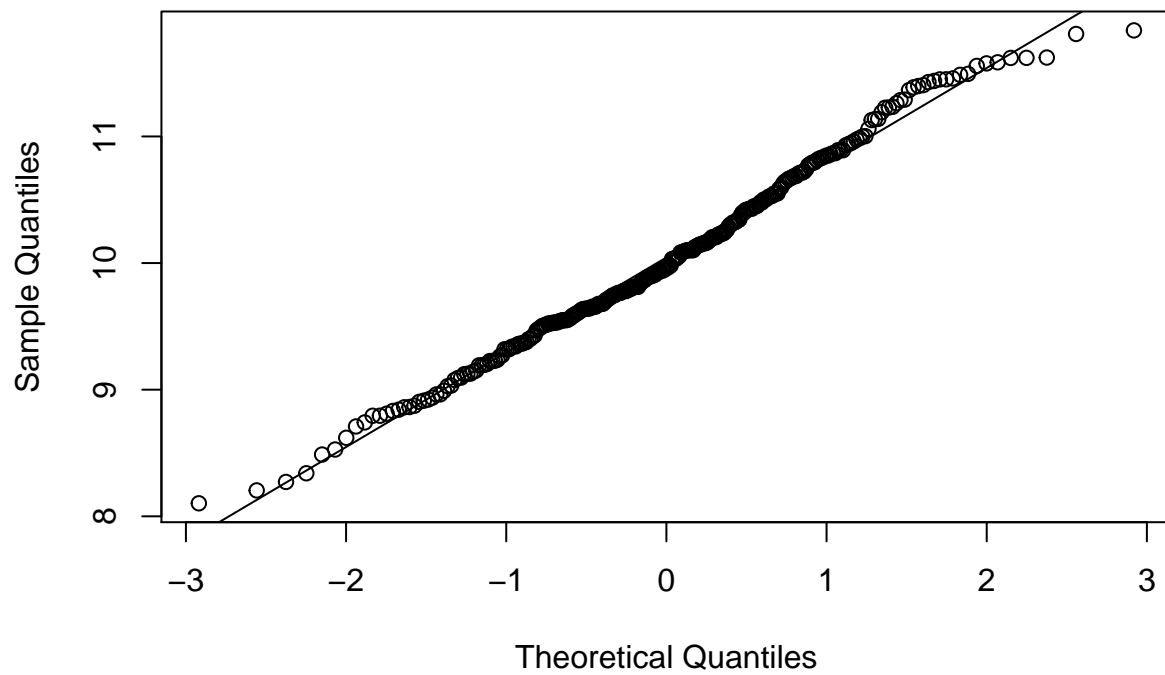
```
n <- length(dellPrices)
```

```
m <- length(hpPrices)
```

```
qqnorm(logDellPrices)
```

```
qqline(logDellPrices)
```

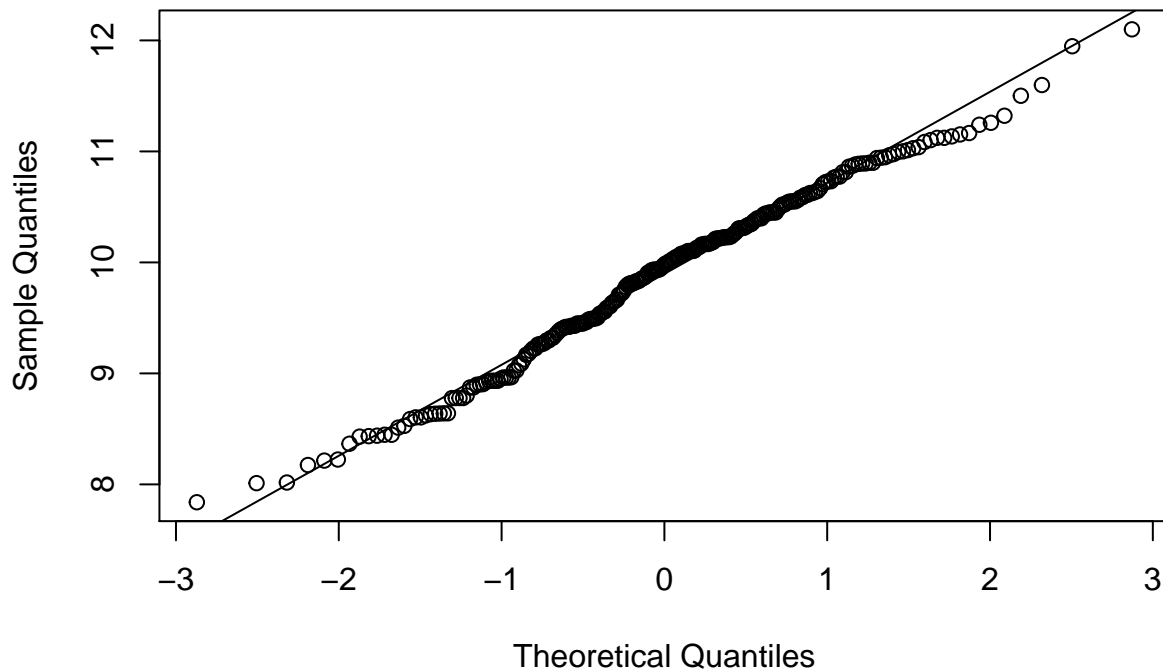
### Normal Q-Q Plot



```
qqnorm(logHpPrices)
```

```
qqline(logHpPrices)
```

## Normal Q-Q Plot



Linia prosta na wykresach QQ mówi nam, że nasze próby pochodzą z rozkładu normalnego.

```
alpha <- 0.1

dellPrices <- dataSet[dataSet$company=="3", "price_euros"]
hpPrices <- dataSet[dataSet$company=="4", "price_euros"]

logDellPrices <- log2(dellPrices)
logHpPrices <- log2(hpPrices)

n <- length(dellPrices)
m <- length(hpPrices)

#unbiased variance estimators
unbiased_estX <- 1/(n-1)*sum((logDellPrices-mean(logDellPrices))^2)
unbiased_estY <- 1/(m-1)*sum((logHpPrices-mean(logHpPrices))^2)

a <- unbiased_estX/n + unbiased_estY/m
t <- (mean(logDellPrices) - mean(logHpPrices))/sqrt(a) #test statistic

df <- a^2/(1/(n-1)*(unbiased_estX/n)^2+1/(m-1)*(unbiased_estY/m)^2) #deg of freedom

#two-tailed hypothesis
pval <- 2*pt(t, n+m-2, lower.tail = FALSE)

#confidence interval
```



```
lowerBound <- qt(alpha, n+m-2)
upperBound <- qt(1-alpha, n+m-2)
```

```
if(alpha > pval) {
  print("H0 rejected.")
}else {
  print("There is not enough evidence to reject H_0")
}
```

```
## [1] "H0 rejected."
```

```
sprintf("test statistic = %f , p-value=%f, confidence interval = (%f, %f)", t, pval, lowerBound, upperBound)
```

```
## [1] "test statistic = 2.185085 , p-value=0.029321, confidence interval = (-1.283157, 1.283157)"
```

```
#t.test
t.test(logDellPrices, logHpPrices)
```

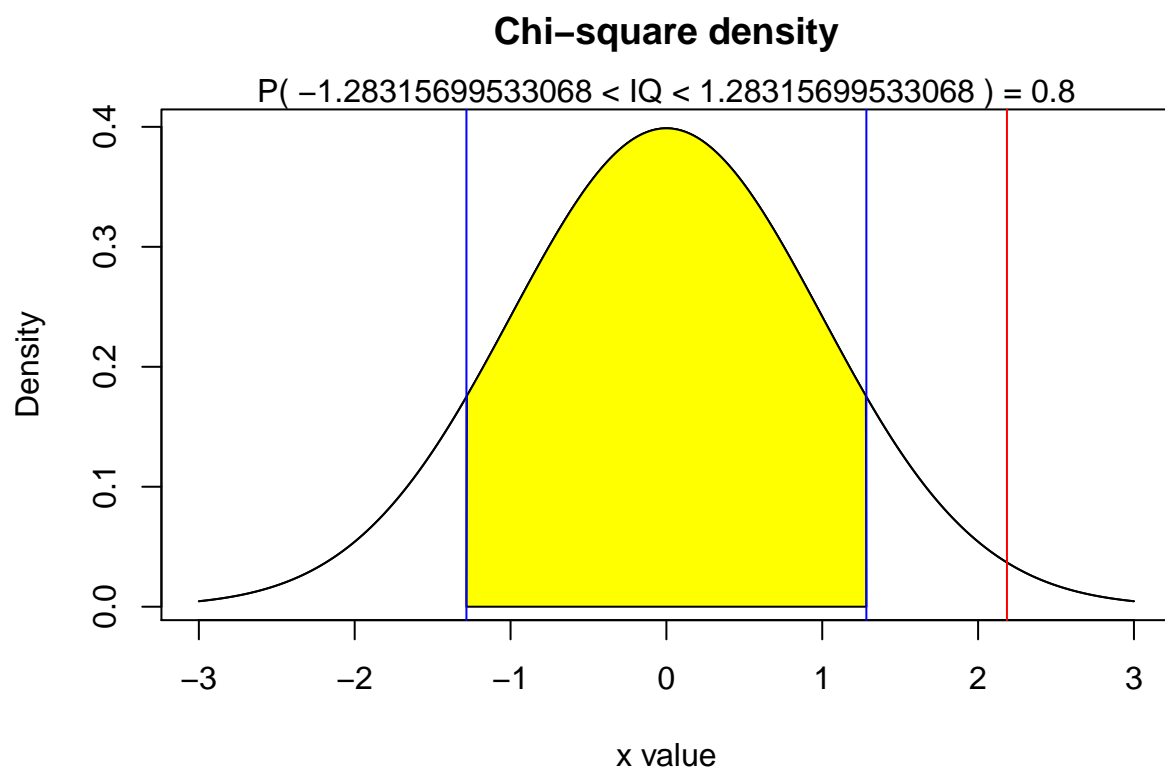
```
##
## Welch Two Sample t-test
##
## data: logDellPrices and logHpPrices
## t = 2.1851, df = 503.74, p-value = 0.02934
## alternative hypothesis: true difference in means is not equal to 0
## 95 percent confidence interval:
## 0.01507785 0.28388985
## sample estimates:
## mean of x mean of y
## 10.03851 9.88903
```

```
x <- seq(-3, 3, by = 0.01)
t_dense <- dt(x, n+m-2)

plot(x, t_dense, type='l', xlab="x value",
      ylab="Density", main="Chi-square density")

i <- x >= lowerBound & x <= upperBound
lines(x, t_dense)
polygon(c(lowerBound, x[i], upperBound), c(0, t_dense[i], 0), col="yellow")

area <- pt(upperBound, n+m-2) - pt(lowerBound, n+m-2)
result <- paste("P(", lowerBound, "< IQ <", upperBound, ") =",
  signif(area, digits=3))
mtext(result, 3)
abline(v=t, col="red")
abline(v=lowerBound, col="blue")
abline(v=upperBound, col="blue")
```



**Odrzucamy hipotezę zerową** - wartość testu wpada do obszaru krytycznego/ p-value mniejsze niż ustalony poziom istotności - na rzecz hipotezy alternatywnej. **Średnie zlogarytmowane ceny notebooków różnią się.**