



Resultado Fasta

Alineamientos de secuencias de aminoácidos.

Descripción de la cadena de entrada:

UPI00000000FB

Los porcentajes de similitud para las 4 cadenas son los siguientes:

Cadena 1: 98.9090909091%, que corresponde a: 85

Cadena 2: 99.9090909091%, que corresponde a: 196

Cadena 3: 98.9090909091%, que corresponde a: 190

Cadena 4: 96.9090909091%, que corresponde a: 67

Tiempo de ejecucion del algoritmo: 8.52386188507 Segundos

