



Resultado Fasta

Alineamientos de secuencias de aminoácidos.

Descripción de la cadena de entrada:

UPI00000000FB

Los porcentajes de similitud para las 2 cadenas son los siguientes:

Cadena 1: 100.909090909%, que corresponde a: 999

Cadena 2: 100.909090909%, que corresponde a: 999

Tiempo de ejecucion del algoritmo: 3.916 Segundos

