

MATEMATYKA

Metody Numeryczne

Projekt Indywidualny C, D i E

Wykonał:

Oleg Łyżwiński 305158

Warszawa 2024

Poniżej przedstawiono rozwiązanie zadań C, D i E projektu indywidualnego z przedmiotu Metody Numeryczne. Do rozwiązań wykorzystano język Python. Zastosowano następujące biblioteki: numpy, matplotlib, math, scipy oraz sklearn.

Zadanie C 8

Korzystając z biblioteki sympy wyznaczono wartości pierwszej oraz drugiej pochodnej:

```
# Wyznaczenie f'()
def f_prime_x():
    x = Symbol('x')
    y = x - exp(-x)
    y_prime = y.diff(x)
    y_prime = lambdify(x, y_prime, 'numpy')
    return y_prime

# Wyznaczenie f''()
def f_prime_prime_x():
    x = Symbol('x')
    y = x - exp(-x)
    y_prime = y.diff(x)
    y_prime_prime = y_prime.diff(x)
    y_prime_prime = lambdify(x, y_prime_prime, 'numpy')
    return y_prime_prime
```

Metoda siecznych:

```
def secant_method(x0, x1, solution, precizion):
    iteration = 0
    tab_error = []
    tab_fx = []
    while True:
        # Wyznaczenie punktu przecięcia siecznej z osią OX
        x_new = x1 - (f(x1) * (x1 - x0)) / (f(x1) - f(x0))

        tab_fx.append(abs(f(x_new)))

        error = abs(x_new - solution)
        if error != 0.0:
            tab_error.append(error)

        # Sprawdzenie dokładności przybliżenia
        if abs(f(x_new)) < precizion:
            return x_new, tab_error, tab_fx

        if f(x_new)*f(x0) > 0:
            x0 = x_new
        else:
            x1 = x_new
        iteration += 1
```

Metoda Newton'a:

```
def newton_method(x0, x1, solution, precizion):
    # Jako pierwsze przybliżenie przyjmujemy koniec w którym
    # f(x) i f'(x) mają ten sam znak
    if f(x0)*f_prime_prime(x0)>=0:
        x0 = x0
    elif f(x1)*f_prime_prime(x1)>=0:
        x0 = x1
    else:
        print(":(")

    iteration = 0
    tab_error = []
    tab_fx = []
    while True:
        tab_fx.append(abs(f(x0)))
        # Wyznaczenie wartości błędu
        error = abs(abs(x0)-solution)
        if error != 0.0:
            tab_error.append(error)

        # Sprawdzenia warunku wyjścia
        if abs(f(x0)) < precizion or x1 < x0:
            return x0, tab_error, tab_fx

        x0 = x0 - f(x0) / f_prime(x0)

        iteration += 1
```

Wyznaczenie rozwiązania równania metodą Brent'a:

```
solution = root_scalar(f, bracket=[0, 2], method='brentq')

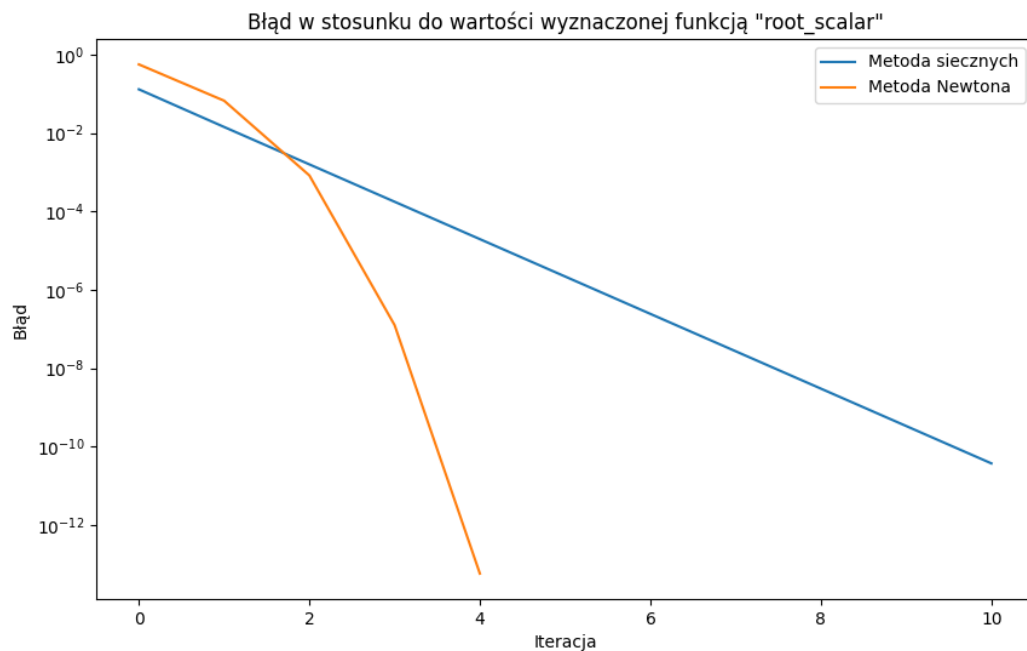
# Wartość funkcji w punkcie x
def f(x):
    return x - math.exp(-x)
```

Uzyskano następujące wyniki dla zadanej dokładności 10^{-10} :

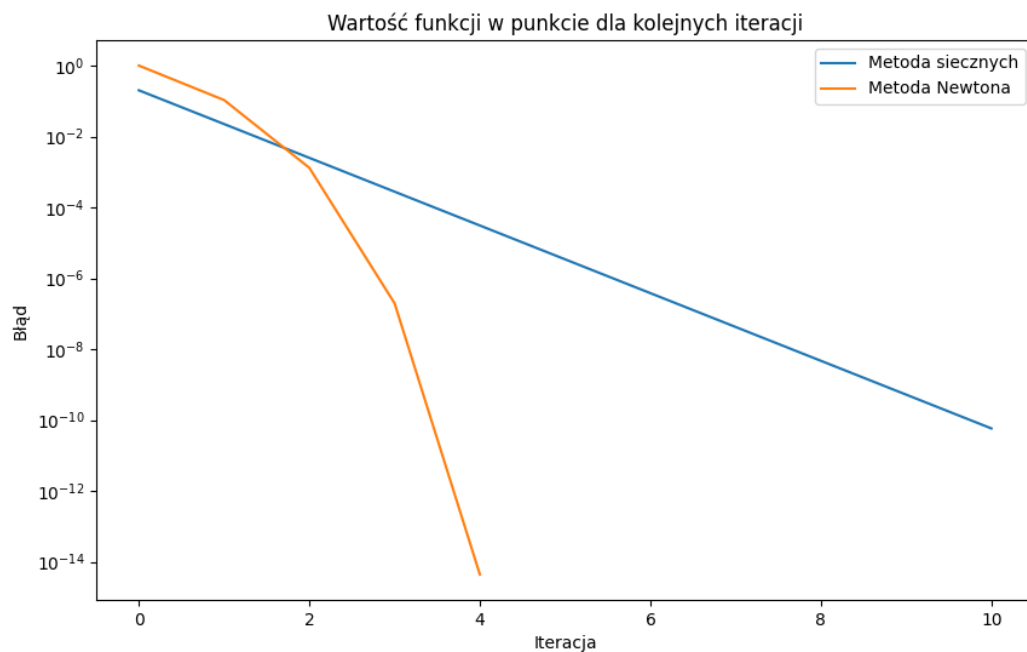
```
Rozwiązanie równania  $x = \exp(-x)$ : 0.5671432904098384
Rozwiązanie metodą siecznych:      0.5671432904470005
Rozwiązanie metodą Newtona:       0.5671432904097811
```

Na podstawie uzyskanych wyników: wynik uzyskany metodą siecznych osiągnął dokładność 10^{-10} , a metodą Newtona 10^{-14} w stosunku do rozwiązania metodą Brent'a zawartą w funkcji root_scalar.

Wartość błędu wyznaczano jako różnicę wyznaczonej wartości x w danej iteracji, a wartości wzorcowej x wyznaczonej metodą Brent'a:



Wykreślono również charakterystykę $f(x)$ dla x wyznaczonych w kolejnych iteracjach pętli poszczególnych algorytmów:



Na podstawie powyższych charakterystyk możemy zaobserwować, że metoda Newtona jest znacząco szybsza od metody siecznych, ponieważ już po 4 iteracjach osiągnęła dokładność na poziomie 10^{-14} . Poprawa precyzji w metodzie siecznych ma charakter liniowy i do osiągnięcia pożądanej dokładności 10^{-10} potrzebuje 10 iteracji. Dokładność w przypadku metody siecznych z każdą iteracją wzrasta o 10^{-1} .

```
[0.13101869283952428, 0.014337042067054329, 0.0015915862887008192, 0.00017695859628463761, 1.9678294498559623e-05, 2.1883233745079167e-06, 2.433528206724489e-07, 2.7062049268167243e-08, 3.009392068875627e-09, 3.346116717040104e-10, 3.716216223637048e-11, 4.084177440688563e-12, 4.057865155004947e-13]
```

Zad D 9

```
def f(x):
    return np.abs(x)

def runge_phenomenon(n_values):
    errors_equidistant = []
    errors_chebyshev = []

    for n in n_values:
        # Węzły równoodległe
        x_equidistant = np.linspace(-1, 1, n)
        y_equidistant = f(x_equidistant)

        # Interpolacja wielomianowa
        interpol_poly_e = np.polyfit(x_equidistant, y_equidistant, n - 1)
        x_values_e = np.linspace(-1, 1, 1000)
        y_values_e = np.polyval(interpol_poly_e, x_values_e)
        true_values_e = f(x_values_e)
        error_e = np.max(np.abs(y_values_e - true_values_e))
        errors_equidistant.append(error_e)

        # Węzły Czebyszewa
        x_chebyshev = np.cos(np.pi * (2 * np.arange(1, n + 1) - 1) / (2 * n))
        y_chebyshev = f(x_chebyshev)
        # Interpolacja wielomianowa
        interpol_poly = np.polyfit(x_chebyshev, y_chebyshev, n - 1)
        x_values = np.linspace(-1, 1, 1000)
        y_values = np.polyval(interpol_poly, x_values)
        true_values = f(x_values)
        error_c = np.max(np.abs(y_values - true_values))
        errors_chebyshev.append(error_c)

    '''# Rysowanie wykresu ...

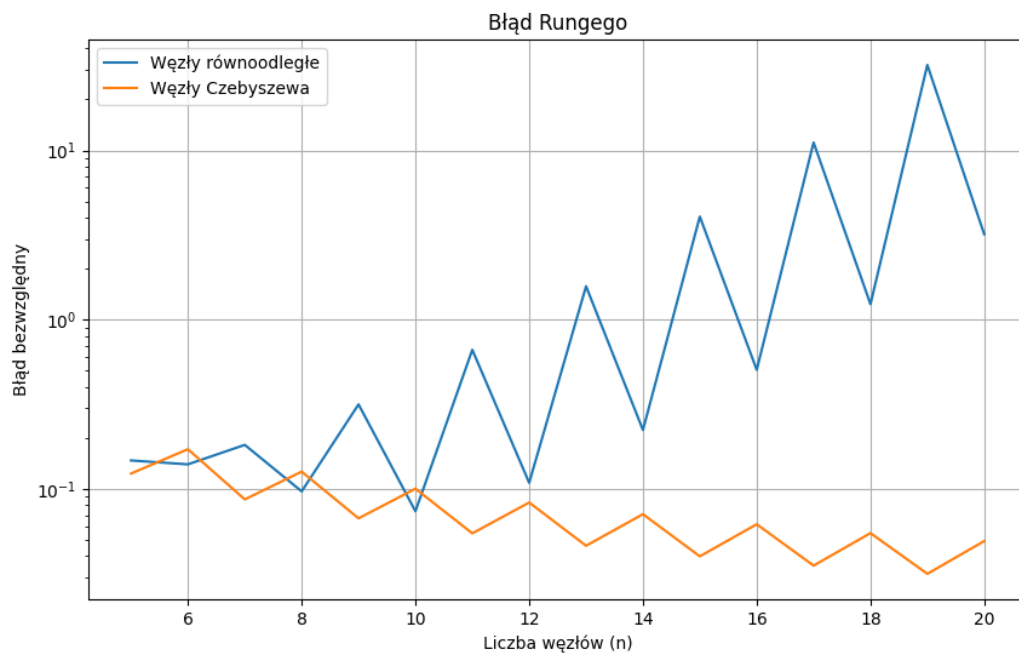
    return errors_equidistant, errors_chebyshev

n_values = np.arange(5, 23, 1)

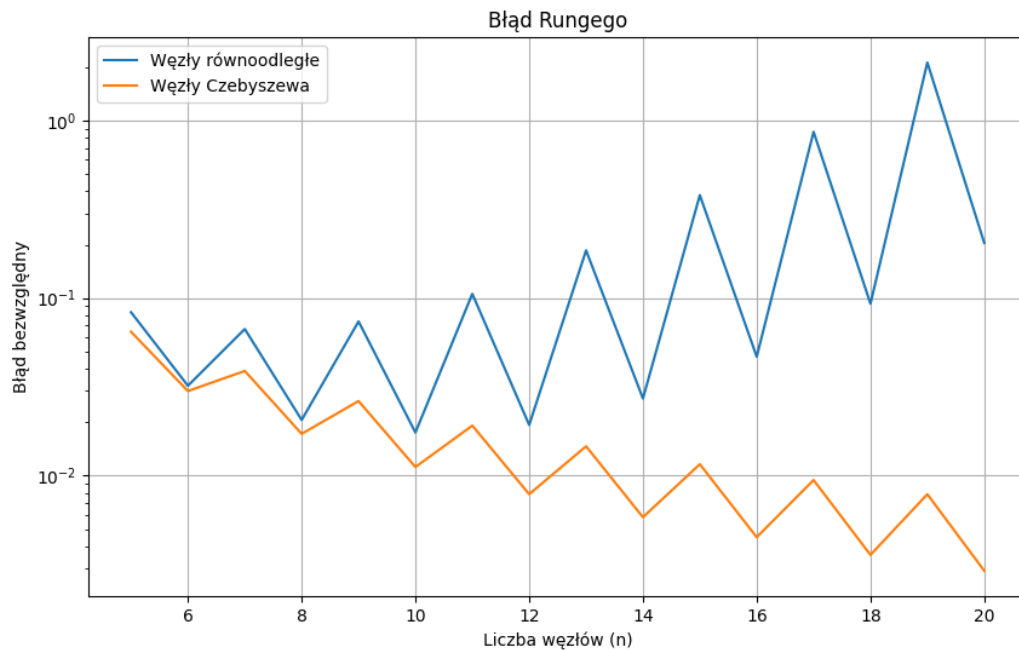
errors_equidistant, errors_chebyshev = runge_phenomenon(n_values)
```

Uzyskano następujące charakterystyki błędu bezwzględnego:

- Dla maksymalnego błędu bezwzględnego:

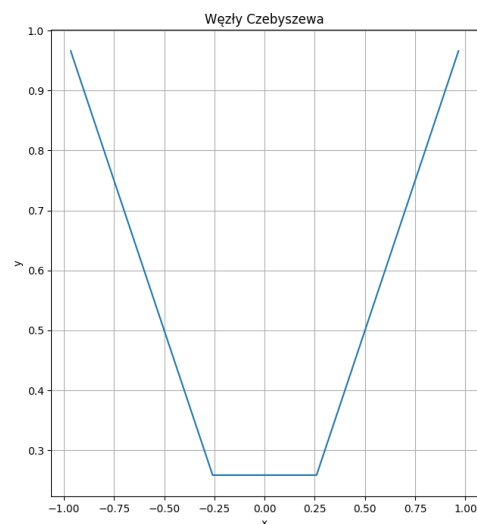
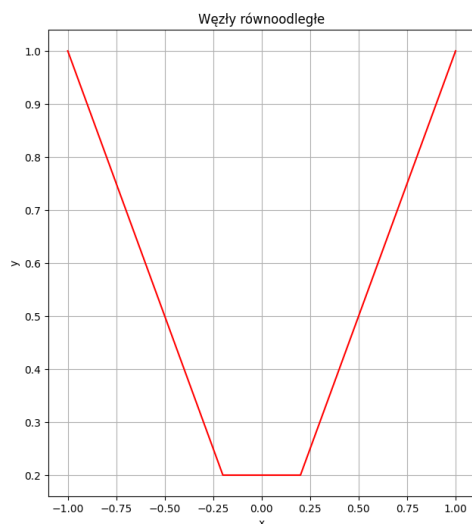


- Dla średniego błędu bezwzględnego:

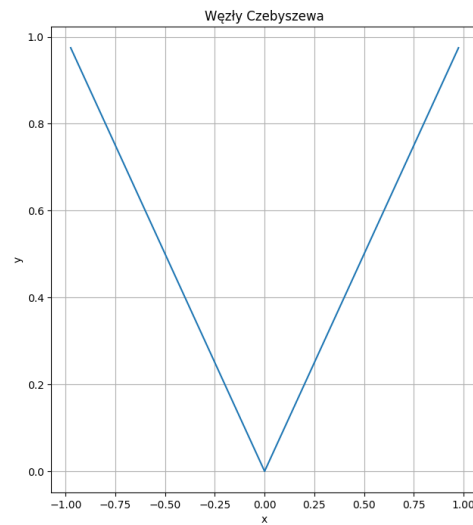
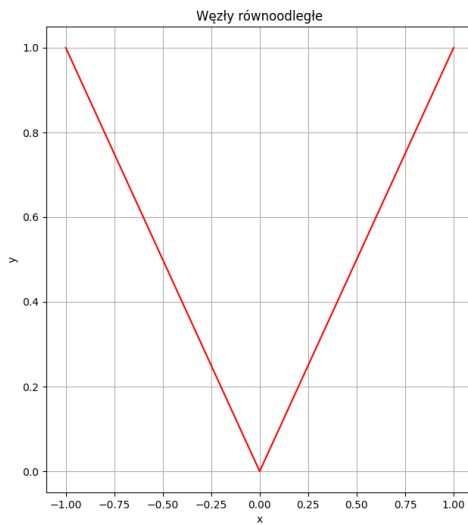


Na powyższej charakterystyce możemy zaobserwować, że błąd skacze w zależności od tego czy liczba węzłów była parzysta czy nieparzysta. Wynika to z rozkładu punktów, które w przypadku parzystej liczby punktów, nie zawierają punktu $(0, 0)$. Poniżej przedstawiono funkcje otrzymane przez interpolację wielomianową:

- Dla parzystej liczby węzłów ($n=6$):



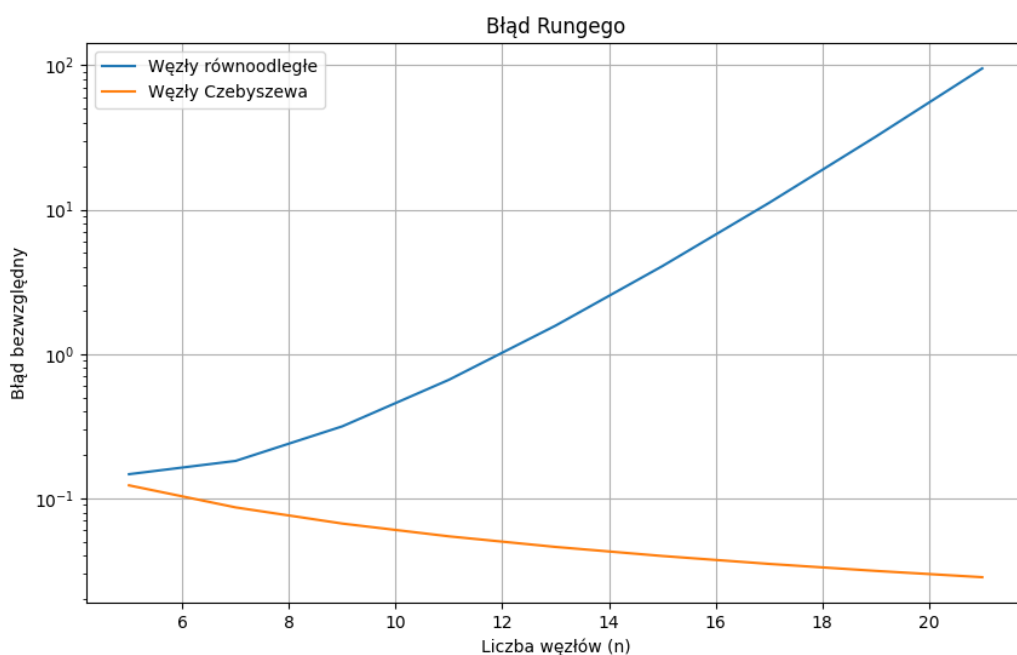
- Dla nieparzystej liczby węzłów ($n=7$):



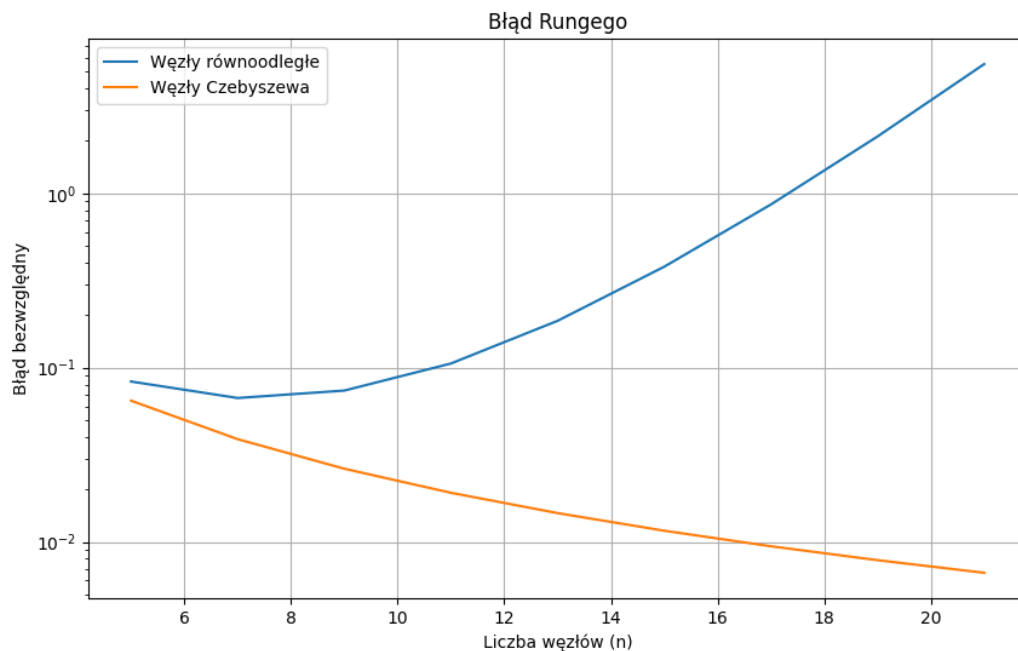
Na powyższych charakterystykach można zaobserwować, że dla nieparzystej liczby węzłów uwzględniany jest punkt $(0, 0)$, co sprawia, że błąd dla nieparzystej liczby węzłów jest mniejszy. Możemy również zaobserwować, że maksymalny błąd bezwzględny dla parzystej liczby węzłów (dla $n \in \{6, 8 \text{ i } 10\}$) w przypadku węzłów Czebyszewa daje większy błąd maksymalny większy niż dla węzłów równorozłożonych. Wynika to z charakteru rozkładu Czebyszewa, w którym większość węzłów jest na krańcach przedziału, co za tym idzie są dalej od punktu $(0, 0)$ niż w przypadku węzłów równorozłożonych. Natomiast średni błąd względny dla węzłów Czebyszewa zawsze przyjmuje mniejszą wartość, niż dla węzłów równoodległych.

Wykreślił więc charakterystykę wyłącznie dla nieparzystej ilości węzłów:

- Dla maksymalnego błędu bezwzględnego:



- Dla średniego błędu bezwzględnego:



Uzyskane wykresy jednoznacznie wskazują na znaczącą przewagę wykorzystania węzłów Czebyszewa, dla których błąd bezwzględny wraz z wzrostem liczby węzłów maleje. Odwrotna sytuacja ma miejsce dla węzłów równoodległych, ponieważ w przypadku wzrostu ich liczby średni błąd bezwzględny interpolacji wielomianowej rośnie.

Zad D 10

```
# Punkty interpolacji
survivor_points = [(0, -4), (1, 3), (3, 5), (2, 2)]

# Wyznaczenie funkcji bazowych Lagrange'a
def lagrange_base_f(i, x, points):
    x_i = [p[0] for p in points]
    return np.prod(x - np.delete(x_i, i)) / np.prod(x_i[i] - np.delete(x_i, i))

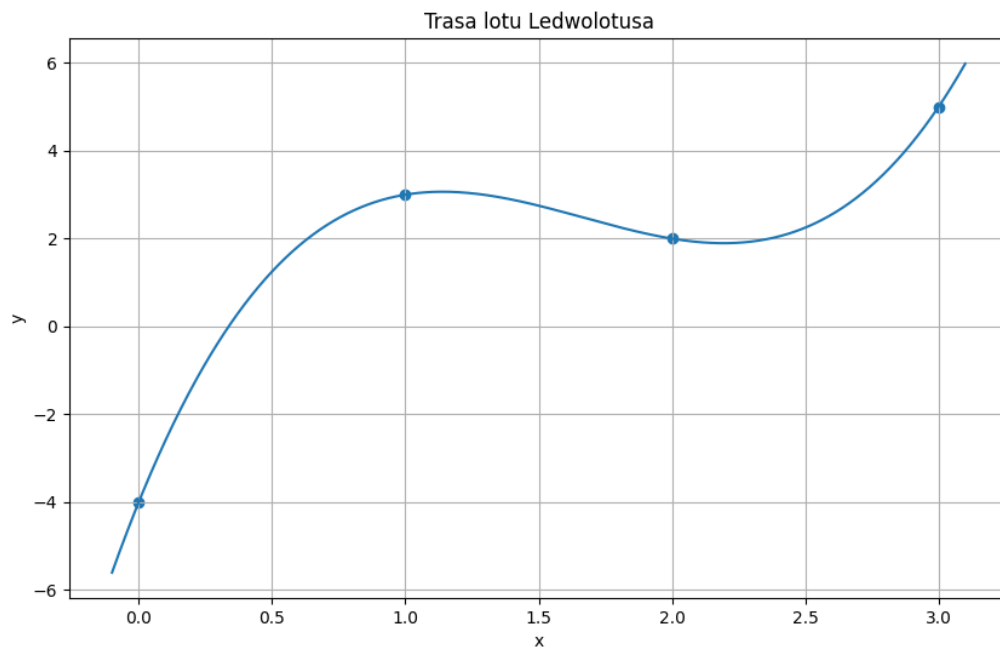
# Interpolacja Lagrange'a
def lagrange_interpolation(points):
    # Deklaracja przedziału dla którego wyznaczymy trasę Ledwolutusa
    X = np.linspace(min([p[0] for p in points])-0.1, max([p[0] for p in points])+0.1, 1000)
    Y = []

    # Wyznaczenie wartości y dla poszczególnych x
    # P(x) = L0(x)*y + L1(x)*y + L2(x)*y + L3(x)*y
    for x in X:
        y = 0
        for i, p in enumerate(points):
            y += p[1] * lagrange_base_f(i, x, points)
        Y.append(y)

    return X, Y

X, Y = lagrange_interpolation(survivor_points)
```


Odtworzona trasa Ledwolutusa przebiegała w następujący sposób:



Zad D 11

```
# Funkcja interpolacji Newtona
def newton_coeffs(x, y):
    n = len(x)
    coeffs = y.copy()
    for j in range(1, n):
        for i in range(n-1, j-1, -1):
            coeffs[i] = (coeffs[i] - coeffs[i-1]) / (x[i] - x[i-j])
        print(coeffs)
    return coeffs
```

```
# Dane pomiarowe
times = [8, 9, 10, 11]          # Godziny pomiarów
temperatures = [20, 24, 26, 20]  # Temperatury dla poszczególnych godzin
print("\n")

# Obliczenie współczynników wielomianu interpolacyjnego
coeffs = newton_coeffs(times, temperatures)
```

```
# Wyznaczenie wartosci na podstawie wielomianu interpolacyjnego
def interpolated_temperature(t, times):
    result = coeffs[0]
    for i in range(1, len(coeffs)):
        pom = coeffs[i]
        for j in range(i):
            pom *= (t - times[j])
        result += pom
    return result
```

```
# Interpolacja temperatury o godzinie 10:30
hour_1030 = 10.5
temperature_1030 = interpolated_temperature(hour_1030, times)
```

```
def float_to_time(f_h):
    X_h=[]
    for float_hour in f_h:
        hour = int(float_hour)
        minute = int((float_hour - hour) * 60)
        X_h.append(f"{hour}:{minute:02d}")
    return X_h
```

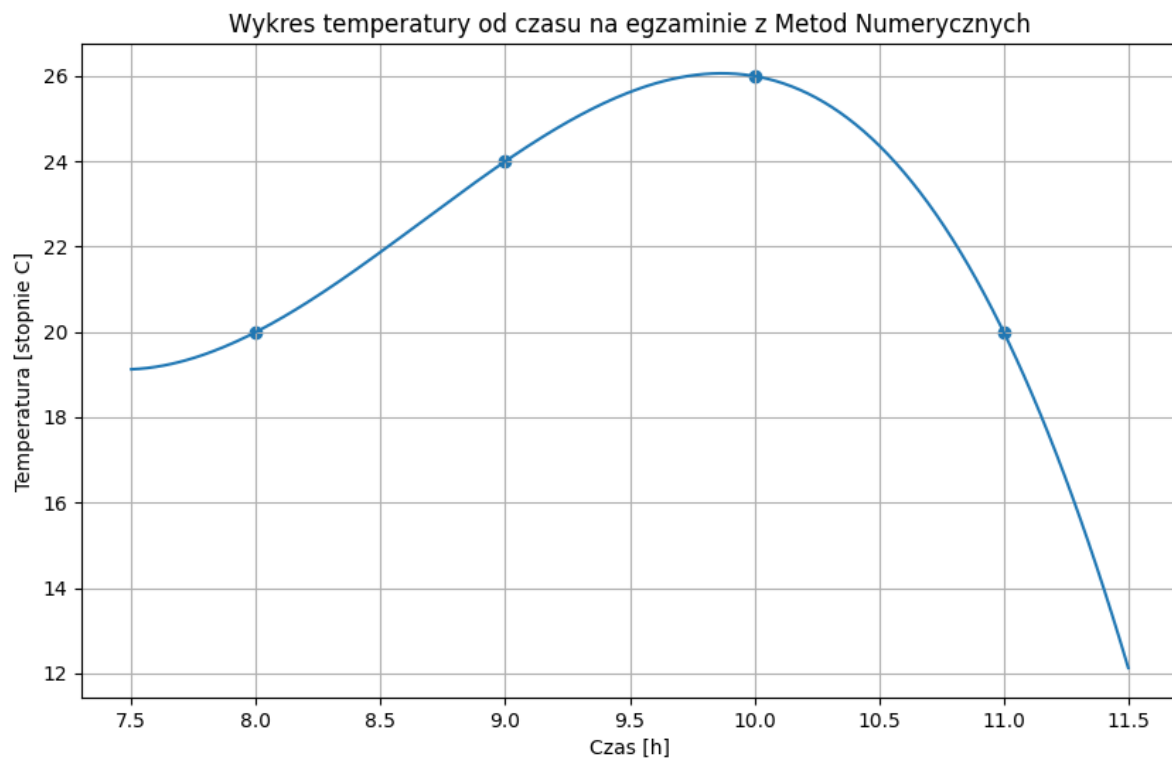
Temperatura w sali egzaminacyjnej o godzinie 10:30 wynosiła:

Temperatura o godzinie 10:30: 24.38 stopni Celsjusza

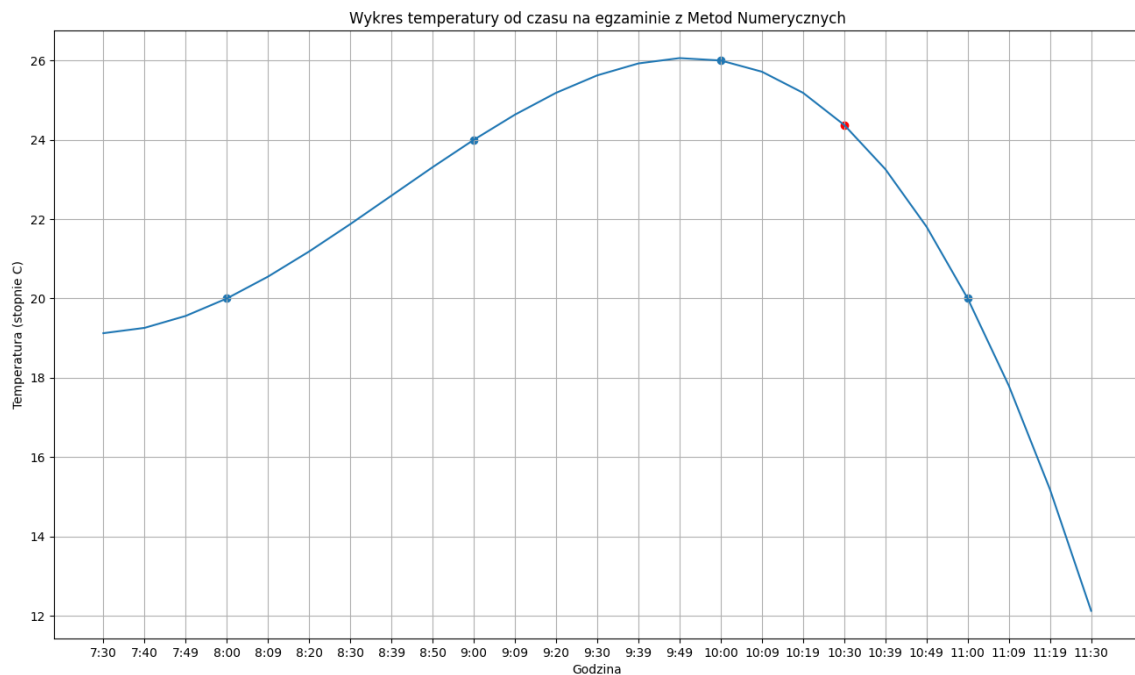
Algorytm kolejno od końca wyznacza kolejne współczynniki, używając do wyznaczenia kolejnych współczynników, tych z poprzednich iteracji (oczywiście pierwszy współczynnik przepisywany jest od razu):

```
[20, 24, 26, -6.0]
[20, 24, 2.0, -6.0]
[20, 4.0, 2.0, -6.0]
[20, 4.0, 2.0, -4.0]
[20, 4.0, -1.0, -4.0]
[20, 4.0, -1.0, -1.0]
```

Na podstawie wyznaczonego wielomianu Newtona wyznaczono Interpolację wartości temperatury.



Podanie godziny 10:30 jako 10.5 nie było wystarczająco satysfakcjonujące, dokonano więc zamiany godzin, przy pomocy prostej funkcji uzyskując następującą charakterystykę:



Zad E 12

```
# Funkcja
def f(x):
    return x / (x**2 + 2)

# Wielomian aproksymacyjny - 2. stopnia
def approximation(x, a, b, c):
    return a * x**2 + b * x + c

# Przedział i krok
x_values = np.arange(-1.0, 1.01, 0.01)
y_values = f(x_values)

# Wyznaczenie współczynników wielomianu 2 stopnia
polynomial_coeffs = np.polyfit(x_values, y_values, 2)

# Obliczenie wartości aproksymacji wielomianowej
approx_values = approximation(x_values, *polynomial_coeffs)

# Błąd bezwzględny aproksymacji
absolute_error = np.abs(f(x_values) - approx_values)

# Błąd względny aproksymacji
relative_error = np.abs((f(x_values) - approx_values)) / np.abs(f(x_values)) * 100

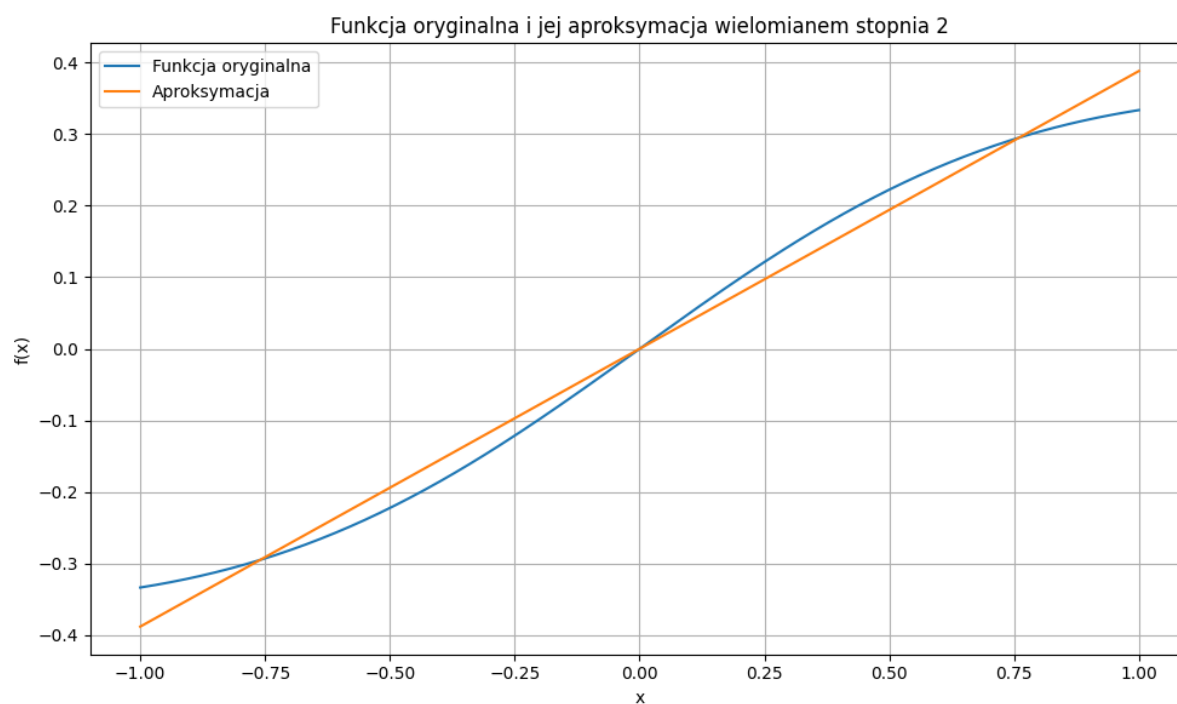
# Nie dzielimy przez 0
relative_error[100] = 'nan'

# Maksymalny błąd aproksymacji
max_error = np.max(absolute_error)
```

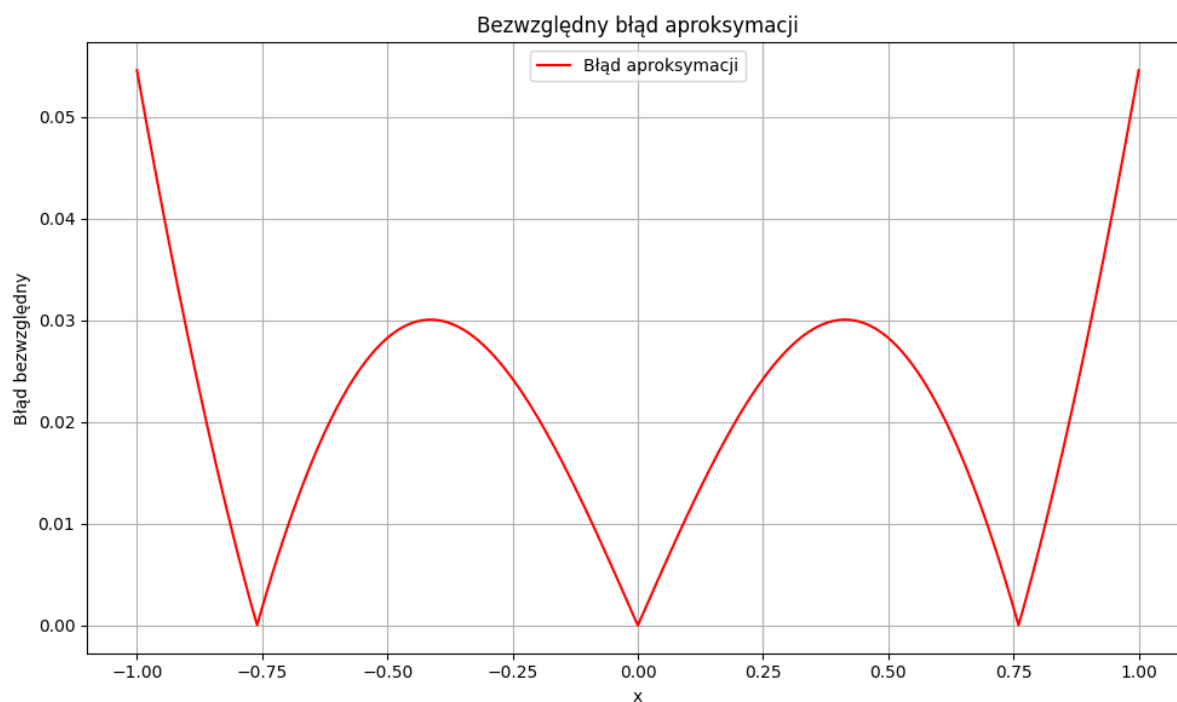
Maksymalny bezwzględny błąd aproksymacji wyniósł:

Maksymalny błąd aproksymacji: 0.054580421688088

Poniżej przedstawiono wykres oryginalnej funkcji oraz jej aproksymacji

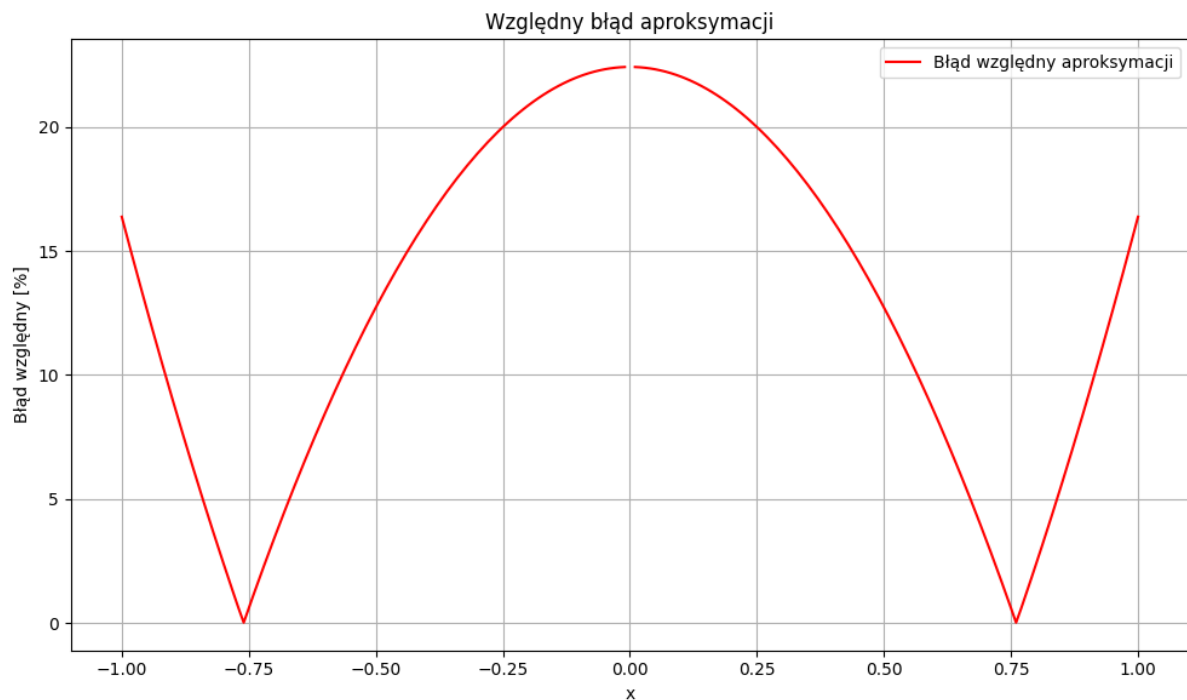


Poniżej przedstawiono charakterystykę błędu bezwzględnego aproksymacji wielomianem drugiego stopnia:



Na podstawie charakterystyki błędu bezwzględnego możemy zaobserwować, że błąd bezwzględny dla wartości od -0,9 do 0,9 nie przekracza 0,3. Największą wartość błędu bezwzględnego funkcja osiąga na granicach przedziału.

Wyznaczono również błąd względny aproksymacji (oczywiście pominięto punkt $(0, 0)$):



Błąd bezwzględny daje mylne wrażenie, że na granicach przedziału popełniany błąd jest największy. Jednak gdy weźmiemy pod uwagę wartości funkcji i wyznaczymy błąd względny maksymalny błąd osiągamy dla punktu $-0,01$ oraz $0,01$ i wynosi on:

Maksymalny błąd względny: 22.41%

Wynika to oczywiście z małej wartości funkcji w tych punktach. Najniższy błąd względny otrzymano natomiast w otoczeniu dwóch punktów przecięcia wykresu funkcji i jego aproksymacji.

Zad E 13

```
# Dane
xi = np.array([0.4, 0.8, 1.2, 1.6, 2.0, 2.3])
yi = np.array([750, 1000, 1400, 2000, 2700, 3750])

'''plt.figure(figsize=(10, 6)) ...

# Funkcja eksponencjalna
def exponential_f(x, a0, a1):
    return a0 * np.exp(a1 * x)

# Dopasowanie modelu eksponencjalnego metodą najmniejszych kwadratów
params_exp, covariance_exp = curve_fit(exponential_f, xi, yi)
a0_exp, a1_exp = params_exp

# Przygotowanie danych do regresji liniowej
x_lin = xi.reshape(-1, 1)
# Zastosowanie ln do przekształcenia danych
y_lin = np.log(yi)

'''plt.figure(figsize=(10, 6)) ...

# Dopasowanie modelu liniowego
linear_regression = LinearRegression()
linear_regression.fit(x_lin, y_lin)

# Wyciągnięcie współczynników regresji liniowej
a1_lin = linear_regression.coef_[0]
a0_lin = np.exp(linear_regression.intercept_)

# Obliczenie przybliżeń punktów początkowych dla obu modeli
predict_exp_values = exponential_f(xi, a0_exp, a1_exp)
predict_lin_values = exponential_f(xi, a0_lin, a1_lin)

# Porównanie błędu R^2
r2_exp = r2_score(yi, predict_exp_values)
r2_lin = r2_score(yi, predict_lin_values)
```

Uzyskane parametry modelu eksponencjalnego:

```
Parametry modelu eksponencjalnego:
a0: 489.51158925311313
a1: 0.8763237240936685

Parametry modelu liniowego:
a0: 519.4969133545007
a1: 0.8417242672173104
```

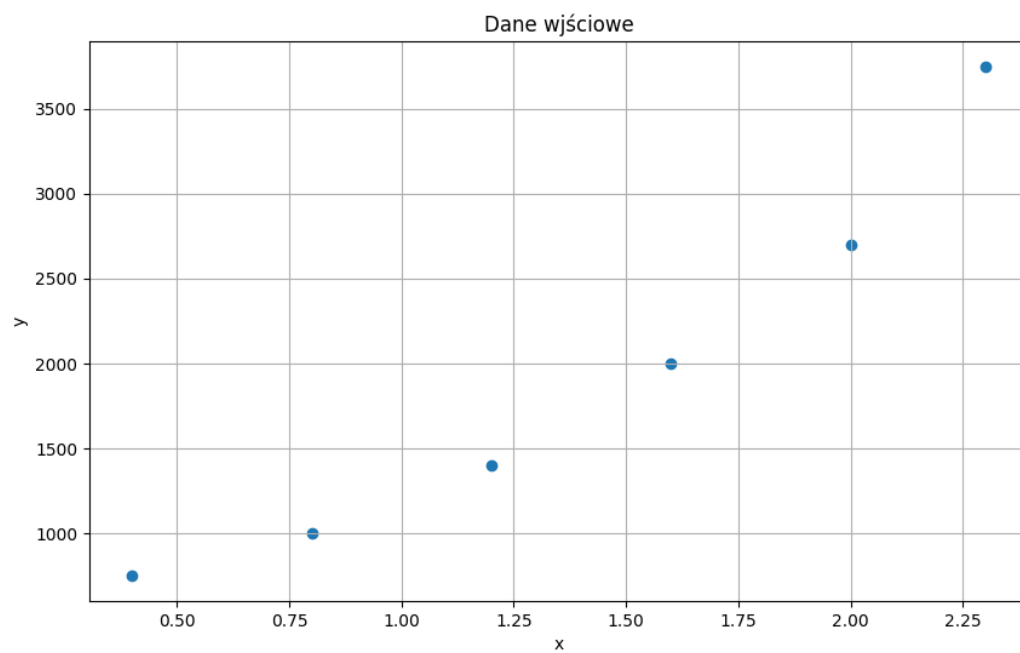
Dopasowanie wyznaczonych modeli oceniono na podstawie błędu R^2 :

```
Współczynniki R^2:
Model eksponencjalny: 0.9961827941737817
Model liniowy:       0.994831868988449
```

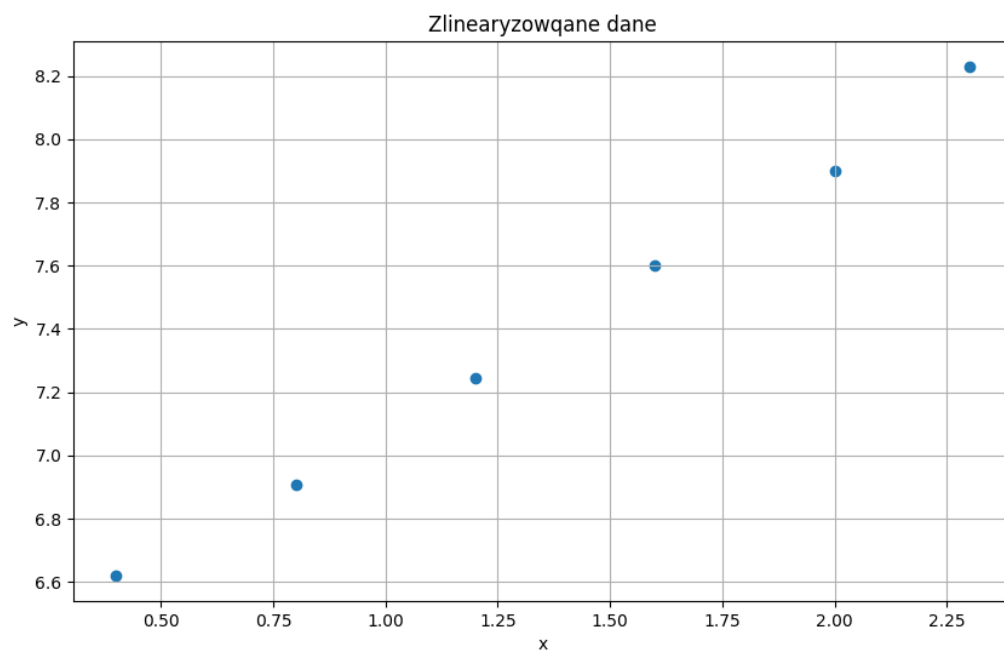
Możemy zaobserwować, że dopasowanie modelu bez wcześniejszej linearyzacji dało lepszy efekt, jednak wartość dopasowania dla modelu zlinearyzowanego była niższa jedynie o:

```
0.001350925185332752
```

Wejściowe Dane:



Dane po linearyzacji:



Uzyskane dopasowania dla obu modeli:

