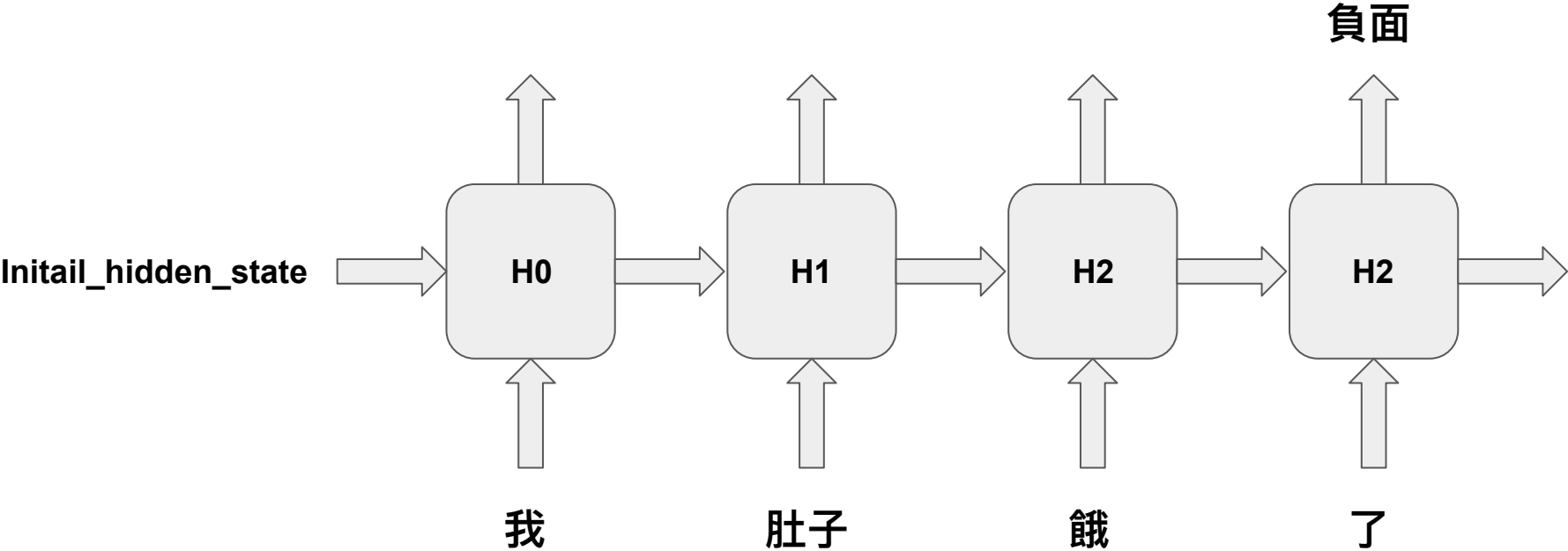


seq2seq

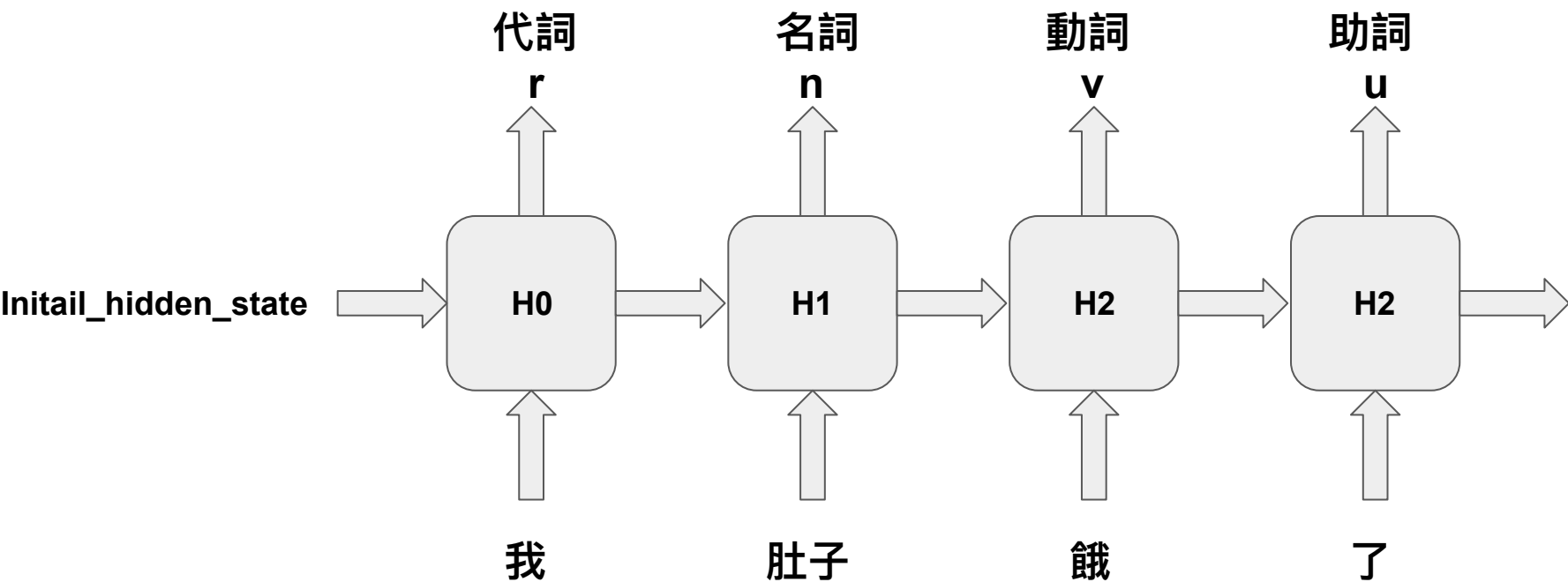
- **RNNs of Limitation**
- **Seq2seq structure**
- **Demo**

Setiment classification



Many-to-one

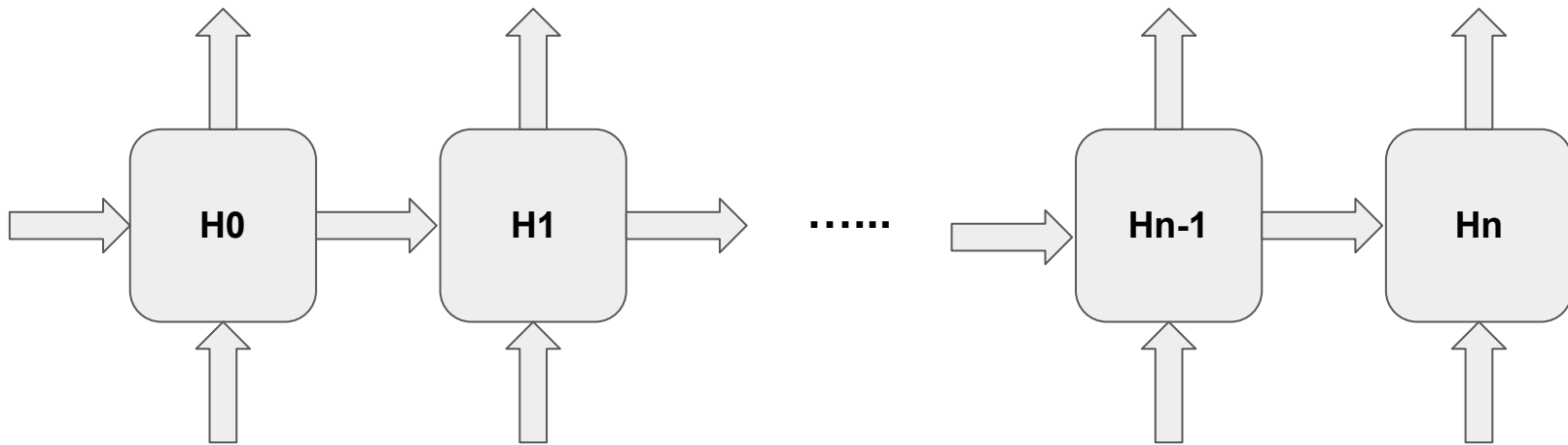
Part of speech tagging



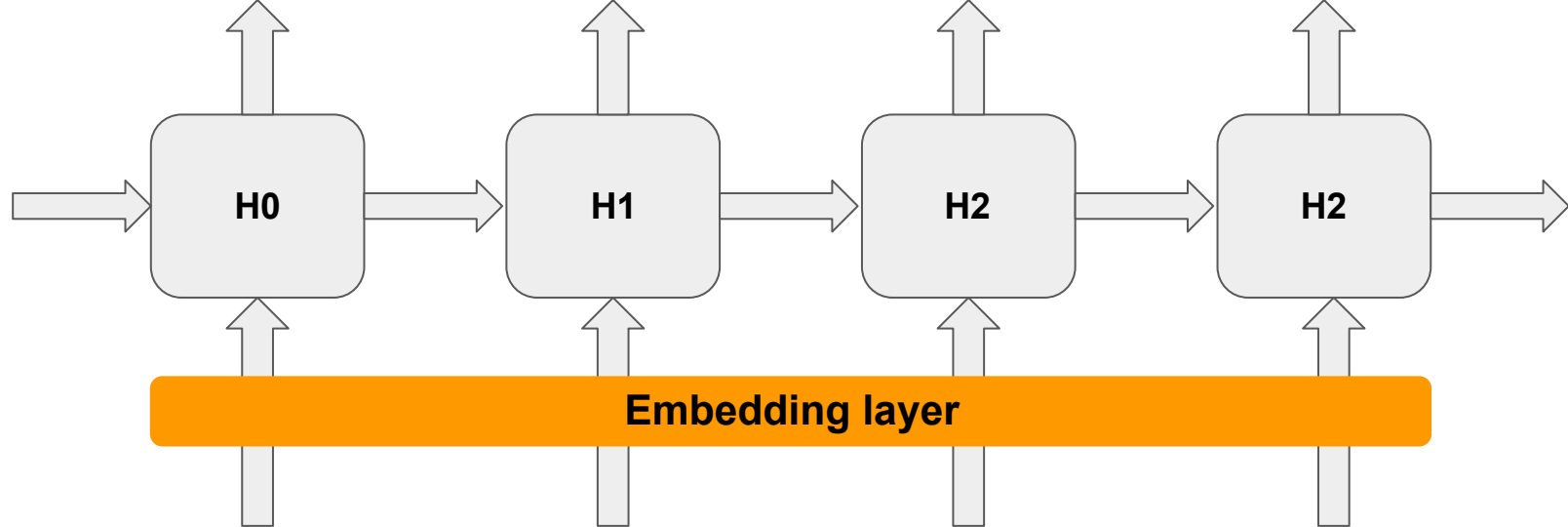
Many-to-Many

Limitation

$$\text{length}(\text{Target sequence}) \leq n$$



$$\text{length}(\text{Source sequence}) = n$$



Embedding_layer_size : n

我	我
肚	已
子	經
餓	快
了	餓
<PAD>	死
<PAD>	了



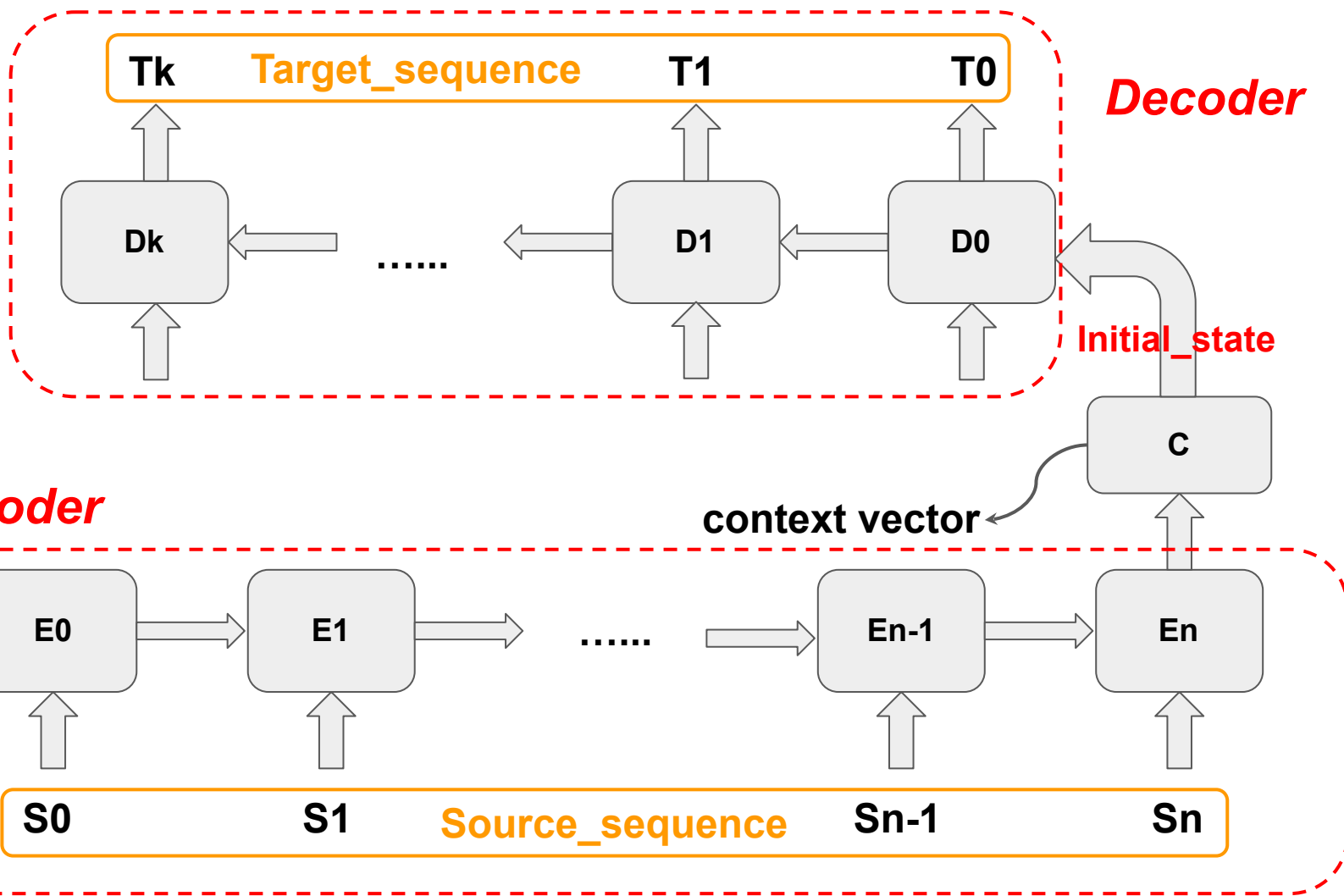
<PAD>

我
肚
子
餓
了
已
經
快
死

Sequence_vocab_length : 10

seq2seq



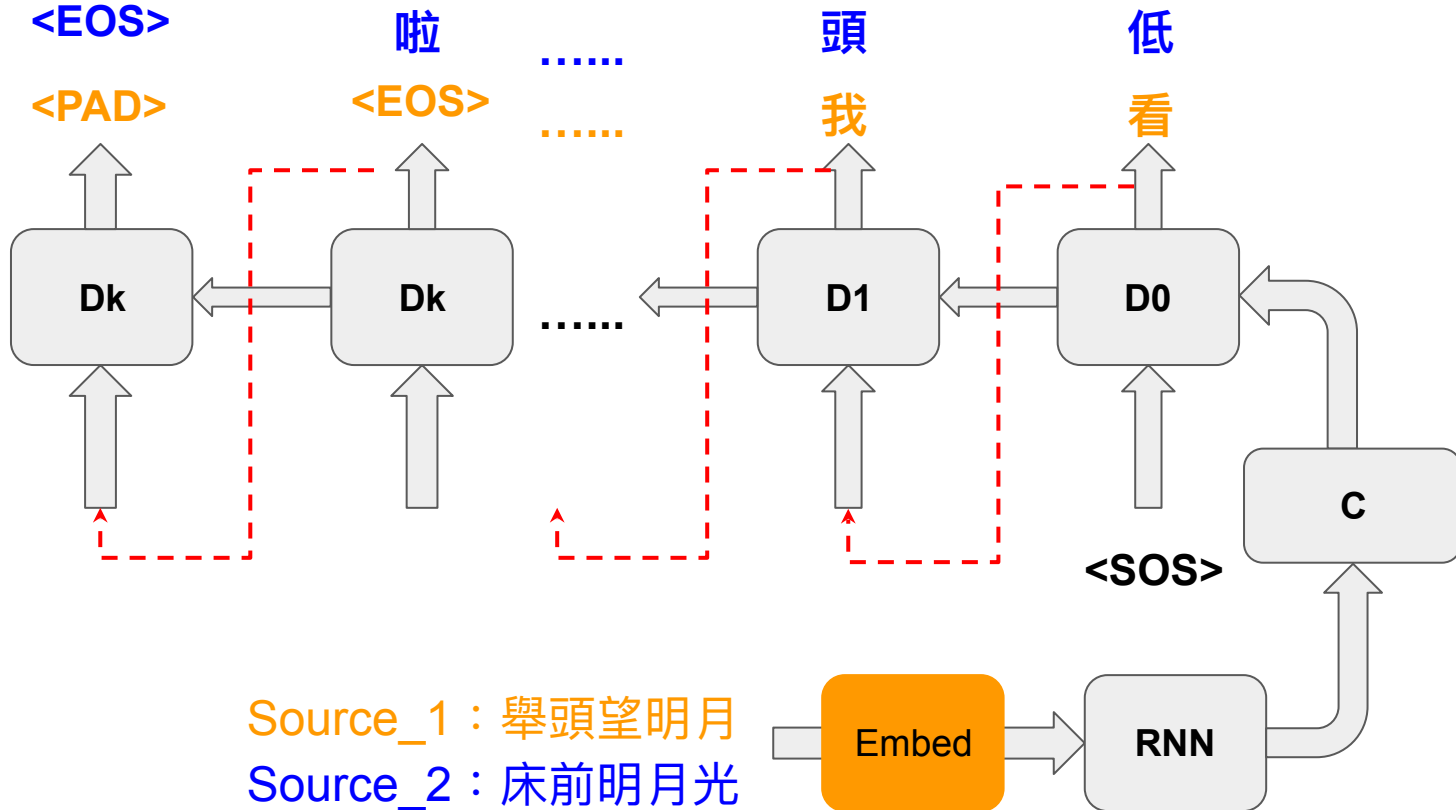
Decoder Input



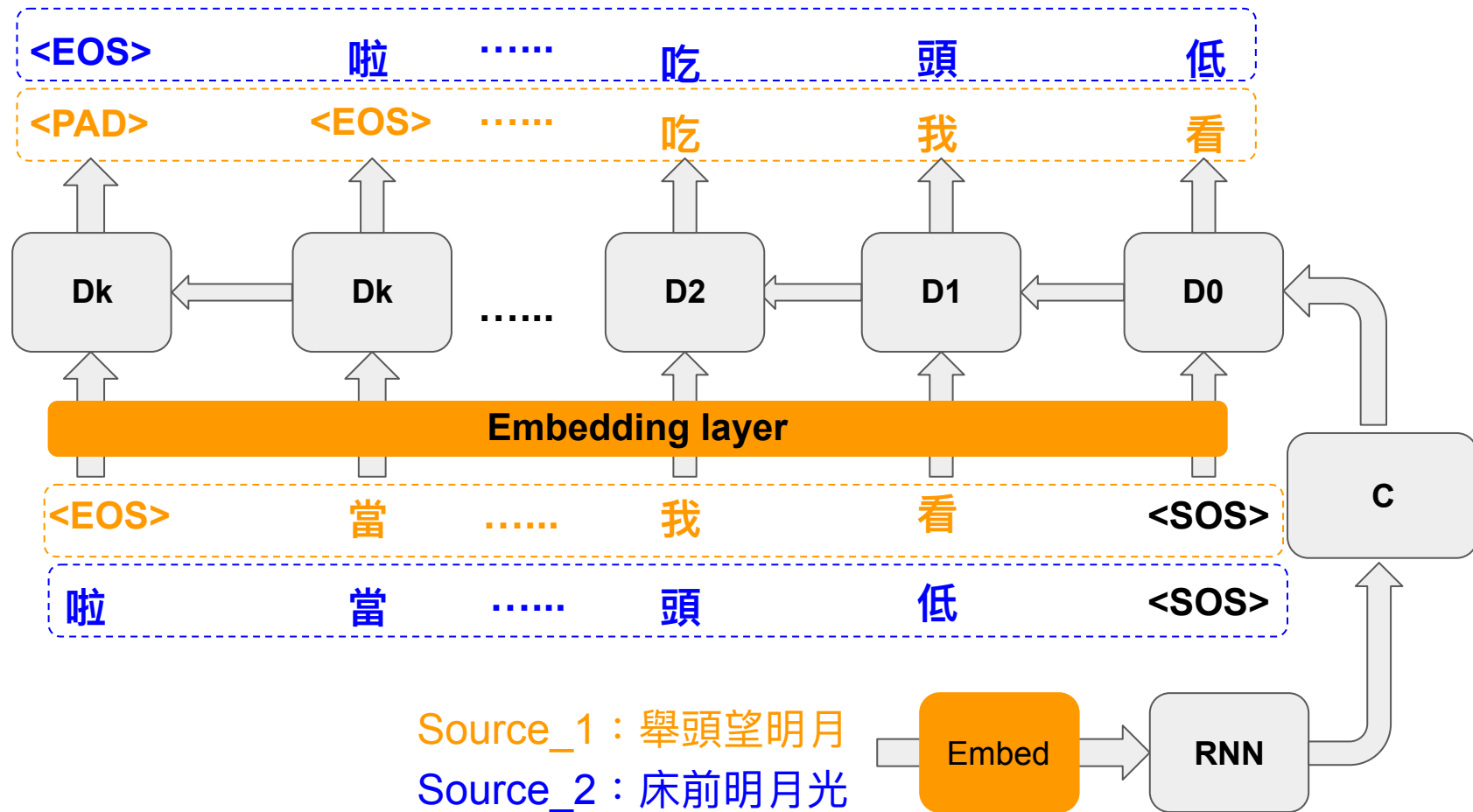
Decoder Input method1

Target_2 : **<EOS>**

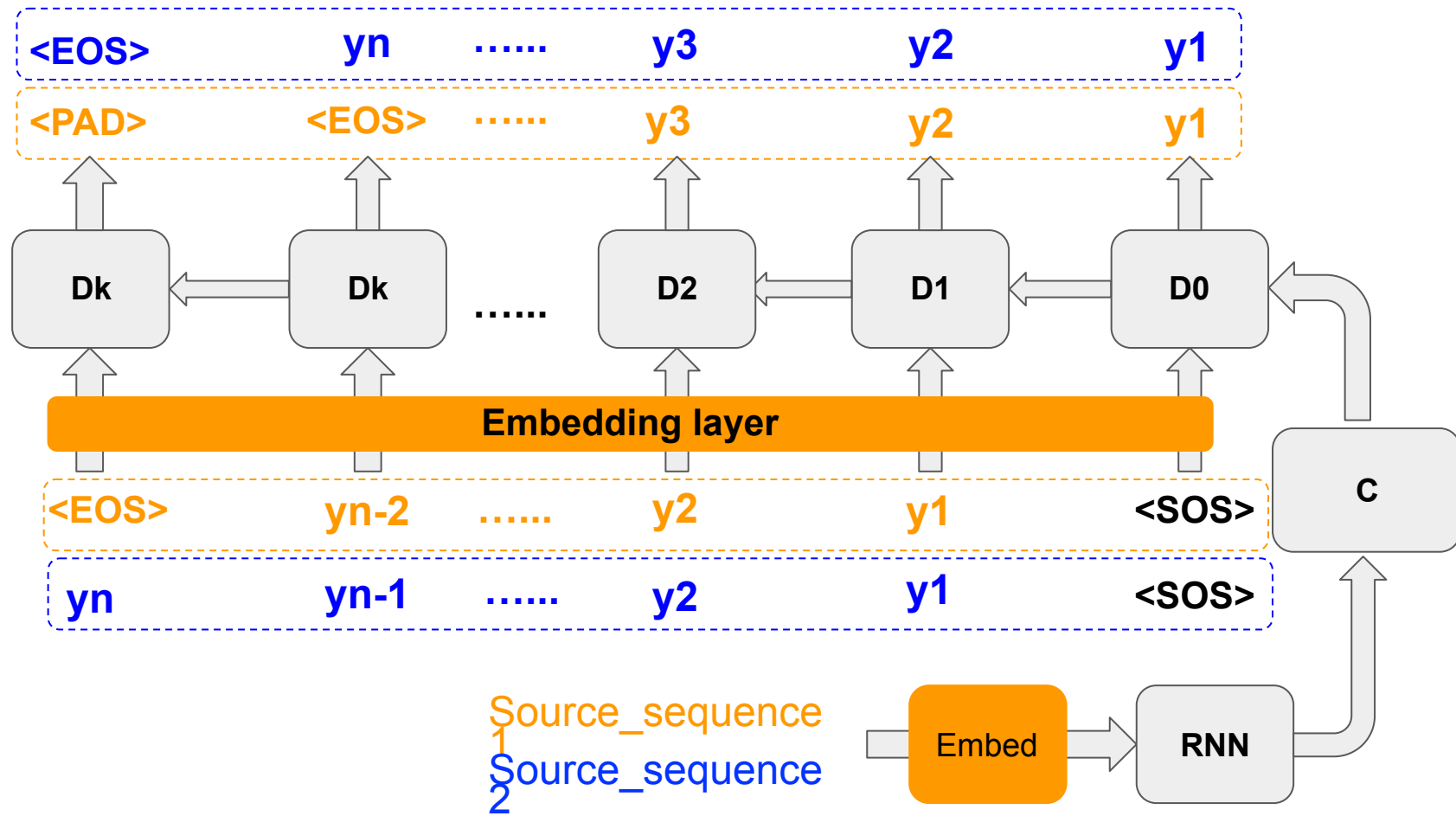
Target_1 : **<PAD>**



Decoder Input method2



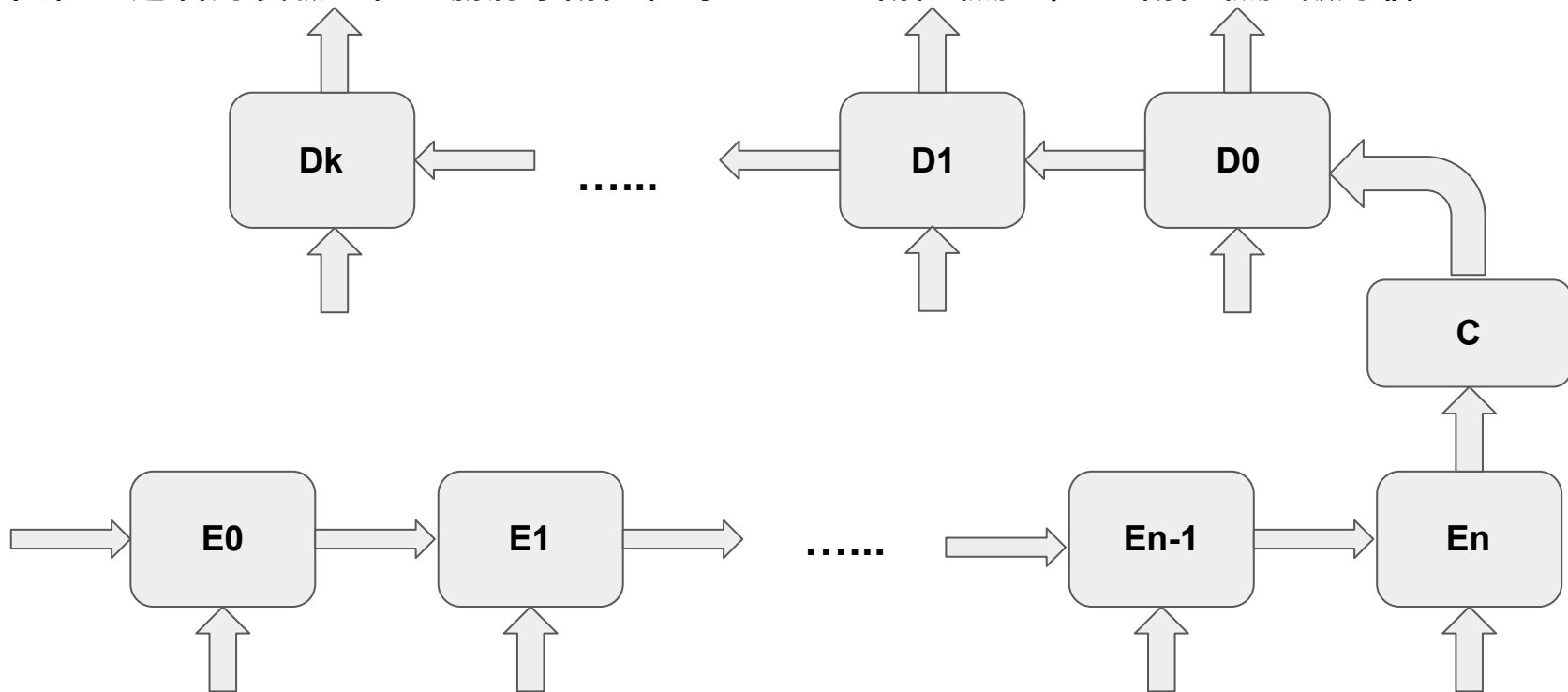
Decoder Input method2



Demo

Target_sequence

2018 年 第一 週 合約 實驗室 社區 腸病毒 陽性率 為 27.1% ， 陽性 檢體 中 CB 陽性 檢體 數約 佔 18.8% ，



2018 1 CA 0.0 CB 18.8 ECHO 0.0 EV68 25.0 EV71 12.5 tp_samples
27.1

Source_sequence